

**PATENTANWÄLTE**

European Patent Attorneys  
European Trade Mark Attorneys



*Example 1*

DIPL.-ING. TIL. WEICKMANN  
DIPL.-ING. F. A. WEICKMANN  
DIPL.-CHEM. B. HUBER  
DR.-ING. H. LISKA  
DIPL.-PHYS. DR. J. PRECHTEL  
DIPL.-CHEM. DR. B. BÖHM  
DIPL.-CHEM. DR. W. WEISS  
DIPL.-PHYS. DR. J. TIESMEYER  
DIPL.-PHYS. DR. M. HERZOG  
DIPL.-PHYS. B. RUTTENSBERGER  
DIPL.-PHYS. DR.-ING. V. JORDAN

POSTFACH 860 820  
81635 MÜNCHEN

KOPERNIKUSSTRASSE 9  
81679 MÜNCHEN

TELEFON (089) 45563 0  
(0700) WEICKMAN

TELEFAX (089) 45563 999  
E-MAIL email@weickmann.de  
TELEX 522 621

31. Jan. 2000

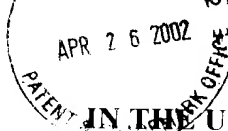
Unser Zeichen:  
21914P DE/WWvo

Anmelder:  
metaGen  
Gesellschaft für Genomforschung mbH  
Innstraße 63  
14195 Berlin

---

Nachweis von differenzieller Genexpression

---



IN THE UNITED STATES PATENT AND TRADEMARK OFFICE

In re Application of :

Andre ROSENTHAL et al.

Serial No. : 09/930,213

Filed : January 31, 2001

For : DETECTION OF DIFFERENTIAL GENE EXPRESSIONS

**SUBMISSION OF PRIORITY DOCUMENT(S)**

Assistant Commissioner for Patents  
Washington, D. C. 20231

Sir:

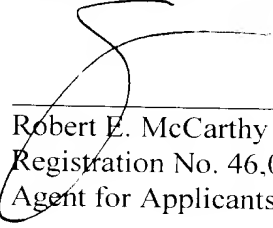
Submitted herewith is a certified copy of each of the below-identified document(s),  
benefit of priority of each of which is claimed under U.S.C. § 119:

<b><u>COUNTRY</u></b>	<b><u>APPLICATION NO.</u></b>	<b><u>FILING DATE</u></b>
<b>GERMANY</b>	<b>100 04 102.7</b>	<b>31 January 2000</b>

Acknowledgment of the receipt of the above document(s) is requested.

No fee is believed to be due in association with this filing, however, the Commissioner is hereby authorized to charge fees under 37 CFR 1.16 and 1.17 which may be required to facilitate this filing, or credit any overpayment to Deposit Account #13-3402.

Respectfully submitted,

  
Robert E. McCarthy  
Registration No. 46,044  
Agent for Applicants

MILLEN, WHITE, ZELANO  
& BRANIGAN, P.C.  
Arlington Courthouse Plaza I  
2200 Clarendon Blvd. Suite 1400  
Arlington, Virginia 22201  
Telephone: (703) 243-6333  
Facsimile: (703) 243-6410

Attorney Docket No.: ALBRE-14

Date: April 26, 2002





## Prioritätsbescheinigung über die Einreichung einer Patentanmeldung

**Aktenzeichen:**

100 04 102.7

**Anmeldetag:**

31. Januar 2000

**Anmelder/Inhaber:**

metaGen Gesellschaft für Genomforschung mbH,  
Berlin/DE

**Bezeichnung:**

Nachweis von differenzieller Genexpression

**IPC:**

C 12 Q, C 07 H

Die angehefteten Stücke sind eine richtige und genaue Wiedergabe der ursprünglichen Unterlagen dieser Patentanmeldung.

München, den 26. Januar 2001  
**Deutsches Patent- und Markenamt**  
**Der Präsident**  
Im Auftrag

*Handwritten signature*

## Nachweis von differenzieller Genexpression

### Beschreibung

5

Die Erfindung betrifft ein Verfahren zum Nachweis von differenzieller Genexpression sowie neue durch dieses Verfahren erhältliche Nukleinsäuresequenzen.

10

Die genetische Komplexität der zellulären Transformation auf der Ebene der mRNA Expression wurde zuerst vor mehr als 10 Jahren beschrieben (siehe z.B. Groudine und Weintraub, PNAS USA 77 (1980), 5351-5354; Augenlicht et al., Canc. Res. 47 (1987), 6017-6021). Globale Sequenzinformationen hinsichtlich der bei der Pathogenese von humanem Krebs veränderten Genaktivität wurden erst vor Kurzem erhalten, nachdem neue Methoden zur Ermittlung von Genexpressionsprofilen entwickelt wurden (Zhang et al., Science 276 (1997), 1268-1271; Chang et al. Oncogene 16 (1998), 1921-1930; von Stein et al., Nucleic Acids Res. 25 (1997), 2598-2602). Komplexe Genexpressionsprofile, die den zahlreichen tumorspezifischen Zellfunktionen zugrundeliegen, werden zumindest teilweise durch Akkumulierung multipler genetischer Veränderungen in abnormal aktivierten Signaltransduktionswegen und Transkriptionsfaktoren reguliert (Fearon und Vogelstein, Cell 61 (1990), 759-767; Stanbridge, Annu. Rev. Genet. 24 (1991), 615-657).

15

20

25

30

Ein wichtiger Aspekt der mehrstufigen Tumorgenese ist die durch Mutationen bewirkte Aktivierung von Mitgliedern der Ras-Genfamilie. Ras-Mutationen stehen im Zusammenhang mit einer ungünstigen Tumorprognose (Mao et al., Cancer Res. 54 (1994), 1634-1637; Sasaki et al., Cancer Res. 53 (1993), 1906-1910; Yaginuma et al., Gynecol. Oncol. 46 (1992), 45-50; Ahnen et al., Cancer Res. 58 (1998), 1149-1158). Ras-Mutationen sind besonders häufig bei sporadischen Tumorerkrankungen von

Pankreas, Colon, Lunge und des myeloischen Systems (Boss, Canc. Res. 49 (1989), 4682-4689).

Die Ras-Genprodukte sind kleine GTP-Bindeproteine, welche die  
5 Transkription auf globale Weise beeinflussen, indem sie als "Hauptschalter"  
in Signaltransduktionsprozessen wirken, bei denen extrazelluläre Signale mit  
Vorgängen im Zellkern verknüpft werden (Abdellatif et al., J. Biol. Chem.  
269 (1994), 15423-15426; Malumbres und Pellicer, Frontiers in Bioscience  
3 (1998), 887-912). In normalen Zellen wird die Konzentration an Ras-GTP  
10 in Reaktion auf die Bindung von Wachstumsfaktoren, Cytokinen oder anderen  
Liganden von membrangebundenen Tyrosinkinaserzeptoren transient  
erhöht. Die Umwandlung in die inaktive, GDP-gebundene Form von Ras  
erfolgt durch seine geringe intrinsische GTP-Hydrolyseaktivität und wird  
durch zusätzliche Ras-GTPase-Aktivatorproteine (GAP) beschleunigt.  
15 Oncogene, an den Aminosäurekodons 12, 13, 59 oder 61 mutierte Formen  
von Ras, sind gegenüber von GAP-Stimulierung insensitiv und werden  
folglich in ihrem aktiven Zustand festgehalten (zum Überblick siehe  
Malumbres und Pellicer (1998), supra, Marshall, FASEB J. 9 (1995), 1311-  
1318; Macdonald und McCormick in: Oncogenes und Tumour Suppressors,  
20 Eds Peters G. und Vousden K.H., 121-153, Oxford University Press, Oxford  
1997). Die Ras-GTP Mengen sind selbst in Tumoren erhöht, die keine  
Aktivatormutationen enthalten (Patton et al., Cancer Res. 58 (1998), 2253-  
2259; Clark und Der, Breast Cancer Res. Treat. 35 (1995), 133-144). Beim  
Fehlen von intrinsischen Mutationen kann der Ras-Signaltransduktionsweg  
25 durch inaktivierende Mutationen des Ras-Regulators NF-1 GAP bei der  
Neurofibromatose Typ I (DeClue et al., Cell 69 (1992), 265-273), durch  
Komplexbildung von stromaufwärts wirkenden Effektorproteinen mit der  
Bcr-Abl Proteintyrosinkinase in chronischer myelogener Leukämie (Puil et al.,  
EMBO J. 13 (1994), 764-773) und durch direkte Assoziierung von Ras mit  
30 dem STP-C488 Protein des DNA Tumovirus Herpes saimiri (Jung und  
Desrosiers, Mol. Cell. Biol. 15 (1995), 6506-6512) stimuliert werden.

Auf der zellulären Ebene werden zwei hauptsächliche Veränderungen als Ergebnis der Ras-Aktivierung beobachtet: Mitogenese und Reorganisation des Cytoskeletts. Eine permanente Aktivierung von Ras bewirkt eine Verstärkung der normalen zellulären Reaktion. Essentielle Signale für die zelluläre Transformation, Invasivität, Angiogenese und Metastasierung werden mittels verzweigter Signalwege stromabwärts von Ras transduziert. Diese Signalwege umfassen die Raf/Mek/Erk Kaskade von cytoplasmatischen Kinasen, den die kleinen GTP-Bindeproteine Rac/Rho beinhaltenden Signalweg, den PI3 Kinase Signalweg u.a. Über diese Signalwege werden verschiedene Transkriptionsfaktoren wie etwa Elk1, SRF, Jun, ATF2 und NFkB stimuliert (zur Übersicht siehe z.B. Khosravi et al., Adv. Cancer Res. 72 (1998), 57-107).

Angesichts der Komplexität der nichtlinearen Ras-Signalgebung und der überaus großen Anzahl potentieller Targets besteht ein großes Bedürfnis, ein Verfahren bereitzustellen, das eine Bestimmung der mit einer Ras-Transformation assoziierten transkriptionellen Veränderungen erlaubt. Weiterhin sollte dieses Verfahren auch für die Analyse transkriptioneller Veränderungen verursacht durch andere Prozesse einsetzbar sein.

Zur Lösung dieses Problems wurden die Konzentrationen bzw. Mengen einzelner Transkripte in phänotypisch normalen 208 F Rattenfibroblasten (Quade, Virology 98 (1979), 461-465) mit denjenigen in der aus 208 F-Zellen abgeleiteten H-Ras transformierten Zelllinie FE-8 (Griegel et al., Int. J. Canc. 38 (1986), 697-705) mittels einer auf PCR-basierenden cDNA Subtraktionsmethode, der subtraktiven Suppressionshybridisierung (Diatchenko et al., PNAS USA 93 (1996), 6025-6030) bestimmt. Dieses Verfahren erlaubte überraschenderweise eine effiziente Isolierung bekannter Genen - und von besonderer Bedeutung - die Isolierung von neuen Sequenzen. Die beiden verwendeten Zelllinien sind nahe verwandte, quasidiploide Zelllinien, um transkriptionelle Veränderungen aufgrund struktureller und numerischer chromosomaler Aberrationen, die nicht direkt

mit der Ras induzierten Transformation im Zusammenhang stehen, möglichst gering zu halten. Die auf diese Weise nach Vorwärts- und Rückwärts-Subtraktion erhaltenen cDNA Fragmente (n=1257) wurden sequenziert und in einem Array angeordnet. Nach reverser oder konventioneller Northern Analyse wurde ein H-Ras spezifisches Expressionsprofil umfassend neue Sequenzen (n=45), exprimierte Sequence Tags (n=104) und bekannte Gene (n=244) etabliert. Anschließend wurde dieses Genprofil zum Vergleich der mRNA Expression zwischen H-Ras transformierten 208 F-Zellen und mit Zellen verwendet, die durch zwei andere tumorassoziierte Ras-Isoformen K-ras und N-Ras, transformiert waren. Darüber hinaus wurden Targetgene (n=61) identifiziert, deren transkriptionelle Veränderungen durch den Ras/Raf/Mek-Signalweg reguliert sind.

Ein erster Aspekt der Erfindung betrifft ein Verfahren zur Bestimmung von transkriptionellen Veränderungen in einer Zelle, insbesondere in einer Säugerzelle wie etwa einer Nagetierzelle oder einer menschlichen Zelle, assoziiert mit einer physiologischen Veränderung, z.B. einer Transformation, vorzugsweise einer Ras-vermittelten Transformation, gegenüber einer anderen Zelle, die diese bestimmte physiologische Veränderung nicht aufweist. Das erfindungsgemäße Verfahren zur differentiellen Transkriptionsanalyse ist dadurch gekennzeichnet, daß man mRNA aus einer ersten Zelle und einer zweiten Zelle gewinnt, eine subtraktive Suppressionshybridisierung mit der gewonnenen mRNA durchführt und eine Population von in beiden Zellen differentiell exprimierten Genen identifiziert, wobei sich die erste und die zweite Zelle bezüglich einer zu untersuchenden physiologischen Veränderung unterscheiden. Vorzugsweise umfaßt das Verfahren weiterhin eine Verifizierung der differentiellen Expression, vorzugsweise durch reverse oder/und konventionelle Northern Blot Analyse.

Als erste Zelle wird vorzugsweise eine transformierte Zelle und als zweite Zelle eine nichttransformierte Zelle verwendet. Besonders bevorzugt wird als

erste Zelle eine Ras-transformierte Zelle und als zweite eine nichttrans-  
formierte Zelle verwendet, wobei als Ras-transformierte Zelle eine  
insbesondere eine mit einem mutierten Ras-Genprodukt transformierte Zelle,  
beispielsweise eine H-Ras-, K-Ras- oder N-Ras-transformierte Zelle  
5 verwendet wird.

Die erste Zelle und die zweite Zelle stammen vorzugsweise von dergleichen  
Spezies, insbesondere einem Säuger wie etwa Ratte, Maus, Mensch etc.  
Weiterhin stammen die erste Zelle und die zweite Zelle bevorzugt vom  
10 gleichen Zelltyp, beispielsweise Fibroblasten. Darüber hinaus hat es sich als  
günstig erwiesen, eine erste Zelle und zweite Zelle zu verwenden, die im  
wesentlichen keine chromosomalen Aberrationen aufweisen, die das Muster  
der durch die zu untersuchende physiologische Veränderung, z.B. die Ras-  
Transformation hervorgerufenen differenziellen Genexpression möglicher-  
15 weise verfälschen könnten

Die subtraktive Suppressionshybridisierung ist eine auf Nukleinsäure-  
Amplifikation, z.B. PCR-basierende Technik, die einen Reversen  
Transkriptionsschritt umfasst, bei dem die differenziell exprimierten  
20 Transkripte in cDNA Moleküle umgeschrieben werden. Eine weitere  
Charakterisierung der differenziell exprimierten Gene kann eine zumindest  
partielle Sequenzanalyse der identifizierten cDNA Moleküle und einen  
Abgleich mit Sequenzdatenbanken wie Genbank, EMBL oder EST umfassen.

25 Durch das erfindungsgemäße Verfahren wurden bislang 1257 cDNA  
Sequenzen durch Vorwärts-Subtraktion (normale 208 F-Zellen minus  
transformierte FE-8 Zellen) und Rückwärts-Subtraktion (transformierte FE-  
Zellen minus normale 208 F Zellen) erhalten. Daraus wurden insgesamt 823  
individuelle Sequenzen identifiziert, von denen 427 bekannten Genen und  
30 303 exprimierten Sequence Tags entsprechen. 93 Sequenzen sind bislang  
unbekannt. Die differenzielle Expression von 393 (47,8 %) Genen und  
Genfragmenten wurde durch Northern Analyse verifiziert. Darüber hinaus

wurden 236 cDNA Sequenzen entsprechend in nur sehr geringen Konzentrationen vorkommender Transkripten erhalten. Mit hoher Wahrscheinlichkeit weist ein Anteil dieser Sequenzen ( $> 100$ ) ebenfalls eine differenzielle Expression auf.

5

Die durch das erfindungsgemäße Verfahren mittels cDNA Subtraktion erhältliche Population von vorzugsweise mindestens 100 differenziell exprimierten Genen kann auf neue Weise, z.B. durch Anordnung auf Arrays, zur Untersuchung der Beziehung zwischen einem Signalgebungsmolekül und einem Transkriptionstarget auf der Ebene des Transkriptoms eingesetzt werden. Auf diese Weise kann die Anzahl von biologisch relevanten Targets in den untersuchten Zellen auf eine beschränkte Anzahl von Genen verringert werden, die dann gründlich auf ihre Beteiligung an spezifischen Aspekten der jeweiligen physiologischen Veränderung, z.B. der Tumorgenese untersucht werden kann.

15

Ein Gegenstand der Erfindung ist weiterhin eine Nukleinsäure, dadurch gekennzeichnet, daß sie eine differenzielle Expression in Tumorzellen und normalen Zellen zeigt, umfassend

20

- (a) eine der in Fig. 11 gezeigten Nukleinsäuresequenzen,
- (b) Teilsequenzen davon mit einer Länge von mindestens 50, vorzugsweise mindestens 100 und besonders bevorzugt mindestens 200 Nukleotidenm
- (c) eine mit einer Sequenz aus (a) oder/und (b) unter stringenden Bedingungen hybridisierende Sequenz, oder/und
- (d) eine zu einer Sequenz aus (a), (b) oder/und (c) komplementäre Sequenz.

25

30

Das erfindungsgemäße Verfahren erlaubt die Identifizierung von Genen, deren Expression in der Ras-transformierten Zelle erhöht im Vergleich zur nichttransformierten Zelle ist. Diese Gene umfassen vorzugsweise die entsprechenden in Fig. 11 angegebenen Nukleinsäuresequenzen (T-Klone)

oder Teilsequenzen davon mit einer Länge von mindestens 50, vorzugsweise mindestens 100 und besonders bevorzugt mindestens 200 Nukleotiden.

5 Weiterhin erlaubt das erfindungsgemäße Verfahren die Identifizierung von Genen, deren Expression in der Ras-transformierten Zelle verringert im Vergleich zur nichttransformierten Zelle ist. Diese Gene umfassen vorzugsweise die entsprechenden in Fig. 11 angegebenen Nukleinsäuresequenzen (N-Klone) oder Teilsequenzen davon mit einer  
10 Länge von mindestens 50, vorzugsweise 100 und besonders bevorzugt mindestens 200 Nukleotiden.

Neben den in Fig. 11 angegebenen Nukleinsäuresequenzen und Teilsequenzen davon umfaßt die Erfindung auch Nukleinsäuresequenzen, die  
15 unter stringenten Bedingungen mit einer der in Fig. 11 angegebenen Nukleinsäuresequenzen oder Teilsequenzen davon (wie zuvor angegeben) hybridisieren. Der Begriff "Hybridisierung" gemäß vorliegender Erfindung wird wie bei Sambrook et al., Molecular Cloning. A Laboratory Manual, Cold Spring Harbor Laboratory Press (1989), 1.101-1.104) verwendet. Gemäß  
20 vorliegender Erfindung spricht man daher von einer Hybridisierung unter stringenten Bedingungen, wenn nach Waschen für eine Stunde mit 1 x SSC und 0,1 % SDS bei 55°C, vorzugsweise bei 62°C und besonders bevorzugt bei 68°C, insbesondere für 1 h in 0,2 x SSC und 0,1 % SDS bei 55°C, vorzugsweise bei 62°C und besonders bevorzugt bei 68°C noch ein  
25 positives Hybridisierungssignal beobachtet wird. Eine unter derartigen Waschbedingungen mit einer unter Fig. 11 gezeigten Nukleotidsequenzen hybridisierende Nukleotidsequenz wird von der vorliegenden Erfindung umfaßt.

30 Insbesondere werden von der vorliegenden Erfindung auch zu den in Fig. 11 gezeigten Nukleinsäuresequenzen homologe Gene, insbesondere homologe Gene aus anderen Spezies, insbesondere humane Gene, oder allelische



Variationen dieser Gene erfaßt. Derartige Sequenzen hybridisieren vorzugsweise unter den oben angegebenen Bedingungen mit den in Fig. 11 gezeigten Nukleinsäuresequenzen.

5 Die durch das erfindungsgemäße Verfahren identifizierten Gene, bzw. deren Transkripte oder Genprodukte eignen sich als Target für die diagnostische oder therapeutische Zwecke, insbesondere für die Tumordiagnostik oder die Tumorthherapie. Diagnostische Anwendungen umfassen eine qualitative oder quantitative Bestimmung des Vorhandenseins, der Menge, der Aktivität oder  
10 der Lokalisierung der Nukleinsäure oder des Genprodukts nach bekannten Methoden. Therapeutische Anwendungen umfassen beispielsweise eine Modulation der Expression der Nukleinsäure, z.B. durch gentherapeutische Verabreichung der Nukleinsäure oder eine Verabreichung von Antisense-RNA oder Ribozymen. Weiterhin kann auch die Menge, Aktivität oder/und  
15 Lokalisierung des von der Nukleinsäure kodierten Polypeptids z.B. durch Verabreichung des Polypeptids oder eines Aktivators davon oder durch Verabreichung eines gegen das Polypeptid gerichteten Antikörpers, z.B. in Form eines Konjugats mit Radioisotopen oder cytotoxischen Substanzen, oder eines Inhibitors des Polypeptids moduliert werden.

20 Außerdem erlaubt das erfindungsgemäße Verfahren die Identifizierung von Genen, die eine differenzielle Expression in von unterschiedlichen Ras-Isoformen transformierten Zellen zeigen. So wurde die Genexpression in unterschiedlichen Zellen untersucht, die jeweils eine der drei prädominanten  
25 mutierten Ras-Isoformen H-Ras, K-Ras und N-Ras exprimieren. Dabei wurde ein identisches Muster von positiven und negativen Veränderungen für 237 Gene (90%) gefunden. 26 Gene zeigten jedoch ein Isoform-spezifisches Expressionsmuster.

30 Außerdem erlaubt das erfindungsgemäße Verfahren die Identifizierung von Genen, die eine differenzielle Expression in mit einer Wirksubstanz behandelten Zellen und unbehandelten Zellen, insbesondere Tumorzellen,

zeigen. Als Wirksubstanzen können grundsätzliche beliebige Stoffe, insbesondere pharmakologisch aktive Stoffe, die einen Einfluß auf die Transkription in der Zelle zeigen, verwendet werden. Bevorzugte Beispiele für Wirkstoffe sind Modulatoren, d.h. Aktivatoren oder Inhibitoren der Tumorgenese. Besonders bevorzugt werden Modulatoren der Ras-Aktivität verwendet.

In dieser Ausführungsform des erfindungsgemäßen Verfahrens kann der Einfluß von Wirksubstanzen, die der ersten oder/und zweiten Zelle zugegeben worden sind, auf die Population der differenziell exprimierten Gene getestet werden. Bei Zugabe des MAP-Kinaseinhibitors PD98059 zu einer Ras-transformierten Zelle wurde beispielsweise gefunden, daß die Transkription von 61 Genen im Vergleich zu unbehandelten Zelle deutlich verringert und zumindest teilweise auf die Höhe vor der Transformation zurückgeführt werden konnte.

Die Sensitivität der transkriptionellen Modulation dieser Gene hinsichtlich der Inhibierung einer Signalgebung durch die MAP-Kinase definiert eine Unterklasse von Ras-sensitiven Targets, welche durch Substrate von Erk1/Erk2 reguliert werden und voraussichtlich für die transformierenden Eigenschaften der Zelle direkt verantwortlich sind. Die 116 durch den Inhibitor nicht beeinflussten Gene werden vermutlich durch MEK-unabhängige Signaltransduktionswege stromabwärts von Ras reguliert.

Überraschenderweise konnten durch das erfindungsgemäße Verfahren eine unerwartet hohe Anzahl an Genen identifiziert werden, welche einer malignen Proliferation entgegenwirken können. Bei diesen durch die differenzielle Expressionsanalyse identifizierten Genen handelt es sich um Tumorsuppressorgene der Klasse II, da sie kein primäres Ziel von tumorinitiiierenden Mutationen sind. Stattdessen zeichnen sich die Gene der Klasse II dadurch aus, daß ihre Expression durch Gene der Klasse I reguliert wird, die für transkriptionelle Regulatoren wie etwa onkogene

Transkriptionsfaktoren oder Repressoren kodieren, und der Gegenstand einer Mutation sein können. Eine Erhöhung der Expression von Transformationssuppressorgenen der Klasse II kann den transformierten Phänotyp von Ras exprimierenden Zellen blockieren (Sers et al., J. Cell. Biol. 136 (1997), 935-944). Somit besteht eine funktionelle Verbindung zwischen einer permanent aktivierten Ras-Signalgebung und der Repression der Klasse II Suppressoraktivität.

Bemerkenswerterweise konnten mehr als zehn negative Wachstumsregulatoren in einem unabhängigen Expressionsprofil durch Subtraktion von 208 F cDNA (Driver) von REF-52 cDNA (Tester) gefunden werden. REF-52 Zellen zeichnen sich dadurch aus, daß sie in Reaktion auf H-Ras-Expression ein vorzeitiges Alterungsprogramm aktivieren (Serrano et al., Cell 88 (1997), 593-602) und hohe mRNA-Konzentrationen der negativen Regulatoren aufweisen, die in 208 F-Zellen nicht exprimiert werden.

Weiterhin wird die Erfindung durch die nachfolgenden Figuren und Beispiele erläutert.

#### Beschreibung der Figuren

Figur 1 zeigt eine Übersicht der nach Vorwärts- und Rückwärts-Subtraktion erhaltenen DNA-Bibliotheken. Sequenzanalyse: Homologieuntersuchungen wurden unter Verwendung des BLASTN-Programms gegen die NCBI Non-Redundance und EST-Datenbanken durchgeführt. Übereinstimmungen gegenüber einer Datenbanksequenz wurden als eine Sequenzidentität von > 95% über eine Region von 150 bis 1000 bp abhängig von der cDNA-Insertlänge definiert.

Figur 2 zeigt eine Übersicht von differenziell exprimierten Sequenzen bestätigt durch Reverse (R) und/oder konventionelle Northern

Blot Analyse (N, T). Sequenzidentität, Spezies und Zugriffsnummer sind gemäß der besten Übereinstimmung in der Blast-Analyse aufgelistet. Speziesabkürzungen: H, human; M, Maus; R, Ratte; C, Huhn; HA, Hamster; X, Xenopus laevis. Redundanz bedeutet die Anzahl an individuellen cDNA Klonen, die einem übereinstimmenden Gen in der BLAST-Analyse entsprechen. Die Nummern N1-N70 entsprechen den durch Ras-Transformation herabregulierten Genen wie durch Northern Blot in Fig. 7 gezeigt. Die Nummern T1-T74 entsprechen heraufregulierten Genen wie in Fig. 7 gezeigt. Die Mengen an mRNA wurden densitometrisch analysiert. Die angegebenen Zahlen entsprechen dem Verhältnis von densitometrischen Werten (Volumenanalyse) von 208F gegenüber FE-8 mRNA (Ausmaß der Herabregulierung, linker Abschnitt) und von FE-8 gegenüber 208F mRNA (Ausmaß der Heraufregulierung, rechter Abschnitt). Ein Wert von 30 oder mehr zeigt, daß ein Transkript in einer der untersuchten Zellen nicht nachweisbar war.

Die folgenden cDNA Fragmente waren bei Reverser oder konventioneller Northernblot Analyse nicht nachweisbar. 208 F spezifische Klone: p190-B (Zugriffs-Nr. U170032, SLIT-2 (AF141386), Slugh Zinkfinger (U79550), Semaphorin E (AB000220), GLE-1 (AF058922), TID1 (AF061749), ARF-GEP1 (AF023451), DEAD Box RNA Helicase-artiges Protein (NM-004398); FE-8-spezifische Klone: G21 Protein (AF131207), p68 RNA Helicase (X65627), LZTR-1 (D38496), Smcx (Z29651), SHMT (L11932) und CRK SH3-Protein/C3G (D21239).

Figur 3 zeigt Ras-Targetgene, die auf eine MEK-Inhibierung durch PD98059 reagieren. Linke Spalte: präferentiell in normalen 208

F-Zellen exprimierte und bei H-ras-Transformation herabregulierte Gene; rechte Spalte: bei H-ras-Transformation heraufregulierte Gene. Transkriptmengen: 0, mRNA bei Northern Blots mit Gesamt RNA nicht nachweisbar; + bis + + +, niedrige, mittlere oder hohe mRNA Expression. Die als a bis e bezeichneten Sequenzen wurden bei den in Fig. 8 gezeigten Northern Blots als Sonden verwendet.

Figur 4: zeigt transkriptionelle Ras-Isoformen spezifische Änderungen. Transkriptmengen: 0, mRNA nicht nachweisbar in Northern Blots mit Gesamt RNA, + bis + + + +, geringe, mittlere, hohe oder sehr hohe RNA-Expression. Die als f bis i bezeichneten Sequenzen wurden in den in Fig. 8 gezeigten Northern Blots als Sonden verwendet.

Figur 5: zeigt Eigenschaften von Zellen, die für die Identifizierung von Ras-Transformationstargets verwendet wurden.

- Morphologie von normalen 208 F Fibroblasten und H-Ras-transformierten FE-8 Zellen unbehandelt und mit dem MEK-Inhibitor (PD98059) inkubiert. Phasenkontrast, 100fache Vergrößerung.
- DNA Histogramm von 208F und FE-8 Zellen erhalten mit Durchflußzytometrie. Abszisse: Fluoreszenzintensität; Ordinate: gezählte Zellen; die Zahlen beziehen sich auf den Anteil von Zellen (%) in verschiedenen Phasen des Zellzyklus. Die 208 F und FE-8 Rattenzellen zeigten einen pseudodiploiden Karyotyp ohne größere numerische chromosomale Aberrationen.
- ankerunabhängige Proliferation von Zellen in Kulturen auf Poly-Hema-beschichteten Oberflächen. Ordinate: Absorption bei 490 nm.
- Westerblot-Analyse der 21-Ras Expression und

e) der Phospho-p44/42 MAPK Expression.

Figur 6: zeigt eine Reverse Northern Blot Analyse von subtrahierten cDNA Fragmenten. Repräsentatives Beispiel von 93 angeordneten ESTs, die aus einer 208F - FE-8 subtrahierten Bibliothek erhalten wurden (N-Klone).

- a) Hybridisierungssonde:  $^{32}\text{P}$ -markierte 208 F cDNA,  
b) Hybridisierungssonde:  $^{32}\text{P}$ -markierte FE-8 cDNA.  
Kontroll-DNAs: Klonierungsvektor PCR2.1 (Filterposition D22), GAPDH (D23), H-Ras (D24).

Figur 7: zeigt eine konventionelle Northern Blot Analyse von präferentiell exprimierten Genen. Obere Hälfte, Klone N1-N70 entsprechend in H-ras-tranformierten FE-8 Zellen herabregulierten Genen wurden als Hybridisierungssonden verwendet. Untere Hälfte, Klone T1-T74 entsprechend in FE-8 Zellen heraufregulierten Genen wurden als Hybridisierungssonden verwendet. Linke Spalten, einzelne Blots von Gesamt RNA aus normalen 208 F Zellen, rechte Spalten, aus FE-8 RNA. Schwarze Pfeile zeigen die korrekte Transkriptgröße wie in der Literatur beschrieben. Weiße Pfeile zeigen aberrante Transkripte. Kontrollhybridisierungen erfolgten mit einer GAPDH Sonde (A bis E). Originalgröße der Northern Filter: 3 x 1 cm.

Figur 8: zeigt repräsentative Beispiele für die Wirkungen des Ras/Raf/Mek Signaltransduktionswegs und verschiedener Ras-Isoformen auf die Targetgentranskription.  
a bis e) Northern Blot Analyse der mRNA-Expression in normalen 208 F Fibroblasten, H-ras-transformierten A-Zellen und mit PD98059 behandelten FE-8 Zellen.

- f bis i) Northern Blot Analyse der mRNA Expression in normalen 208 F Zellen und in mit mutiertem H-Ras, K-Ras und N-Ras transformierten 208F Zellen.
- k) MMP-3, repräsentatives Beispiel für ein Gen ohne signifikante differenzielle Expression.

Figur 9: zeigt eine Charakterisierung von mit Isoformen des Ras Onkogens transformierten Zellen.

- a) Morphologie von normalen 208F Fibroblasten, H-Ras-transformierten FE-8 Zellen, K-Ras und N-Ras transformierten 208F Zellen. Phasenkontrast, 100fache Vergrößerung.
- b) Ankerunabhängige Proliferation von Zellen in Kulturen auf Poly-Hema-beschichteten Oberflächen. Ordinate: Absorption bei 490 nm.
- c) Westerblot-Analyse der Ras-Expression.

Figur 10: zeigt repräsentative Beispiele einer differenziellen mRNA Expression in stabil mit K-Ras transformierten Rattenovarien-Oberflächenepithelzellen und in konditionell H-Ras-transformierten Fibroblasten. Links: Northernblot Analyse von Gesamt RNA aus normalen Rattenovarien-Oberflächenepithelzellen (ROSE199) und 2 K-Ras transformierten Derivaten (ROSE A2/1 K-Ras und ROSE A2/5 K-Ras). Rechts: RNA aus 208F Zellen, stabil transformierten FE-8 Zellen und konditional transformierten 208F-iHRas-Zellen vor (- IPTG) und nach 4 Tagen einer Ras-Induzierung (+ IPTG).

Figur 11 zeigt die Nukleotidsequenzen von cDNAs entsprechend den identifizierten differenziell exprimierten Transkripten.

Figur 12 zeigt die Nukleotidsequenzen von homologen menschlichen cDNAs.

5      Figur 13 zeigt eine Zuordnung der Fig. 11 gezeigten Nukleotidsequenzen (Ratte) zu den homologen menschlichen Sequenzen gemäß Figur 12.

### Beispiele

#### 10      1.      Methoden

##### 1.1      Zellkultur und DNA-Transfektionen

15      Zellen wurden in Dullbeco's modifiziertem Eagle's Medium (DMEM) supplementiert mit 10% fötalem Kälberserum kultiviert. Die Transfektionen erfolgten durch Calciumphosphat-Präzipitation wie bei Griegel et al. (Int. J. Canc. 38 (1986), 697-705) beschrieben. Zur Etablierung von N-Ras Transformanten wurden 208F Zellen mit pcDneo und dem N-Ras (G12D) Onkogen (Souyri et al., Virology 158 (1987), 69-78) cotransfiziert und in  
20      DMEM mit 400 µg/ml G418 selektioniert. Das K-Ras (C12V) Onkogen wurde aus der humanen Colonkarzinomzelllinie SW480 kloniert und in 208F Zellen transfiziert. 208F-K-Ras Zellen wurden aus morphologisch transformiertem Transfektanten isoliert. FE-8 Zellen sind G418-resistente H-rus (G12V)-transformierte Derivate von 208F (Griegler et al., supra).

25      Zur Herstellung von subtrahierten Bibliotheken wurden Zellen aus einem frühen Isolat der FE-8 Zelllinie verwendet. 208F-Zellen wurden in Kultur nicht länger als 30 Tage nach Transfektion gehalten. K-Ras transformierte Rattenovarien-Oberflächenepithelzellen wurden nach Transfektion von  
30      ROSE199 Zellen (Adams und Auersperg, Exp. Cell Biol. 53 (1985), 181-188) mit K-Ras (C12 V) isoliert. Zur Herstellung von 208F-iH-Ras-Zellen, die eine induzierbare Expression des H-Ras Onkogens zeigen, wurden 208F



Zellen mit den Plasmiden pSVlacOras und pH $\beta$ lacINLSneo (Liu et al., Canc. Res. 52 (1992), 983-989) cotransfiziert und in Standardmedium mit 400  $\mu$ M G418 selektioniert. Für die Ras-Expression wurden die Zellen mit 20 mM Isopropyl-1-thio- $\beta$ -D-galactosid (IPTG) vier Tage lang inkubiert.

5 Der MEK Inhibitor PD98059 (Dudley et al. PNAS USA 92 (1995), 7686-7689) wurde in einer Endkonzentration von 50 mM in DMSO gelöst. FE-8-Zellen wurden 2 Tage lang mit PD98059 in einer Endkonzentration von 50  $\mu$ M behandelt. Die ankerunabhängige Proliferation wurde semiquantitativ  
10 in Kulturen bestimmt, die auf Mikrotiterplatten beschichtet mit Poly-2-hydroxyethylmethacrylat (Poly-Hema; Sigma) gewachsen waren. 75  $\mu$ l einer Poly-Hema-Stammlösung (5 mg/ml in 95% Ethanol) wurden in die Vertiefungen gegeben und für 72 h bei 37°C trocknen gelassen. Zellsuspensionen wurden auf beschichteten Platten (1000 Zellen/Vertiefung)  
15 ausgesät und das Wachstum wurde nach 5 Tagen unter Verwendung eines XTT Assay (Roche, Mannheim, Deutschland) bestimmt.

## **1.2. Klonierung von differenziell exprimierten Sequenzen durch subtraktive Suppressionshybridisierung (SSH)**

20 Gesamt-RNA wurde aus subkonfluenten Kulturen wie von Chomczynski und Sacchi (Anal. Biochem. 162 (1987), 156-159) beschrieben gewonnen. mRNA wurde aus 1 mg Gesamt-RNA unter Verwendung des mRNA Separatorkit (Clontech, Palo Alto, Kalifornien, USA) isoliert. cDNA Synthese  
25 und Subtraktion wurden unter Verwendung des PCR-Select™ Subtraktionskit (Clontech, Palo Alto, Kalifornien, USA) gemäß der Vorschrift des Herstellers mit folgenden Modifikationen durchgeführt: Ein Driver/Tester-Volumenverhältnis von 2:12 wurde bei der ersten Hybridisierung verwendet. 26 Zyklen der primären PCR und 10 Zyklen der  
30 sekundären PCR wurden unter der Verwendung des Advantage cDNA Polymerase Mix (Clontech) durchgeführt. Um die Effizienz der cDNA Subtraktion zu bestimmen, wurden die Transkriptmengen des konstitutiv

exprimierten Gens GAPDH durch RT-PCR in subtrahierten und unsubtrahierten Populationen von 208F RNA bzw. FE-8 RNA verglichen. Der Nachweis von GAPDH Sequenzen für beide Subtraktionen erforderte 28 PCR Zyklen bei Verwendung von subtrahierter cDNA als Matrize, während zur Amplifizierung von GAPDH aus Kontroll cDNA nur 18 Zyklen benötigt wurden. Außerdem wurden die Mengen von Genen, für die eine differenzielle Expression in 208F und FE-8 Zellen bekannt ist, durch RT-PCR getestet. Wie erwartet war H-ras spezifische cDNA in subtrahierter gegenüber und unsubtrahierter FE-8 cDNA angereichert. Die Menge an Lysyloxidase cDNA war höher in subtrahierter als in unsubtrahierter 208F cDNA und zeigte eine Abnahme von einer geringen Menge in unsubtrahierter FE-8 cDNA bis zu einer nicht mehr nachweisbaren Menge in subtrahierter FE-8 cDNA.

Die subtrahierten cDNA Sequenzen wurden unter Verwendung des QIA Quick PCR Reinigungskit (Qiagen, Valencia, Kalifornien, USA) aufgereinigt. 10 ng cDNA wurden in den Vektor pCR2.1 (Invitrogen, Leeg, Niederlande) durch T/A-Klonierung inseriert. Individuelle Transformanten mit cDNA Fragmenten wurden aus weißen Kolonien auf X-Gal/IPTG-Agar-Platten isoliert. Um die Qualität der Bibliothek hinsichtlich der Redundanz und Spezifität zu ermitteln, wurden 35 willkürlich gepickte cDNA Transformanten aus jeder DNA-Bibliothek isoliert und sequenziert. Die differenzielle Expression der inserierten Sequenzen wurde in Northern Blots mit 10 µg Gesamt RNA aus 208F und FE-8 Zellen analysiert.

25

### 1.3 Sequenzanalyse

Sequenzierungsreaktionen wurden mit dem M13 Universalprimer unter Verwendung des BigDye-Sequenzierungskit (Perkin Elmer) gemäß der Vorschrift des Herstellers durchgeführt. Die Sequenzen wurden auf einem ABI377 Sequenziergerät bestimmt. Die Sequenzierung der cDNA Insertionen von subtrahierten Bibliotheken wurde beendet, wenn die Anzahl redundanter

30

Sequenzen diejenige von neuen Klonen signifikant überstieg. Das Clustering erfolgte unter Verwendung der GAP4 Software (Staden Package). Sequenzhomologie-Untersuchungen erfolgten gegen die Datenbanken GenBank (nr) und Expressed Sequence Tag (dbest) unter Verwendung des BLASTN Programms bei NCBI (<http://www.ncbi.nlm.nih.gov/BLAST>).

#### 1.4 Hybridisierungsanalyse

Nicht redundante Plasmid-DNA Sonden aller identifizierter Fragmente wurden in 96-Loch-Mikrotiterplatten überführt. Unter Verwendung von PCR-Select™ adaptorspezifischen Primern wurde eine PCR-Amplifikation mit 30 Zyklen (30 sec 94°C, 30 sec 68°C, 90 sec 72°C) durchgeführt. Die mittlere Größe der inserierten Fragmente war 800 bp. Die PCR amplifizierten Insertionen wurden auf jeweils 25 x 12 cm Nytran Nylonmembranen (Schleicher und Schuell, Dassel, Deutschland) geplottet. Es wurde eine Reverse Northern Analyse wie bei von Stein et al. (Nucleic Acids Res. 25 (1997), 2598-2602) beschrieben durchgeführt, außer daß die folgenden Hybridisierungsbedingungen verwendet wurden: Die Vorhybridisierung der Membranen erfolgte mit 5 x Denhardt's Reagenz, 5 x SSC, 50 mM Phosphatpuffer, 0,5% SDS, 100 ng/ml tRNA bei 65°C für 3 h. Die Hybridisierung erfolgte im selben Puffer ohne Denhardt's Reagenz und 50 mM Phosphatpuffer bei 65°C für 16 h.

Für die konventionelle Northern Blot-Analyse wurden 10 µg Gesamt-RNA elektrophoretisch in 1 % Agarosegelen mit Formaldehyd aufgetrennt und in 20 x SSC auf Protran Nitrozellulosemembranen (Schleicher und Schuell, Dassel, Deutschland) geblottet. Die cDNA Fragmente wurden unter Verwendung des Ready Prime Systems (Amersham, Braunschweig) mit <sup>32</sup>P-dCTP markiert. Die Hybridisierung erfolgte in ExpressHyb Hybridisierungspuffer (Clontech) bei 68°C über Nacht. Die Membranen wurden zweimal in 2 x SSC, 0,1 % SDS bei 42°C für 20 min und 2 x 0,1

SSC, 0,1 % SDS bei 66°C für 30 min gewaschen und autoradiographisch analysiert.

## 2. Ergebnisse

### 2.1 Eigenschaften der zur Identifizierung von Ras-Transformationstargets verwendeten Zellen

Die präneoplastische Zelllinie 208F und deren malignes Ras-transformiertes Derivat FE-8 (Fig. 5a) zeigen einen nahezu diploiden Karyotyp ohne größere numerische oder strukturelle chromosomale Aberrationen (Fig. 5b). Während 208F Zellen keine spontane Transformation zeigen, sind FE-8 Zellen ankerunabhängig (Fig. 5c) und zeigen eine stark maligne Wirkung bei subkutaner Injektion in athymische Nacktmäuse oder neugeborene Ratten (Griegel et al. (1986), supra; Sers et al. (J. Cell Biol. 136 (1997), 935-944). Das 208F/FE-8 Zellsystem eignet sich somit für die Bereitstellung einer Population an transkriptionell veränderten Genen, die durch eine permanente Ras-Signalgebung sowie durch Änderungen in der allgemeinen Genregulation hervorgerufen werden.

### 2.2 Isolierung von differenziell beim Übergang vom normalen zum transformierten Zustand exprimierten Sequenzen

cDNA-Klone, die präferentiell in normalen 208F Rattenzellen oder in transformierten FE-8 Zellen exprimierte mRNAs repräsentieren, wurden aus zwei subtrahierten cDNA-Bibliotheken gewonnen. Zur Isolierung von beim Übergang vom normalen zum transformierten Zustand herabregulierten Sequenzen (N-Klone) wurde Tester cDNA aus normalen 208F Fibroblasten und Driver cDNA aus transformierten FE-8 Zellen (Vorwärts-Subtraktion) verwendet. Um bei während der neoplastischen Transformation heraufregulierte Sequenzen (T-Klone) zu erhalten, wurde FE-8 cDNA als Tester und 208F cDNA als Driver verwendet (Rückwärts-Subtraktion). Es

wurden die Nukleotidsequenzen von 1357 subtrahierten cDNA Klonen nach T/A Klonierung und bakterieller Transformation bestimmt. Dabei wurden 823 individuelle Sequenzen identifiziert (Fig. 1, 11). Um die differenzielle Expression durch unabhängige Methoden zur verifizieren, wurden subtrahierte cDNA Sequenzen unter Verwendung von Nested Adapter Primern durch PCR amplifiziert. Die PCR Produkte wurden gelelektrophoretisch aufgetrennt und auf Hybridisierungsmembranen überführt. Jeweils zwei Membranen wurden mit radioaktiv markierten Sonden aus normalen 208F Zellen bzw. transformierten FE-8 Zellen hybridisiert (Reverse Northern Analyse, Fig. 6). Zusätzlich wurde Gesamt-RNA aus 208F und FE-8 Zellen mit Standard Northern Blots unter Verwendung einzelner cDNA Fragmenten als Sonden analysiert. Durch konventionelle Northern Analyse wurde die differenzielle Expression von 48 aus 50 willkürlich ausgewählten cDNA Fragmenten (96%) auf Reversen Northern Blots verifiziert. Außerdem wurden 193 bekannte Genfragmente, die keine eindeutigen oder gar keine Hybridisierungssignale auf Reversen Northern-Membranen ergaben, auf konventionelle Weise analysiert. Die Ergebnisse aller Standard-Northern Blot Analysen mit Hinweis auf differenzielle Expression von Ras-Transformationstargets sind in Fig. 7 gezeigt. Exprimierte Sequence-Tags und neue Sequenzen wurden nicht weiter analysiert, wenn die Sensitivität des Reversen Northern Blots nicht ausreichend war, um eine differenzielle Expression eindeutig zu verifizieren. Die Liste aller differenziellen Gene klassifiziert nach ausgewählten Eigenschaften ihrer Produkte ist in Fig. 2 gezeigt. Die zum Nachweis von Expressionsdifferenzen zwischen normalen und transformierten verwendete Methode erlaubt die Isolierung von stark und gering exprimierten Genen. Aufgrund des im SSH Verfahren enthaltenen Ausgleichsschritts wurde eine Identifizierung von stark exprimierten Transkripten (z.B. kodierend für Proteine des Cytoskeletts) und von mRNAs mit geringer Kopienzahl (z.B. kodierend für Transkriptionsfaktoren) ermöglicht. Die bei dieser Untersuchung identifizierten cDNA Fragmente stellen einen signifikanten Bruchteil der in den zwei Zelllinien differenziellen exprimierten Genen dar.

## 2.3 Transkriptionelle Basis für abnormes Wachstum, invasive und metastatische Eigenschaften in Ras-transformierten Zellen

5 Aus FE-8 Zellen wurde eine Anzahl von Genen gewonnen, von denen bereits bekannt war, daß sie in Ras- transformierten Zellen in veränderten mRNA-Mengen vorliegen. Die potentiellen Ras-Targets, die eine stimulierte oder de novo Expression aufweisen, umfassen die Gene kodierend das Metastase-assoziierte Glykoprotein CD44, den Transkriptionsfaktor Fra-1, das alpha-Chemokin Mob-1, die Metalloproteinasen MMP-1 und MMP-3  
10 sowie die regulatorische leichte Kette von Myosin. Die bekannten herabregulierten Ras-Targets beinhalten die Gene für  $\alpha$ -Actin, Kollagen  $\alpha$ -1, Entaktin/Nidogen, Fibronectin, TGF $\beta$ -stimulierte Sequenz TSC36, Lysyloxidase, Glattmuskel-Myosin-Leichtkette (MLC)-2 und NAD-Dehydrogenase.

15 Das Transkriptionsmuster von Ras-transformierten Zellen zeigte eine enge Korrelation mit aggressivem Tumorverhalten. So war beispielsweise die Expression von Lamininrezeptor, MMP-1 (Collagenase), MMP-3 (Stromelysin-1), MMP-10 (Stromelysin-2) und CD44 Glykoprotein, deren  
20 Bedeutung für die Metastasierung bekannt ist, in FE-8 Zellen stimuliert. Gleichzeitig war eine große Anzahl von antiproliferativen, antiinvasiven oder antiangiogenen Genen in FE-8 Zellen reprimiert. Diese Gene kodieren für Syndecan-2, Gewebeinhibitor von Metalloproteasen (TIMP)-2, Lysyloxidase (rrg-1), Thrombospondin-1, Proteinkinase A II, das myristoylierte,  
25 alaninreiche C-Kinasesubstrat (MARCKS) und das Wachstumsarrest-spezifische Protein GAS-1.

Es wurde auch eine Verknüpfung zwischen der Ras-Onkogen vermittelten Signalgebung und der Arzneimittelresistenz gefunden basierend auf der  
30 Heraufregulierung von Genen in FE-8 Zellen, die beim Transport und der Prozessierung von cytotoxischen Arzneimitteln beteiligt sind, einschließlich des multispezifischen Anionentransporters MOAT-B, der Exopeptidase

Bleomycinhydrolase und der Aldehydreduktase. Weiterhin wurden diverse Gene identifiziert, die an Signaltransduktionsprozessen für die Regulierung der mitogenen Aktivität und des Überlebens der Zelle beteiligt sind, sowie von Genen, welche die Reorganisierung des Cytoskeletts, die Reaktion auf Stress, oxidative Phosphorylierung, glykolytische Energieerzeugung und Fettsäureoxidation beeinflussen (Fig. 2).

### 3.4 Sensitivität von Ras-vermittelten transkriptionellen Änderungen auf die Inhibierung des Raf/Mek-Signaltransduktionswegs

Es ist bekannt, daß eine Anzahl von Signaleffektorproteinen mit der Haupt-Effektordomäne von Ras interagiert. Neben der Raf-Kinase, dem Haupteffektor von Ras, sind auch Raf-unabhängige Mechanismen an der Ras-vermittelten Transformation beteiligt (zum Überblick siehe Khosravi et al., Adv. Cancer. Res. 72 (1998), 57-107). Es wurde nun untersucht, in welchem Ausmaß die Raf-Signaltransduktionskaskade stromabwärts von Ras die Gentranskription und den transformierten Phänotyp in FE-8 Zellen beeinflusst.

Bei Behandlung mit dem spezifischen Mek-Inhibitor PD98059 zeigten FE-8 Zellen eine normalere Morphologie ähnlich wie 208 F-Zellen (Fig. 5a) und eine signifikant verringerte Fähigkeit zur ankerunabhängigen Proliferation (Fig. 5c) trotz gleichbleibender Mengen an p21 Ras (Fig. 5d). Die Raf/Mek-Signalkaskade war blockiert, wie sich durch verringerte Mengen an Phospho-p44/42-MAPK Mengen zeigte, die von denjenigen nichtransformierten 208 F-Zellen nicht unterscheidbar waren (Fig. 5e). cDNA Arrays umfassend alle differenziell exprimierten Sequenzen, die durch Reverse Northern Analyse (Fig. 2) nachweisbar waren, wurden mit radioaktiv markierten Sonden aus RNA von unbehandelten und Inhibitor behandelten FE-8 Zellen hybridisiert. Weiterhin wurden insgesamt 77 präferentiell exprimierte bekannte Gene, die entweder auf DNA Arrays positiv oder auf Arrays nicht nachweisbar waren, durch konventionelle

Northern Blot Analyse untersucht (Fig. 8a bis e). Dabei wurden 61 bekannte Transkripte identifiziert, die gegenüber einer MAP-Kinase Hemmung sensitiv waren (Fig. 3, Fig. 8a-e). Die H-Rras vermittelte Herabregulierung wurde für 36 Ttranskriptionstargets revertiert, während die Heraufregulierung von 25 Targets blockiert wurde. Die mRNA Mengen von 116 Genen oder exprimierten Sequenzen war in mit Inhibitor behandelten FE-8 Zellen nicht beeinflußt.

### 3.5 Ras Isoform-spezifische Genexpressionsprofile

Die Onkogene H-Ras, K-Ras und N-Ras und ihre Produkte ähneln sich in Struktur und Funktion. Die Ras-Proteine unterscheiden sich jedoch erheblich in der Aminosäurezusammensetzung des C-Terminus, dem Expressionsmuster und ihrer posttranslationalen Modifikation (zum Überblick siehe Malumbres und Pellicer, *Frontiers in Biosciences* 3 (1998), 887-912). Weiterhin sind einzelne Isoformen in unterschiedlichen Krebsarten bevorzugt mutiert (Bos, *Canc. Res.* 49 (1998), 4682-4689).

Um herauszufinden, auf welche Weise die beiden anderen Ras Isoformen die Transkription von H-Ras Targetgenen beeinflußt, wurden 208F Rattenzelllinien hergestellt, welche das aktivierte K-Ras bzw. N-Ras Gen exprimieren. Diese Zelllinien zeigten ähnliche Eigenschaften in der neoplastischen Transformation wie FE-8 Zellen (Fig. 9). Radioaktiv markierte cDNA Sonden aus 208F Zellen transformiert durch mutiertes K-Ras bzw. N-Ras wurden mit den die H-Ras transformationssensitiven Sequenzen ( $n=233$ ) enthaltenden cDNA Arrays hybridisiert. Die Ergebnisse einer Reversen Northern Analyse wurden durch konventionellen Northern Blot verifiziert. Weiterhin wurden 30 Gene mit geringer Expression auf Northern Blots analysiert (Fig. 8f bis i). Etwa 90% aller gegenüber einer H-Ras Transformation sensitiven Sequenzen zeigen ein sehr ähnliches Expressionsmuster in Zellen, die durch die beiden mutierten Ras Isoformen transformiert worden waren. Die Mengen von 26 cDNA Fragmenten zeigten



jedoch deutliche Unterschiede (Fig. 4, Fig. 8f-e). Es wurden mehr spezifische H-Ras Targets als K-Ras oder N-Ras Targets gefunden.

5 Der hohe Grad an Ähnlichkeit der Targetgene in drei unabhängigen transfizierten Zelllinien, welche verschiedene Ras-Isoformen exprimieren, zeigt, daß die transkriptionellen Änderungen in hohem Maße reproduzierbar sind und nicht auf willkürlichen Unterschieden zwischen den Zelllinien beruhen. Um Zellen eines unterschiedlichen Gewebetyps zu untersuchen, wurde eine willkürlich ausgewählte Subklasse von Targetgenen von mit s  
10 transformierten Rattenovarien-Oberflächenepithelzellen analysiert (Fig. 10, links). Die transkriptionellen Änderungen in FE-8 und K-Ras transformierten ROSE-Zellen waren sehr ähnlich. Außerdem waren die meisten der für FE-8 Zellen spezifischen transkriptionellen Änderungen in 208F-Zellen reproduzierbar, die mit einem IPTG induzierbaren H-Ras Gen transformiert  
15 worden waren (Fig. 10, rechts).

### Ansprüche

1. Verfahren zur differentiellen Transkriptionsanalyse,  
dadurch gekennzeichnet,  
daß man mRNA aus einer ersten Zelle und einer zweiten Zelle gewinnt, eine subtraktive Suppressionshybridisierung mit der gewonnenen mRNA durchführt und eine Population von in beiden Zellen differentiell exprimierten Genen identifiziert.
2. Verfahren nach Anspruch 1,  
dadurch gekennzeichnet,  
daß als erste Zelle eine transformierte Zelle und als zweite Zelle eine nichttransformierte Zelle verwendet wird.
3. Verfahren nach Anspruch 2,  
dadurch gekennzeichnet,  
daß als erste Zelle eine Ras-transformierte Zelle und als zweite Zelle eine nichttransformierte Zelle verwendet wird.
4. Verfahren nach Anspruch 3,  
dadurch gekennzeichnet,  
daß als Ras-transformierte Zelle eine H-Ras-, K-Ras- oder N-Ras-transformierte Zelle verwendet wird.
5. Verfahren nach einem der Ansprüche 1 bis 4,  
dadurch gekennzeichnet,  
daß die erste Zelle und die zweite Zelle von gleichen Spezies stammen.

6. Verfahren nach einem der Ansprüche 1 bis 5,  
**dadurch gekennzeichnet,**  
daß die erste Zelle und die zweite Zelle vom gleichen Zelltyp  
stammen.
- 5
7. Verfahren nach einem der vorhergehenden Ansprüche,  
**dadurch gekennzeichnet,**  
daß die erste Zelle und die zweite Zelle so ausgewählt werden, daß  
sie im wesentlichen keine chromosomalen Aberrationen aufweisen.
- 10
8. Verfahren nach einem der vorhergehenden Ansprüche,  
**dadurch gekennzeichnet,**  
daß die erste und die zweite Zelle aus Fibroblasten .. ausgewählt  
werden.
- 15
9. Verfahren nach einem der vorhergehenden Ansprüche weiterhin  
umfassend eine Charakterisierung der identifizierten differenziell  
exprimierten Gene.
- 20
10. Verfahren nach Anspruch 9,  
**dadurch gekennzeichnet,**  
daß die Charakterisierung eine zumindest partielle Sequenzanalyse  
und gegebenenfalls einen Abgleich mit Sequenzdatenbanken umfaßt.
- 25
11. Verfahren nach einem der vorhergehenden Ansprüche,  
**dadurch gekennzeichnet,**  
daß man eine Population von mindestens 100 differenziell  
exprimierten Genen identifiziert.
- 30
12. Population von in einer ersten Zelle und in einer zweiten Zelle  
differenziell exprimierten Genen erhältlich durch ein Verfahren nach  
einem der der Ansprüche 1 bis 11.

13. Genpopulation nach Anspruch 12 angeordnet in Form eines Array.

14. Anwendung des Verfahren nach einem der Ansprüche 1 bis 11 zur Identifizierung von Genen, die eine differenzielle Expression in Tumorzellen und normalen Zellen zeigen.

15. Anwendung nach Anspruch 14, zur Identifizierung von Genen, die eine erhöhte Expression in einer Ras-transformierten Zelle im Vergleich zu einer nichttransformierten Zelle zeigen.

16. Anwendung nach Anspruch 15, **dadurch gekennzeichnet**, daß die Gene die in Fig. 11 gezeigten Nukleinsäuresequenzen von T-Klonen oder Teilsequenzen davon mit einer Länge von mindestens 50, vorzugsweise mindestens 100 und besonders bevorzugt mindestens 200 Nukleotiden umfassen.

17. Anwendung nach Anspruch 14 zur Identifizierung von Genen, deren verringerte Expressions in einer Ras-transformierten Zelle im Vergleich zu einer nichttransformierten Zelle zeigen.

18. Anwendung nach Anspruch 17, **dadurch gekennzeichnet**, daß die Gene die in Fig. 11 gezeigten Nukleinsäuresequenzen von N-Klonen oder Teilsequenzen davon mit einer Länge von mindestens 50, vorzugsweise mindestens 100 und besonders bevorzugt mindestens 200 Nukleotide umfassen.

19. Anwendung nach Anspruch 14 zur Identifizierung von Genen, die eine differenzielle Expression in mit unterschiedlichen Ras-Isoformen transformierten Zellen zeigen.

20. Anwendung nach Anspruch 14 zur Identifizierung von Genen, die eine differenzielle Expression in mit einer Wirksubstanz behandelten Zellen und unbehandelten Zellen zeigen.
- 5 21. Anwendung des Verfahren nach einem der Ansprüche 1 bis 11 zum Testen des Einflusses von Wirksubstanzen, die der ersten oder/und zweiten Zelle zugegeben worden sind, auf die Genexpression.
- 10 22. Verwendung nach Anspruch 20 oder 21,  
**dadurch gekennzeichnet,**  
daß die Wirksubstanz ausgewählt wird aus Modulatoren der Tumorgenese.
- 15 23. Verwendung nach Anspruch 22,  
**dadurch gekennzeichnet,**  
daß die Wirksubstanz ausgewählt wird aus Modulatoren der Ras-Aktivität.
- 20 24. Verwendung nach einem der Ansprüche 20 bis 23,  
**dadurch gekennzeichnet,**  
daß die Wirksubstanz ausgewählt wird aus Modulatoren der Ras/Raf/Mek-Signalkaskade.
- 25 25. Nukleinsäure,  
**dadurch gekennzeichnet,**  
daß sie eine differenzielle Expression in Tumorzellen und normalen Zellen zeigt, umfassend
- 30 (a) eine der in Fig. 11 gezeigten Nukleinsäuresequenzen,  
(b) Teilsequenzen davon mit einer Länge von mindestens 50, vorzugsweise mindestens 100 und besonders bevorzugt mindestens 200 Nukleotiden,

- (c) eine mit einer Sequenz aus (a) oder/und (b) unter stringenden Bedingungen hybridisierende Sequenz, oder/und
- (d) eine zu einer Sequenz aus (a), (b) oder/und (c) komplementäre Sequenz.

5

26. Nukleinsäure nach Anspruch 25,  
**dadurch gekennzeichnet,**  
daß die Tumorzellen aus H-Ras, N-Ras und K-Ras transformierten Ratten-Fibroblasten ausgewählt sind.

10

27. Nukleinsäure nach Anspruch 26 oder 27,  
**dadurch gekennzeichnet,**  
daß die Normalzellen aus 208F Rattenfibroblasten ausgewählt sind.

15

28. Nukleinsäure nach einem der Ansprüche 25 bis 27,  
**dadurch gekennzeichnet,**  
daß sie eine erhöhte Expression in einer Ras-transformierten Zelllinie im Vergleich zu einer nichttransformierten Zelllinie zeigt oder in eine Ras-transformierten Zelllinie de novo exprimiert ist.

20

29. Nukleinsäure nach einem der Ansprüche 25 bis 28,  
**dadurch gekennzeichnet,**  
daß ihre Expression in Ras transformierten Zellen herabreguliert ist.

25

30. Nukleinsäure nach Anspruch 28,  
**dadurch gekennzeichnet,**  
daß sie eine der Sequenzen N1-N297 gemäß Fig. 11 oder eine damit unter stringenten Bedingungen hybridisierende Sequenz umfaßt.

30

31. Nukleinsäure nach Anspruch 30,  
ausgewählt aus den in der Ratte als mRNA noch nicht beschriebenen Sequenzen:

34

N100, N103, N104, N105, N106, N107, N109, N110, N111, N112,  
N113, N114, N115, N116, N117, N118, N12, N120, N121, N122, N124, N125, N126,  
N127, N128, N129, N13, N130, N131, N133, N134, N135, N136, N137, N138, N139,  
N14, N140, N141, N143, N144, N145, N146, N147, N148, N149, N150, N151, N152,  
N153, N154, N156, N157, N158, N16, N160, N161, N162, N163, N164, N165, N166,  
N167, N168, N169, N17, N170, N171, N172, N173, N174, N175, N176, N177, N178,  
N18, N180, N181, N182, N183, N184, N185, N186, N187, N188, N189, N19, N190,  
N191, N192, N193, N194, N195, N196, N197, N198, N199, N2, N20, N201, N202,  
N203, N204, N205, N206, N207, N208, N209, N21, N210, N211, N212, N213, N214,  
N215, N216, N217, N218, N219, N22, N220, N221, N222, N223, N224, N225, N226,  
N227, N228, N229, N23, N230, N231, N232, N234, N236, N237, N238, N239, N24,  
N240, N241, N242, N244, N246, N247, N248, N249, N25, N250, N251, N252, N253,  
N254, N255, N256, N257, N258, N259, N260, N261, N262, N263, N264, N265,  
N267, N268, N269, N270, N271, N272, N273, N274, N275, N276, N277, N278,  
N279, N28, N280, N281, N282, N283, N284, N285, N286, N287, N288, N289, N29,  
N290, N291, N292, N293, N294, N295, N296, N297, N30, N32, N35, N38, N4, N44,  
N46, N51, N55, N56, N57, N59, N60, N62, N64, N65, N68, N69, N71, N73, N74,  
N75, N76, N77, N78, N79, N80, N81, N82, N84, N86, N87, N88, N89, N9, N90, N91,  
N92, N93, N94, N96, N97, N98, N99

15

32. Nukleinsäure nach Anspruch 30 ausgewählt aus Sequenzen, für die  
in Modellorganismen wie Maus, Huhn, Xenopus, C. elegans,  
Drosophila homologe Sequenzen beschrieben sind, die aber nicht im  
Menschen bekannt sind:

20

N103, N105, N112, N113, N115, N116, N121, N127, N128, N13,  
N14, N151, N16, N163, N164, N17, N182, N184, N185, N189, N19, N199, N2, N20,  
N212, N225, N241, N249, N252, N257, N264, N269, N289, N29, N296, N30, N38,  
N4, N56, N57, N59, N60, N64, N65, N68, N69, N74, N9

25

33. Nukleinsäure nach Anspruch 29,  
dadurch gekennzeichnet,  
daß sie eine der Sequenzen T1-T235 gemäß Fig. 11 oder eine damit  
unter stringenten Bedingungen hybridisierende Sequenz umfaßt.

30

34. Nukleinsäure nach Anspruch 33, ausgewählt aus den in der Ratte als  
mRNA noch nicht beschriebenen Sequenzen:

T1, T100, T101, T102, T103, T104, T105, T106, T107, T108, T109,  
T110, T111, T112, T113, T114, T115, T116, T118, T119, T12, T120, T121, T122,  
T123, T124, T125, T126, T127, T128, T129, T130, T131, T134, T135, T136, T137,  
T14, T140, T141, T142, T144, T145, T146, T147, T148, T149, T150, T151, T152,  
T153, T154, T155, T156, T157, T158, T159, T160, T163, T164, T165, T168, T169,  
T17, T170, T171, T172, T173, T174, T175, T177, T178, T179, T18, T180, T181,  
T182, T183, T184, T185, T186, T187, T188, T189, T19, T190, T191, T192, T194,  
T195, T196, T197, T198, T199, T2, T20, T200, T201, T202, T203, T204, T205, T206,  
T207, T208, T209, T210, T211, T212, T213, T214, T215, T216, T217, T218, T219,  
T220, T221, T222, T223, T224, T225, T226, T227, T228, T229, T230, T231, T232,  
T233, T234, T235, T236, T237, T238, T239, T24, T241, T242, T243, T244, T245,  
T247, T248, T249, T25, T250, T251, T252, T253, T27, T28, T29, T3, T31, T32, T34,  
T35, T36, T37, T39, T4, T40, T42, T46, T48, T49, T50, T52, T58, T59, T60, T61,  
T62, T63, T65, T66, T68, T69, T7, T70, T73, T76, T77, T78, T79, T8, T81, T82, T83,  
T84, T85, T86, T87, T88, T9, T90, T91, T92, T94, T95, T96, T97, T99

35. Nukleinsäure nach Anspruch 33, ausgewählt aus Sequenzen, für die  
in Modellorganismen wie Maus, Huhn, Xenopus, C.elegans,  
Drosophila homologe Sequenzen beschrieben sind, die aber nicht im  
Mensch bekannt sind:

T1, T118, T121, T122, T137, T142, T18, T2, T20, T222, T232,  
T238, T25, T3, T31, T32, T35, T37, T49, T50, T59, T60, T63, T65, T69, T7, T73, T8,

36. Nukleinsäure nach einem der Ansprüche 25 bis 35,  
dadurch gekennzeichnet,  
daß sie eine Homologie zu menschlichen Sequenzen, insbesondere  
menschlichen ESTs oder EST-Clustern aufweist.

37. Nukleinsäure nach Anspruch 36 ausgewählt aus

N1, N10, N101, N102, N103, N104,  
N108, N109, N11, N112, N116, N12, N121, N122, N125, N126, N128, N129, N13,  
N131, N132, N134, N136, N137, N14, N142, N144, N148, N149, N151, N152, N154,  
N156, N158, N159, N160, N163, N165, N17, N175, N18, N180, N181, N182, N183,  
N186, N187, N188, N189, N192, N196, N198, N199, N20, N202, N204, N205, N207,  
N209, N21, N212, N213, N215, N218, N22, N228, N234, N235, N238, N242, N243,  
N248, N249, N250, N252, N253, N255, N256, N257, N26, N260, N261, N263, N264,  
N266, N267, N270, N271, N275, N28, N280, N283, N289, N29, N294, N3, N30, N31,  
N32, N34, N35, N36, N38, N39, N4, N40, N42, N43, N44, N45, N46, N48, N49, N5,  
N50, N51, N55, N58, N59, N61, N62, N65, N7, N70, N71, N74, N75, N77, N78, N79,  
N80, N81, N82, N85, N89, N92, T10, T100, T103, T105, T109, T11, T111, T116,  
T117, T118, T119, T120, T121, T124, T125, T129, T132, T133, T137, T138, T139,  
T14, T141, T143, T144, T146, T147, T148, T15, T153, T156, T159, T16, T160, T162,  
T163, T166, T17, T170, T172, T174, T175, T176, T182, T183, T185, T186, T188,  
T189, T19, T191, T192, T193, T196, T2, T20, T202, T204, T205, T208, T21, T211,



T212, T215, T216, T217, T219, T222, T223, T224, T225, T226, T227, T230, T232,  
T235, T237, T238, T239, T240, T243, T244, T245, T25, T250, T251, T253, T27, T3,  
T31, T34, T35, T36, T37, T38, T40, T42, T43, T44, T45, T47, T48, T49, T50, T54,

T58, T59, T6, T60, T61, T62, T64, T66, T67, T68, T69, T72, T73, T75, T76, T80,  
T82, T86, T88, T89, T9, T94, T96, T98,

5

10 38. Nukleinsäure nach Anspruch 31,  
**dadurch gekennzeichnet,**  
daß sie ein menschliches Gen, eine menschliche cDNA oder eine  
Teilsequenz davon darstellt und daß das entsprechende  
rattenhomologe Gen eine differenzielle Expression in Tumor- und  
normalen Zellen zeigt.

15

39. Nukleinsäure nach Anspruch 38,  
**dadurch gekennzeichnet,**  
daß sie eine der in Figur 12 gezeigten Sequenzen umfaßt.

20

40. Nukleinsäure nach einem der Ansprüche 25 bis 39,  
**dadurch gekennzeichnet,**  
daß sie als Oligonukleotid oder als cDNA auf einem Array angeordnet  
ist.

25

41. Verwendung einer Nukleinsäure nach einem der Ansprüche 25 bis 40  
oder eines davon kodierten Polypeptids als Target für diagnostische  
oder therapeutische Zwecke.

30 42. Verwendung nach Anspruch 41 für die Tumordiagnostik oder  
Tumorthherapie.

43. Verwendung nach Anspruch 41 oder 42,  
**dadurch gekennzeichnet,**  
daß die Expression der Nukleinsäure moduliert wird.
- 5 44. Verwendung nach Anspruch 43,  
**dadurch gekennzeichnet,**  
daß die Modulation eine gentherapeutische Verarbeitung der  
Nukleinsäure umfaßt.
- 10 45. Verwendung nach Anspruch 43,  
**dadurch gekennzeichnet,**  
daß die Modulation eine Verabreichung von Antisense-RNA oder  
Ribozymen umfaßt.
- 15 46. Verwendung nach Anspruch 41 oder 42,  
**dadurch gekennzeichnet,**  
daß die Menge oder/und Lokalisierung des von der Nukleinsäure  
kodierten Polypeptids moduliert wird.
- 20 47. Verwendung nach Anspruch 46,  
**dadurch gekennzeichnet,**  
daß die Modulation eine Verabreichung des Polypeptids oder eines  
Aktivators davon umfaßt.
- 25 48. Verwendung nach Anspruch 46,  
**dadurch gekennzeichnet,**  
daß die Modulation eine Verabreichung von gegen das Polypeptid  
gerichteten Antikörpern oder Inhibitoren des Polypeptids umfaßt.

49. Verfahren zum Testen des Einflusses von Wirksubstanzen auf die Genexpression,

**dadurch gekennzeichnet,**

daß eine Wirksubstanz einer Zelllinie zugegeben wird, RNA aus der Zelllinie isoliert wird, die RNA markiert wird, anschließend auf ein Array hybridisiert wird und danach das Genexpressionsprofil der Zelllinie gewonnen wird.

50. Verfahren nach Anspruch 49,

**dadurch gekennzeichnet,**

daß das Genexpressionsprofil der mit der Wirksubstanz behandelten Zelllinie (a) mit dem Genexpressionsprofil einer nicht mit der Wirksubstanz behandelten Zelllinie oder/und (b) mit dem Genexpressionsprofil einer mit der Wirksubstanz behandelten, aber unterschiedlichen Zelllinie verglichen wird.

### Zusammenfassung

Die Erfindung betrifft ein Verfahren zum Nachweis von differenzieller  
5 Genexpression sowie neue durch dieses Verfahren erhältliche  
Nukleinsäuresequenzen.

10

vo 31. Januar 2000

Figur 1

	Gesamt	N-Klone (208F-FE-8)	T-Klone (FE8-208F)
Anzahl von sequenzierten cDNA Klonen	1257	669	588
Anzahl von individuellen Sequenzen	823	416	407
<b>Sequenzanalyse</b>			
Bekannte Gene (nr/Genbank)	427	207	220
Exprimierte Sequence Tags (dbest)	303	161	142
Keine Übereinstimmung in Datenbanken (neu)	93	48	45
<b>Expressionsanalyse: Reverse Northern Analyse / konventioneller Northern Blot</b>			
Differenziell exprimiert	393	225	168
Bekannte Gene	244	126	118
Exprimierte Sequence Tags	104	74	30
Neue Sequenzen	45	25	20
nicht differenziell exprimiert	194	86	108
Nicht nachweisbar bei Expressionsanalyse	236	105	131

# Gene herabreguliert durch H-Ras-Transformation

# Gene heraufreguliert durch H-Ras-Transformation

Figur 2

Sequenzidentität (Genbank/EMBL)	Species	Zugriffs- Nr.	Redun- danz	Ausmaß der Re- gulation	Verifi- zierung
Signalgebungsmoleküle ;					
3',5'-cyclic AMP phosphodiesterase	r	Z22867	1	>100	N1
AHR repressor	m	A13015140	1	38.0	R
cAMP-dependent protein kinase type II	r	M12492	1	>100	R
CSF-1 (colony stimulating factor-1)	i	M84361	2	5.6	N2, R
Gas-6	m	X59846	1	24.0	R
Guanine nucleotide-binding protein G-3 alpha	r	M12673	1	3.6	N3
I-TRAF (TRAF-interacting protein)	m	MMU59864	1	38.6	N4
IKK-complex-associated protein (IKAP)	h	AF044195	1	8.6	R
MARKS	m	M60474	2	3.3	N5
MS12 kinase	r	AJ001529	2	21.6	R
Myo-inositol monophosphatase (IMP)	r	U84038	1	44.5	N6
P5 protein	ha	X62678	1	3.4	R
Phosducin-like protein (PhLP)	r	L15354	2	>100	N7, R
Phosphatidylinositol 3-kinase p110 beta	h	S67334	1	>100	N8
Phosphatidylinositol 3-kinase p170	m	U55772	1	65.9	N9, R
Protein tyrosine phosphatase delta (MPTPd)	m	D13903	1	1.9	R
ROK alpha	r	U38481	1	26.1	N10
Serum inducible kinase (SIK)	m	M96163	1	>100	N11, R
SH3 binding protein (SAB)	h	AB005047	1	3.5	R

Sequenzidentität (Genbank/EMBL)	Species	Zugriffs- Nr.	Redun- danz	Ausmaß der Re- gulation	Verifi- zierung
AKAP K1. (A kinase anchor protein)	m	AF033276	1	16.1	T1, R
BG1 (eek receptor ligand)	r	D38056	1	5.2	12
c-Ha-ras-1	h	V00574	1	17.0	13
c-yes	m	X67677	1	12.5	14
Calmodulin-dependent protein kinase II-delta	r	J05072	1	8.1	R
Cyclooxygenase 1	r	U03388	1	90.7	T5, R
Cytoentin = Ral-binding protein 1	r	U28830	1	8.3	16
FKBP51 (T-cell-specific immunophilin)	m	U16959	1	68.2	17
FLIP (F1ICF-like inhibitory protein )	m	U97076	2	>100	18
GEF-111	h	U72206	1	32.1	19
GTP-binding protein RAD5	r	AF072935	1	>100	110
JAK1 protein tyrosine kinase 1	r	AJ000556	1	55.0	111
MAP-kinase phosphatase (cpg21)	r	AF013144	1	27.9	T12, R
po7 (isoprenylated 67 kDa protein)	r	M50367	1	98.2	113
Phosphatase 2A B56	h	L42373	2	50.6	114
PRB kinase	r	Y15748	1	19.9	115
R-esp2	r	L14463	1	>100	T16
Rap1B GTP binding protein	r	U07795	1	21.0	117
Ras-GTPase-activating protein	m	AJ001927	1	9.9	118
RhoC	m	X80638	2	6.7	R
SBF1 phosphatase	h	U93181	1	27.1	T19, R
Sprouty 2 (SPRY2)	h	AF039843	2	11.60	T20, R
TDAG51	m	U44088	1	2.7	121
Tyrosine phosphatase 1A-2a	r	D38222	1	12.2	122

## Signalgebungsmoleküle

AKAP K1 (A kinase anchor protein)	m	AF033276	1	16.1	T1, R
BG1 (eek receptor ligand)	r	D38056	1	5.2	T2
c-11a-ras-1	h	V00574	1	17.0	T3
c-yes	m	X67677	1	12.5	T4
Calmodulin-dependent protein Kinase II-delta	r	J03072	1	8.1	R
Cyclooxygenase 1	r	U03388	1	90.7	T5, R
Cytochrome c - Ras-binding protein 1	r	U28830	1	8.3	T6
PKBP51 (T-cell-specific immunophilin)	m	U16959	1	68.2	T7
FLIP (F1 IGF-like inhibitory protein )	m	U97076	2	>100	T8
GEF-H1	h	U72206	1	32.1	T9
GTP-binding protein RAB5	r	AF072935	1	>100	T10
JAK1 protein tyrosine kinase 1	r	AJ000556	1	55.0	T11
MAP-kinase phosphatase (cpg21)	r	AF013144	1	27.9	T12, R
pc7 (isoprenylated 67 kDa protein)	r	M80367	1	98.2	T13
Phosphatase 2A B56	h	L42373	2	50.6	T14
PRB kinase	r	Y15748	1	19.9	T15
R-esp2	r	L14463	1	>100	T16
Rap1B GTP binding protein	r	U07795	1	21.0	T17
Ras-GTPase-activating protein	m	AB001927	1	9.9	T18
RhoC	m	X80638	2	6.7	R
SDF1 phosphatase	h	U93181	1	27.1	T19, R
Sprouty 2 (SPRY2)	h	AF039843	2	11.60	T20, R
TDAG51	m	U44088	1	2.7	T21
Tyrosine phosphatase IA-2a	r	D38222	1	12.2	T22

Figur 2 (Fortsetzung a)

# Nukleäre Proteine (Transkriptionsfaktoren, DNA Prozessierungsenzyme)

AlpHAF nucleoprotein	h	M80902	2	>100	N12	Alpha-prothymosin	r	M60664	1	2.4	R
ATP-dependent RNA helicase	m	U46690	1	8.9	N13	BRCA1-associated RING domain protein (Bard1)	m	AF057157	1	3.5	T23
BRC-1 (brahma homolog)	m	S68108	1	13.1	N14	cdc-like kinase (clk)	m	L29221	1	13.1	T24
CCAAT/enhancer binding (C/EBP gamma)	r	X64403	1	16.6	N15	FEF1-1 (flap endonuclease-1)	m	L26320	1	11.1	T25
Cdc21	m	D26089	1	3.9	R	Fra-1 (fos-related antigen 1)	r	M19651	3	>100	T26, R
Centromeric protein CENP-C	m	U03113	1	39.2	N16, R	Histone acetyltransferase (GCN5)	h	AF029777	1	2.7	T27
Chromosome-associated polypeptide C (CAP-C)	h	A0019987	1	9.6	R	hNop56 nucleolar protein	h	Y12065	1	2.9	T28
DNA polymerase epsilon	h	AF036899	1	5.1	R	LAPIC (lamina-associated polypeptide 1C)	r	U19614	1	7.6	T29
DNA repair protein RAD50	m	U66887	1	3.4	N17, R	Myb-binding protein (P160)	m	U63648	1	5.9	T30
ERF1 transcription factor	h	U17163	1	9.6	N18	NF-1 transcription factor	m	U57635	1	71.8	T31
ETP-1/EA domain containing transcription factor	m	D50563	1	7.4	N19	p100 transcriptional coactivator	h	U83883	1	4.9	R
(in binding protein	h	U78524	1	41.7	N20	PEBP2b2	m	D14571	2	45.4	T32
HEC-1/retinoblastoma-associated protein	h	AF017790	1	3.9	N21, R	RB (retinoblastoma protein)	r	D25233	1	6.5	T33
Helicase p68 (HUBP68)	h	AF015812	2	>100	N22, R	SA-1 (stromal antigen)	m	Z75332	1	89.1	T34, R
Histone H3.3	h	Z48950	2	5.8	R						
Ki-67 antigen	m	X82786	1	>100	N23, R						
LAP2 (Lamina associated polypeptide 2)	r	U18314	4	>100	N24, R						
Mouse zinc finger protein	m	D45210	1	5.6	N25						
mTTF3 (X-linked transcriptional activator)	m	S76673	1	3.6	R						
Nuclear autoantigen G32NA	h	U17989	1	31.9	R						
Nucleoporin 155	h	AJ007558	1	15.2	N26						
Poly(ADP-ribose) glycohydrolase (hPAR1)	m	AF079557	1	2.4	R						
Rnf4 transcription factor	m	U95141	2	64.9	R						
Single strand DNA-binding protein	h	AF077048	1	4.9	R						
STAT5a1 transcription factor	r	U24175	1	1.8	N27						
Topoisomerase I	m	D10061	1	20.1	R						
Topoisomerase II	r	Z19552	3	2.1	R						

## Proteinprozessierung, Proteintransport und Proteinfaltungsmoleküle

26S proteasome subunit p55	h	A0003103	1	3.5	N28	Aminopeptidase P (APP)	r	AF038591	2	5.6	R
GRP94/endoplasmic	m	S69316	1	2.2	R	Chaperonin containing TCP-1 epsilon (CCT)	m	Z31555	2	2.2	T35, R
Heat shock protein 105	m	D67016	1	15.1	N29	Exportin	h	AF039022	4	48.5	T36
Heat shock protein 90	h	X15183	1	4.8	N30, R	GRP75	r	S78556	2	2.1	R

Figur 2 (Fortsetzung b)

hU08136	2.3	R	HAUSP (herpes ass. ubiquitin-specific protease)	h Z72496	1	28.8	R
r U32575	56.0	N31	Importin alpha Q1	m AF020771	1	10.6	R
h D87127	>100	N32	MPPB (mitochondrial processing peptidase beta)	r L12965	1	4.3	R
			Ran-GTPase	m S83456	1	19.7	T37
			Sec61	r M96630	2	29.2	T38, R
			Sort1 (sortilin)	h X98248	1	10.5	T39
			Translation initiation factor 3	h U94855	1	5.7	T40, R

# Metabolische Enzyme, Transporter, Ionenkanäle

3-beta-hydroxysteroid dehydrogenase (transferrase)	r S63167	4	5.0	R	4F2hc intestinal type II membrane glycoprotein	r U59324	4	2.9	T11
3-hydroxy-3-methylglutaryl coenzyme A synthase	r X52625	2	12.7	R	ABC transporter MDA1-B	h AF071202	1	10.8	T42, R
Aldolase dehydrogenase	r J03637	1	37.8	N33	Acyl-CoA synthetase I	r D30666	1	4.1	R
Alpha-mannosidase II	m X61172	1	6.3	R	Aldolase reductase	r D10854	1	4.0	T43
Antioxidant enzyme AOE372	m U96746	1	1.8	N34	Asparagine synthetase	r U07201	4	15.3	R
ATP-5b (acetaminophen-binding protein)	m S56599	1	58.7	R	ATP citrate-lyase	r J05210	2	3.1	R
Apobec-1 binding protein I	h U76713	1	>100	N35	Bleomycin hydrolase	r I87336	2	8.5	T44, R
CalBP1 (calcium binding protein)	r X79328	2	4.7	N36	ClC-6a (chloride channel)	h X99473	1	19.6	R
Calcium channel beta subunit-III	r M88751	1	18.8	N37	Farnesyl pyrophosphate synthetase	r M34177	2	3.3	T45, R
Dihydropyrimidinase related protein-3	h D78014	1	2.3	R	Glucose-6-phosphate dehydrogenase	r X07467	1	2.4	R
Glutamine synthetase	r M91652	3	10.4	R	Glutathione reductase	r U73174	1	2.7	T46, R
MDA11 dehydrogenase chain 5	r X14848	1	2.5	R	Glyc-1 (leukemia virus receptor 1)	m M73696	2	22.2	R
MDA11 dehydrogenase chain 6	r X13220	1	5.3	R	MCT1 monocarboxylate transporter	r X86216	1	7.5	R
MDA1P transhydrogenase	m Z49204	1	12.3	N38	Mitochondrial trifunctional protein	r D16478	1	2.4	T47
Phosphatidate phosphohydrolase type 2	r U90556	1	6.2	N39	Non-neuronal enolase (NHE)	r X02610	5	2.5	R
Selenoprotein P	r M63574	2	31.8	N40	NPC-1 protein	m AF003348	1	3.1	R
					Phosphoglycerate mutase type B	r S63233	4	5.6	R
					Stearoyl-CoA desaturase 2	r AF036761	1	7.5	R
					Transcript ass. with monocyte differentiation	h X85750	1	8.2	T48
					Transporter protein (g17)	h U49082	1	4.2	R
					X-chromosome linked phosphoglycerate kinase	r M31788	1	2.9	R



Figur 2 (Fortsetzung c)

Cytoskelett-Komponenten-Moleküle beteiligt an Adhäsion und Zell-Zell-Interaktion

Arp2.80 (actin-binding protein / filamin)	h	X53416	1	5.8	R	Arp3 (actin-related protein 3)	h	AF006083	3	3.3	T49, R
Alpha-actin	r	X06801	5	4.2	R	Calcium-binding protein pp52 / LSP1 / WP34	m	M89956	2	29.7	T50, R
Cadherin-11	m	X77557	1	11.7	R	Calponin	r	U06755	1	5.2	R
Caldesmon	r	U18419	3	37.7	N41	CD44 glycoprotein	r	M61875	1	17.0	T51, R
Cytchesin-2	r	U70728	1	>100	N42	Laminin receptor	m	J02870	5	4.1	R
Gas-1	m	X65128	1	10.4	R	Leukocyte adhesion protein p150.95	h	Y00093	2	5.2	R
HSPG core filarglycan (syndecan-2)	r	M81687	1	61.9	N43, R	MAGI-B gene cluster	h	U93163	2	15.3	T52
hulMAP microtubule associated protein	h	NM004434	1	26.9	N44	Myosin regulatory light chain	r	D14688	1	6.9	R
MLC-2	r	S77900	2	2.6	N45, R	TA1 oncogene	r	U00995	2	1.9	T53
P-cadherin	m	X06340	1	60.1	N46	Thymosin beta 4	r	M34043	1	2.4	T54, R
Podoplanin	r	U96449	1	9.4	R						
Ryodocan	r	S61868	6	27.7	N47, R						
Tropomyosin-4	r	Y00169	1	7.8	N48, R						
TRPM-2 / clusterin	r	M64723	1	39.4	N49						
Vimentin	r	X62952	1	1.6	R						

Extrazelluläre Proteine

Collagen alpha1	r	Z78279	34	22.3	R	MMP-1 (Collagenase)	r	M60616	19	>100	T55, R
Cyt61 (immediate-early gene)	m	M32490	4	16.0	N50, R	MMP-3 (Stromelysin 1)	r	X02601	7	32.3	T56, R
Entactin/Nidogen	m	X14194	14	35.8	N51	MMP-10 (Stromelysin 2)	m	X05083	12	33.8	R
Fibronectin	m	U22493	1	3.3	R	Mob-1	r	U17035	2	2.4	T57, R
Fibronectin	r	X15906	25	>100	N52	Testin	m	X78990	1	8.9	T58
FSP-12	m	M70642	2	49.4	N53						
Follistatin-related protein, TSC-36	r	U06864	5	2.0	N54, R						
Laminin B1	m	M15525	1	5.0	R						
Lysyl oxidase	r	U11038	14	9.2	R						
Lysyl oxidase-related protein (WS9-14)	h	U89942	1	59.2	N55, R						
Megakaryocyte potentiating factor	m	D86370	3	6.0	N56						
MGF (mast cell growth factor)	m	U44725	1	13.4	N57						
MatP-2 (Gelatinase A)	r	U65656	3	50.6	N58, R						
Thrombospondin 1	m	M62470	25	42.5	R						
TIMP-2 (inhibitor of metalloproteinase 2)	r	S72594	1	18.3	N59, R						

Figur 2 (Fortsetzung d)

Andere

AAC11 (anti-apoptotic gene)	h	U83857	2	3.1	N60	Annexin IV	m	U72941	1	57.8	T59, R
Ania-6 (activity and neurotransmitter-inp. gene 6)	r	AF030091	1	10.2	R	B-cell receptor associated protein 37 (BAP 37)	m	X78683	2	42.8	T60, R
Antiquitin	h	S74728	2	7.4	N61, R	BC-2 protein p32	h	AF042384	1	2.8	T61, R
ATP-dependent metalloprotease FtsH	m	AF090430	1	21.3	R	BCSC-1 (breast cancer suppressor candidate 1)	h	AF002672	1	6.9	T62
CBP20 (CAP-binding protein)	h	X84157	2	5.0	R	BP-1 (similar to Lysyl hydroxylase isoform 3)	r	M18864	1	2.6	T63
Collapsin-2	c	U28240	1	>100	N62	C29 keratin-1 related	m	AB013607	1	6.4	R
DOC-2, p96 Phosphoprotein	r	U95177	1	>100	N63, R	Calmodulin (RCM3)	r	M19312	2	2.8	T64
FE124 (p53 responsive gene)	m	U41751	4	5.5	N64	ELB 19K/Bcl-2-binding protein homolog (Nip3)	m	AF041054	1	63.0	T65
elF-4AII protein synthesis initiation factor	m	X56953	1	3.9	R	Fls353 activated in colon tumors	h	AI3024704	1	2.3	R
HLA11 precursor	h	AF046870	1	>100	N65	Glycyl-tRNA synthetase	h	U09510	1	12.0	R
Interferon induced gene	r	X61381	1	>100	N66	HRIIFB2216 rat fetal brain gene	r	AB015345	1	2.9	T66
KIAA0045 (myeloblast)	h	D28476	1	16.3	R	Insulinoma Gene (rig)	r	M19393	1	1.6	T67
KIAA0128 (myeloblast)	h	D50918	1	33.8	R	KE04p protein	h	AF064093	1	16.0	T68
KIAA0235 (myeloblast)	h	D87078	1	4.8	R	KIAA0013 (myeloblast)	h	D87717	1	3.2	R
KIAA0259 (myeloblast)	h	D87448	1	3.6	R	KIAA0310 (brain)	h	AI3002308	1	6.0	R
KIAA0332 (brain)	h	AF002330	1	20.8	R	KIAA0431 (brain)	h	AI3007891	1	10.7	R
L1 retroposon (ORF2)	r	X53581	5	20.2	R	KIAA0525 (brain)	h	AI3011097	1	2.5	R
LNRN3 (LINE 1 repetitive sequence)	r	M60824	1	26.2	R	KIAA0544 (brain)	h	AI3011116	1	2.9	R
Mama gene	r	AF065438	1	14.5	N67	KIAA0595 (brain)	h	AI3011167	1	9.4	R
Osteoglycin	m	D31951	5	2.7	R	KIAA0597 (brain)	h	AB011169	1	2.9	R
p53BP2 (p53binding protein)	m	U58881	1	10.3	R	LIM protein FHL2	m	AF055889	1	4.2	R
PEBP2a1	m	D14636	1	38.4	N68	LIM-protein FHL3	h	U60116	1	7.3	T69
pM4M2 (maternal embryonic message gene 2)	m	X93350	1	29.4	N69	MAM domain protein	s	X1137376	1	>100	T70, R
SFRS7 splicing factor	h	L41887	2	10.4	R	Mu-calpain large subunit (cls1)	r	RNU53858	1	28.7	R
WDNM2	r	X17464	1	>100	N70	Neurtin	r	RNU88958	1	1.8	R
Zinc-finger domain-containing protein	h	U90654	1	7.8	R	ORP150 (150 kDa oxygen regulated protein)	r	U41853	1	9.3	T71
ZNF-216 zinc finger protein	m	AF062071	1	6.7	R	PHD finger protein 2 (P1P2)	h	NM 0051921	1	2.1	R
						Rsc43 (rat spinocerebellar ataxia type 3 gene)	r	Y12319	1	55.5	T72
						Seryl tRNA synthetase	h	M88136	3	2.4	R
						Synexin (annexin VII)	m	L13129	1	2.2	R
						TACC2	h	AF095791	1	2.3	R
						TSG101 (tumor susceptibility protein)	m	U52945	2	2.2	T73
						Tyrosine phosphatase-like protein 1A-2a, PTP35	r	U40652	1	74.9	T74, R

Figur 2 (Fortsetzung e)

Exprimierte Sequenz Tags (EST)

herabregulierte ESTs		heraufregulierte ESTs	
ESTAA003402	ESTAA276763	ESTAA674746	ESTAA859477
ESTAA028510	ESTAA276806	ESTAA681418	ESTAA859644
ESTAA033320	ESTAA286358	ESTAA710096	ESTAA859740
ESTAA067238	ESTAA289129	ESTAA722531	ESTAA863640
ESTAA086565	ESTAA372927	ESTAA726511	ESTAA864031
ESTAA122792	ESTAA399748	ESTAA734740	ESTAA882328
ESTAA153720	ESTAA412823	ESTAA743557	ESTAA891207
ESTAA154450	ESTAA462855	ESTAA752120	ESTAA893976
ESTAA161894	ESTAA497642	ESTAA759531	ESTAA899090
ESTAA163325	ESTAA516974	ESTAA764153	ESTAA899584
ESTAA164444	ESTAA517260	ESTAA789552	ESTAA900577
ESTAA170629	ESTAA517339	ESTAA793073	ESTAA901340
ESTAA200452	ESTAA572112	ESTAA799790	ESTAA924035
ESTAA203784	ESTAA575650	ESTAA800749	ESTAA986886
ESTAA245968	ESTAA589518	ESTAA800908	ESTAA230694
ESTAA266966	ESTAA607513	ESTAA801125	ESTH135777
ESTAA267114	ESTAA646710	ESTAA817802	ESTW97088
ESTAA268366	ESTAA667811	ESTAA819247	
ESTAA270146	ESTAA674143	ESTAA851788	
25 neue Sequenzen		Neue Sequenzen	
		20 neue Sequenzen	
		ESTAA066174	ESTAA925028
		ESTAA079499	ESTAA943118
		ESTAA182063	ESTAA945179
		ESTAA417685	ESTA1007739
		ESTAA571144	ESTA1031015
		ESTAA589539	ESTA1041161
		ESTAA616986	ESTA1234525
		ESTAA792426	EST176796
		ESTAA798353	ESTHISAC001070
		ESTAA800034	ESTW20810
		ESTAA801415	ESTW65969
		ESTAA847689	
		ESTAA850112	
		ESTAA850123	
		ESTAA853333	
		ESTAA858918	
		ESTAA859425	
		ESTAA891266	
		ESTAA924000	

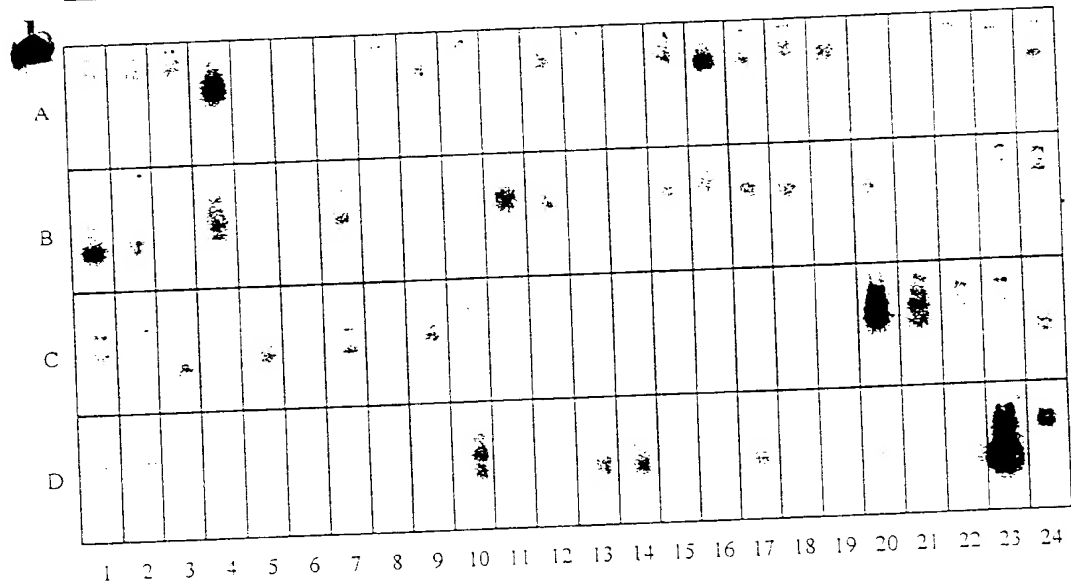
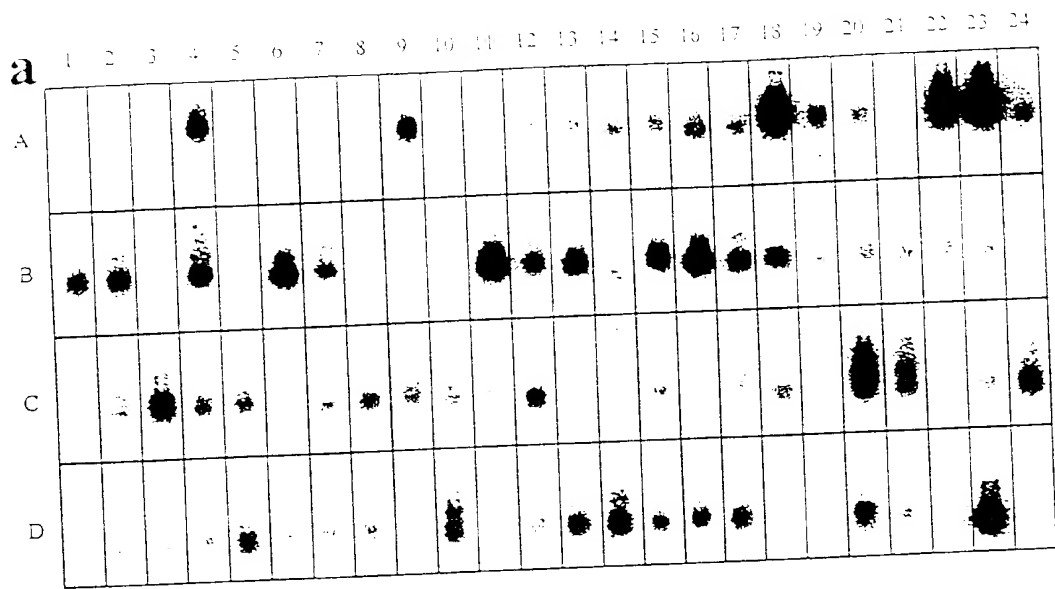
Figur 3

Sequenzidentität (Genbank / EMBL)	Expressionsstärke			Sequenzidentität (Genbank / EMBL)	Expressionsstärke		
	203F	FE3	FE3 +PD		203F	FE3	FE3 +PD
3-hydroxy 3-methylglutaryl coA synthase	+++	+	+++	Bleomycin hydrolase	+	+++	++
ABP-280 (actin binding protein / filamin)	+++	++	+++	BRCA1-associated RING protein (Bard1)	0	++	+
Alpha-actin	+++	+	+++	E1B 19K/Bcl-2-binding protein (Nip3)	0	+++	++
Antioxidant enzyme AOE372	++	+	++	Exportin	+	+++	++
AP56 (acetaminophen-binding protein)	++	0	++	FEN-1 (flap endonuclease-1)	0	+++	+
Cdc21	++	0	+++	FKBP51 (T-cell-specific immunophilin)	0	+++	+
Centromeric protein CENPC (a)	+++	0	++	FLIP (FLICE-like inhibitory protein)	0	++	0
Collagen alpha 1	+++	+	+++	GEF-H1	0	+++	+
CSF-1 (colony stimulating factor 1)	++	0	++	LAP1C (lamina associated polypeptide 1)	0	+++	0
DOC-2; p96 phosphoprotein	++	0	+++	MAM domain protein	0	+++	+
ER81 transcription factor	+++	+	++	MAP-kinase phosphatase (cpg21) (c)	0	+++	+
ETF transcription factor	+++	0	++	MMP-10 (Stromelysin-2) (d)	0	+++	0
Fibronectin	+++	+	+++	MMP-3 (Stromelysin-1)	0	+++	0
Follistatin-related protein, TSC36	++	+	+++	Myb-binding protein (P160)	+	+++	+
GRP94 / endoplasmic	+++	+	+++	NF-1 transcription factor	0	++	0
Gu binding protein	+++	0	+	Non-neuronal enolase (NNE)	+	+++	++
Heat shock protein 90	++	0	++	ORP150 (150 kDa oxygen regulated)	+	+++	+
HSPG core fibroglycan (syndecan-2)	+++	0	++	p67 (isoprenylated 67 kDa protein)	0	+++	++
Interferon induced gene	+++	0	++	PkB kinase	0	+++	+
L1 retroposon (ORF2)	+++	0	++	Rap1B GTP binding protein (c)	0	+++	+
Laminin B1	+++	+	++	Ras-GTPase-activating protein	0	+++	+
Lysyl oxidase	+++	0	+	Rscs3 (rat spinocerebellar ataxia gene)	0	+++	+
Lysyl oxidase-related protein (WS9-14)	++	0	+	SA-1 (stromal antigen)	0	++	+
Mama gene	+++	0	+	Sort1 (Sortilin)	0	+++	++
MMP-2 (Gelatinase A)	+	0	+++	TSG101 (tumor susceptibility protein)	++	+++	++
MTFE3 (transcriptional activator)	++	+	++				
Nuclear autoantigen GS2NA	++	0	+++				
Osteoglycin	++	0	++				
P5 protein	+++	+	++				
P-cadherin	++	0	+++				
Phosducin-like protein (PhLP)	+++	0	+				
Serum inducible kinase (SNK)	+++	0	++				
STAT5a1 transcription factor	++	0	---				
Thrombospondin 1	+++	0	+				
TIMP-2 (inhibitor of metalloproteinase 2)	+++	+	++				
TRPM-2 / clusterin (b)	+++	+	---				

Figur 4

Sequenzidentität (Genbank / EMBL)	Expressionsstärke			
	208F	FE-8 H-ras	208F K-ras	208F N-ras
ABC transporter MOAT-B	0	++++	0	-
BCSC-1 (breast cancer suppressor candidate 1)	+	++++	0	-
Cyclooxygenase 1	+	++++	+	++
E1B 19K/Bcl-2-binding protein (Nip3)	0	++	++++	++
EST AA743557	++++	+	0	++
EST AA792426	+	++++	+	+
EST AA924000	-	++++	+	++
ETF TEA domain containing transcription factor	++++	0	++	++
Farnesyl pyrophosphate synthetase	+	+++	0	+
FEN-1 (flap endonuclease-1)	0	++++	+	0
FLIP (FLICE-like inhibitory protein)	0	+	++	++++
JAK1 protein tyrosine kinase 1	+	++++	+	+
MAGE-B gene cluster	0	++++	0	0
MAP-kinase phosphatase (cpg21)	0	++	++	++++
MARCKS	++++	0	+	+++
MMP-10 (Stromelysin 2)	0	++	++	++++
Mob-1 (f)	0	++++	++	+
mTFE3 (X-linked transcriptional activator)	++++	0	+	+
Myb-binding protein (P160)	+	++++	++	++
novel transcript N317	++++	0	++	++++
P-cadherin (g)	++++	0	0	++
Phosphatidylinositol 3-kinase p170	+++	0	+	++
Ras-GTPase-activating protein	0	++++	0	0
SBF1 phosphatase	0	++++	+	+
Serum inducible kinase (SNK) (It)	++++	0	+++	+++
Tyrosine phosphatase LA-2a (i)	0	++++	0	++

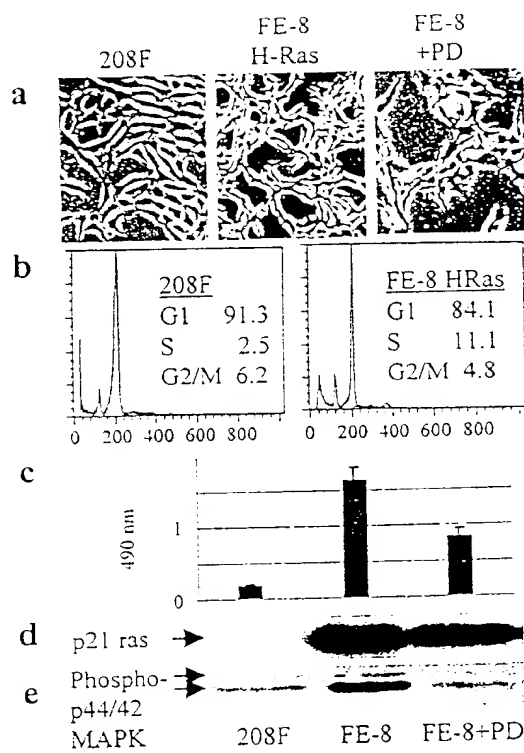
Figur 5



Figur 6

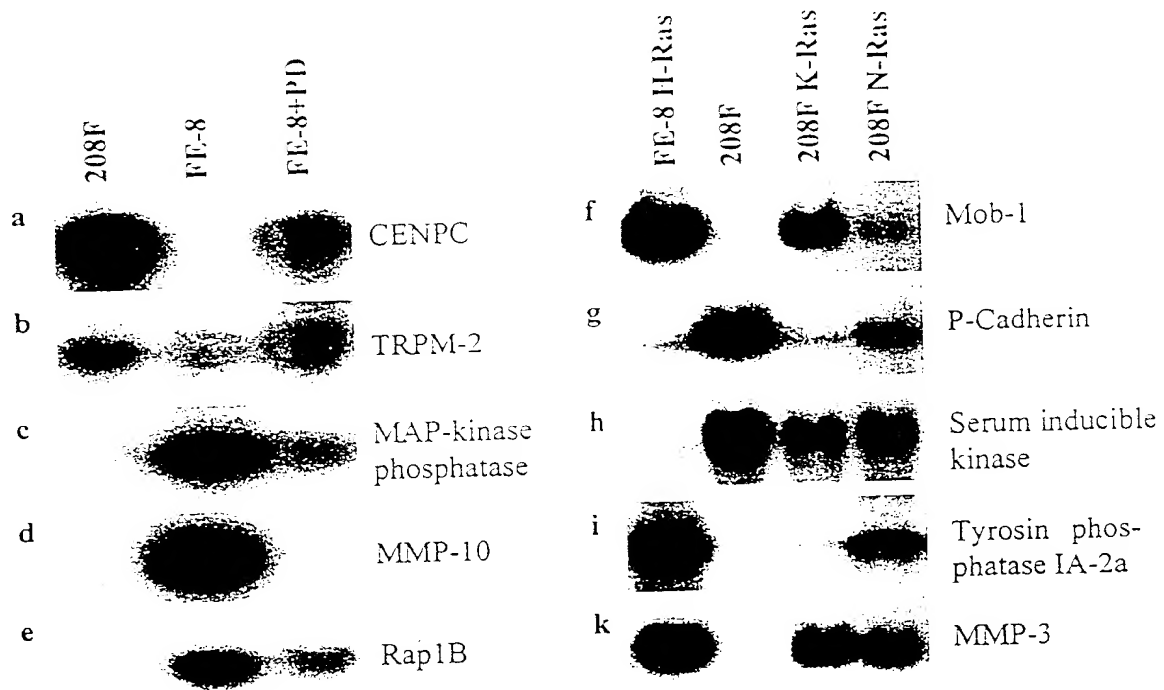


Figur 7

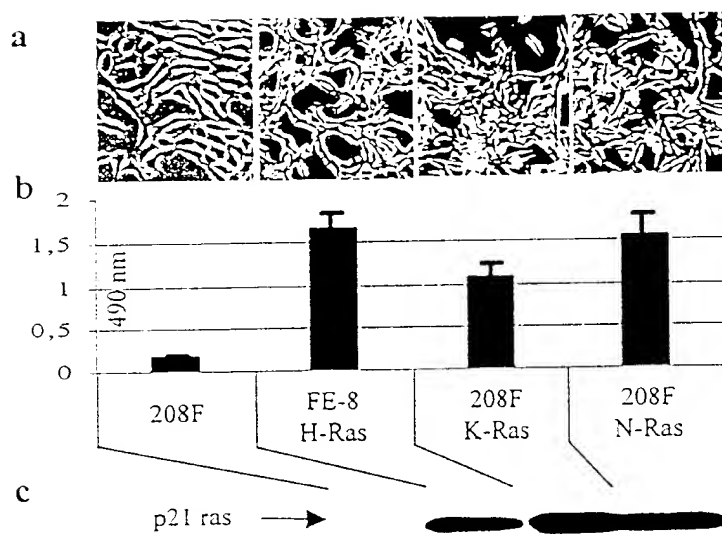




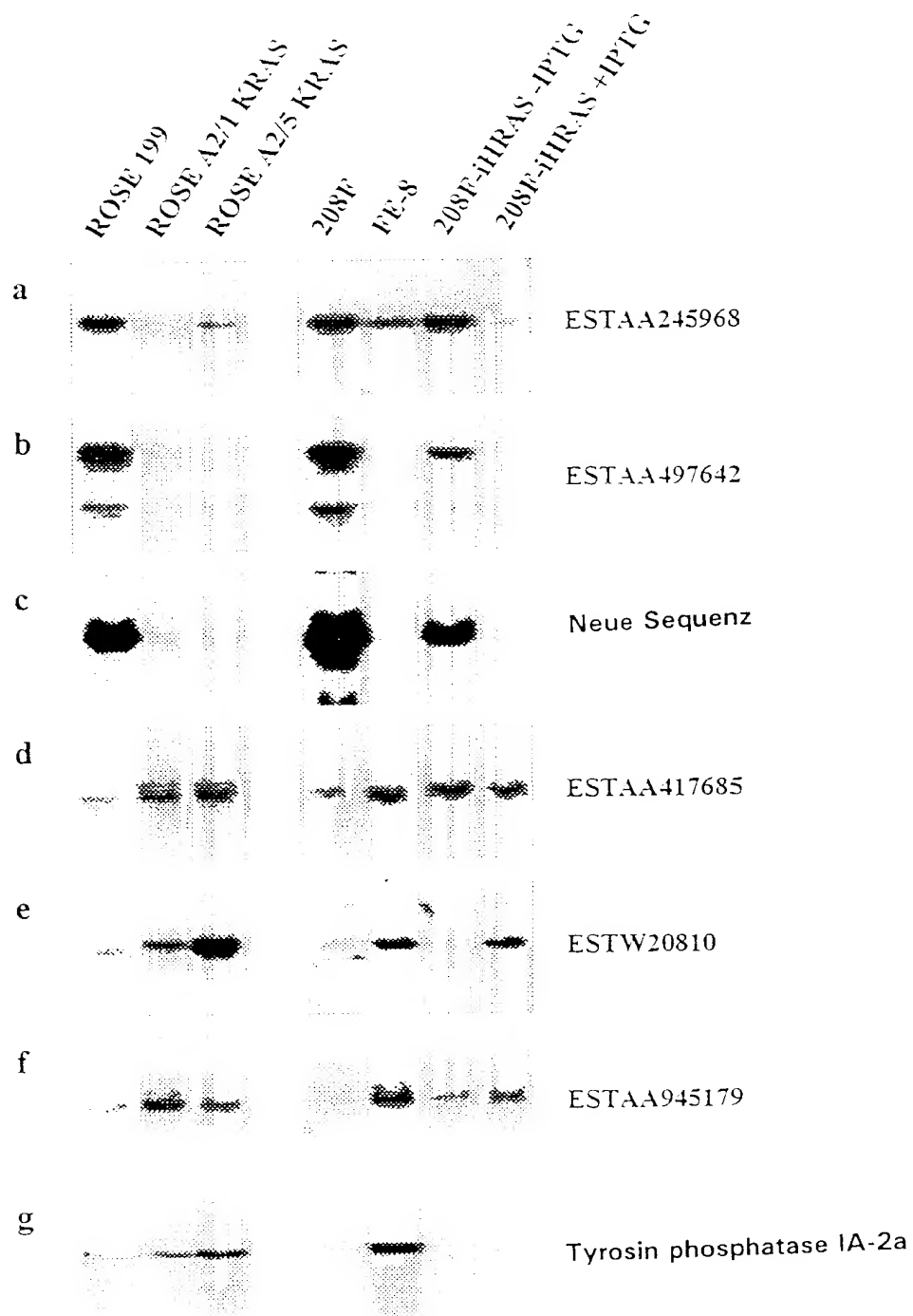
Figur 8



Figur 9



Figur 10



Figur 11

Name: N1	Len: 255	Check: 1753	
acaggttttc acgtggttttc cctagctttca cccgtgaagg acgtaggacc ttgtttatac			60
tttaaaaaac ccagatgcac caattttctga tggttttttac tggttggtat aatctactta			120
agtggtttta ttctgccgaa agtattccagg ttgcctgtgg acatccaggag cctgaattct			180
gtctttactg attttgttcc atggttgaat tttaaaagtg tttaacaatg aaggaacttt			240
attcttttagt caaaa			255
Name: N10	Len: 250	Check: 2392	
acctccctgt ctgttaagaa ggcacatatg agattcttcg catgttttaga aattttctgta			60
ttttca gaa aacacagtga atttttatga tccataattt tgggtgaggc tctacaagt			120
gaattt caat aaaatggagt atccctactt aactcttcaa aaaggaatac acctacagac			180
caaaaacac attctgttcc atagtaacca tcaactcttt gtgatttcaj aacctcaggt			240
gatatgtagt			250
Name: N100	Len: 255	Check: 150B	
acagactctt gtatacagac ggaaggttag caaggactca acctgaccac atcaagtttt			60
cttgaaaagt gtttacttta aacacttaaa gaaaaatata acctatctac atgtttgaat			120
agtctagaag gaaaaacaaa gctaccgtca agacctgtg gajttgaaga ggacacggaa			180
acgtct caat gaggtaatcc tccactgtc tctaaaagtc cgacagaaac tgagtggagt			240
caaggagaca gattt			255
Name: N101	Len: 255	Check: 2081	
acaagaaaac ctcaaaagaaa gggcgctggt ggagctgtga attctagaca aaaccagaag			60
cgaaactcgg aaacaaacttc aacccctgag atttccctgg aaycagaacc catagaactt			120
gtggaaaacg ttggagatga aatcgtggac ctcaactgtg aatctttaga gctgtgggt			180
gtggacctga ctcaaatga ctctgttggg attgtttgaag aaaggagaag gccaaggaga			240
aattggagga ggtta			255
Name: N102	Len: 255	Check: 1AAB	
acaggttct ctgttatgat gggttcatgg cgtctgaaaa catgaaaaat tgtgttgatg			60
tcnatgaat tgactgaat cccaacatct gcttcagtgg gacttgagaa aacactanag			120
gctcttcaat ctgcactgt gatattgggt actcttgga aaaaggaana acgggctgca			180
caaatatcaa tgaatgtgan attggagcac acaactgtgg caaacatgct gtgtgcacaa			240
atacagcagg gaact			255
Name: N103	Len: 255	Check: 1266	
actaaagcaa ctgtgtgact gctgctttct ttctcttata cagaattggc agagggggct			60
gatttgggag gaaaggtgtg gctataaaat ttgttactga acaagacaag aggattcttc			120
gtgacattga gactttctac aatactacag tggaggaaat gccatgaat gtggctgacc			180
taatttaatt cctgggatga gatagtttgg aatgcagtgc tctgtgttgc tgaataggcg			240
atcacaaagt gcaat			255
Name: N104	Len: 255	Check: 37B	
acatgatgac tccacaatag ttgaagctaa gctatctgaa gctatagacc ctgaagttgg			60
gccttcpggt gttctgtctc atgttganc ctgtgatgat tccactcaca ttctgtgca			120
agaggaaaaa aagtctgtct tcagtcatg cctcttgat ggctctacag ttcttgagga			180
aggcttattt agccaaaaga gtttctttgt ttggggtttt agtgttgaaa atgaatgtaa			240
tattgtaaaac atcat			255
Name: N105	Len: 255	Check: 135F	
acggcaacta ccattgctgg ccctttttctg ttgggttttc caggctgcag ataaaaacgg			60
ccgatctata ctgcgggtc caatctgcag aattccaggac accttgccaa aagcaatgaa			120
ggcctggctg gactctgtt agagtgtga acgttgggg tttttacagt tccagtggac			180
tagggaaaag jatgttgaa gaattaggt ttcaaaaggg ccggaaactt tgtttgtctg			240
tttgtctgtt tttgt			255
Name: N106	Len: 255	Check: 355	
acagtcacaa gaacaaactgt ccaatctgtc atctaatatt ggtatgtgt gttaatagag			60
gtttgttact ttccaggag ggttttttta agtacaatt tctataaaag tgtttccatt			120
atattacac nccctaccog ataaatcaca tgatttttgt ttcaaatctt aaccttaaaa			180
ctaccttcaa cctgtgttat ctatatcaaa tattataact caaagacatt tgaacatcaa			240
aactgtctat tgtat			255
Name: N107	Len: 255	Check: D7F	
acagtttaata cactctacac aaaaacattg caatatattg cactattgcn ggcaataatt			60
acatcaaaac gtttaacagt ttatgggttg gtcacagtgc acatattact agcaactagg			120
gotaaagaag aatcatttag ttttaaaatt ttattggagt ttggccaggg agtonatgt			180
atagttagta aapncatttg gagacaaata tcaagatgac tcaagcatt ttgaattctga			240
aattgattctt atatg			255
Name: N108	Len: 255	Check: 63E	
gacgtagtac aagtccaaagt ttgctgact ctctgaggct gcaaacogga acaacgatgc			60
cctgcgccag gcaaacgagg agtcaaaaga ataccggaga caggtgcagt cactcactg			120

Name	Len	Check	Value			
Name: N109	255	1108	60			
gttqatatt	gttaaatttat	ttctccaaat	tgagagtgt	ttttaaaaat	tttttatott	120
tattatgttt	cagaagtatg	aaccagottt	ttttttatta	ttgtgggaaa	cattttgttt	130
tataacatag	ttgttgactc	tgtttaataat	ggacatgtta	ggatctggat	cactttcaat	140
tgaggttgg	gtattgtgca	tagtgagtaa	aaagtgttgg	gaatcaaaat	tgattaccac	150
agaaggttaa	tggt					160
Name: N110	255	620	60			
acaaggtttt	tttttttttt	tttttttttt	atttcataat	catttatggc		120
aaaggttcaa	aattggtcaac	ataaaaaaaa	aagacatott	gataataaat	actgtctttg	130
gggtgttaat	aaaaaaaag	tttattaaca	aggaatgcac	ttttccagcc	acaagtgtat	140
tcaaaaaata	ccaaaaaaa	aatatgtatg	gccatagtto	acagttaagc	agccaaaaca	150
aaaggtgttt	gattg					160
Name: N111	255	2682	60			
acattgtttt	acactgtatt	cattaagata	tttcttgaaa	agtagcttaa	cctatgocaa	120
tattagttac	ttgaacacat	gtgaaactta	cttgtttttt	tttgtgtgta	ttgtgtggga	130
gagagaggg	gggggacaga	cagacagata	gggtgacttt	gggtgtgaga	tatggatgt	140
atgtatgcaa	cactggccta	gaactaaaaa	atctgctgt	ctctgtgttc	cagttgttag	150
gattaggtat	ccgt					160
Name: N112	255	2697	60			
acacagtttt	aattccagca	ctctacagaa	taagtccag	aatagccagg	gttatgtaga	120
gaggtgtgt	ctcaaatcaa	aacaaaagtg	gggttgagg	gaggagtgt	gaatatgtgt	130
ctcagagtaa	ttccatctct	agaaacagtc	agtctcaggt	cagtctgtgt	gggtaggagg	140
tgaggtgtga	attgagtcag	gatgcacac	agagccaaac	gaaggtcttt	tgactataat	150
gaaggtcagt	taatt					160
Name: N113	255	10AF	60			
acaaatttat	attcaggagg	aattgttaaaa	aaaaaaattc	aactaaaaaa	accactttct	120
ccattgtaccc	ataatcccaa	catttttacag	tgacagggag	agggaggctt	gggggagcat	130
ccaaaacaa	ttctccaaaa	gaaataactt	taaaatgtca	cattccctct	ccacacagga	140
ttcatagtga	gggtataatt	acaattccat	cttctctgt	ggttcccttt	ctgtttctgt	150
tttttttttt	tttt					160
Name: N114	255	12A	60			
accacacaaa	acccttcagg	ggagactctg	ttcttagaac	agggaaatcc	tttctctttg	120
ccctgtactgg	agtggcaagg	agggtttctg	agctgagcgg	ctgttccggc	accagcagcc	130
actctgacag	ggcagacaga	gtaggagctg	attgggtgt	ctagggactg	ctggcctttg	140
agctgtgtgac	cttccctccc	ttccatazag	gottgggaag	gaaaatgagc	gggcagcatt	150
aaaggtgtgt	agtga					160
Name: N115	255	20D	60			
acaagaaaca	tggggagtga	atactgaaga	gctgcaagtt	tttcaaaaat	caaaggaatg	120
aaacaaaaaa	aaaataaaaa	ataaaaataa	ataaaaaaat	gtgtttttcg	atgttcaaat	130
ttctttctta	agcgcaggta	agaaaaaata	gagcaaatat	acttaagtaa	ccaattttta	140
aaagtgtcaat	ttacttttat	aacaatgaaa	attaacaaac	aaacaaaaat	accgaacott	150
aaacaaaag	acaaa					160
Name: N116	255	1A84	60			
aaagtgtgac	cttagtaaa	ctcagtttca	cagtggtcta	tacactgaan	catgctttgt	120
gtgtgtgtgaa	ggttgttttg	aaaaatcaagt	gtttcatgcc	aatgcttttg	gatttctctc	130
cacgtgagcc	tttagaccca	caagggcana	ctatggaaat	atttattttt	ttggaggggc	140
ttcttatgtg	tcagtgaagg	ttttgtcaaa	actgagacag	ctgttaagagg	agaacaagga	150
gtcctatgtt	gtgat					160
Name: N117	255	1300	60			
acaactgtga	cttttttagac	acgacactag	ttttaagttt	attgacactt	aaactctttc	120
ttctgtatcc	aaaattcttt	actcagtcac	acaacaaatg	aggttaatat	tgtatataag	130
ttctgtcttt	gtctcttttg	ggaaaatgaa	ataaaaaanng	ttgattgtgt	ttttctctcc	140
ctgtgttatag	gcagaagggg	tggggttggg	gagcctttgga	gggtctcaggc	ttcctttgca	150
ggaaatggcaa	atgga					160
Name: N118	255	335	60			
acacaaatcc	ttcttttcaa	gttgtatgaa	atggtaaaaga	aaaggctgtt	ccaggctctt	120
tatttgttca	gggaaaaata	gaaatctccc	taaaaaggcag	ggacctgaag	gaatgggtggg	130
caaaggatata	ttggaaatgc	tcatttjttt	gtgaattttt	ttattgaacc	caactactca	140

Name: N117 Len: 255 Check: 1626  
tttttttttt tttttttttt tttttttttt ttatanaaaa gtttttttaat tagtgaaaaa 60  
gttccattgta ttatgggttaa aaataaaaaa aggtcaggaa gcaacagaaa cgaacccaag 120  
ctgttaaggtt cacaataaaa attttgttca gcttttttaa agccaggcac aagaaattca 180  
caccatnaaa aatgaacggt cagagggcct ttgaaaaaat tcacacggga aacaacaagt 240  
taaaaaattt tcccc 255

Name: N118 Len: 255 Check: D5A  
tttgacaaaa ttcaaacacc otttntgata aaagtccgtg anagaatagg aattcaagga 60  
ccatacctaa acatagttaa agccatatac agcaaacccg ttgataacat taaactaaat 120  
ggagagaaaa ttgaagcaat cccactaaaa tcagggacta gacaaggctg cccactctct 180  
ccctacttat tcaatatagt ttttgaagtt gttagccagag caatcagaca aciaaaggag 240  
gtcaaggggg tacag 255

Name: N119 Len: 255 Check: 1201  
accatcacag tgaccagaag ggtcacagcc tacactgttg atgtgaccgg tcgggaagga 60  
gtgaaggaca ttgacatcag cagccctgaa ttcatgatca agatcccgag gcacgaagtg 120  
actgaatttc ccaacacaga tytggaaaac cagcctggga aaactagtgt ccgactgccc 180  
tcgggatccg ggccagccct tcacacccag ggtctgtctg tggatatccg ggcaggtgcc 240  
attttctgct cagga 255

Name: N120 Len: 163 Check: 184E  
acaagctctt tttttttttt tttttttttt tttttttttt ttttqttttt tttttttttt 60  
ttttttttt ttacacaaag acagaacttt attaatggaa ggctttttgg tgaggagtgt 120  
ctgggcccga ggccagggtt tgttagccac atgatggggg atggcctg 163

Name: N121 Len: 255 Check: 1F1D  
aagtgtctct gottaatcac cacagaagtc ctgatgaagc caaaggaaaac cagaggctga 60  
cagaattgaa aaaggaaaaa agcagacaca gcccacccac cctgtgtcct tgccaccago 120  
tacttactta caggtgaagc agaaattcta tttaacccag aagttctgtg tttttaaagt 180  
tactttcaca ttacccaacat cagggaaaatg aagagagggg gtgttttctt ttgggttatg 240  
gtcacgaact aacta 255

Name: N122 Len: 255 Check: 150C  
acaagcctgt gagagaggat gaagaaaagta gtaaagattg tgttggtggc aaacggggga 60  
gagacaaaaa agcttcaacc aaaacttccc ccagaaaagg aaagaaaacac gatgagttat 120  
tgcattgatg agtttgccca tcagtaccaa atccttttaga agtttaacct attcccacac 180  
caccagaaaa tatcaccttc gaagacccat ccttagatgt aataactact ttaagagttt 240  
tacatgocat cagtc 255

Name: N123 Len: 250 Check: 1127  
acattcacca ttggccagcc cacagcagga agtgtgttag gagctcagcg gagactttct 60  
caaaaaacaca acagtttttt gggctctgtg tcagttacat tacattttta agcaaacaggt 120  
aatctgtaaa attgtcccaa gacatccatt cctctaaacc ttccataacc ccattcccagc 180  
cccagaccct tgtgaaggcc acgggctctc agtgcctccc gttactgatg acagccgact 240  
caggttccgc 250

Name: N124 Len: 255 Check: 25B9  
acttctcttt caagagggtc actccagga gcaatactat agaaaaacaa accacagtaa 60  
aaactcaagg ccccatttgt gtcagtgaac ccaacatcct cctcctgaga gccacatcaa 120  
gactgaagga gaaacatttg agaaagaagc cttccagaag gggaggtggg aggggtgtca 180  
cgctggcccc tagataaaga tgattgagca acagggcctg agtaytagct aggtggaaaa 240  
aacagaggac aaaag 255

Name: N125 Len: 162 Check: 260D  
cggcttacag tggctccggc cgatgtacac atttctgatg aaattcatta gcacaataaa 60  
aatctcatct tgagaaaaaa gccacaacaa aagtaattta taccatataa aacaatgaca 120  
ggtctacagg tgcagttact catgagttta cacatgcatt ca 162

Name: N126 Len: 255 Check: 61F  
actgcaatga ctgctatctc cgattcaaat ctggccggcc aacccccatg tgacgtgaagc 60  
ctccactcaa aagcactgtt gcagatanaa nangagaagg tagtcaactga ggcagaacta 120  
taaaaaatgg tgtatgtttt cccctctttt taaaaaaaaa aaaaaagaa taatctttgc 180  
ctcgttayat gacataggaa cactgtgtgt ttggtaggac ctgtattttt gttgtttatt 240  
tataagaagg taatt 255

Name: N127 Len: 255 Check: 13A6  
acagtcttcc ccttaaaaga ttacaaaacaa aaccaaactc agtttagggg taagacaaaa 60  
cacaatgaaa agctcactaa ctagattagg aacagatgat gctgggtgta atagcttqtt 120  
gttttactct agagccctta aagaaaaatcc ccgttagtgt tttgtgttac cagccagagg 180  
gtcagggttt agtgaacatg tggtaaaatg aggaacttat caagggttaa tacgcatagc 240  
attcttctac ttgtg 255

Name: N128 Len: 236 Check: 3C9

agcctatggtt gactgataat gggtcagggg ctgctcattga gagagccag agcctggtg 60  
 agcgttggtt ggaaggggtt ggactggagg ggttggttgcg tgcagccaga ggggactat 120  
 ctgaagaaaa taatttttta ttatttttat taccacatgc ttcttttcca ttctaaaaat 180  
 tggaaaaata aatatttaca gaaaaaaaaa aaaaaaaaaa aaaaaaata agcttg 240  
 Name: N129 Len: 177 Check: D29  
 acgttggtang ttgggaatct ttctttttat acaacagaag aacagattta tgagctcttc 60  
 agcaaaagtg gggactttaa gaagatcact atpggtcttg acaagatgaa gaaaacagtg 120  
 tgggggttct gtttcgtga atactattca agagcagatg cagagacgc aatgggt 180  
 Name: N13 Len: 250 Check: 2131  
 acatggacat ggtcagggag cggatcgacc gtttcggttg atataatct ccgaggttg 60  
 aggcaccttg taatggatga catgctgaac tttaggaata tccagacccc gagctgccc 120  
 gttctgttgc aagagaaac agtcttccag ccgagcaaac tgcctcaggt ttctgaacct 180  
 ttgctcttgg tgcattgcag catgcagggt cagtggcatg atatccaaga ccttgaggag 240  
 ccagagggtg 250  
 Name: N130 Len: 255 Check: F01  
 acaatagcaa aagtaggcta ggtgcctttt ccttggttcta cgttattccc tgtctaggct 60  
 ttgggatttg aaattcttga caccaccaag ggggaaaccc caccgcttgt gtttccttgc 120  
 aattggctgt aattgcccc ttggcatgct taaggttctt taaaaacagg gtcattctgt 180  
 gttcattctt ctgcctccac cctactatga aacaagataa cccctgtgtt ttctaaatgt 240  
 atcaagggtt accac 255  
 Name: N131 Len: 265 Check: 1430  
 acaaaagatt cttcactttt ggcactgttg gacagaagtc attcactccc acttttgtaa 60  
 ttgaattatt atgaaggaa attatcttga ggtatttcaa ctcttgtaat cctgaaggga 120  
 ttttttttag tttattgtgt tccaagtggg tctctctcac acgttggtata ttagcaaaag 180  
 ttccattttt aattatgtgt attttgttct ttccaagacc cagctcttgc agttccttgt 240  
 atcgtttaaa atctt 255  
 Name: N132 Len: 260 Check: 235D  
 actattgttt gaggttaggg ggtggaatcg gattattagg aagatccctg ccacaaactat 60  
 tgtgcttgag tgtatgagg cagagacggg agttgggctt tctatagctg atgggagtc 120  
 tggatgaagt ccgaattggg cggatttttc tgtggctgca attagtagtc ctgtgagagg 180  
 gactagattg ttggtgttgg ttaagaaaa ttgttgagg tctcaggagt ttatgtttag 240  
 gcagaatcag 250  
 Name: N133 Len: 255 Check: 10A8  
 acagtittga gcccaggctt cgagggggga aaggagggtt cgggtctatg cttcgagcac 60  
 ttgggtgaca gattgagaag acaaccaatc gagaagcttg ccgggatctc agtgggagga 120  
 gattacgaga tctcaatcat gaaaaagca tggccagtg ggtaaaaacag caagctgagc 180  
 gagaggctga aaaggagcaa aggcgccttg agagactgca gcgaaagctt gcagagcctg 240  
 cacactgctt tgcca 255  
 Name: N134 Len: 223 Check: 4FC  
 actagagatg agtcccagag aatgataggt cgaggccggc catcttggtt gaactttaat 60  
 ttctgtctca cagatggcag gncctgttg agaccagga tctgttccag gtggaaggca 120  
 aacacttcc tcatgtccag aggttggttg anaagcccac aggtgctagg gccgcagcca 180  
 ggcacagagc ctgaggtgct tctttccaac atcagcaagc ggg 223  
 Name: N135 Len: 255 Check: 1845  
 acacttgcca agaggggttg atcactggcc tgggtagggt ggtcccgtgc ctctgggya 60  
 gacagattgc acaggggttg tctctgcatg tctctggctt ctctgtagt tctcacagt 120  
 tttttcttaa ctgcctgct cttactggtg tgcctcagca cgaagtctgt atcatgttgt 180  
 tctcaggtta cctgacagc atacaggatg gggagttagg cacattcaca gtgttcacag 240  
 tcagagagca tgggtg 255  
 Name: N126 Len: 250 Check: C54  
 acctggtggt ggggttgag aagtcacct actgcacct tttagaaca agcactggg 60  
 cagagcttgg tgagactttt actcgggggt catgctcctt cctgggttct tcaagtgggt 120  
 ccccaatgag tcttagtttt gcttctggtt ggttggaact gccagtgtgt atgaacatta 180  
 aagctgtgtt ccaacajagg cagtgcactg gagtgtggag tcacaaggat gagtgttga 240  
 ttgagattga 250  
 Name: N137 Len: 255 Check: 10EC  
 actagtctct gctagagcc cactactagg catgtttctt tgggttcagat tgcctagctt 60  
 gatgctagt caggaaaggat taagtcttca ttgtgttag tatgtgtgct tcagctccat 120  
 ggatagggtc caggtggcag ccactctggt tgtcaatagc tggggataaa aatcccaagg 180  
 aggacataag agaaaaaagg agcaataact cctgggttga accaaactca aaccagagat 240  
 cttaatgac cagac 255  
 Name: N133 Len: 250 Check: CDF  
 actcactgga acatttaacc tgtgcttggt ggtgtattct taaagccaat cctggggaaa 60

taggtggtgt	aattagtagt	atctctctct	taattggtgt	aggttggtgt	tttactaaat	10
aagtcgaatg	aattoagggc	taattctgtc	tggtttttct	atgggattgc	totttctctat	180
tacatgaaac	tacaataaac	agtttatagt	tatactagcc	ttttataatg	aattcagagt	240
ttgatacgtt						270
Name: N139	Len: 255	Check: 151B				
acaaaagccc	agtgggatag	agatgggtca	ggagacgttg	gocctgaagg	tcacactttt	60
cagaactant	aagtgtgccc	aaagggtcaa	aaactcaga	gggagggcat	tctgagctgt	120
gtgagttttc	aaactcaca	gataaaaagg	aaactcaca	gaagcatgtg	attcaaaaaag	180
ttaccacatt	cttttggttt	ctgaacctgt	cttgggtgtg	aggttccacg	accaggtgtg	240
ttgaactctg	agata					270
Name: N14	Len: 255	Check: 73F				
aacttcagcg	gatotttgcc	aggatatgtt	tgtctttgat	gatatactcg	taggtgggtca	60
ataagacatt	gaatttgccg	ctgctgaagt	gggtgacaaa	agctcgtctg	gcagctggag	120
agcccttgga	ggaaaccttc	accacagagg	gggtccactt	gtcaaatcca	tatgcccagt	180
ttgacagcgt	cttgaaggga	aagggaaggga	tagtcaagtt	ctacactagg	caatagtga	240
gccaacaggg	ctggt					255
Name: N140	Len: 255	Check: 25B2				
acatttggtg	attatgatat	tgcattgtag	cagatccaac	attatctcca	aatcaagatg	60
ttaaatttat	ttttgttttg	tcttcattta	aattgcagtg	aattgtttca	gatgtaaaaat	120
angtttttgt	gaatgtggac	agttttata	cataacacat	attctctctg	aaatgaactct	180
gtatataaag	caggtgtggt	tgtgcatgcc	tgttaattca	gcagtgtggg	gatagagggtc	240
aggatcattc	aaggc					255
Name: N141	Len: 255	Check: 23FF				
acatttctca	agaactttga	cttaagggtc	ctaattgggtg	agaagaacca	acacagaacc	60
aaaactgactc	gcacgtccct	agcaggggtt	ccgtttcttg	tcgtatgtgg	gtgggaaaca	120
ctactaaactc	tgcacttcca	tacctcatgg	ggagcagagg	gtccctgtctg	gggtctcccca	180
ctggacacag	tgcacaaggac	agccccacac	atgggttatt	gggtccctctg	tgtttttccc	240
gtctttccaa	agtct					255
Name: N142	Len: 255	Check: 100C				
acaggttact	gotttagatac	tacaggggaag	agtgcagaga	ctggtccagc	ccgtggaccag	60
acacbaagct	ctatccattc	atataccatg	ctgcagagtc	cagtgacagag	acctccgacc	120
agccagggaca	gaggacgggg	acctgaggac	ccaagatgag	acttctctgc	agagagacat	180
cccgtttgag	atgtgggatg	aactgactta	atcgatcta	aattctgtata	taatccacat	240
ctgtaatcaa	gcatg					255
Name: N143	Len: 255	Check: 500				
acaaatttgt	tctgagggcat	tatttgccct	aaaatatagn	gggttttgtt	tttgagactg	60
ggtttcactc	tatagcccag	gctggccttg	aacttgccgc	tngtctcttg	cttcagtttc	120
tcagcttcag	gatttatggac	agaaatccac	atgcttgga	tgttaactatt	tttgaggctg	180
aaatagctaa	tgaaaagccc	tatctagatc	cagattttat	atgacatcaa	attagggaag	240
tggaggggaat	tattt					255
Name: N144	Len: 255	Check: 16CF				
acactttctc	attgacaact	cccacgggtg	gaagacagtt	tattacttag	tottactttt	60
tttggacagc	tattctctgc	acaagtga	gacatttgaa	gagtaagctc	gtttgcgac	120
tgtcatattt	gaacccctct	acaaaggaga	gtctctctaa	ttgaacttcc	cgaaatctaa	180
ctttctctca	tttctctct	aagaattaaa	aacatcagta	attgagggtc	tctctgtatt	240
aaaagtcccc	tagaa					255
Name: N145	Len: 251	Check: 1A2				
ggaaaagctt	ggtctaccag	gctgccccg	gaagccgact	tgtctctgac	ttggttgagg	60
tcgggtttct	gactctctgc	acctctgtgt	taggtgtatt	gtgttaattg	atgaaaacgc	120
agagcagctt	gggacacctg	tggcatccag	actgcaactt	gacaaatcag	gtttgtgtat	180
ctcaaacggg	cgttgaaaac	tcagtctggg	tgtgtgaatt	aacgattgag	cccgcccttc	240
tgtttgtcag	t					251
Name: N146	Len: 255	Check: 25B				
acaaagtctt	tttttttttt	tttttttttt	tttttttagc	aaatatcttc	aatattttat	60
tttataggaa	ctaaatgggg	atcaaatata	aaagcattca	tcacacttat	tttccaaact	120
gaaaagaatc	aaggactgat	atatattctt	caggccacata	agaaatgaat	tattaaaaag	180
tgaaaaaccag	gtgcttgctc	acagtctata	actgcbagga	gggtatagcag	acaactgtaa	240
ccctagctct	ggjga					255
Name: N147	Len: 255	Check: 2319				
acacatcttt	aatcccgga	cttaacagat	aratggatct	ctaaattctg	aggttagcct	60
ggtctacaga	ctgcgttcta	gaatagccag	ggtacacag	ggaaagaaac	ccgtctctaa	120
aacacccctc	ccacttccct	agttttttct	gtttttgtgt	gttttaacaa	aggggtgtaa	180
atgctactaa	tcattcaaca	caggccagac	ccaaagacaa	gcbaggccag	cagtggtagt	240



tccatagggtt tttcc  
 Name: N148 Len: 255 Check: AB  
 gtccgggcgc ttctgttgcg tcccatcttc gaggggttca ttccgaaccc ttccctgggt 60  
 ggacggaggc ttgttgacgg ccgattctct tgcagcagaa gaaactctta aattctggaa 120  
 atagcgactc agtatcatgg ccagccgcct taatgaagat ccagaaggaa gtogaatcac 180  
 tctatcgaaa agagatcttt tggcatgcgc caaaacagac tccctagccc attgatcacg 240  
 tgaattctt cgaat 255  
 Name: N149 Len: 255 Check: 1919  
 acatgagctt actgcttttg gctgtgtgct ctgcacagcc ttctctttagc ccttcacaca 60  
 cagcactgaa gactatgatg tgaaggata tgaagacac agatgatgag gacaaagatg 120  
 atggtgtga taattctctc ttcccaacca aagagccagt gaaccccttt ttccctcttg 180  
 atttgcttcg gacatgcoca ttgggtgtgc aatgttactc tggagtctgc cactgttttg 240  
 atctaagttt gacat 255  
 Name: N15 Len: 255 Check: 2170  
 aagctttttt tccctctttt tttttttttt ttcttgggga agtgaggatt tattaagaat 60  
 attaaagccc aggaacttta ttttaacct aaacccctaag ttctctttta gtgcttcaaa 120  
 aatccattat catttaagac cagataaatt acatgggtta ccagctgtcc agtgcctgagc 180  
 ctaaaaata acctccaatg gaacaagacc gajctcagcc actgaacca ggggtgcagg 240  
 gtgggcacgc ctctc 255  
 Name: N150 Len: 255 Check: 1680  
 cagattatct tcatggagac cagacatgca ttctcttgag ttaagtgcgc aacctctctga 60  
 tccctatctg tttccacaag atactctgca gacattctat tcatatcacc atgtgtctgat 120  
 gtaacaatcc tctgtttttc agcatgggtg acttccaagt ccaaggccta gatccagttt 180  
 taactaccta cagtaacctt ccactgcagg cagaagggat ttcatctact tagcagaacc 240  
 ctaactgttc actgt 255  
 Name: N151 Len: 255 Check: 711  
 actcgccggc cactggaaac tgcacaacagt gaacctcagc gtctcaagaa aacctgaag 60  
 aattctatga attgttagcag tgaattggat tgaattctct ggcataattt gaagaaaatt 120  
 gggctattga aacatttttc cctcctgaat gctgcttgaa tgtctctgga agctgttttg 180  
 tatgtatagg gtttttaaaa tgtgattctt ttgtttgaat attaatggct tttccatta 240  
 aagaataaaa tgata 255  
 Name: N152 Len: 250 Check: 1917  
 actgaggcgg gccagggaga tgtcagcatt ggtatcaagt gtacccctgg agtagtgggc 60  
 cccactggag cctgatattga ccttgatata atccgtaatg acaatgacac cctcactgtg 120  
 aaatcacac cctgtggggc tggcagctat accatcatgg ttctctctgc tgaccaggcc 180  
 acacccacca gcccacatag agtcaagtg gajcctcttc atgatgcag taaagtgaag 240  
 gctgaaggtc 250  
 Name: N153 Len: 255 Check: 2240  
 accctgaaga accaagttcta ctcttgccaa agaaatgctt ggcctggaga gttctctga 60  
 aagccaggat gccgtcgtga gccatggacc gctgtgcacg cctctgcctg agaaaaagcc 120  
 atattggaag gtggccatat gccctgtgga ttctgtgtag gtcattgtgat tgggtttctg 180  
 tctccagctc catctgattt cgtctgtctc tgtctctctg ttggcccttc ccaagttgta 240  
 attgtattg aaacc 255  
 Name: N154 Len: 255 Check: 1138  
 caaaaaacca tgcataaat atactcaaac totgagctcc caatgcgatg ctgacttctt 60  
 taccacatta caagtcattt gtgattttta aaagttagct gccataaatt ttggaaaatg 120  
 ccagtgttta aaaagttaac tgtgttaaaa ataaaagtcc agcagaacag aaattgaggg 180  
 ttccaaaata ttcaatgtta caaaacaaa tgtgaataac cattctttgg tctagataag 240  
 cgtctctctt tacat 255  
 Name: N155 Len: 255 Check: 1F07  
 tgacgacctc ttctaagggg tgaggggatt tcagggaatg tttactgag ccacgttact 60  
 tttaaagtcc ttctttaacc actctgaatt taattggagg aagactttt tttaataaag 120  
 aatatgcag tgagcagggc cccgtgtgtc ttacactttg ttctcaacat actgtcanta 180  
 gtggcgtct cgtgggcatt gncgtctnct ctgattgtct gttctatgtc tgttttctt 240  
 ggtctctgaa actgt 255  
 Name: N156 Len: 255 Check: 13F3  
 accagctaca acccaggatg gaggttgggc cagtcttctc gtcacgattt ggtcactatt 60  
 atgatgtatc aagaaggatt cctcaggajc tactagagag ttcaattgg catggattct 120  
 tcttccaga acacacccct ccaggtctta aaggajaccc ctgttttttg tccgtgtggt 180  
 acatgaagct gcttcagttc ttccagaaac tcaattatac tgaaggattt gatggagcta 240  
 atcccagaa aaaac 255  
 Name: N157 Len: 255 Check: 2290  
 actgcacacg tttctatgct tggcatttct tgttcagtaa cttaggact atcttctctc 60

tcagttccaa	gattaattat	ccaggttaga	tcgaacgatt	tcactgcttc	ttaycaacct	140
tatagaag	cttgggaaag	aaatgtaaa	cagtgcaact	gotgtgtgc	taacottgag	140
gagttccg	taagtgtac	ccgagctgg	aaggagcttg	ccactgaatc	acagaagcct	140
ctttagtatt	caggt					140

Name: N158      Len: 155      Check: 1430

acatgttgac	agcaacttga	ttggatactc	taacgaagag	atcaacaaaa	aatccacott	140
ttctttctga	aatttctct	agtaactcga	taagtttagc	agcaagcga	agaaggcgga	140
ttccaggggc	gacagacaga	gctgtgacat	gtccatgcca	ctcttcctca	gttaactgagc	140
cttctgcttc	gcccataata	taaccacata	gtcttcctgc	aggtgctctg	gcaacgatga	140
atactccgg	ccagt					140

Name: N159      Len: 255      Check: 1397

acttcattgc	tcatttcaat	taagctctct	attcttaatt	taactactaaa	tcctcctctg	140
tcctttaagt	tcataaagg	tttcgtaatg	ttctctggga	aaagaaaatg	tagccacttt	140
cttctgcttc	cattggctac	acottgaccc	aaagtcttta	tgctngctct	tgngcttact	140
ttagtgcctc	tttagggttt	gctgaagatg	gcgttatata	ggctgaacta	ggagagaagg	140
gtaaggtaga	acggg					140

Name: N16      Len: 255      Check: 148A

acttaactgg	tggtccctct	gtggttcttc	tggttgcaag	agtgtccggg	tcacagaaaag	140
ctatttcctc	tggtggccaa	aaaagagtga	cttcaaggcg	ttcagcagat	atgcagtctt	140
caaatcacga	catttctttt	aaaaccagga	aaaggctaaa	cttcgaagat	aaagtatttt	140
cgaaacacgc	agaaatagag	agragtgcct	cacaagttaga	ggatagcata	tcagaggaac	140
aagaaggggac	atcat					140

Name: N160      Len: 255      Check: CA9

acatctctca	gttttaataa	gtccacgtat	gatctaaggg	tggtcttctc	catacagtat	140
gtatgaaaat	caaactgggc	atgggtgatt	tcataaaaat	gtctctcaat	ttcgtggcat	140
ttctttaagt	cttcacccaa	tttggttcatt	gctttgtatg	cttgggcaca	ttctgtctgg	140
aacacacata	actgcacttc	attcaggttc	tcctaccgtg	atgttctctc	ccttgtaaac	140
ttggaacaca	tttct					140

Name: N161      Len: 250      Check: 40C

actcattctt	tcactcaata	taggaaagct	ggctacacaa	agcatcgaga	gattaaaatc	140
ttggtgaaac	atgcgaactg	gaagagctca	gttaactcaa	ctttgatttc	caaacctaac	140
acctgactga	agtaggtcac	atcctttcaa	cacattactt	tatagacaaa	tggtatttat	140
ttggaggcaa	cccaagatag	gtaaaactgc	taactgtctg	gaggctcatt	tatttctctg	140
acccagcagg						140

Name: N162      Len: 255      Check: B3

acacccagat	tcctatcagt	gccttcttca	gcctctatta	cttcacgggt	tagggacatc	140
agttatcaat	tcctgcacga	ggacccaaat	caaactgtca	tcactgaatg	gccgtataaa	140
ggaagttasa	acttttcagt	ctgtgtgtat	agcagtgtgt	ctattttttta	agcactcctt	140
gacccatcat	gpcactgttc	ccgtgtgagg	agcgcaagac	tcctgttctt	taggggttgt	140
acttttagagg	atgtg					140

Name: N163      Len: 255      Check: 1C43

acaaactcatt	ttgcgcbaat	ttccacaaat	gtttgttcta	gtctaaatga	gaagtgcaaa	140
ggtttttata	ctctgggatg	caacccgacat	gttcaaatgc	ttgaaatccc	acaaatgtta	140
gaccaattct	aagtttctta	agttatttcc	tttaaatgat	atattaaact	gaaacctaac	140
ttagactgcat	tgactaaaca	gttaactctg	atgggtgttg	aaactgaagca	tgcttttact	140
totaagaactg	tcata					140

Name: N164      Len: 250      Check: 18AF

acaaagttag	tggtgatgct	attttttatg	taaggcggtg	atcacccaac	cggaagaagt	140
cttctctctc	tcaggttctg	ttgctttatg	tataaaaact	caacccagctt	gcttagagaa	140
gctgctctca	tcagagaaga	ctccattaat	tcagtgtccc	aatggcgctc	tagggaggca	140
gtaggcattt	tgcttctccc	agtaagagct	gaatctctta	aaaacttaag	aaactaactt	140
tggttctctg						140

Name: N165      Len: 255      Check: E6D

acttaactga	ccatgagpag	actttccagg	ttctgtgttt	gctaaagctgc	cattactggc	140
cggtctttag	gccaggtctc	attacagtgt	gatgtgtgtg	gcagpacaac	taaatggaca	140
tggaatttag	cagcagaaaa	gcctgattgt	gtctttgac	ttgtgtgatt	caaacactgc	140
actttgttaa	caaatgacca	gttttttact	ttgtgtgtgt	tttttttaagt	aggtatatat	140
gtaaatgtgg	tttga					140

Name: N166      Len: 255      Check: 995

acatattcac	agacattgtg	taaaactgtc	ggttgactta	acaaacatca	gctgatgaaa	140
acgaacgggc	atctaaagtga	tgcttttata	aaaatagtgt	tttggtttgt	gttttgccgt	140
aagaactcca	ggccctgtgt	cctgtgtatga	aaggctcccc	agtttaaaaa	gagttctgag	140
tgcaacacgc	taatgggatg	ggtctgttag	gcatttccat	ctgataactg	atatggcttc	140

attctctgttaa gagac  
Name: N167 Len: 149 Check: A6F  
accatragtg ttagtagtgt ccttgctttt tgatcctaca tctcagatcc tggaaacagga 60  
aatcttcact aagcctgtctg tggcctgaag gaagcacttc aaggiagagg catccactct 120  
gaagtcttag tgagtccaca tggggtttt 149  
Name: N168 Len: 255 Check: 237F  
accctatatt ctgcacatag tgcacattag agattagaga tttaaagtcac ttttaacttt 60  
acaaagttaa ctggtatag tctgtttctt ggtcgttagt tctctcaaaa tcaaatgaat 120  
tcagagggaa ctgctctggc tgccttttgt tcaactgcag gcagtcgagc agaaggacgc 180  
cgctgcgac taaagtgaac tgttgctgtt taacagcttt atacagagac tgagccattt 240  
tggatgactt aaat 255  
Name: N169 Len: 255 Check: 90E  
actctcagga tgatcatgtt ttcaaacctg gcacacagctg tgcacgttc agtgagggtt 60  
aggagtcact tgaataatgc cctgggctca ttccaggcca gacactatag gcttctttac 120  
aatctggagt tttctaaaagc atgggcaaat ggggtctttg tcaaaacaa acctcctttga 180  
aggaaagtcac atcagacaag agctcactat ctgggtgcag tctgcgggca ccatccccc 240  
acaaagagtc ttttg 255  
Name: N17 Len: 109 Check: 83E  
ggcttcacca ccaactcggtt gttgtaattt cgccttttat cagaagctga tacattttca 60  
tcagcattgg atcgaatttc tatgtattca atatcttgcc cagatagg 109  
Name: N170 Len: 250 Check: 40D  
actaggactg gtaagggagt tctgtgcata caaaattatt acttctgttg agagcagggtt 60  
tgcaccagga ctccctagta tggcctctgt ctctctgggca acgattattt tctctgggga 120  
aaggaaactg cggctccctc acagtgtatg aggaaagcta aatgctgcac cctcctctca 180  
aatccatata acaagccaca gacctcagcc ctctctacag cccacacagg gtggtgtcag 240  
cagcaagctg 250  
Name: N171 Len: 255 Check: 83D  
actgtaacct agttaaatto tctcactaag aaggtcacac acccaggggg aaaccatatt 60  
gggtgtgttt tgtgggtgg ttgtgtgtt aaactgcctt cttaatatgt ctgataatat 120  
catagattgt gctgcttcca atcttgctca ggaaacctag ggcactcata cggtagtgtg 180  
tgtcaccaca tgcagtcctg ttactgctca aagtgcctgag aatgagtaac cgtgagtggt 240  
caatggtggc tggga 255  
Name: N172 Len: 255 Check: 1B43  
accagtcatg tatatgttat tatatgatta gccacaggtt ttgaaaaata tataattacc 60  
ttatatcctt aagtccttaa aagattctgc acacattcta attctactgt tctagaccag 120  
cattctagga tgtgtgtaac aabcccttat agcccttagg agccttttag gctataatag 180  
ttttaaatat tcacacctt gactagcagt ggttgtgtgt gtatttgtt tctcttttta 240  
aggnntttt agatt 255  
Name: N173 Len: 255 Check: 120D  
acaaaaataaa gctggctact aaagccatac catggttaac gcagaaggaa caaggctgtc 60  
atggagtctg tgaaggggaag ccagatcaaa tgacacagtc caggggcaga gagcacaac 120  
cgtctctctt cagacacact tttgaatgtg ttagagaaaag tctgggtgga ctttataagg 180  
cgtccataac tgttaacggg caggctgctt gggaaaactg atgcgggtt tgagtccac 240  
cgtgaagcga tgggg 255  
Name: N174 Len: 250 Check: 400  
acctcgggtg cgcgtggctg aatgtcacat cagtcacatg cgtgctatgg ctctcattca 60  
ctgaacacat gacaaggatc tcagagtgcg cttaataata gggacgcac gaagaagcag 120  
aggcaacagg agggctgatg tggatctaga ctgatggcaa gaaatcttta tttccatta 180  
aggaaataag tgggaaatca tttttaagaa ggaaggtcaa cagaaataga agtgtgctat 240  
ttagaacatg 250  
Name: N175 Len: 250 Check: 1900  
acaggtgtat tttacaattt ttgtttaatt aaaaatgtta atatattaat aatcaacctg 60  
gtcaaacact ctacggtttt ttggttttag tcagtgcctt tgattcagaa tgtcacgagc 120  
cttatpatat catgctgagg cgccttgcaa atcgacaat taacgatcct cctagacctt 180  
gaggtgatca gcataagagg ccagatcccc tcagtcacat tacaactago ttcaccttat 240  
tctttaaagg 250  
Name: N176 Len: 250 Check: 110  
acagccttgc cgaagctgct tttaaaaaaa aaggcaagga agtctcctt ttttagtttt 60  
tttaaaacaaa caaaaagtaa tgaactcttc tcaatgtgta caagatttca aatcttttat 120  
cagcactctc cctcataaag ggttttattt ctctcgaaaa catctataaa aaccaggtoa 180  
acgagaccaa atgtatgaca ggtgaactta gajcgaactt tcttgcttgg taactgcgaa 240  
gaacgggctt 250  
Name: N177 Len: 250 Check: 27F

agatgatttc ccatggaggt tcaataaggt acagaaggt atgttgaata aagagggatc 60  
agacaaaaa tgaactatct ttctgagagt aaacattata tcaagaaaagt caagaactgt 120  
cctaaaaata ggggcatcac gtttgtaaat gtattacagt ctgaactcca tgtcacgtaa 180  
ataagcaagc taagtgaaca cggggtccac tgagggaaggt cctttattcc caagcatgtc 240  
cattgagcgt 255  
Name: N178 Len: 255 Check: 1800  
acctctcttc gaataagatg actaagatgg cctttggtct agtgggggaa agtggggcctc 60  
tgccttcana gatgacacct cactacacaa cttagatttc cctgtttcca aaggcagcaa 120  
caattttgtt attttgttta actttcacaa aagcaccacc aaataaccac aacagaagtc 180  
accccggttt tgtctacagt gactgctgtt gggccacgac acotaaaact agagggggaa 240  
agattctatg ttcaa 255  
Name: N179 Len: 255 Check: 2453  
actcctcagt agccatagca gtgttatacc caaatacaa caacatccca cccaaataaa 60  
ttaaaaatac tattaacact aaaaacgaac ccccaaaccc taaaactatt aagcaccbaa 120  
taccatccact aacaatcaat ccaaacccac cataaatagg tgaaggcttc aacgcacaac 180  
ctagacaaac agtcaaaaaa agtaaaacta aaataaacat ataatttgtc attattttca 240  
cacagcattt aactg 255  
Name: N18 Len: 251 Check: 1730  
accagagggt aggatcgctt cagctctggc agttctgtgt agctcttctg gatgacacct 60  
caaatctcna tttttattgc ttgactgggc gaggcatgga atttaaaact attgagcctg 120  
agaggggtgc ccgaagttgg ggcattcaga agaacaggcc agctatgaac tatgacaaac 180  
ctagcgttgc tctccgtatc tattatgaga agggaaatcat gcaaaagggt gctggagata 240  
gatattgtct c 251  
Name: N180 Len: 255 Check: 1A2E  
actatgagca gatcatcaat gcttttgaag aagacacctg agcccaaaag atgcagttgg 60  
ccttccgctt gcaacagatt ggcgtctgcg tcaaaaataa ggttacagac ctctgacact 120  
cagtgcttgc tcaggattca gttagggatg caccacaaggc ttctggagag cgtgtgttga 180  
acccacctct tgtagactat agcgtcttcc tcttagacaa taactgcccgg ggcgcaggt 240  
cagcaccagc tccgt 255  
Name: N181 Len: 250 Check: 74F  
acagtgagca atggttttcc ttgctaacaa tatttgaact gctgtatttc tctttgagca 60  
gtgcaagaat tttcttcaga gcagacaaag ctgcggctga agagaaacca gaaaagaaag 120  
agaagggaag agaaactaaa atgagcaatg gagaaggatc cgagagcact gtgtctgcgg 180  
atctgttgtt gaagtgtatg gatgcggctg tcagacatgt cgtgctttcc agagactgac 240  
atggatgcta 250  
Name: N182 Len: 255 Check: 2389  
gtgagctctg ctgggttaaag gactangcgg ctgggggagc tccgttagtt ggtgtttgac 60  
gtctgttata ataactctca cttctgcctt ctgtgtattc taggttgggg cttgtcccgc 120  
acctaaggca agaggatgtt ggtgtcaaaag aaaaagaaaa agtctcttga gtcaatcaac 180  
tctcggctcc aacttgttat gaaaagtggg aagtactatg tcatctattc attttttaaa 240  
acattcatta agatt 255  
Name: N183 Len: 255 Check: 45C  
acaataacca attgataaca gcttgaaaag agtgcaatat tgaagtcca atatttttaa 60  
aagtgtgac tatcttgact ayaatggaa atyagtcga ctcatcttga aaaataatgt 120  
aggcgtgtgt tttagctagt ctgtaagac aaccaatcaa ggttgaagaa aagagcataa 180  
cacattagaa atacccaat tatgcttttc tgaatttaa aaaaaatgga ttaaagaact 240  
gagtatttgt ttaat 255  
Name: N184 Len: 250 Check: 2400  
accagttgca caccgattgc aggttcttcc gaccacgtta gggcggcact ggcactggcc 60  
tccattgggg tccacacacag aactcagaga tccctgaggg tccattccac aagcagggcc 120  
tgcctgggtg atcaaggcag aaatgttgaa gatgatgttc ctgcagacat ctgtcatagg 180  
tgtttccacc aactccggc tgttctccag auctctgtag cgttgggaagg ttctccaggc 240  
actgttgggt 250  
Name: N185 Len: 251 Check: 2F1  
acacaagaag ttgtgaagg gggagggtta agtggagct gggggtcttc ctgacagaag 60  
tggcagcaac cagcgtgacc tgaagagat ctatggttcc cccaaatgc cccaggtctc 120  
ccaaaataa tatattcact ctaaaattgg ccatctaaag caattcttct cagtacact 180  
gactttctaa ctcatcttgc caccatctc tttagagtga tcaaccacca naaaggtggc 240  
cttagattgg g 251  
Name: N186 Len: 250 Check: 450  
acatacttaa ctgttagggc aggactccca ggtttactgt tttacagag atcttagtat 60  
ttcatcatgt aaataattta cctctccctg aactctatg ctttaccatt gcatgataat 120  
atcatttcag gttattttaag agttaaatcc ctcaatgca gtaattataa gtatacactg 180

aacttggggt ttagcatatg ctacaaanta gcaatggggt ctttggtaaa aggcttcaag 240  
 aactatcaac 250  
 Name: N187 Len: 125 Check: 2AB  
 acaataaac tgggatctc actttgatga tctactaggt ttgttatcag ccccttgaag 60  
 gcaatcaag cttgcatgog tccacataca gcaacacaa cactctctct tacacagtca 120  
 ctccaggagt aggagtctgc tccatgggtg aagagcccta gatttgaag atgaacctgg 180  
 cctctctctt acaaggggag ccagacattc attcaaacct gttcattctt acactgcttc 240  
 acayggaggc ctggg 250  
 Name: N188 Len: 251 Check: 17  
 acttctctct tctctctctt tttctctctt tttctctctt tttcttgact ttcaatgata 60  
 aactctctt ctgaatatat tgtttttgct caagatttaa caaacattt tctgggatta 120  
 taactctctt ctataacagt attatacaaa tttttacaaa atggttctat ccgactagtt 180  
 aatttccaaa aaagtgtcta gagaacataa taaggggggag aaaaaaaatc tgtgtttcac 240  
 aaaaagcaat c 251  
 Name: N189 Len: 250 Check: 1D30  
 acaygcactt agcactagcc aaagattata ccttgattac attcccaaaa ggcagatatg 60  
 ctgcaaacct ccagagatttt cactcagntt ggcacatgga actaaattt gatcttagta 120  
 tatgtggagt ncaanttgct gtgcatttt ttgtccaatt ctattgagg gagggcatat 180  
 acatttgggt ggtgttatct atccaattt gctgtgaca aacacccaaa catcttaaaa 240  
 tatctattat 250  
 Name: N19 Len: 255 Check: 3DB  
 acaagctttt tttttttttt tttttttttt ttttggtaaa aatagtttta ttctctttca 60  
 aacataaaac atcactcttg gggaaggga gggtggcagg tggccacagg ctcaactgaa 120  
 tgggggtggg ggagattaag aagtccaccc cactgctta gctgagataa gattacatcc 180  
 ctacacactt gtataaatat ctctttatat taaaacaatt ttccaggctc caattcactc 240  
 tacttcaagc tggga 255  
 Name: N190 Len: 250 Check: 352  
 acatcatcaca atctcttttag ttcttccata cactattagg aaaagctcac ctgtttccat 60  
 ctattctgt ctctgtatct tgtctccata taagcttttt aggacttgc agctaaccag 120  
 gctgaggagt gggttaagaga ggagacaagg cagagtcttg tgaactctt tacagagcat 180  
 cctctccagga aatgctgagt ataatgaac tacaactctt gatcttacag gtgtttttga 240  
 actacttttc 250  
 Name: N191 Len: 250 Check: 122  
 acbagccctt gtgcagttta tcagacattc gacatgtctg ttttttaagt cttgtggact 60  
 gtagtccacc ctattctaaa tttttgaaca tctaaaggaa aatacactcc cccaccttt 120  
 ttgatacttt tcttactcta gtggtttttt ttaattttt ttaattttt ttcaattgct 180  
 agcaagggtga taaaactagc caaattgtct tctttttcaa agcnaatca tatacgtgtg 240  
 tgcctgtctg 250  
 Name: N192 Len: 255 Check: 1D1  
 acgcaaacac cagttaggtat tgttgtaaa actcgtgcat gcacagaaa agtcccaagtt 60  
 ccagaaaggg ggggtctgct agtggttggt cttgtgggtg aaacaagtga agctaggcag 120  
 gctgcactct tctcttttc tetgacgttt ctctctctc ctctctctt tctctgacg 180  
 atgctcttg aacagtgca gtttgcgtc cactctctg gcccgagct ccttgaaggg 240  
 gtgaaagtgg ccttt 255  
 Name: N193 Len: 255 Check: 11FE  
 acagcacccag gctgtgtgga ttgggtcaca gtccagctgg acacagtggg cacacctogg 60  
 atttttgga ctagcttagg acagacactg tgttttagct gtcatttgg tttaaaggtg 120  
 gttttgtgt aacagtgtt atcataccac atgtcaycag ctcttagcat tactgagggc 180  
 aaggaggga ggaataacag cacaccagct tggtaapac ataaatatag aagcttaaat 240  
 tatcactctt gcaag 255  
 Name: N194 Len: 250 Check: 1AF  
 actcaaaaag ccttgggtct aattcttagg gaggcagggg aattcccaaa ggaattcaat 60  
 tcaatattaa aaactaaagc actctacaga cattagga ca ttccagaaaa tggacatttt 120  
 aaagtgctc aagcacacc gttatgtgac aactctctt aatctgctt tagtccaca 180  
 ctcaaaactt agcatcagtc ttttatgag acaattctac gtggccctta aaacattgct 240  
 ttaagggttag 250  
 Name: N195 Len: 255 Check: 1A04  
 acgtttccag gctogagtc agggagaaag acactggtg ttcttaacgt gactgcagcc 60  
 agcactgca gcaaggagag gtccctttac ttccgggtgc ttgagagct actcagcaag 120  
 atagtccaga tegtatatct gtctttgrrt gtctttcaaa atctttaaat ctaaatagct 180  
 cacttctgag caaaacctg ctctgtgac aattatcact gctagaatcc tccattttctg 240  
 tagtgctctg tgtga 255  
 Name: N196 Len: 255 Check: 26A1

actgggagat	gaagctgagc	agaagaac	atggctata	atctgctg	ctaaagagga	60
agaacgtctt	gaaaaagctg	ctgatctg	atcagaaaag	atggggttaa	aaattacatc	120
tygaatacct	caaactgaga	gaatgcagaa	gagggctgaa	cgcttcaaatg	tgctgtgtaag	180
cttgagagct	aagaaggctg	ctggggcagc	gaggtttgga	attctctcag	ttccaaacaaa	240
aggttttatca	cttga					255
Name: N197						
		Len: 250	Check: 000			
accagtttag	gaattcaatt	tcagagctaa	gtgtatctac	acggcagtg	tggtgogaag	60
ggtgattctg	gcccaggag	ataacaaggt	cgatgcagc	gattattacg	gcaacaagcg	120
actggagctg	gcaggccagc	tcctgtctct	tccttttgaa	gatttctta	aaaagttaa	180
ctcgaatag	aagaagattg	cagacaaagt	gattcctaaa	caaagagcag	ccaggtttga	240
ctgtgttaa						255
Name: N198						
		Len: 255	Check: 004			
acacaattta	atatttatta	tatgcatttt	atatacatta	tttttcaaca	gctgtgtgtt	60
tgctctgttg	tacaatttta	aaaatttgot	gattcatagt	ctgtaaaaac	aaaaacctac	120
aaaactcatc	aaaactcgca	aactgatcag	aaaaggcttt	tggaagacta	gaaaaaatat	180
tttattgtct	taattcatgca	ttacacaaa	aaaattctta	gttacacct	aaaagtaagc	240
acatttataa	aaata					255
Name: N199						
		Len: 250	Check: 183			
acagagtctc	ctttaacaat	gctgccccca	aggaagatct	gcccagttag	gagaggcttc	60
ctgggttag	agatgtcata	ctgcgcgaatg	tcctcgtgca	gacagttgct	gaagttaggg	120
agcggctcat	ccagggcacag	caagatgtcg	gtgatcaaac	caggcatttc	tggaacatc	180
agcccttca	ctttcttgga	gggcaactgg	atcacctct	ccactgaaca	ggtgcctccc	240
tcattcttgt						255
Name: N2						
		Len: 255	Check: 385			
acaatgccc	aagagtggct	tttgggaggc	agtaacttag	catagggggg	ggctgggttg	60
cagaactctc	ggggattcag	tgtggcaaaa	tggggagagc	gtggctcctg	ctgggtcttg	120
cgcagtgtaa	atgaaccatc	cgtctctctc	ggaacttat	tcagtgtctg	gcccagtgggt	180
ctcatagggt	tcacctctgt	caacgggggtg	tcgttatat	tcgttggtg	tcgatctct	240
gttaattcag	ggaat					255
Name: N20						
		Len: 255	Check: 1469			
acagactgtg	acgagataca	gtttaaggag	gatggctctg	gggtccgat	gaggtcaaaa	60
aaagggaagt	caagaagtca	ctgcctccta	caatgggggc	gatggatgct	tgagctccac	120
attggagcat	caggtggctt	ccacacaaa	gtcttcaaat	aaaaacaaga	aagtggaggt	180
gattgacctc	accattgaca	gttcattcaga	tgaagaggag	gaagaacccc	ctgccaagag	240
gacctgtctt	tcctt					255
Name: N200						
		Len: 255	Check: 235A			
actctttgaa	actgacttca	taacaggagt	cattgttaagt	tcacacagaa	gcaagacgta	60
tghatttcag	ttcttctctt	gaccagcagc	actccggagg	ccagtgctcc	ggtgcctccc	120
ttgtatctga	agcaggggta	acagctctgc	tgtgggtctg	ttctctctta	gtatttacct	180
caaggcttgg	aaatgtattt	tgaagacct	tcagtcaaac	gaagtaaaag	aaatgtcaag	240
aggataaac	catg					255
Name: N201						
		Len: 255	Check: 607			
acptgcattt	aggcaaatag	ttttagccc	agggtctg	tgctaaattc	ttacatgctt	60
cactagaagt	atggagcaga	aaagcaggcg	ttctgtgct	ttcccatct	ctttagatgt	120
gcttggtctt	gcttgactgc	ctttgttgt	gtgacatcac	ttagccagag	tcctcactgc	180
tggttttgt	cattctcttt	tagacaatat	tcagtaagc	ttgatctcat	aattatgtag	240
taattctctt	agaga					255
Name: N202						
		Len: 255	Check: 1E26			
acaattttac	ctttcgtgta	agagaatgac	tgctcagggt	gtaaacaaag	agctagcctt	60
ctgagctctt	gttgatttagc	cccaagtaat	ccaagctgaa	gtaattgtgg	cttctgttta	120
atgataatcg	taattatctt	atgatatacg	ttcttttttc	ccgtctgact	tcctactcag	180
tcattataaa	ccagactctg	aaatcatact	ttaaaattcc	aaatgcttaa	agatgtgcta	240
aaatggaggt	aaatc					255
Name: N203						
		Len: 255	Check: 22A2			
actactgaca	tcattgaaca	tgtgaactca	ttagaaaaa	taactcaatg	agtttagatct	60
acaaacaa	agaacatga	actttttctt	gttcattgaga	gaaaactgtg	cagttagcaa	120
gaagtaaatg	ggaactgctt	gaatgttctt	tcataaacct	aggaataaaa	gcccagctca	180
tcagttagaa	cttgagagaat	ttacccacac	aaactgagct	gttaagaaaa	catttggaact	240
tcatttcaat	cgca					255
Name: N204						
		Len: 255	Check: 1F5F			
acaaagttg	ttgtctttga	cgatattatg	gatgaaggag	ttgttaaaaga	aagtgttaat	60
gataccattg	atgaagaaga	attgatttca	cccaacagga	gtttgaggga	cagagtagag	120
gacaattcag	taagatcacc	aagaaaaaca	ctctgtttta	tgccacaaga	acaagtaaga	180

agggggggggg aaagaaagggg aaagaaagggg aaagaaagggg aaagaaagggg aaagaaagggg 240  
 aaagaaagggg aaagaaagggg 255  
 Name: N215 Len: 255 Check: 1F8B  
 aaacacaggtt ttaactgaag gaacacaggtt gaacacacac aaacttaactt aaactgaag 110  
 aaactaaactt aaactgaacaa gacttaagcat tgggttggcc aaacttggtt aaactgtaat 120  
 gaaagaaacaa aatgaactgt gatgtggcag caactaatta gaaagacatga ctttttcacc 130  
 tggaggt jaa aaaaggaac totaacatgg ottgaagtta aagagacagaa ctcttgacta 240  
 caactct jaa caaga 255  
 Name: N216 Len: 255 Check: 18F3  
 acattactga aggaactatga attcttacag tgaagcttca caacagtgc atgggcacac 110  
 aggttgattc agaaggacag atggaacggg gaaacatgtg agaaagcaa tcaaggggtt 120  
 tgggctgtg ggtctctctg agatgggttc atgtcagctc ctaaggctc attctacac 130  
 gtaagctaat gctggagcgc aactcccaag atagagacag ctgtctcata aataatgaag 240  
 tctttctctc agga 255  
 Name: N217 Len: 255 Check: A5D  
 acaacttga actacacat gaaaatttta agtcagaaga aattttgaga gctgtgcttc 110  
 ctgaggttca agatgtgacc tctggattca gcagagttgg acatattgca cactgaact 120  
 tccagatca tcaactgccc ttcaagcatt taattggcag agttatggtt gacaaaaaac 130  
 caggaatcac ctgacagta aataaaacca gcaacattga caataactat cgaattttcc 240  
 aaatggaagt gctgt 255  
 Name: N218 Len: 250 Check: B6F  
 acaaaagagc aaaattttac ttctcttga aatgattgac tacatgtggc tcccttttc 110  
 ttagggttaag tgagaaatac agtgaagtag ctgcttggac agaaagtaag ttctgtctt 120  
 acagagaaca cgggtgagtc atagagtcag ggaaggtca ctgggagcac ttggtgtgc 130  
 acaggtctg gagcatctgt cttaaagtc ttgagacac agtaaatgtt aaggaagaca 240  
 aaggtgagag 250  
 Name: N219 Len: 238 Check: 93C  
 acaaaattt aatcattgca aatacattta gcttctgaaa ctcttgcac aaatgctgac 110  
 ttctctgaaa catcgtaaa ttcttccag catcctcaga ttccaattcc tgggaagcct 120  
 ttctgagta gctgctccg tggatccgc catcactctt catactgtg aaagtctct 130  
 tgaatgctc catcattggc tggccagct tcttggctc cagcttgcac tcacattg 238  
 Name: N21 Len: 199 Check: 19CE  
 cttatccca aggggtgctga gaattccaaa gggtatgact ttgaaattaa gtttaactct 110  
 gagggtggtg caaactgct tgtcaaatc gggactcaag tgtatgcacc tctcaagaa 120  
 ctcttgaatg aaatctaaga agaaattagc tnanctctga ataaaaagat ggggtctggag 130  
 gatactttac aacgactga 199  
 Name: N210 Len: 255 Check: 3AD  
 acataagtgt gtatttccat atgcatacag taccacagta aggttaaagg tataaaccag 110  
 goatgtaag aaatcagtaa gactgttaatt acaacatacgc gatactgca agtcatttaa 120  
 aaaaacaaatt acttctagaa ttttctcta gtatttttag atcacagttg attgtgggca 130  
 gaaagatta caaaagcaa agccacaggt aaggggaatc cactatgttc aaatcccat 240  
 tcaatggaac ttctt 255  
 Name: N211 Len: 250 Check: 20F  
 acatagtcag agatgaaac cctctctctc agctctctac ccagagctg gctctagggc 110  
 tctgttatat gttctattta gctttttata tatgaacctt gatctgtgta tttgaacacc 120  
 gtgtgtgttc aactaccttt gtgcagagct gcacattggc tatgtgtata tgcctgtctc 130  
 atctagctta tcaagagttc ggcagagag ggaagcctgc ggcagagat gactctttgt 240  
 ggatagtgta 250  
 Name: N212 Len: 255 Check: 26F6  
 acttcttata ggttaactaat ctccaatgag taccacacaa ggaataacca aaatcaaata 110  
 atggaaacaa agactgaacaa agtgtttcac atctgtgaat tggataccaa gtcagaagtg 120  
 pgggttgaa ggttgcaaaa ggagactgta ggactaagta tattcttgta ataaaaacag 130  
 aatataaac agagtatca tctcactctt aattctctcc cctcaagaac aatttgaatc 240  
 ttttggcat ccaaa 255  
 Name: N213 Len: 255 Check: 11F  
 actcagagca cagaaaggtg tatgcaaaa agaacagag tcaacttcc ctcaaggtg 110  
 aaactctgga caaagaaac ggttggaaaa gactgttcca ggaacactta aaaggaaacg 120  
 tctcttcca actggaaaag gtgttctacc aactctgggc ggcagggaag gagatcgagg 130  
 aagcgtagt ggggatgata gactttgttc aggtgttccc tagcaacaca gtagatgagg 240  
 ggtatctta cggtc 255  
 Name: N214 Len: 149 Check: 157  
 aactgttcta gtgcacttag ctttttttgg ttcttttggg tggtttggta aacagggttc 110  
 cctgtcttgg aactcgtct atagatcagg ctggttttcaa actaagagag atctgctctc 120

aaaaagggg	ggtaaaagga	ggtggtcag		100		
Name: N215	Len: 255	Check: ED3				
acccttgggg	gtgtgtgcag	gttgagaaag	aaaaccactg	tgatttttgt	aagctgaggg	60
agatgctgat	ccgagtgaac	atggaggaac	tgcgagagca	gaagcaccact	cgccactacg	120
agctgtatcg	gggtgtgaag	ctcgaggaga	tggtgttcaa	ggacactgac	cctgacagca	180
agccctttag	ttctccaggag	acatatgaag	caaagaggaa	tgagttctcg	ggagagctgc	240
agaagaagg	ggagg					255
Name: N216	Len: 255	Check: 43A				
actgagatga	aaagtgtctt	aaattttagt	attccaaagc	cagctttaac	ctggaacagc	60
aacacccctcc	ataaaatcca	gaacaagtgc	ttctgttagg	aaatttccat	atgttatgat	120
ctggtaaaaa	gttgatagtt	gttacatata	agtttccatt	ttctccattag	aaaattaggt	180
aattgatgga	ttctttgaa	agaagcatca	ctacttatta	aaaagttaga	tatatataga	240
atgcttttaa	ggcaa					255
Name: N217	Len: 255	Check: DF7				
acaagctttt	tttttttttt	tttttttttt	ttctttcggg	gttggggacc	gaagtgtctt	60
accactgagc	taaaatcccca	acccctccac	gttacatttt	gttgggagca	tcagtcgctt	120
gcttgagggg	ttgtctata	gagtgtgttg	tcattctgtt	ggccaaacagg	tattcttttt	180
gttggacaaa	ctgattttcc	catctctctg	tggtgtgatg	gaggtgtgag	tcctggatgt	240
aagtgggaag	agtc					255
Name: N218	Len: 250	Check: AEE				
acaaacagtg	ctgcagacac	acgtgatcgt	tggaactctg	ggcaatccca	attgctctct	60
gcagggcgag	ctctgctgtt	tgatagtggc	cgaagcggca	gtgcagggga	gccaggttga	120
gagcggcgta	tccttaggctc	cggccataac	cttcttcccc	attacttttg	ccctctgctc	180
cagtgaat	caggcgggca	aaataatgaa	ggaggtctgt	cgttgagctg	aaaacatctt	240
gaacacggag						250
Name: N219	Len: 255	Check: 224A				
actgcccacc	cccaggagct	gcccacatgtc	caggctactg	tgctctaac	aaatagaaa	60
agagctctac	acttcagttc	cacaaaccct	cttggccctc	actgagccct	gcccagtcct	120
tcctctgccc	taaatgtatt	cccttttcc	acgagggctc	cacctgag	acttacagaa	180
ggccgggata	tggtttgtgc	tccttccctg	cgggctctac	ataaagtgt	cagaatcaga	240
gatccttgca	ctgag					255
Name: N220	Len: 255	Check: 33B				
actggcacat	gagacotaga	gcaggaccaa	cttctccac	atagtccagt	ggaaaagaaa	60
gtgccttgaa	agttctctcc	tcacctacac	agtagctgtc	atgtcgagac	ctgccagagc	120
gagacacatt	ctcaagtga	tcctggcttc	ttggaagcgc	ttgcctagac	gagacacagt	180
gcattaaaa	aaattttggg	ggacagggtat	gtttttcttg	cagctgcagt	tgtaaggctt	240
tggaagagc	agcag					255
Name: N220	Len: 255	Check: 25AD				
acagtccag	ctctgtctca	gtctatgtga	cttttgaaa	acatttcttc	tgtagctgtt	60
gatcatgtgc	agtggacac	acctgtctcc	acctgcagg	gagctgggta	tcacatttag	120
ccgcacctcc	ccatccagca	ctgcacccac	ctgaggacat	taactgggat	ttgatggcca	180
gcaactctga	tgagattcat	taagtggccc	tggcagagca	gcccacacca	gttgcaaatc	240
tcggccaatg	aggg					255
Name: N221	Len: 255	Check: 4CE				
actgtctgtg	gcagaagctc	tcacaaagctc	agaactacac	cttggggcag	ttcccagggt	60
gggatgttcc	ccgtggcttc	accacccact	acttacccct	ttctccactt	tcagagacag	120
cagtctctca	cagggaactg	tagaacagct	agaaagggct	gtagtccagc	ccctggctgt	180
gtctccagca	gagatgacag	ttctgtgaac	tcctgcagtg	cttcccacac	tgacatggaa	240
aagtgttgga	cttgg					255
Name: N222	Len: 255	Check: 102D				
actcttaagg	agaacccaaga	cttggttctt	agcatctcca	aggtagctca	caactctttg	60
taactggaat	cactgggaat	ctaacccctt	ctctgtgttc	ctgtccggcac	caggtgagtg	120
tgatgcagac	aaaaaattta	aaaaaaatgc	tacacatcat	cttcagaaat	agtgaagga	180
tcctcttatt	tgaggtgtgt	tgagctgagt	ctccctgttg	gttgaacttg	taactgactt	240
gggaagttaa	gaagg					255
Name: N223	Len: 255	Check: EDE				
ctgaggttct	gggcgcgcaca	caagcagtg	gtgtctcttg	tcctcttagg	gtggttggtt	60
agaatctcca	gtcatgcttc	cagatctctc	acaaagggca	gggaggaata	gatctaaaa	120
ccatgcttcc	cgtggagcac	attctaaagt	aatatctgtc	gatactggta	acagagggca	180
gactctagct	tcctggccatg	gaacacacat	ggccgggtgac	tcctctgttg	gcttctcgac	240
tgcaatagc	cagtg					255
Name: N224	Len: 255	Check: 129F				
actgggtgct	tttaattttt	agcccacaaa	tcacaaactc	gtgtctctca	ctttgtctag	60



[illegible]

1441 1441 1441

Name: N234 Len: 255 Check: 1441  
 CNATONCANO NANGACATOC TTNCNNAGAG GGNOCNGAAN GNENDCANON NNCTCCATAN 60  
 NOCNTTNCNT CNNTNTNTNO NCNTACCTNA NNCCNGCHCN TTTTNGGAAN OCCCCCTTCN 120  
 CGNNAAAAT TTNGGAAAN CCHNTTCTCA CNATACGGCG AGNNAGAGGC CTCTAGCATG 140  
 CATGCTGAG CGGCGGCCAG TGTGATGGAT ATCTGAGAA TTCGCTTTC NAGCGGCGCG 240  
 CCGGCGCATT ACOCT 255

Name: N235 Len: 255 Check: 161  
 ggagggata cctggagaat tgggttagc gtgggtggg cggaggtact tttaacwrwg 60  
 gggtgagttt aaaggtgaaga acawgggnnn mtinnnnnnn nnnnnnnnn ccaatcccat 120  
 ataataata ygcagggott tgggtataca cagacttctt tccaccacg tgggtgaagt 140  
 tttgaaatc tggaaagggc aaawowhhn wattgggtgc tgaccaatgt cktctgctg 240  
 ctgggtgata agacm 255

Name: N236 Len: 255 Check: 3E1  
 caatgtttac agatgggtga cgtttgcaat gccataggga atggtgagac tatgttacc 60  
 gacotttga tttatgagta ggtggttgca gtttaagcta tgagaggata tgttgagcct 120  
 ttttaagcta agctggttaag agttccgaga caggtggttg gtttagagtga tttcctagac 140  
 ctcaatgag tctttctgtt gacagttctt caggtgttca agcagatacc atatgcttct 240  
 ttttagaggag ctgac 255

Name: N237 Len: 254 Check: 1E46  
 ttttttttt ttttttttt aaatattctt ctgttctca cagaaaaaat accattnaon 60  
 canagnnccn ancaangncc taagttttty aatggcanca cnattataaa ggntacaaat 120  
 gacotaacag gaacaanaaa aaahhgtgtt attnnnggoc cnnnnnnnnn cttagagtttc 140  
 taacatgta gtaagcagtg aaaggtgttg gattaaactac ttggtaatgg ccaggaaaaat 240  
 acgatgaaga tggg 254

Name: N238 Len: 241 Check: 188  
 aagaggaatg cttctccctg tatgacaagc agcaaaaggg gaagattaag ggcacagatc 60  
 tctgtgtgtc catgaggtgc ctggggggcca gccacacacc tggggaagtg cagcggcacc 120  
 tgcagactca tgggaatagac aagaacggag aactggattt ctccaccttc ctgaacatta 140  
 tgcacatgoc aatcaagcaa gaggacccaa gaaagaatcc ttctggcatg ctgattacag 240  
 a 241

Name: N239 Len: 255 Check: 1552  
 cttccctgaa ctactttcag aggccttgta actcaggagt gccaccaacc gtgottgaac 60  
 ccccaggtct aaatgtgttt tcaggcatac tgcagaaagt aactatcata aattccta 120  
 agctggaaac caacatttcc taaagactaa aatttgtttc aaataaataa atgagcaaa 140  
 tcaggttaata accttttcaa aggtggagtt tggtagtctt gagtataact acctattc 240  
 gagttctctg gatac 255

Name: N240 Len: 255 Check: 2482  
 cgtcaagctg gcaaaagaca acgaanggy cccgggnccc nnnnggataa aaatgcygt 60  
 gttctctctc gtggccgggt ttttttgtt tgggtctann nnnnnnnga aannannnaa 120  
 ngaaaacccc tcaataattt tttcwwanac actaaaatat ccaacygmag aaatcatttc 140  
 ggcacatccc gacttcgat ctccctgttt ttaataactg tagaaaagca tctgtgtcca 240  
 ctgtgtggcc gaaga 255

Name: N241 Len: 255 Check: 1D91  
 acacgggtgg acacatacta gcatagattt gottcaacta agccccacgg ggagatgcac 60  
 ttcataataa atttcccttt tggttccctt gagggagaag gattctgttg gacttacaaa 120  
 gggtctatgt atatgcagaa agccttccca tcaattgtca ttgtgacccg tggcaagcca 140  
 tcatcagtag gaaaacaaaa caaaacaaaa caacacaaaa aatgaacaaa aaaccgaggt 240  
 tagtctaaaa tctaa 255

Name: N242 Len: 255 Check: 1CBA  
 attatgata agtggatatt agcccataag ctgggaatc ccaagatata attacagacc 60  
 acatagaggt caagaagaag aagacaaaa gtgtgaattt ttcagtttt attagaagg 120  
 ggaaacaaat actcacagga gglaaaatgg agataatgt tgaacacagag actgaaggaa 140  
 aggcatacca gagattgcca cacatgggga tcatctccaa atgtagtac ctaacccagt 240  
 cactattggg gaggc 255

Name: N243 Len: 255 Check: 217B  
 acttttaag gaaggagaaa gagaatgac cctgatccaa aaaatattgc ctattttat 60  
 attagtaag atttatgaaa cacattccaa atcaaatgtt gctatggaaa caacagactt 120  
 aagttagiaa gcacaaaagtc ctgaagcacc cgtatttatt ttaatcagga aaatgatat 140  
 atttatatat gcatatgcac atatatatt tgagaaiaa taaaggcaaa attctaat 240  
 caatcagagt ttgta 255

Name: N243 Len: 255 Check: 1BF  
 acaaaacact tctttcatgg actactttga taagcaggac ttaagaaca agagtcatga 60

[illegible]

Name: N253 Len: 155 Check: 2130  
 aaccccttntt agnacgtntt ntctctgaan pttttttntt aannpottng aayncocant 60  
 ntactctntan ggogaattgg gccctctag tgcattgctog aggggocogoc agtggtgatgg 120  
 atntctgag aattgggttt tngagggggt gccngggcag gtgcttcaga antcaccagg 180  
 acttcaattt taggaaaaac cttgtggca ccaaggacog gcacacacag atocaggagg 240  
 aactgcagac aaatg 255

Name: N254 Len: 255 Check: 2387  
 nntagnrxt nannctcttt gaanccttt ngnaannbnn tngnccctt tgaocncttt 60  
 agngngngno gtgtgatgga tatctgcaga attcgtttt cgaggggocg cchnggcagg 120  
 cgcttcvjaa ctccaccagga cttcactttt aggaaaaac ttgtggcag cagggacog 180  
 cccacataga tccaggagga actgcagaca aatggagata caaagagtc cagggacag 240  
 aacagtcac ccato 255

Name: N255 Len: 255 Check: 1683  
 tttntaaggc onattgggoc ctctttanno anncntago ggnogccagt gtgatggata 60  
 tetgcagaat toggctttog agcggcogoc cgggcaggta caagtgtgtg ctaaaaagta 120  
 gtcttagaac ccagataact tgctactcat attacaaagt tgacatattt ggctaaaato 180  
 agtctgaaga tttttattca ctgagaacta tgggtattaa aaccaagctg ttgacgaaaa 240  
 tataagttaa aaata 255

Name: N256 Len: 255 Check: DA7  
 aactttggga gtgcctttct togggtgtgg agccctggaa gaactctgaa gggcgctcctg 60  
 tocgatttgc togtccatgc acacagatgg aagtagtcgc cattggaggg gaggaatgtg 120  
 tocttggct gaocgacagg tgtoctttt toatcaacga cactgaggtt gcaccaaata 180  
 tcaogtcatt tgcagtgtgt gatgaacttc tactgggtgac aacccattcc cacacctgcc 240  
 aggtttcttc totaa 255

Name: N257 Len: 255 Check: C4F  
 onccctnta gnacgtntt ntctctgtn gacnacgtnt cactataggg cgaattgggc 60  
 cctctagatg catgctogag cggccggocag tggatggat atctgcagaa ttgggcttag 120  
 cgtggtcgog gccaggtac agcccatota gccctcagnt gccagaggga cctctcctac 180  
 aacottataa tctaagtatg ccttgccctc cgcctccccc accttagtga aaactattgc 240  
 cttacaccta gtcac 255

Name: N258 Len: 255 Check: 1A3A  
 acaagatccc cactgttatg caattctctg ggtcatorgt atctccacat cttcaagaga 60  
 aacccacccc atgaacacgg caccattaag cccctttctg taatggattt caatcacatt 120  
 tactgctqag attactcagg caggtgagct gatgctggac acgaacccct cagtaaaagt 180  
 cagtttttag caacccctta gttttccttt agacaggtat ccacagtcca taaggacttt 240  
 tttcttato tattt 255

Name: N259 Len: 251 Check: 201F  
 actctgcttg ttgagaagca gccagtgggt gaacctgagt aggtgggtta aagtatctgt 60  
 gccctatgac acagacgggt gtaaaaaatct gaagtgtatt ttatcagcta cctggatgtc 120  
 agtgcacaca gacgtgcact cttctcatga ctgcaacagt gatcgggaag aggaaaaacc 180  
 tcaactctgc ctttggctct gtgaactaat tttagttcag attctaagct gtgctcactc 240  
 ccattttgaa a 251

Name: N260 Len: 255 Check: 46C  
 actcaggaaa acacaaagggt atttgcattt acttttctcg aatcatggga aatatttggg 60  
 atgctagctt agttgttgaa agagtattca agagtccaa caggggagtc actgcaattg 120  
 aaagcaggtt gctatccag ctgctggagt cagtgctaca ggaactgaag ggtttgcagg 180  
 aattcttaga cagaaattct cagttttcag gaggaccact aggaatcca aataccactg 240  
 ccaaaagtga gcaga 255

Name: N261 Len: 255 Check: 7AB  
 ccgtcttaca agcacatgca gogagacttg atcagagact agtccctgtc gtgcacatcag 60  
 cagctctaac toctttgggt toacagtctt accggcggca tgagcagcaa atactccag 120  
 atctatgaaa agggcgtgga aatactcttc taggcacttc totaccatct caagagccac 180  
 ttctctaac ggatcttag tatggaaaat gaagagcttc acatagtggc tcagtccggc 240  
 cttgtagggt tottg 255

Name: N262 Len: 255 Check: CB2  
 caggacacac tatagccagc tgccgggggg ggttgagggc tccagtttct gcacagctcc 60  
 agaggcttc caagttaatt ctgaacatgg cttaaaggag agaggccaac attttotaaa 120  
 ttgcacaaa tggcctgaaa gtgtaaaaaa cactagattt tcttttaaaa gctaatttgg 180  
 ggtgtgtaga gtaagggaa atgtctatat gtattttact caagcaataa aattagaata 240  
 aggatagct ttggc 255

Name: N262 Len: 255 Check: E2D  
 accttttagt gagggccctt aaatttggga aagttccatg gacagctaag tttattcttg 60

atcatatatt	aggaggaaa	atgaactta	agagaacaa	attatatt	agggatata	120
agggttaagt	tcagttgcat	ctagatttga	ggaaaacatga	ataaaatttg	attagatttc	130
gtaattacat	gggtatttat	tttgaacgca	catgttaatt	tatgcttctt	tactgattga	140
gcatttatga	gcgga					150
Name: N163	Len: 255	Check: 213C				
acacacttcc	aaacagttta	acccagttct	gattccaaact	ctgcaagagc	ttttaaacaa	60
gtgcagtaact	tgtctgcagc	agagaaaact	actccaagag	caaaaagcca	aagaaaggaa	120
aaagaaagat	gatgaagggg	caacccctgt	taagaagcgg	cgatagagca	gtgatgagga	180
gcacacgta	gacagctgca	ttggagacat	aaaacacagat	gcagggagcg	tactgaaccc	240
cactagrac	tcaga					255
Name: N164	Len: 255	Check: 273F				
acagttagca	gcaacgacaa	gaaaaacaaa	ggcgggacag	gctggacaca	gcacgtcttg	60
gccttgagc	tcgaagcagt	acgaagagga	gagctagtga	gcggggggcc	aaggcgccag	120
atgttgaccc	aggactcccc	gaaagccctt	ggctctgtgt	ctgaggacct	cttgacgttg	180
gacatccgg	tttatcttat	tgaattttcc	ttttccctct	ttctgcccc	cccaaacctt	240
tgaggcatct	gtccc					255
Name: N165	Len: 251	Check: E74				
acatatctca	gtagcatgag	gcggtccagg	gtgtgcatga	gcaagaccat	gatgccagga	60
ctactctatt	ctaacagaaa	tggtacctt	tgtaaataga	cctcattgag	ccaatcactg	120
aactctttgt	aagcacattt	cccccaaaat	ccagtgttta	gacgacagt	gcaataatgt	180
attcattcta	gtagtcatgt	gtaaccaggg	agcttgtata	ggacattgat	atttaccctg	240
gttgctgtga	a					251
Name: N166	Len: 255	Check: 1443				
accacagaag	aggagattca	agaaatctgc	atagagacac	ttagacttta	taccaggaaa	60
aagcttaact	atgaattgct	ggaaaaggaa	gtagaaaaaa	gaaaagttag	cttacaggag	120
gccaaagtaa	aggcaaaggg	attgaatctt	gatggaactc	cagccctttc	cacttttagt	180
ggtttttctc	cagcctccaa	accatcatca	ccaagagaa	taaaagotga	agagaaatca	240
ccagtttcca	ttaat					255
Name: N167	Len: 147	Check: 189E				
acacacaaa	actctttctg	ttctgataaa	ccctggatgc	ttgcagtga	cttttctagt	60
gtattttcca	ttttctgttc	gtctgtcttt	aacttaacta	tggtttcttc	atgttgtacc	120
tgccccggcg	gcgctctgag	ccctata				147
Name: N168	Len: 255	Check: 172C				
acaaagaact	cagtgtcttc	cggagcaaga	cacaatgggt	gccacggggg	gaggccaggg	60
cagccaagtc	acccctcttc	agaggggaca	ggctccacca	tcaggttcat	cagtttttga	120
aaataaaaa	aggaccagaa	acagtgtctg	tttggttgc	ggtgctccc	ccaccccaca	180
gcaatctga	agtctgtcca	tcagttcca	agcaaatata	gagcaattcc	aaccaacacc	240
catctttgaa	aaagg					255
Name: N169	Len: 255	Check: 1A47				
acacatatat	ttatatattg	cttgctctcc	cgtctaggtc	atcagtttct	acctttaagc	60
caatttatita	aaaagctatt	gcactgtctt	ggtgaacagt	gtgtggggct	tcaataaaaa	120
agggttttgt	ggtgtcttac	atggtttcac	ctcttaactt	ccaactgttt	aaaaaaaaaca	180
aaaaagtcgc	atatcccaag	gcaataaaac	ccacagaatt	cccgaaccaa	tgggcggttg	240
aaaaaggaat	ggagg					255
Name: N17	Len: 255	Check: 20AF				
ATAAAACCA	TCCCTCTGTG	CATCCTCTSC	TTCCCTCAGG	TTGGAAGCCA	GGACTCCTAG	60
TCAGCTAGTC	CTGGCCGCTC	TATCACAGSC	TCCAAGSGAA	GAGCTGCCG	CGAGAGGCC	120
TCTAGACCA	CAACCCATGT	TGCAACAAGG	CAGGGCCTGT	TCCGGTCTCT	AOCTCCAGC	180
AGAGTGGACC	AGTTTGAGCC	TCCCTCCATC	ACATACACAC	TGTGTTGTCT	GCAGTAAGTC	240
GCAGCTCTCT	TCTCT					255
Name: N170	Len: 255	Check: 20C5				
atttttggtc	acatgacaga	acagaacgaa	ataactaaac	tggtatgaca	ttaacggita	60
ccatgatttt	agagtttcac	atgtaactac	aaacttatit	aaatttcaca	aagtttgcta	120
aacatgacra	ccattctatgt	gtgcactgac	aagcttatgt	taaaaacttt	taagaatact	180
ctccctttta	gattttttca	aagcttttgt	tttgattaca	aaatttcaaa	ggcattaagc	240
aattaagaga	atata					255
Name: N171	Len: 255	Check: E0B				
acctgtaang	gtggaagctg	gggtgtttct	cgaccaatgg	gaatttcacg	gtcccttccc	60
ccccatataa	caatgcctty	tttgtagctg	ccgcaacacc	ctctgggggtg	ccatccagta	120
taagatagag	agctggggcc	ctccccccac	ctgtctatgg	cacatgtcag	agggagagag	180
gcttttttac	ttctaacaca	ttgactgtct	gtctgcagac	tctagatttg	ccatgcaggg	240
gtttccataa	atttg					255
Name: N172	Len: 255	Check: F3E				

acagagatag gataatatt aattagatta tttagaatgc catagtcccc tgaatggaaa 130  
tggtaacatt gccatgcta aggtagatat gccaagagcc tgcacggata tgcactgcca 240  
ccaagagagc gctat  
Name: N273 Len: 255 Check: 3B1  
acacattctg aagtcacccg gaagattaac tcagccgagc aggaaataaa attgctcacc 60  
gagggcctga aagatttggg agacagcaca ctacgaaaaca tcagaacagc gagcaggcaa 120  
gaagaggagg acctctctgg agtagaggcg cagcttagct cggatacaaaa agcagttgag 180  
aagctagaag aagagccagc cacgctccta gccagagatg aagatttgac cgataagctt 240  
tcacgctacg agccc  
Name: N274 Len: 255 Check: 15ED  
aaagaatcat ttaattgtgg ggcagaactg gcacagacag aataaataat agtgcttttg 60  
ggagagttag gatgaactgg gtaggcaaga aagagcccca gtgtggagc gatcacacag 120  
ataacatgga gatgtgcaaa gttgcggagt ccattgacaga aatggcccaa cccaccaga 180  
tagctctctt atttggttgt caactacagg gaacagacta ggcccggtga gcacagggtt 240  
gggagactgg agaaa  
Name: N275 Len: 200 Check: 17A9  
acattataca tcacacccaa caatatcaac ttatatatag tattttgcaa aaaaaattag 60  
gccattcttg ccacacattca caagcttaac atgttgcttt attttttttc ttgagtcctt 120  
gataaaataa aataattatt aaaccataaa ataacccttt ccacttctaa tctctgaaa 180  
gcacacagga ctttgatgtg  
Name: N276 Len: 251 Check: FB7  
acatgaataa ataactgtgt tcattggat tttcttttcc agtgtgggaa ttgtgaggag 60  
tgctgtggat ttgctctctt catagcagtg tctctgatgg aagtttaacc tctacaaatt 120  
tgctgttgac gtagtgtgat tgaaaattgg cctccttaag tggccctctt attagtcaag 180  
attagctggc ttgattgtgt aatctgcaac aaaaaggaca atgttctctt agtctctgat 240  
ggtaggtaga g  
Name: N277 Len: 255 Check: 1874  
acataaaaag atatttacag acataaaaac attaaaatag acttcagaaa taaacaggac 60  
tcacaaaagg ataacttaaca ctgaaaagct cataactgaca aacatttaaa ttgacagact 120  
caagttgata ggcacataat acaaatttgg taaaacgtgt ctacagaggt aacactgaag 180  
cacatctgtt tccaagactc cataaaaaat ccagacttca cttgccccaa agtccaatca 240  
attttgtctt agcat  
Name: N278 Len: 255 Check: 1830  
taagtgttgg ctataattgc atagaataca gacgttgctt taactggaag aggttggtat 60  
agataacctt gattatcacc cagatggcat ttagaaccac tatggaaaca cccctgggtg 120  
ggtctctgag ggtgcctcca gaagaggttt aacagagaag aggggaaggc caccctagac 180  
accagttaga ccattccacg gactggggtt ataggctgaa tataaaggta aaagcaacgg 240  
agcaccggca ctcat  
Name: N279 Len: 255 Check: 126C  
acctttcttt gaaatgaaaa tttagatgta atatataaag tgotagcgtt tagttcattg 60  
cctttgttga gatagtcatt ttaacattta gaattcaaca atattaataa atataatttc 120  
gtagcttgct ttcaaaaaaa tgaccattta ctaaggataa aaagattaaa aagggggtgc 180  
tgcagagatg gttcaatggt taagtggctc tgagttcaat tccagagcat tacatgggtg 240  
ctcaaatca totaa  
Name: N280 Len: 255 Check: 1E02  
tgcacgtcaa gctgcgggtg attgataccc tgcgtatggt tacagaagga aagatttatg 60  
ttgaaattga ggtgcccagg ctgactaaaa ccttagcaac tataaaagag caaaatggcg 120  
acgtgaagga ggccgcctcc atcctgcagg agttacaggt ggaaacctat gggctctatg 180  
agaaagagga gggagtggag tttattctgg agcagatgag gctctgcta ggcgtgaagg 240  
attacattcg cacac  
Name: N281 Len: 255 Check: 2499  
acatttggaa ggcagtatgg tcatgggaga tcaacaagca cadcttggta gggtaacccg 60  
ccatgaataa tcaactggct taataattta ctacaactgt tctttttatt cacactgata 120  
ggacttgctt ccactgtctg catggaaatg gaatatatac aacaaagctg gcttatata 180  
aaaaaaaag aaactctcat atggacaacg gggggggcaa accaatgaca catgcagttt 240  
gctaattaca accac  
Name: N281 Len: 251 Check: 3AD  
acacacagta gccactccct accacctctt tcttgaaaag tgaatctctt taagcaggga 60  
agctagcat cagtttactg cagctgtgat tttaacataa cctttctata ttgagcctat 120  
gggttatgaa gatatgcaaa atcctgttctg tttagagcca ataaaagttt aactgatggt 180  
caataactgt ttagaatttt taggtctctt aaccatagc tttttcaggt ctgaaatcat 240

Name: N281 Len: 255 Check: 723  
 aattaaagca cattatagaa ataaggcatt tttatctagt aaaaagctta cattccattt 60  
 tgagatctat gataaattta gaaatgattt attcatggaa aaatgttagg ttacotgtat 120  
 aggtgootat cctaggotta gagagagat agtagacaga gaagttcagg ctgagattgg 180  
 gtagagggag cataggcagc agaaaatgct aagtagttta gatattaagt taatagatcc 240  
 tgatataag gctcc 255

Name: N283 Len: 255 Check: 727  
 acagcttct tttttttttt tttttttttt tttttttttt tttttttttt taattatttt 60  
 aataacggg ttacatttaa cagtcactt atgagctttt tgggttggg gttcttttat 120  
 tctagcttaa cccaatacac agtttttttt acggttcaaa ccaaacagct ttcccatatc 180  
 tgagctgctt cagagtttag acaggtcaca aggagactca ctgggtgtcc atagccacca 240  
 gacacagcac tgaac 255

Name: N284 Len: 100 Check: 13D4  
 acccccaat acaagcaaac cacaatggat gctgtaaaat ccattttctgg ggcaaaaagt 60  
 ttttttcttt gttttctgtt ttgtgtgtt tttttttttt 100

Name: N285 Len: 255 Check: 1BA4  
 acaatgagaa cttaaaacgt caatataaaa tgtanattaa ttcatttaaga aactgaaatt 60  
 tatggactct gcacaggtga acaggtagct gttttaaatg tttttttttt ctatagttaa 120  
 tataratttt atttaattgga atcacaggaa aatacaacta tagtttcaaa ggcagctctg 180  
 taaactaata cattatatat gaaaaaacct ttacottttt cccactccaa gagttagctt 240  
 taaggggctc aagag 255

Name: N286 Len: 112 Check: 248D  
 tttktctgt ttaattctcc atatktttam agtgcaacaa dgttcaamaa actactgaca 60  
 gtaataacct aggaagtcac agtaatggga ctctcagaat taaactgctc ag 112

Name: N287 Len: 253 Check: C6F  
 actcttctgg agaaccaga tttggttcct agcatctca aggtagctca caactctttg 60  
 taaactgagt cactgggaat ctaacctctt cttctggctt ctgctggcac caggtgagtg 120  
 tgatggagac aaaaacttta aaaaaaagc tactctyyct tcagaataaa tagaagtata 180  
 taaataaawa maggtctgtg arctgagctt cctgtctggt gactttttaa ctramttggg 240  
 aagtaatcaa gga 253

Name: N288 Len: 255 Check: 16D  
 agcttttttt tttttttttt tttttttttt tttgtttgtt tgttttgctt tgtttttaat 60  
 aggcattgcaa agattaaagt agtgaaataa aaaaataatg accctagatt gggcaagaa 120  
 aacctctttt atgaagaaga aatttaaatg ctggattnnw aaatttaaaa gacctggcct 180  
 tatgggtggg tgtttatcgg taatttaaaa ccaggcgaaq ttggtagtag gcaatttttt 240  
 aaaaagtgat agagt 255

Name: N289 Len: 255 Check: 22C4  
 acaggaactg agaaccactg atatagcctt cttccatctc ctccaccacc agctgcttgc 60  
 tttgatcttc actgatgggt gaggcataa tagcggctcc actctccacc agctgcttgc 120  
 agaggtggac actgtttgaa gakggggcac agtgccagyog tttccatcca tcaactgtctg 180  
 cagcattcac attgacacca aagtcacgca gaaacttcac gatattggtg tggccagcac 240  
 agacagcttc gctta 255

Name: N290 Len: 255 Check: DA3  
 accacgtca acgttagatga gggtgtggtt agaggggtgg cactgcagtg tgcaattctt 60  
 tctctggcat cttaaagttag agagttctcc gtcacagatg cagttctttt cccaatatct 120  
 ctggtctgga accatgactc agaagaaact gaaggtgttc acgaggtgtt cagtcgggaa 180  
 catgctgttc ctttctccaa agtgcctcac ttcttgagaa ggggacctt tgaactataa 240  
 gctttctatt ctgac 255

Name: N290 Len: 255 Check: 45A  
 accatctcat aaaganaata aataattaaa aaaaatgaaag acccaagtcg aagcctgtgt 60  
 aacagaaagca ctggggagaa gcagcaagt atgaagaaaag tgcagcagcc atcgcttaac 120  
 aatatctcac tgcataagga ctgctagact gaaccaatctc tyaactgata aggaacgcca 180  
 gactgaacaa tatctcactg cataaggaat jcaagactga acagtatctc actgcataag 240  
 gactctaga ctgaa 255

Name: N291 Len: 255 Check: 1E15  
 acaggaagag aaggtctctg ctacaaagtc ctctcatggg cagggttctg tttctggtgc 60  
 agactaggaa tgttaactcc ctgtgttcta ggaacagcat atcttaactt ttcacagaag 120  
 cagatgttat ggaagtcttc tggagactga agccacttgt cttagtctct ttagcaaatg 180  
 aacagactact gttatcattt gacaaggaat tcagactcag aacagagaca acaagctatt 240  
 ttuwaataa attat 255

Name: N292 Len: 255 Check: 1CB5  
 acctgactc aaaggggcta caoctttagt cccatttcca cagcctcagc aygtgaagca 60

[illegible]



```

ccacagacac c
Name: N43
Len: 255 Check: 2157
acagtgggcca aaggagctctg taacaacttc taaataactg ttagcatctt tggggtttgct 60
gaggtctt gtc agtgatgtca aatcctccaa gaaaagatct gcttagataa ctaggactaa 120
cagtttcgta gtaataatcc aattttataa ttgctcttg caaatctgcc tgaagctaca 180
gggaatggaa attaaagcaa gtgtaaaatg ggtagctctga catttaaaaa aattacataa 240

```

Name: N44 Len: 150 Check: D86  
 aacagagagt tggcaagtgc tccggccatt ccagcttcac caccacattg gactgggccc 60  
 tgaactcaca attccctgtg tcaaatcccg gggactacga gatccctcac tgggtcccat 120  
 ctgcccctaa gcaagtccgt agtctggaaa ccacacggga catcgagtg ggcactata 180  
 ccgcaacctt gggattccat gtctttggag tgtggcctga gggctcagat ggaacagaca 240  
 tcaatgtgt  
 Name: N45 Len: 221 Check: 6E  
 aatgggaggg tatgatgaac gaggcctccg gacccatcaa cttcaccatg ttctcacta 60  
 tttttggga gaagctgaac ggcaaggacc ccgaggacgt gatccgaat gcttttgcct 120  
 gttttgata agaagcctca ggttccatcc acgaagacca cctgggggag ctgtccacca 180  
 ccattgggga ccgattccag gatgaggag tggacagat g  
 Name: N46 Len: 255 Check: 10AA  
 GGCTGGTGGC GGCCSAGGTA CATGGGGGTG GGGATGAAGG TTGGTGGCAC GTGCTTGGCG 60  
 AGAACCAACT CAGGCTGGGC CTCTAGTCCD CGGTGGASTT GATGATGTG ATATCTCTGG 120  
 TCTCTTGGC CAGCACTCTC TTCTCCATAA TAGAAGACAT TGTCAGGAST GTCATCTCTT 180  
 GGGAGCAGAA GGGCTCTTT GACTTCTCT TTCTTTCTCA CCAACAGAG GAGCGCCAGA 240  
 AGAAGGCTTA GTAGA  
 Name: N47 Len: 255 Check: 17FA  
 acaattgtag aagattttgta aaatgtaagg tttttttttt ttttttttaa tggctccattc 60  
 cttccatggga ggtgtgtgcg ctgggctgag agcgtgggga tgcacagatg ttctttctag 120  
 aacatattcg ttgcaacagc taactttgtg ttttcattgt tttttatgt ttgttttgtt 180  
 ttttgaaaa tgagagaaga gctggagaga tgatttttat gattttttt tgttttgttt 240  
 tttactattt atagc  
 Name: N48 Len: 255 Check: 2358  
 acctggcttc gctagcagtc ttgatccaga caggactgat gtgaaaaggg ttggactctg 60  
 ccataattcc tgcagagcgt atggttagac caccagagag aagtcctgga ataagacact 120  
 tgcctccag aggacagttc tggagtgaag ggagtgtgta cccagtataa aaagaaggaa 180  
 gaaatgttga aaaagttag aaacgcctg ttaagagga totgtgaggt tcttgatcta 240  
 gagaggtcag gtgtg  
 Name: N49 Len: 255 Check: 10E3  
 GCGGCTCGG CAGGTACAGA ACCCAGAGGA AGGAGAGGCT GCTGGGCTG AGGCCTAGGC 60  
 GCTGAGAGCA TGTGGAGTTC TCTAGGGGTC TGCAGCAACC TGGGAAAGCT GGGAGATTCC 120  
 TTCTTGAAGA CTCCTACATA TAGAAAATG ATGCTTCTGT CTCATTCCAT GCCTGCTTTT 180  
 CTGCGGTATT CCTGTAGCGC TTTCTCTGCC ACTGTGTCCA TAAACTTAGG GTTATCCTTG 240  
 GAGACTTCTT CTGCT  
 Name: N50 Len: 255 Check: D4F  
 acgtccatat atttgacaaa gaaagttaac atttttttaa taaagatgca aagtatgcaa 60  
 aaaaacattaa tactgatgca aaaaaaaa gagtaaaagt aaagaaaaaa aaaaacaaaa 120  
 craaaaacaaa agaaggcaga ggaagctgtc taaacgctcc tgggctgtc ggaatgggtg 180  
 taacaatgat atgaaatggg atctgtgggg aagggggctt taaaagaaaa caaaatttgc 240  
 tgccttaaaa aaaa  
 Name: N51 Len: 255 Check: 2F0  
 acagcagctt aaaaaagggc aagaaatgca gcaagaccaa gaaatcccca gaaccagtc 60  
 gtttcactta tgcaggatgc tccagtgtga agaaataccg gcccaaatat tggggctcct 120  
 ggtgggaggg ccggtgtctg acaactctgc agaccaggac cgtgaagatg cgtttccggt 180  
 gcaagatgg ccagatgttc taaagaaag tcatgatgat tcagtcctgc aagtgttaact 240  
 acaactgccc gcac  
 Name: N52 Len: 255 Check: 1E91  
 accatccctg aaagtctcgg gtattccctg cttccctggg caccattgg aggcacatc 60  
 ggaatgatgt tgcagtgga ggaagatggg ttcaagaatg ggtttagcat cacagggggt 120  
 gagttacca gacagctga gttgaccttc ttgggtacc caggcaagct gatccgtgaag 180  
 cagcagttta gtgttattga tjaicattga caactgaca tcaacacgga cctagaaggc 240  
 cagagtccac agatt  
 Name: N53 Len: 250 Check: 214  
 actgaatacc ctgaagcaga acagggcacc caactgtcac catttaagag ggaagtctca 60  
 aaacatctcg cggggcgatg cttggagaag ctgtaaattg agctgaagct gagaacttga 120  
 ttcagagaca gaaggcttaa ggttaaatg accactaga aatggagggt ctgctaact 180  
 caatggggtg tggattgacc ttggttagaga gacacttgtt ggcttgggct ggaatgaaag 240  
 attractct  
 Name: N54 Len: 255 Check: 56  
 acctgtcttt ctccgtggcat ctccactctt ccaggagctt cactttagtg tgcgttctgt 60  
 caatgtgcgc tagtgaacaa ctgtcaagt taaactgtct cgaaaaccag gtctgagatt 120

jatttjttat tttatpaa angacacacag gttcttactt aggtttttt tttttttttt 140  
 gagggtttat gttttttttt tttttttttt gttttttttt gttttttttt 141  
 agaatpaaat gttttt 142  
 Name: N54 Len: 255 Check: 54F  
 acgttgagcaa atctttttttt gttttttttt caataaagga agtgagggtt gttgggttagc 60  
 caggttgagga aggtttttttt tttttttttt aggaattttt taagagagac taaaggggac 120  
 ctgttgagga gagggtttttt tttttttttt aggttgagga aggttgagga gttttttttt 180  
 tttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt 240  
 aggttgagga gttttttttt 255  
 Name: N55 Len: 255 Check: 414  
 aacagagagga atctttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt atggagggaa 60  
 aggttgagga aggtttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt 120  
 gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt 180  
 aggttgagga gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt 240  
 aggttgagga gttttttttt 255  
 Name: N56 Len: 255 Check: F5A  
 aacgttgagga aggtttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt 60  
 aggttgagga aggtttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt 120  
 aggttgagga aggtttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt 180  
 aggttgagga aggtttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt 240  
 aggttgagga gttttttttt 255  
 Name: N57 Len: 255 Check: A92  
 aacgttgagga gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt 60  
 aggttgagga gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt 120  
 aggttgagga gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt 180  
 aggttgagga gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt 240  
 aggttgagga gttttttttt 255  
 Name: N58 Len: 250 Check: 10F3  
 aacgttgagga gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt 60  
 aggttgagga gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt 120  
 aggttgagga gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt 180  
 aggttgagga gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt 240  
 aggttgagga gttttttttt 250  
 Name: N59 Len: 255 Check: 1D9  
 aacgttgagga gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt 60  
 aggttgagga gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt 120  
 aggttgagga gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt 180  
 aggttgagga gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt 240  
 aggttgagga gttttttttt 255  
 Name: N60 Len: 255 Check: 114E  
 aacgttgagga gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt 60  
 aggttgagga gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt 120  
 aggttgagga gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt 180  
 aggttgagga gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt 240  
 aggttgagga gttttttttt 255  
 Name: N61 Len: 255 Check: 116B  
 aacgttgagga gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt 60  
 aggttgagga gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt 120  
 aggttgagga gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt 180  
 aggttgagga gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt 240  
 aggttgagga gttttttttt 255  
 Name: N62 Len: 255 Check: 162E  
 aacgttgagga gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt 60  
 aggttgagga gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt 120  
 aggttgagga gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt 180  
 aggttgagga gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt 240  
 aggttgagga gttttttttt 255  
 Name: N63 Len: 255 Check: 2534  
 aacgttgagga gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt 60  
 aggttgagga gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt 120  
 aggttgagga gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt 180  
 aggttgagga gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt gttttttttt 240  
 aggttgagga gttttttttt 255

Name: N63 Len: 181 Check: 1818  
 accatatacct accagggggcc cagaccccat tggggcagga gcaactggtt tgaagagato 60  
 cataaagttc gcttgaggga ctgcaggng nccgngggg gacatonggc cnggaggntc 120  
 tgaggcnaag atacttgaag caagtaggtc gttngctgaa gactgacaaa aggaaggagg 180  
 gagaaggtt attcagcaag agggaaaaca cagttctgt ctcactccta ctaacaaccc 240  
 aaagctaaac gocat 255

Name: N64 Len: 255 Check: 2138  
 aggtactcaa atcagtcacg gcacaggacc tggcaaaagc taaaaaacag ctggaaaaact 60  
 ggtcttccca gacttaggtt ggttgttaaa atccacatcc cggagtcagg aagattccaa 120  
 ctcaaaagaa aaggaatatt cagaggcccc ttggcagtgg gtcttgcttt ccacagcagg 180  
 ggaggaaaac caagaaaaaa gctgccacat cctccaccca gtcccaaccc tcccccttga 240  
 cagcagact cagtg 255

Name: N65 Len: 250 Check: 895  
 acccaggcta tacatgaatg tggccctagc caggactgac ataaccttcc tggctcctat 60  
 cagtgcaact gcccagatgg ttaccgaaaa attgggcccg aatgtgtaga catagatgag 120  
 tctccctacc gctactgcca gcacccgatg gtgaacctgc caggctcttt ccgatgccag 180  
 tctgagcccc gcttcagatt gggacctaac aacccgtctt gtgtggatgt gaacgagtgt 240  
 gacatgggag 250

Name: N66 Len: 255 Check: 1420  
 acaagctctt tttttttttt tttttttttt ttgtatggct atcaagtgcg ttttattgaa 60  
 tccatttggt atagatgagt gttacacctg cgtgtcggga ggggcagagg ggcaaggagg 120  
 gatacagctg cagatggttg agcaagtcag gatcagaaac cagaatcttc tatcaagtct 180  
 ggagacgagg agcattaaga gcaatgatga cgacagtaac aatagtgata atgaccatga 240  
 ggatgctgag gacca 255

Name: N67 Len: 254 Check: 1950  
 actgggcttc accacatcca gttactccga tccaaactat ggctacgaga acaaagcgtc 60  
 gatcccttgt ggaggctaca gtgtggtaga tctcaccact tttataggct ctaaggcccc 120  
 tattccaggt acccaggaga ccaatagttc caagaccccc tccctcttcc cctgtgcttc 180  
 aggggcttcc agcagcttcc ggtgggtcat ccgccccctc taactcacca actccactga 240  
 caccgagtag atgg 254

Name: N68 Len: 255 Check: 1075  
 acacgaaaaa agtcccagga gagtattaag acattgcttt gctcttaaaa ccacaaatca 60  
 tacatgtgac ccagtgcaaa tgaagattt aagagataaa gggaggggaa ggggaaaatt 120  
 taaaacatag tgggggaatg ggggagactg ttgtaacggg agncacctg tgaggtggtc 180  
 gaagggtgaa gaaagcactt gaatttttcc caaataaggg aggatggagg gaaacaacct 240  
 gntttcaaaa atggt 255

Name: N69 Len: 255 Check: 1149  
 accactgaag cactactaga cttcacccaa ggaatgaact agccactcag acacagtggc 60  
 cctccctgtc caaatggact tgaagagtat tgotgacaga agcaccagg attctagcta 120  
 ctccctaaagc aatagcaggc aaaggaattc ccaaacagga atctggaaact ggaaatctcc 180  
 atatcttttt ggaagtggga atgaagagcc atatataaat aaagatgtta tttctgaaca 240  
 atttccattg tccc 255

Name: N70 Len: 255 Check: 1F93  
 accccactgg caaattctgc cagtgtagga gottggttat tggggccagc agtcgtttta 60  
 ccgggaatgc ccttccctgt ctgtctatct acaaggcggg tgaattgatt ggaatttttg 120  
 ttgtgtccac tgaaccagtg ggcyagatt tctttgctgt agacttgaa gttttctgc 180  
 aggaatttgg atgtctccca gaaaaggctt tgggtgtgac atctgtgcga aactctgcca 240  
 cctgttcacag tgaag 255

Name: N71 Len: 255 Check: FFF  
 accacagttg aggtttctaag accgggaagc cacaagcgg cagaatgcca ctctgaattg 60  
 gccagagaaat gacgttcacg tcccctgga caccctgcag agagtacatg gagccgtctc 120  
 cccgtgtggt gatggaaaagc aaggtctctt tattctggaa aggaaccttg ccatacatgg 180  
 tgggttaact gtaggcgaat cctgtctaaa gcaactcttc aaaccagcct ttcagaattg 240  
 cgggtacccc aaacc 255

Name: N72 Len: 255 Check: 539  
 acaaaagatt ttgcttttta tttatttata atgttaatttt atagaataat tctgggattt 60  
 gagatgatct aaaactattt ttttgtataa atattatttg ccaaaagttt gtttatattc 120  
 agaaattctga ctatgatgga taatctttaa atgcttttgt taattacaaa aacaaaaatca 180  
 ccaatctcca agacaggaag atatcagttc aacagcttac tgaagttagg aaactaactc 240  
 cactgttatg ggaac 255

Name: N72 Len: 255 Check: 24A  
 ccaaaaggaaa gatacgggac aagccaactgg cccctogaac catctgcttt tggaaatcaa 60  
 attttttaat ataaatgtta tgattgagga ccavatgcac agaaaaatgg tgcaaaaaac 120

agctctgttaa	gaggaacaaa	aatttggaaa	tggtacotca	gagaggaag	ggtcttttt	180
gagtgocaa	ctgc					190
						200
Name: N73						
	Len: 255	Check: B61				
acagagagct	gccaagggaa	gctggatca	ggttatacta	atcctatcag	totgcctgoc	60
ctcaaacctc	ctccaccatg	gocgtgogtt	cttcacotc	goggcttaag	gtcccaccac	120
ctccacotc	gcatattccc	tttggagaa	agcaaggtga	gottctctag	cataccacco	180
gagggaaaga	gpcagagcca	gcaatagag	caaatagaat	ttcccaggaa	atcatttctc	240
agacccaaa	aggt					255
Name: N74						
	Len: 255	Check: 1E1A				
acatcacctg	tatgggttta	agctggctgg	atattatata	tttcaagttt	aaaaatgcac	60
tacagataga	gtgtccatag	tttaaggcya	aattatagct	cagaactctt	gtcctttcta	120
attttgtgga	agcttctttg	acaaattaaa	aaataaaata	agagagactc	agatgttcat	180
aacacataga	cgatttccct	tcattgtaag	ttcactgtgg	acttttcttc	catttaaaata	240
tttctgtgtc	caagt					255
Name: N75						
	Len: 255	Check: 994				
acgggggoc	gggcctagng	acttaacagt	agcaacagca	goggcggggg	cggcagocga	60
ctcccgact	cgagocacgg	cgcggaana	tcggcagag	cgagttagaga	aaatggcaga	120
cgatattgat	attgaagcaa	tgcttgaggc	cccttacaag	aaggtgagaa	aacatgctag	180
cgagctgcaa	catatttctt	aatttagcat	tattcaogaa	actactgtg	aaatgtaaac	240
taaccttccc	ggagc					255
Name: N76						
	Len: 237	Check: B22				
actatttttg	gccaacagaa	tttgcaaaaa	aattgtaaaat	ttaatataat	cattttgatg	60
ggatgagttt	tactgtcatt	aaaaatattg	gaaagcacaa	gtattagtat	ctgttgtgaa	120
aaaccaaattt	tagtcagagg	cggtgttttg	cccaattagg	tatcatgtat	gtagttgtaa	180
ggatgtagaa	ctcaaatcac	acagggctct	gcccagagac	accgagtcca	acagtgg	240
Name: N77						
	Len: 255	Check: 218				
acgttatcaa	atgtcagcct	ggatactgtc	tacaaggaga	tggtgacgaa	agcccaacag	60
gaataaacca	tcagacagct	aatggctcat	ttggattcca	tcagaaaaga	catgggtcat	120
ctagagaaaa	gtgaatttgc	aaatctgaga	gcagagaatg	agaaaatgaa	aattgaaacta	180
gatcaagtta	agcagcagct	gattaatgaa	accagtcgaa	tcagagcaga	caataggctg	240
gacatcaacc	tgga					255
Name: N78						
	Len: 255	Check: 1EDE				
ttttcttggt	gcactccaag	tgctatatgc	ctggtttatt	cttcaggaaa	ttatatattgt	60
ttttcttta	caagagcaca	acaggaacca	aagttagaaga	gtaacagata	cagcactcag	120
gataaatcat	atctttaaaa	taataaaaaa	aaatttacac	cttgtcttat	atcctgttag	180
tattctcata	tgggcatgat	tgaaaaaaaa	aaaaacaaca	acaaaaaagc	aagcatttac	240
aatttttttt	tcgat					255
Name: N79						
	Len: 255	Check: EF7				
acagggggaa	tggtgtttgc	ttatgaatat	aaacotgagt	tgagcctcag	tttctgtgtc	60
ttttctatcc	cttaagaggc	ttgaggatat	ggcctagcat	tcagtggggag	ctggcacctc	120
ttcccatact	acctgtatgg	actggcgggt	gctcctctga	acgtattatt	agtgttaactc	180
tttatcttgt	gtatttgtha	catcatgtgt	gtgattgoot	ttgttaaggg	tgtctgagga	240
gtatgggttg	acagg					255
Name: N8						
	Len: 255	Check: 1CE5				
acctgatctt	acggcggcat	gggaatctct	tcattacoot	ggttgogctg	atgttgactg	60
cagggctccc	cgagctcaca	tcagtcaag	atatacagta	tccttaaggac	ctctctgoot	120
taggaaa-jag	tgaagaagaa	gcactcaaac	agttaagca	gaagtttgat	gagggactca	180
gggaaagctg	gaccaactaag	gtgaactgga	tggtccatac	agttcgjaa	gactacaggt	240
cttagcttcc	gctct					255
Name: N80						
	Len: 250	Check: 1034				
acctggagg	cccaaggccc	ccgttgaaaa	tacttaatca	ggcacttgga	ggtgtcccag	60
gaagttagcc	attactcccc	agtggaaatg	apocaaacg	acaacaagga	catccaaata	120
tgggcgjac	gatgcagaga	atgaactccc	ciagaggaat	ggtgccttta	ggacacagaa	180
actatggagg	tgcaatgaga	cccccaactga	atgttttagg	tgcccccggga	atgootggaa	240
tgaacatggg						250
Name: N81						
	Len: 255	Check: 1615				
acctaacacag	aaagaaagaaa	aacttgootc	tttggccaaa	cagctgcttt	gtcagagcatg	60
gootcatggg	gacaaagaga	agaaccccac	tttaatgac	caactccatg	acttgctttg	120
catcactttg	gagcacacag	acaatgttct	gttggccata	gagagatca	ctgggtgttg	180
tgcccagaa	ctgggtcaatg	ctccgaaaga	tgctctctct	tcctacattcc	ccacgttgac	240
cagggcacc	cttgt					255
Name: N82						
	Len: 255	Check: A8E				

atgtgttccg gagttacggag gctgagatga agagcctctt ggggacgttg aggtatctctt  
 ggcacgtctt ccgcattggc cctcgtcttc ccagtaacgg catggatctg ggtacacatg  
 ggaataagac tccaaaggag caggtgttca agccttttga attgcttttg cactctcttg  
 atgagtggtt ggttt

Name: N83 Len: 250 Check: 212  
 acagaaaccc cagggcagcc ccacacttgg caggttccat aaagacgagg cagctccggc  
 cactctggag gaagatggg gctgggaccc tctgggtgtt goactcgggc tctctcagac  
 cctcgtcttc cctcgtcttc ttgacagacc caggaagaag gctcagttct goactcgggc  
 gatcacacaa atgctctgtg tccaggggac ggggggagca gtggctcttg tggggttagg  
 ggtagaaagg

Name: N84 Len: 255 Check: CD1  
 acaaatccca caggtgaggg agactactgn gtgggaagaa aagctctaga tacgccttgn  
 ggacattccg ggtttctgca gtggttaaaag aaagacacac tcaactatg cctggatgat  
 ggaagctgct cactcaggcg atagngatc aatccacttt ttctttgggt nggactagaa  
 gatgaggttg gatgaagcag gaaggggata gatcctggaa gaattgcttg gaattttcca  
 gagatatcag taata

Name: N85 Len: 255 Check: 149A  
 gggaaaagtc taaacatagc aacagtgaac ataaagattc tgaaaagaaa cacaaagaga  
 aagagaaaaa caaacacaaa gatggaaagt cagapaaaaa taaagacaaa cataaagaca  
 gagacaagga aaaacgaaag gaggaaaaga ttgagagctg tggggatgca aaaataaaga  
 aggagaagga aaatggcttc tctagtccac caccgaattaa agacgagcct gaagatgatg  
 gctattttgc tcttc

Name: N86 Len: 255 Check: 67  
 actgggcact cccacggcac agagcaccac caagtgcctt agaaccttcc ctgacagaga  
 tggggtcttg cccctgagga gcttacaatc cggggatcta caactcaaaag ccgaggttgg  
 acagcgagct aatttaaggg aaaaaccttc gtcctctaga gctattatag atggaattat  
 tttagcattt ggaattaagg caatgaagag agaatttggg tctggattta atttggttgc  
 ggattttttt caggt

Name: N87 Len: 255 Check: 1F0B  
 accctcacag aatagcaaat acccttctgc tctggacgtt ggttcagatt tgaatttggg  
 agtaatttcc ttggaagtcg ctgtggcagg tccagagaaat ggaataaaaa gttactataa  
 ttccagattta tgccttattt tttagcattt tttaaatggt ggtcttttca agctgttttt  
 tgccttttat tagatctata taaataagtt aactagcaat ttagtcttct atttaagcta  
 caattaatct ttttc

Name: N88 Len: 255 Check: 219F  
 actataagca gtatgttaac tatactgtgt gtccttgcgt ggcgtctatt cctttgcctt  
 gcttaggaca aagngtgcaa ctctgataag cctgttttaa agaaaaaac taacactaac  
 aacaaagcag acacagtatc caaactcaaa gtgcacaaatc actgaaccaa agngatgat  
 gttgaagaat tacagnggtt agaaacaaat tccaaactcc ttaggcangc ggagaagatg  
 tctccacaga ctcat

Name: N89 Len: 255 Check: 1B9A  
 actggtcacc actggattcc cgcacacatt cagtccagag cccccagaag agacggatgg  
 cccacgggga gctatcgctt tagctgcctt cctacaggct ctgggggaagg aggcgcacat  
 ggtggtagac cggagagcct tgaacttgca tccgaagatt gttgaagatg cctggaagca  
 aggagttctc aagacaccaa tccccatatt aacttaacga ggaagatccg ttggaagatgc  
 tccggcattt cctgt

Name: N90 Len: 255 Check: CD9  
 acttgatcca aatagaaaaa ccttataaag aagtcatgac aagacacccct gttgaagaac  
 tcttagatcc ctatcactac cagtagaac ttgctctaca aactgaaaaa cagcacggag  
 ctattatcca agtgattaaa gcaatgaaja aaactctgtg tctcttagat ggggttgaga  
 ccccccctgt cacagaagca gtgaagaagg taaagcagac agttaacott ccaaggaaca  
 aaagtgtga tgtga

Name: N91 Len: 255 Check: 224B  
 actgtaggct ctgggaacaa gaacactggg ttgatctcat gacttgagag acttaagtta  
 cccaaaaaat taagatttta aaagactaaa agtagtgagg gaaaaaaaaa caataaaaaa  
 ttgaagcaga gacttaacta agagtcttac aatttaaaaa aataccaaat ttaaagtatg  
 tcaattctat agaacttjta atttgjactg caaaaaggaat gcttaaggaa tccactctct  
 tgcctcagta ttttt

Name: N91 Len: 255 Check: 168C  
 actgtgttgg tgtaaatgtg ctattaatat agtattttac gtttccctaa atattcacag  
 actctagctg caaggtccaa ggcagcttat gatccctga gttaaaaaat aaatjgtgac  
 ctgtcatctc tgaccttaaa ctggcagcaa gaaaactagc agaggtgtgc aactgtcttg

Name: N82 Len: 255 Check: 1F8E  
 accagcaaga agaccaccca gatgttgtra cctgcoctga acattacagg caaccattaa 91  
 atgtttatag totactagat aaaaaattat ttgttgccca ttgttttaot ataggtdaac 100  
 atcatggcca tottatagat gacottcaaa gtgcotatat gaaaapaaaag gatacaooto 140  
 agaatttgtt taaacagtta accgacacac actggacaga tatoactogo ottatttgaaa 241  
 agottgaaga acaga 255  
 Name: N83 Len: 255 Check: 238  
 aactggaaaa ccaacattot gaattgtatg acactggaca tgggtttacc catgaggott 41  
 tcaaaagaaa ccaagaattt gctctctatc ctacccagta gtgtgatggc atcaactagt 110  
 tcaaggtatag gactaaagt agtattaggt tgaattatga tttagactot ttgtgtgtoc 130  
 catabootot aatgcataaa ttcttaaatt tgtctttaga gtccagtggc cctgttaatz 240  
 gtgaatttcc ttga 255  
 Name: N94 Len: 250 Check: 3EE  
 acgagaactot tgggtttgtt tgcgcacaa gactaactt cagggttgat tcttagaacc 60  
 aacagaatgg aacaagagaa tgcctcctgc caacggtoct ggcttgacaga gatatgcgcg 100  
 agtgcaoott cccacagaaa gagacacaca cacacacaca caccacacaca 130  
 cacacacaca caccacagaa agcctccaaa aagagattot cactgtaagg aaggatgtaa 240  
 agaaaaataga 250  
 Name: N95 Len: 249 Check: 92F  
 acttttactg taaacggggc aaaatccaga ctgttcaatt gttattatcc caaactgagc 60  
 aagttttaa gttgttttta tnttaaaaaag ccatacagtaa taatctggaa tttttactt 120  
 ttaaagotgc tttagootcaa ttttaacaga ttctgaaatg tottaattga tgaattagt 130  
 gaacttaatt actotattac tgtttttctt aaagcattta ataaatacct gttgactgcc 240  
 taggaagag 255  
 Name: N96 Len: 255 Check: 24CA  
 caagcttttt tttttttttt tttttgoota ttgatattat tttattttac tttataagta 60  
 actggcagaa acacaggaat aaatattttt ataaagtggc tatcttaaaa atactttgtg 120  
 cgattatctg aatcatttgg tcttaaaaaa tgttgcttta aaaatcaagt tcagcctaot 130  
 tggaggtaaa ttaatacata tccagcactg gaattattta ttctgttttt ggctgtaggt 240  
 tatacttttg tggct 255  
 Name: N97 Len: 255 Check: 180C  
 acatttggtg cttgctgttt cacacttttg ttaagtgttg acatattttg atgtaatgag 60  
 taggcagcca gaagcagcca gaaataattg atctgtctc tggtaatgco aggtttttcca 120  
 acatttgaca tccgtttgag gaggggaaag gctgaagatg gcactggggg acactgtgtg 130  
 catctagacc ccatgtatac cggcgtatga ctttagggca catgtgtctg ggcggagacg 240  
 tggtaggcca cagga 255  
 Name: N98 Len: 255 Check: 2140  
 gtcacacaga cgtatgtaa agaggcatcc accacaaggg gagcagtga gtgtttctgtt 60  
 tgtagggggc caggaagaat caatgcctcc aacagtggac aaatactaaa agtccttaca 120  
 gcaaacacata tgtttgttag ctgtgtgta ctgcttaact gcaaacctgt tgagtaatca 130  
 accttataaa caatagctag acagtcatag gcttttaaaa caaatgatct aataacagca 240  
 aaggagagat aaatt 255  
 Name: N99 Len: 255 Check: 3F9  
 acacatagat acaaatatca atggtcagtt cctgcttccac totcaaaagaa gtgggttgctc 60  
 acgtctgaac attttggcta gaaaacaggc cagtgttcaa tgotaaoott cagtatgtot 120  
 gactacacag agaagccagg gcatgtgagg cactaacata gcoactagt cccactgggg 130  
 ccacactgct gtgctgtgtt aggtagtcca ggttactgat tcaactgagta aacacacac 240  
 tagaaactat agcaa 255  
 Name: T1 Len: 255 Check: 1EEB  
 acatrtctgt tgaactncaga tgttctctat ccagctgntc ctcaaataggt ntctootggg 60  
 gaggtttcca ccaattggnc gcatgtccag gattcttntt cacagcctga ctocnaatga 120  
 gtctootcog ctctctctcc agctctatca totctcaga ggcctcact ttocggatgc 130  
 agaaactgntc ottctctgtg tgaactctot caaa jagott ggagggttc ttgootontg 240  
 gaaggacgc agctn 255  
 Name: T10 Len: 255 Check: 3AB  
 actaacgagg agcabaagcc gcatagtgag tgtatgatat tacaatgag gagtctttt 60  
 cgagagcaaaa aaactgggtt aaagaacttc aaaggcaagc aagtctaat attgtgatag 120  
 otttqtcagg aaacaaggct gacttagcaa ataaaagagc tgttcaactc caggaaagca 140  
 agtctatgc agatgacaa agcttattat ttatggagac atcagctaa agatcaatga 140  
 atgtaaatga aatat 255  
 Name: T100 Len: 255 Check: 1997

atgagatgag	atgggtggg	gagagggag	atgatatgaa	atgggtggg	atgatatgag	60
aaatgagag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	120
ggtgagagag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	180
atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	240
atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	255

Name: T101      Len: 255      Check: F08

atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	60
ggtgagagag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	120
agaagagag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	180
agagagagag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	240
atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	255

Name: T102      Len: 255      Check: 1570

gagagagag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	60
aaagagagag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	120
atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	180
agagagagag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	240
atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	255

Name: T103      Len: 255      Check: 94

ttacagagag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	60
gtacagagag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	120
ggagagagag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	180
caagagagag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	240
agagagagag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	255

Name: T104      Len: 255      Check: 13AE

atgagagag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	60
aaagagagag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	120
tggagagag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	180
aagagagag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	240
acagagagag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	255

Name: T105      Len: 255      Check: 1EF6

atgagagag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	60
aggagagag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	120
ccgagagag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	180
tattgagag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	240
aaagagagag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	255

Name: T106      Len: 255      Check: 1B8E

caggagagag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	60
ttacagagag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	120
tgacagagag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	180
ttgagagag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	240
aagagagag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	255

Name: T107      Len: 227      Check: 789

acaagagag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	60
gagagagag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	120
ttttaaagag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	180
aaagagagag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	217

Name: T108      Len: 255      Check: 751

actgagagag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	60
gagagagag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	120
attagagag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	180
atgagagag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	240
ttaaagagag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	255

Name: T109      Len: 255      Check: 355

acagagagag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	60
ttgagagag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	120
acagagagag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	180
ttttaaagag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	240
ttcagagag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	255

Name: T11      Len: 255      Check: 90A

acagagagag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	60
aaaagagag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	120
aggagagag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	180
accagagag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	atgatatgag	240



Name: T110

Len: 186 Check: 1698

ggtgggggt	caaaagggtg	aaaaaatat	aaacaggtat	taaacagbat	tattaataag	60
ttggcagac	tccgtggtat	gaataacttt	ggtggttgcg	ttgaatccgt	aactgaacat	120
tggtgactac	ctagctacct	ccaagtaaac	tgagaaactac	ctagcaaaat	ctgaacttca	180
gtccgggtgg	ccgagctggg	tcttcctttt	tgtagttttg	cagtataggg	tggtgatata	240
tccgttttgc	aaaaa					255

Name: T111

Len: 213 Check: 2103

ctgggtttar	cggtggtcgg	gcgaggtac	tccgtgtgg	gtcttccgg	aagcttcttc	60
tgcttttgg	taagccgctg	cttatctct	tcaatgggtg	cctcttggg	cccaccttc	120
cgctgttgg	agctgtcag	gtattccgg	cgcttcttt	cctcaaaagt	gaggatgag	180
cggtgaggg	ggctatctcc	atctctttt	ttctctt			213

Name: T112

Len: 175 Check: 840

tggaacttc	tacatcctg	ctgaagataa	aatatcact	gttcttctg	ccttggaac	60
aacatctgat	gttactgca	cgttttcagg	tgtggatctg	gaaggtggca	cttgatgca	120
ccctcaatt	ccgataaaag	tgtctctct	tttacttgc	actcaagtga	ctatg	175

Name: T113

Len: 255 Check: 1704

cagatgggg	aacottgggg	cctctcagtt	ggaaggggt	tggtgggaca	ccaggcagtc	60
cctggggcca	gaagtttggc	tggtttctgg	ccccagctcc	taggtctgca	cagcaatcat	120
ggaaacagcc	cttgttccca	accagtgcag	tggtcatctt	caggcagaac	tcaagaagct	180
agcagaggg	ccataccacc	cttacaagg	ccagggggg	ttgtgggtaa	gacagcaaga	240
aaaaaaaaa	acta	tagtc				255

Name: T114

Len: 255 Check: 1635

atcgaagtgc	ccagttaggg	gatgagggca	ctccctgtg	ctgggggacc	gccgggcttt	60
agaccacagc	atctcactga	tccctgctcc	ctcagcaagg	ctctggcttc	tttctgagt	120
atttggtttt	agtagtagtg	ggggtgntt	agacataag	tctttatttc	tgtgacagag	180
cttgggatgg	tggtgtgagc	ccaggccctc	acgtgcctgt	cacatactct	actactgggc	240
tccactccag	ccttc					255

Name: T115

Len: 255 Check: A62

acaagctttt	tttttttttt	ttttttttt	ttttttaatc	aaaagacaan	tttatrtgga	60
cagaaacttt	cagacagaac	atagaggaat	taggcattat	taaaatacac	tcttgccaag	120
ggatnaaca	ttagaatatg	ggggggggat	gggaapaca	ggacaactca	nccactgcag	180
gggaagcgag	cagaccctgg	agacagccac	acgtagycac	agggtacott	tccccacaa	240
actctacott	ccacc					255

Name: T116

Len: 255 Check: 9A1

ccctgggtgt	ggtatctttac	tttcttatta	ccggaggaat	aattctatgat	gttatogttg	60
aactctcaag	tgttggtcca	atgacggatg	aacatgggca	tcagagacca	gtagctttct	120
tggtctacag	agttaacgga	cagtatatta	tggaaggact	tgctgttagc	tttctcttca	180
caatggggag	cttaggtttc	ataatctctg	acgtatccaa	cgcaccaaat	ataccaaaac	240
tcaataggtt	tcttc					255

Name: T117

Len: 255 Check: CE2

cgaaaagcca	tctttgcatt	gttccgggtt	cggtctccgc	gtcactgca	gccacottcg	60
ccgcccacgg	tctctcccaa	cgcgactccc	ggcagttttc	tctgcagagt	cctcgaaaact	120
cgactaatcc	cttacgggta	gcaccagacc	acgggcgtgc	ccacactagt	cagacgcggc	180
agtggacanc	agctccgaga	tcaccaccaa	ggacttjaag	gagaagaagg	aagttgtgga	240
ggaggcagag	aatgg					255

Name: T118

Len: 255 Check: 5D2

aggaactttt	agccatggat	gtgagtcacg	gaggcttatt	cctgaactga	atatcacctt	60
ctgcaatcaa	accagaaagg	catgttttaa	tgagactgaa	cacgttcttc	attctctcat	120
tcttttaacg	ttacacagaa	ttagagattg	ctctgaattt	ttttttaatt	tgaaatccgg	180
artaaagtga	aagcagtggt	agtgaagctt	tacaaatatt	acattactat	gtcattgaca	240
tggtttttac	actga					255

Name: T119

Len: 255 Check: 113D

actccgttca	cctctctctc	aagactgcca	aggaaggagg	gtctttatta	tacgaacagt	60
tggtacataa	ggcatacggg	ctggctggga	agctggcagc	ctccggatcg	attacaatgc	120
agaacatcgg	agctatgtca	agctacctct	tcatagtcaa	atatgagtaa	cctttgggtga	180
tcaaggcttt	aatgaacatt	gaagatacga	atgggtgtgt	gtatctgaac	ggcgactatc	240
tggtctctct	gggtgt					255

Name: T120

Len: 58 Check: 1902

ccagtcacca	ccactgaacc	agaacgcagg	cagttctctg	tcccctctca	aagggggtg	58
------------	------------	------------	------------	------------	-----------	----

Name: T120

Len: 255 Check: 1076

atgcagctct	caggagaaga	ggcccccta	agattgtcag	aggagccacg	actgcaccca	60
tcacacccaga	atgcagcacc	caggccagat	gctttggggc	tggtctctgc	tcatacagata	120

tggactggac agtatttata gctctatctt tgggtgggaa ggttggaaa aggtgattt 147  
 aagagcctgt catcatgaag ttcattgagg aggttgatct gggtaatgoc agggcagaca 148  
 aggtgttttt accaa 149  
 Name: T121 Len: 213 Check: 9D1  
 acaagatttg catcaattac tgcctgaacn tgcctgtgat ttcctgggtt gatgttggag 150  
 aggaaccara ctgcttccct attaatcttt tottttggat gattgaggag tgcctgggaag 151  
 tgtgagagag catcacagtt taaaactact tgtgtttgct catcagttcc agtgacaatg 152  
 ttgcccacaa ctgcagttgc agcagtttga actttaactt cctgggtggtt gattagccgg 153  
 aacccaattt ggaac 154  
 Name: T122 Len: 213 Check: 0DE  
 acaagctttt tttttttttt tttttttttt ttttgggtga acccttgacc tttattccatg 155  
 tccctccctn ccacacnagna aagtcacatc caaggtctact acccaagaca gaaaccccag 156  
 tccctatctt anactctctt tgtgagccna aaatatataa agtgcctggtt tctaattatgg 157  
 ggaaggccna accgaactnag aaccccaccc ctgacaccca tcaggaggag gagcccttgc 158  
 anaaaaaang gcagg 159  
 Name: T123 Len: 255 Check: 7CE  
 tcaactttgt atgggtttag ggcctctacc agagtcccca ccaagaagtc atatctctag 160  
 tgcctgaagac accactcagc ttggggagttt gattgacttg gcttccctgg gcttgagctt 161  
 tgcctgttga gaaaagggaag ttctctgata aaaaagccaa ttttccctcc cactgtctcc 162  
 caagacaccc ctgtcttctgt cttgttaccg ctgagagttg catggggcac ttgtctaaaa 163  
 attcagcttc ccaga 164  
 Name: T124 Len: 213 Check: 1AE3  
 tgagacagtt gattgttgtt ggtgggtggt tttctctagc gtttagaata gccatcattg 165  
 tccctgaata ggcagagcta tcaagctccg gaaaaatgag ggaaccaga ggcagcgtga 166  
 gatcccaata cagcattcaa aggtaatggt tccagtggtt cctggggagg aggaagggga 167  
 tgatactcca ggttagcca tttctctctg gagggtgt 168  
 Name: T125 Len: 255 Check: 171D  
 tgcaccagtt cgggttggtt ccattcagac agaggccagt tcagaacttc ccagatgacg 169  
 gtccccccta ggaagctgoc aaccaggacc ccaacaataa cctccaggga ggtttggacc 170  
 ctgaaatgga agaccccaac cgcctccccc taggcctgga agtgcctggac cctgagcata 171  
 ccagcccttc gttcatgagc acagcatggt tagcttcca gactttcttt gcctctcttc 172  
 ttccgggaagg ccac 173  
 Name: T126 Len: 255 Check: 272  
 tctctttttt tttttttttt tttttttttt ttttaaaaag aaatttttgc ctttattaaa 174  
 atggctctag gccttaata tgccaatttt ggaatcaca ttattgnttt aataanaaac 175  
 gactntacag aagggcnaaa ntggaccaac ancttctttn ttcttttann gngnnaacca 176  
 taonggntgt aacnanacaa gcanggonag gnathannnta ncccagnatn ctatcttttt 177  
 taaaacccaag nnttn 178  
 Name: T127 Len: 255 Check: 574  
 acccctgagt ctgagctctga cacagcaggn aaacgggctt cctgtttgga agcacacaga 179  
 anctgcaaat ggtggacagt gctggcaagt cgttgggttg tgcctgctct ctgcgggcta 180  
 ctgcgtctct tgaaccagac aggggtgag gtagcccatc gccctgactt tagtcaactg 181  
 cttacagct ctgaccacaa agtccatctt tcaaggcttg ctgcctcttc cctgggttgtg 182  
 attcttattt tagtt 183  
 Name: T128 Len: 255 Check: 2C8  
 cctgagctct agtctgacac agcaggttaa cgggtctccc tgttgggaag acacagaagc 184  
 tgcaaatggt ggcagctgct ggcaggttgg tgggtgtgct tgatctgctg ccggctactg 185  
 cgtctcttga accagacagg ggtgtaggga ggcctatccc ctgaatttag tcaactggctt 186  
 accagctctg accacaaagt ccattctctc ggcctgggtg cctctctccc ggttgtgctc 187  
 ttcattttag ttacg 188  
 Name: T129 Len: 255 Check: 1B27  
 tctgactcat tccaggagtc tctcccaact gtcaggtttg actggagtag cagtggcctt 189  
 actaaccttt tagatgggtt gactccagag ttgtaatgaat taacaactgc taagctggag 190  
 accctccctt caagcctcag agtgactgac gcaatttgcga agctcatgct tacagtggaa 191  
 aagaacagga cgtcgaccag gaaaccacaa agggaggagc acctaaagcga ggaggccgta 192  
 aaggtgagctg tcagc 193  
 Name: T13 Len: 255 Check: A17  
 agctcttttt tttttttttt tttttttttt ttttggtagg taatcaattt tattaactctg 194  
 tgccttggca agacatttgt cctgagaaaag ttcaagacac actgacatag tagggagaaa 195  
 gatccatggg aaaaatggaga tgggatttgg gttttgaagg actgtagcaa aatgtcaagg 196  
 tccctcaga aaggaggttt gttttgtaag ttaattaaaa gttgactgct ctgtaattgc 197  
 agaagttgta cctgc 198  
 Name: T130 Len: 255 Check: 209

atgttgatga	atgttgatga	atgttgatga	atgttgatga	atgttgatga	atgttgatga	6
gggggaacatt	gtaggacatt	taagtctctc	tgccaatgtg	gcaaaaaaaa	aaaaaaaaaa	120
aaaaggtgga	gaggggtggg	ggtgggttag	aaaaagacaaa	acaactgaca	tcagggttgc	130
cttgcccttg	cactgggggtg	gocctacctc	ctgttacagg	tgcaataactg	jaggacaggt	240
actotaggca	tgggt					255
Name: T131	Len: 255	Check: 24DB				
acccaccact	cagccaaaag	ctgtctcaag	aagtagncaa	cacacanctt	gcctgggnac	60
gccccaaaaa	ngcnayanaaa	gagcnantaa	ttcnanntta	tgnaatcon	ttgggtggaa	120
gaactgttgc	aaantttcan	cctttnaana	annanggtt	gnccnagaat	tttctcnctn	130
aattgggaat	nggggttcan	tnacnnnngn	ttgntnctna	atgntaaacc	cncttttnaa	240
ccnncocgaa	ntctg					255
Name: T132	Len: 255	Check: 6CC				
acatctacaa	aaggaaaaagt	gacggtatct	acatcatnaa	cctgaagagg	acttggggaga	60
agctgttgtt	agccgtctga	gtattgttg	ccattgagaa	ccctgtctgat	gtcagcgtca	120
tctctctcag	gaacaactggc	cagcagcctg	tgctgaagtt	tgccgtctgnc	acaggagoca	130
ctocaattgc	tggccgnttc	acacctggga	ccttcactan	ccagatccaa	gcagccttca	240
gggagccctg	gcttt					255
Name: T133	Len: 255	Check: 135E				
acggagacat	tactgaggac	cagctacatt	cctgtgagag	cctgaaggat	actattggca	60
gggcaatgoc	cttctggcat	gaagaaattg	tcocccagat	caaggagggg	aaaagggtct	120
tgattgtctc	ccatggcaac	agctacggg	gcattgtcaa	gcactctggag	ggtctgtcag	130
aagaggccat	catggagctg	aacctgocaa	ctggcatccc	catgtcttat	gaactggaca	240
agaacttgaa	gcccc					255
Name: T134	Len: 255	Check: 85				
acnnggaccc	caaactgagg	actgagatnn	cnagaacccag	cttctctcagg	gngtnggtnc	60
acccgaaatc	ctgaattctg	gatnctnnct	ccctnttccc	cactgaggaa	anttacgaga	120
cttaggacat	ctcaaacggt	gcatttcaag	ggggccanga	gctnacatcc	ctgngacccg	130
gggatnttgg	acctgaactt	tgtctaaaaa	cccaacccag	acttcaagac	ggttctngac	240
actgnaaaca	ctcan					255
Name: T135	Len: 255	Check: BE8				
tgtaaaggaa	tcctggggag	gctccccagg	aaaatcacag	gtctctccac	acttgcttga	60
aacattggag	agtggagctg	tagcttccct	ctctggacac	tgttcagggtg	gcttccctaa	120
gocctacagaa	gtctttactc	tgtctctctc	gggtctgaag	gcccggggcc	agtgtctcag	130
tttctctcag	gactttgato	tcagaggctg	tcttcatttc	ccaggacaca	gaagtattaa	240
gcaacttata	actaa					255
Name: T136	Len: 255	Check: B2A				
acaagctctt	tttttttttt	tttttttttt	tttttgattc	tgataggggag	aanatggcca	60
aaaggtcncc	antgocaggo	atctgggcat	aaaaatgggt	atggacaaca	aggontagga	120
aacaaatgat	anaaagttag	aaatttaaa	ngtatgtttt	ggggaggggag	gtgctggcga	130
aagggtttac	agatagcatg	anacnnnagn	ggttttgatt	ggtgtttctg	gctgggcaatt	240
acaggtcttg	gacat					255
Name: T137	Len: 255	Check: 1E71				
acttatgaaa	gotccaaagag	ccaaagaggt	gactctcaaa	gtattgtcac	cttcgacctg	60
gctctagatc	ctggccgctt	gagtcctctg	gocattctca	aggagacaaa	gacacaggcg	120
ctgaactaa	ttagaacccct	gggtctgagc	agtcactgtg	aacctgtgac	gctgtctctc	130
ccggcctgtg	tggaggactc	agtgaactct	atcaactctg	gtctcaactt	ctctcttgtt	240
ggagtgcaca	ttcct					255
Name: T138	Len: 255	Check: AA0				
acagatgagg	agagctcaca	tttagccttc	tcagcagctt	ccggaaccc	ctgaagtggc	60
atgttgtctt	tggccaaatc	aaocccctgc	tcctctctga	actccttgac	aatgtgccgt	120
aacaaagctt	ggtcaaaagg	ttcaactcct	aaajaaagtgt	ccccatttgt	ggatttcacc	130
tcacacactc	ctttctgaat	ttccaggata	gaaatgtcaa	aggtgtctcc	acctaaatca	240
tatacagcaa	tgaat					255
Name: T139	Len: 255	Check: 17B5				
acatctctct	tgtgtggcca	caaagagctc	ccaaaaatgaa	acttcgctaa	ctccagcagt	60
tgtttatggc	aaacacctcc	agcagcaycc	agcagcttcc	ttggctccctt	ataatgtgtg	120
gttatctagt	ccactaaatc	cttacggctt	atagatttga	tgtctctgggt	tggctccaga	130
attgtccctc	cgagcgcctg	gttttgatag	gctgtggcgt	gcagataatc	aaagacaact	240
tcttgcaagt	tgggt					255
Name: T14	Len: 255	Check: CD6				
actgtttgaw	ttcatggact	ctgtttctga	cttgaagagc	aaagaaaatta	aaagagcaac	60
gctcaatgag	ctggktgagt	atggntccac	tagccgtggk	gctaattgtt	gaatcagcgt	120
attctgatat	tgtaaaaatg	atcagtgtca	acatcttccg	gacacttctt	ccaagtgtata	130

Name: T140 Len: 255 Check: 15A1  
 tcnogagggg ccgnccgggnn tnggcacgtg aacgtgagag aagctgtgct tggggggtac 60  
 gacactaagg aagtcacott ttatootcaa gacacccctg accaaccctt cacagcactg 120  
 gcoctatgtgg ccacccacaa gaacccgtggc tacctggggc ctgctccaga agaggtcatt 180  
 gccacccaga tccctgtgtg ccgagggtta ctctggccac aaccttgaat acttgggnago 240  
 gnttggccagg acctc  
 Name: T141 Len: 255 Check: 126  
 acaaaaaagct gagggtgttc tcaggcaggg atootccggg accaggtgag gaagaatttg 60  
 aatcttggat gtttcatact tcccaagtaa tgaaaaatg goaggtgtca gatgtagaga 120  
 aaagaaggag gctgatggag agccttagag gccacgatt cgaaattatt cgagtcctca 180  
 agataaaabaa cccgttccatt accgttgcaag aatgactgaa gaogcttgag acaatatttg 240  
 ggattattga taatc  
 Name: T142 Len: 255 Check: 1FCF  
 acaagctttt tttttttttt tttttttttt tttttgtt ggcaaaaatgt tttattccga 60  
 ataattttat tgggagtcac ataaatctca ctctaggttt tacacaaaaa cgggaagttac 120  
 atagctgcaa atcccagctc tcccttgaaa atacattcaa gttcataaca aatgttaatt 180  
 gcaattaaaa attaaatagg atgtgaagaa aggatgcaat ataaagacac tcaagacott 240  
 tccatttaatt ctgac  
 Name: T143 Len: 255 Check: 1F70  
 caccbcccc agatggaggc tgggggtggg cgggtgtagt tggagccttc atttctattg 60  
 tttctoota tgcatttccc aaatccatca ctgncttctt taaagacatt gaaattatat 120  
 ccagtgcac gaccagtcaa gtgtcatgga tatgttccat catgctgggt gtcattgtatg 180  
 ccggagggtc tatcagcagt atcttggtea ataaatatgg cagccgtcca gtaatgattg 240  
 ctgggtggctg cctgt  
 Name: T144 Len: 255 Check: 1F33  
 accctggagca cgtgttccgg cagccagccc aagagctgtt tgggaatccat gtggctgacg 60  
 tccctacca acccatggag aacaaggact tccaggaagt gacactggag agggaaggcc 120  
 aggtgctgtt gcgcttggct gtggcctatg gcttccgcaa catccagaac ctctgacaga 180  
 agttaaaaag aggcctgtgt cctaccatt acgtgggaagt aatggcctgc ccttcagggt 240  
 gcttgaatgg agggg  
 Name: T145 Len: 255 Check: 277  
 accctaatat caaatataat tttattgaaa acacacaaaag caaagataat tgttataaaa 60  
 agttgatcct taggatgatt ttaagggtcaa ttaattcagt gaaagacott taaatcaact 120  
 ttagcagcta tccatggtaa tctttgttg tttcttgatt aaaataattt gcttccgtat 180  
 aacagtggat cgtcattggg agtgggttgt atcccagtg agactctgtc caaaagaact 240  
 gatctattta caaat  
 Name: T146 Len: 255 Check: EB3  
 ttctggcttc gagcggccgc ccgggcaagt accctcaatg aaatgcaagt tactaagcgt 60  
 gaacgggttt gctttttcac gtgattaaga cctcaactca aactgtagaa gcttttcaag 120  
 agccatatta ctctcctgat acttcattaa tctccatcat gtatgccaa cctgacacat 180  
 gtgacagaga agacaatgtg gcttgcctct ttttgaatct aaagataatg catgttttac 240  
 agtacctcgg ccggg  
 Name: T147 Len: 255 Check: 11FF  
 actgcaaaaga gccagagggg ccttagaaga anctngggnt gtgocaggta agaaccctac 60  
 agaatatcat gccagcagn tttatttga aaataagcta aactgttatt ggaasagctt 120  
 tgaagggaatg agacagatgt tgcctacaga acagctttct aagcaacaaa gtaatgatgt 180  
 ccgtaaaacc agaaaacgtc ccagaaataa aaatggcag gtgctggaaa aacgatggcc 240  
 agacactctc agggc  
 Name: T148 Len: 255 Check: E2C  
 tacatccagg acctctgagt ccagaaacac ngccaatggg tgtcagggtc atctgtggac 60  
 attgcaagaa taactttctg tggacagaat tccagacgg aaccttggca cgtatgcctc 120  
 actgcaagaaa agtgcacat attgggggca gatattctag gaagagatgc atttgcctgt 180  
 tcttacttgg gttactctg gcagtcactg ccactygctt tgttttggc gcattggaac 240  
 ctgncacga atatg  
 Name: T149 Len: 255 Check: 19A2  
 acaagctttt tttttttttt tttttttttt ttttghctt ataaatgaag cttttatggaa 60  
 aaaggctgtg tgaactagat ttcataagga ccaggtttgt aacaatgta acagttccat 120  
 agagaaccac aaatgcctaa catagcatct gagggtgtat ttgagaagtt tattccaggt 180  
 tccacgaact ccagaggaaa cattaacaca atatgaaaag acgaaagaaa gaaagaaaaga 240  
 aagaaaagaaa gaaaq  
 Name: T15 Len: 137 Check: 1BA

Name	Len	Check	60		
Name: T150	255	314	60		
accacacatc gagctggcta	ccaaggtgco	catgacatgt	tgctctatga	caacgccccaa	120
atcggtatcc gccatccbaa	catcatctgt	gactgttgga	agaacacatgg	gcttctgtgac	140
atcggttgga agtgcctgt	ctgctttgac	tatgatctct	gcacgcagtg	ctacatgcac	240
aaacaaacatg accttaacca	tgctctogag	cgctatgaga	catctcactc	tgcgcctggt	255
accttgagcc cccga					
Name: T151	121	1774	60		
acattaagac aacaggtgat	catttgcctc	gcaactgccc	catgtcaact	tggcagtcac	120
tctaagggaag gaaggaaagg	aagatagaag	aaagggaagga	aggagaggga	gtcagttctg	140
Name: T152	255	28F	60		
acaagtgact goctgottag	tggtgcacgc	acctgcactc	gggtttcctt	gntttgcagg	120
ggctctctag aacacgtata	atgaattcaa	gcacaggcag	aattgttttt	gacaatgagt	140
cgctgttccc cagatctagt	gtgtttctgaa	aatggagaac	ctgcctgtnt	tggtctctca	240
acagaagctg cccacaggag	gcaggacagt	gotttaggta	ttcagataga	ctgatttctg	255
gacacagcta onngt					
Name: T153	255	1359	60		
acctctctca gtaacaggt	gaaggaggca	aagtagaaca	catagaccat	tcccacbaac	120
agtgccagaa acatttggn	ccctggggct	gactgaaagc	tcapctctcg	atctttcaga	140
agcactcaa acatttcag	agaacaaata	tccagccacc	agccacagat	gagagggaac	240
actccaattt ctaccacaac	taacagagag	acottaacca	caatatagca	gaagccacgc	255
aagcgagagj accta					
Name: T154	255	ASF	60		
tacatctttt ttttttttcc	cccatagtt	tgctatctga	ttttgttagt	ctgacttctg	120
tagtctttt cagcgggtaa	tctgggagcg	agtgctatcc	ctcctctctg	taggtatgta	140
atgaacccct gccctcacca	tgactccctt	tgaaggctgg	ttcttcacgc	tatgcttgat	240
gttgcctctg acaggttctg	ggacctatgg	gatggggatg	acatcactat	cagttaggcca	255
agttcttata gtagt					
Name: T155	255	271	60		
ccacacngc cctgcacgaa	gtagggaccc	cacactagat	atccctcttt	gtaaagcaag	120
agcccaactc actggctatc	tgattctcac	ctctcttttt	agtcagagga	acagtgtgac	140
cccttggaac gagatttata	aagagggcct	tcactgcacag	aattctgggg	cctgggcacag	240
ctccctgccc aggagctcag	cttgcctctg	agggtgggt	gtgacatgt	ctgcctccgg	255
ctgcctgggag aagct					
Name: T156	157	30B	60		
gacataaag cctggagatg	agggggctcat	tcacttgct	aaactccaga	cagagaaacc	120
gtcctccagg ctttaggact	cgatgggttt	cctggagagc	cggtccaatg	tgcttgacat	157
tcgggatccc aaaggcaatg	gtgtaaacgt	caaatct			
Name: T157	255	182	60		
cccgggcagg tactaagaat	ggactggggg	ccctcaggct	gotaggcaag	cactctgtta	120
ttgagctgta tcttcagctc	gtaaaatgag	tcagttaagg	tggttgcatg	tgggagcctc	140
taatccaata cggctgatgc	tctgacaaag	gagtaaatgt	gtatctatct	ccctgagata	240
cccacacagg gaagatgcgc	tgtggacttg	aaggcagaga	tcagaacaat	gtatctacaa	255
gccaaaggaat gccaa					
Name: T158	127	1A57	60		
gngcttcacg tggccttgga	gtgcttgaga	gtgttgagg	cttgccttca	gcctgttaca	120
ccaaaacttag ctgataagtt	gctgtccaaga	ctgggagctc	ctaacacaga	gagaagcctt	127
ggagagc					
Name: T159	255	BOA	60		
acccctcag atcaccagcc	tcaagaagca	gcacajtttg	agaggaaaga	tgaacccaaa	120
gctgaacaaa tggaaaagcc	tgaagaagag	agtcgggtcag	aaaacagctc	ccagcccaag	140
atcccccaga caggggacga	aacgggtcct	gcctcccagc	aacctctgac	acagcttctt	240
ccagacacag cctctctctc	cctcatctcg	tcaactnctc	tttctactcc	taagttctgg	255
ctcacggggca gntga					
Name: T16	255	28B5	60		
actgcttttaa gatgcaacag	aagcagggtc	gatgggagca	tctttcttga	ggagggctgt	120
cttgctccagg ctattctccc	tgggggaatg	tgctgggttt	cctcgagggg	aagatggatc	140
ctcattggac acatcaacta	ccaagttgtc	atcactcttc	tcacacacac	tgctcatagcg	240
agctgcaatt tctttctctt	ctgtttttctg	ctctttgtct	tctgaggaat	agttctgtaga	255
gtctctgtgt ttctc					

Name: T161	Len: 255	Check: 1470	
attatatttg	ggtatctcac	ggtatctgtd	tttggggtta
gtatcatctc	atagatctat	cgagggtctt	atcaagagac
ctctgtttaa	ttgggtttaa	cttctctata	gaggataaag
tgctctgtca	catataaccc	ggagcaagtc	acgtatttta
gtgtccacag	taatt		
Name: T161	Len: 255	Check: 2600	
cacaagtggg	ttcacaggaa	ttccaaaggg	agtcattgac
ctctataaag	gggtatggga	gaaggattcc	anctctggga
atatttgccc	ctggacacatg	ttctagaatt	aaagctggag
atgctggatt	ggtactctct	caccacagac	attagcagat
aggaagcaaa	ggaga		
Name: T162	Len: 255	Check: 1242	
goggtggagg	tacttggtca	ggogctcaga	tggtcagggg
agtgacagac	ccacacacca	ggtcggcaat	gaaagtgttc
ggacaccttg	acacccagac	cattggactg	ggccagctta
cacagagcca	atctgggtca	ctttgagcag	gaggtcagttg
cttggtgacc	ggttt		
Name: T163	Len: 255	Check: 152A	
acttgoggtt	gngcagagca	notaaggcca	cgnggtttga
aaattgctng	nottgaggaa	aaattcttta	aagcaaaagga
agaagctnct	ccagatccat	gctctaaactg	aaggggaacc
acagctccag	tttgcccttg	gcttatgggtg	ncaccagctc
ccgggcccag	naactg		
Name: T164	Len: 255	Check: 1351	
ataaaaatgt	aagatatgca	aactaaagtt	cttttaasta
atacttgctt	cttgcatatc	gcagctgact	gcatgtttct
ccatttgagag	ctgatctctac	ctaggagaag	gggtgacttc
ttttcttagc	atcccaaattg	cagggtcatag	agccaggagag
gttgctgtag	gcacc		
Name: T165	Len: 255	Check: 22BA	
ctgggttgcc	acctcagctt	gcttctgccc	apcaaaagtgt
tggtagaagac	atgagctggg	gaagagcaaa	ccctacatgc
caaagagtgg	ngtgtgttag	tgcttgcccc	agctagactt
ctagctcttg	aggtctcaat	ccagcttttt	ggttgccacc
gggtccacaga	gccag		
Name: T166	Len: 255	Check: 13D	
accaggggac	caggttgggc	aggatgaagc	acatgagcag
ttctctggaa	catcaccagc	ttctcagctt	ttaggctcaga
ttctctttgac	agccgggtgt	ttgctgacaa	ggagccaacc
cacggcgggg	gttgtgaggg	tggtcagttg	gtctctgaga
ttctggggccc	atttg		
Name: T167	Len: 255	Check: 16A	
ctgattccag	gattcccaag	aggtattttt	tggtcatctc
tggtgtctca	gggtatcaat	ttctcttgag	tggtgactcg
ccaagaccaa	gggtgcaagg	actgtctctt	catccatcta
gttggtacac	tggtgttaag	ggcagggaca	gaggttgact
agcttgtaag	aaaaa		
Name: T168	Len: 255	Check: 1731	
acatccctct	ttctctgtta	gtaaggtttg	ttaggtggag
aagccctctt	cattgcaacc	tgaatgaatg	aagcaacaag
taatatgtca	gtgactttac	tggtcagaca	tggttttaaa
ttttacaaat	ttctgaaaaa	tgtaaatcat	ctaatttcaa
tggtatttgc	aattg		
Name: T169	Len: 255	Check: 1752	
acttttccgc	taggtcttgn	caaataaaca	agnccctcac
acccctccac	aggattagac	catgtccagn	ttctgnaacca
gccccanagg	gtttctctct	ttatccaggg	ctaaagataac
aggnnccctn	atgaanccnc	ncanannnn	anaacccctt
ccnggctna	angga		
Name: T17	Len: 255	Check: 2634	
actgtggatg	tgaatgtggg	aagtaatttt	atctatgtgt
tgcagtaact	cttgctgttc	tatttaacaa	tgcttggttg

ggatgagatg	atggtttgtg	gaggaagag	gaggaagag	tatttgaatt	gaggaagat	180
atgttgaag	tttgaggttg	gaaatgtaa	actaaaagac	ttaattaaaag	ttgttgaatt	240
ttgtataatg	aaagc					245
Name: T170		Len: 255	Check: 246U			
acccgtggaga	tggacotgtt	cggygcagcaa	cagcttgttt	tggatttccc	aaatotttccc	60
tcagtggttc	tcattgaattt	cccttcaaca	aagtaaaaaag	ttctctcaat	ggaacatttt	120
ctgttgat	gctatcttca	gagctaaaag	acngcacttc	atttncagaa	agtaattggtg	180
agcttgayaa	agagatttgt	gagcaagcgg	atnaggacag	cattgagac	cgnccanaga	240
gcaacggcaa	aaing					245
Name: T171		Len: 255	Check: 250B			
notttottan	atcacagagg	gnatctgtg	cacactgcaa	tgtatgaact	gcttccataa	60
ancatcaant	aagaaaggcc	caanagtang	atgctgtttc	ttttaaaata	atttanaata	120
tattacaant	cctaaggcag	attttgtgtg	aggcgggtgt	gaataggtan	ctgntnccgn	180
ttgcaaaagaa	cggtgcttgn	aaggncttgn	ctgntctgna	canttgango	ggnggggtaaa	240
ttccctnagg	caanc					255
Name: T172		Len: 114	Check: CFC			
ggagtctggc	tggtttggga	gctgggtgtg	ccctggggatt	tttgtatttc	tatttccagag	60
atccctggaaa	ggagatcacc	tgaaaacact	ttgtgcagta	ttacctggcc	cgag	114
Name: T173		Len: 255	Check: 185B			
ntatntgttt	ntangatttc	nngagatttn	tngagaggatt	taacttgctga	cttgtatttn	60
tttttctntg	atnccnnntg	gagaagaatt	ntatcangtc	tttnggaath	ccttaccaca	120
ttgggaatat	tgtctcangc	tttttgaatg	ngtgttggt	tttnnannat	nttgnctngn	180
nonnangatt	ttagngatnc	gttgctttta	ncagatnng	nttctntggg	tottantttg	240
nanccggaatt	ancca					255
Name: T174		Len: 255	Check: 10BA			
acnnnartgt	gngttnctgg	cttngntctn	aaactgnnac	tcattgaagg	gnctctggnc	60
anacnatatn	acgaatggac	gccttcaaaa	atgtccctac	acagnccang	gtggcctacc	120
ggnactgggt	catntgtgcg	gatttgtatc	ctataggttt	gggtttctct	ggagacccca	180
ctgggctgga	aacaggcgctc	tagaaaacga	tcgtctgtgg	cagctatgga	tgaagtgaac	240
ttagagctgg	gcacc					255
Name: T175		Len: 255	Check: 977			
gcaagcctct	tgttcagaca	gttgaatgtg	gctcccagga	ggcccccaat	gacccccatc	60
acgacgaaga	aaoccaaata	catagctgtc	cagagatgac	attttttatc	agagtcagag	120
cactttaaatt	caccaaaagt	cagcagttca	ggcagctgga	aggaccccca	acttncaaaac	180
tgatctccag	agcggaagaa	gttjaggggtg	aagggtggcag	acatgggaaca	gaagagcaact	240
ttccacgtga	gtccc					255
Name: T176		Len: 255	Check: 60			
accaggtccc	tngggagttg	gogggtcagc	ctgtgcactt	gaagcgtgac	ttcttccctgg	60
ccaatgcttn	tggggcaca	tcagagcaact	ttatcaacct	tcagaggttc	agtaacccga	120
ctccctgtcc	gcctgggggag	tatatagtgg	tgccttccac	cttcagcccc	aacaaagagg	180
gtgaactttc	gtgtgccttc	ttttcagaga	agaaggctgg	gaccagggaa	ctagatgacc	240
agatncaggg	ciacc					255
Name: T177		Len: 255	Check: EC			
agctgagagt	agctttcagc	cttccactca	cagagctccc	tgagatagag	cccaggtcct	60
ggagcatctg	ctgccacaca	taagacacac	ccagctctct	ctcacagatc	ctatctgtgtg	120
ggtgttgaga	gcagaggagc	agctacaaga	atcagtattg	tgggtcattc	cagtgtttat	180
tgtaaaatgc	aagtgaattgc	catttaacct	catgatctca	atgtctgtctg	aacgaccaga	240
cagggcctat	cccag					255
Name: T178		Len: 255	Check: 1B7D			
ttagcttttt	cgcgcccgag	gnacgcccac	tgntcggggg	gctnttgaag	gggaaggttt	60
ngggcngaca	tcacaggnac	cttccngggg	cccccctggc	cactctgnaga	gagcacaggc	120
ttctacgtca	ggctgtgtga	ggtttttana	ctgtgctttn	ccttangnnn	ataaganctg	180
gaonnanagcn	nonnnnnagn	nnqntaaaaga	aaatggntna	nnqntctoga	accaangctn	240
aaattngngcn	tntga					255
Name: T179		Len: 255	Check: 1BBD			
atccactggc	catggatggc	ggttttttgt	tttgttcagg	ctgttgagaag	ttcacagctg	60
gtcagctgac	ttttcttttc	ttagagaata	acctctcaaa	tgttttctctg	tgtctccctga	120
gggcctnctg	gctggntgca	ggtttctgtg	ttactgtgtg	tctgggctgg	ctgggtgtct	180
gttatccact	gatagaaaga	atagaaaatg	ttctactct	tacctgtcta	gcgttgagta	240
gtgttaaatc	ctata					255
Name: T180		Len: 255	Check: 2247			
acaagctttt	tttttttgaa	aaacaactctg	gaatttttat	taccttctct	taaacagttg	60
ccaggcccg	agtcacagat	aatagaaagg	cacagtgttg	cttggttt		

tgatggtgtt	tttttttttt	gaattttttt	tttttttttt	tttttttttt	tttttttttt	130
tttttttttt	tttttttttt	tttttttttt	tttttttttt	tttttttttt	tttttttttt	140
tttttttttt	tttttttttt	tttttttttt	tttttttttt	tttttttttt	tttttttttt	150
Name: T180 Len: 255 Check: 567						
acaaggtttt	tttttttttt	tttttttttt	tttttttttt	tttttttttt	tttttttttt	160
tatgaacatg	aagcatgtat	gtttatttag	actgaatttt	cttaaggnca	acaacotcaa	170
ccacacatag	gnccctatat	cognccctct	natgttgaca	caatcacatg	atgaatcagg	180
acggcgttaa	gagctgnatc	tgataacttc	agngnaaaac	acaatgngtt	atattcggat	190
tttttttttt	tttttttttt	tttttttttt	tttttttttt	tttttttttt	tttttttttt	200
Name: T181 Len: 175 Check: A9A						
gattggggcg	gcccagcccg	tggggtcggg	acacaggtct	caagtgtttc	tgtagtttgt	210
aaacagtcac	gcagacgggt	ctgggttttt	ctcacagggt	gtaagggtca	ggctgtccat	220
tcaggtggag	agggataaag	gagaagatgt	ggtaactttc	gtgtgctaag	gacgt	230
Name: T182 Len: 255 Check: 1CA0						
ttagctgttg	tgcgggcga	ggtacttaac	agatgttttc	aaagctgggt	ccagttagt	240
ctatgtcttg	gactctgtag	atagactaga	tttcaaaagc	ttgccccttt	gctgnagcag	250
gaataatggt	ngntctatc	tactggacan	cngtgactta	tggagcagtg	acngngatgc	260
aggtgttagg	ccataaagaa	nggtgggag	ttatggagcc	gagctgaccc	tttatttctt	270
ttgattggac	ttctt	tttatttctt	tttatttctt	tttatttctt	tttatttctt	280
Name: T183 Len: 255 Check: 204F						
atggagaaat	ttgctccta	ctgctcact	gaaccaggaa	gtgggagtga	tgttgcactc	290
ctcttgacct	cagctaagcg	acaaggagat	cattacatcc	tcaacggctc	caaggccctc	300
atcagtgggg	gaggtgagtc	agaagcttat	gtgttcactg	gcagaaactg	tggatcaggc	310
cccaaaggta	tctctgcac	agtgtgttag	aaaggaaacc	ctggctcag	ctttggcaag	320
aaaggagaag	aggtg	ctttggcaag	ctttggcaag	ctttggcaag	ctttggcaag	330
Name: T184 Len: 255 Check: 2237						
acttcttcaa	ataacagagg	ggatcctgtg	caactctgaa	tgtttagcact	gcctccataa	340
agcatcaatt	aagaaaaggcc	caagagttag	atgtctgttc	ttttaaaata	attttaaaata	350
tatttaacttt	cttaaggcag	attttgtgtg	aggggtgttg	aataggttag	tgtacccgt	360
gccaagaagc	ggtgtttgga	aggggtgttc	tgtttctggc	agtggagtt	ggagggtaaa	370
tccctgtagg	tcaag	agtggagtt	agtggagtt	agtggagtt	agtggagtt	380
Name: T185 Len: 255 Check: 212E						
acttgagtta	tttgggtttg	ttcacctgtc	tcacagagatt	tttggctttt	tgggcagaag	390
cccattgacc	agactgtggg	ccatcttagt	ctgcatggag	aggtggcagc	cggagtgggt	400
gtggcccttg	ctaccaaagcc	cctgacagcc	cgttaacagg	aggatggtgg	tttgacttt	410
cttcaactca	aactagtgca	gttgacacag	tggctgtgtg	ttcactgtcc	catgaaactg	420
cttctggtgt	ggtgc	ttcactgtcc	ttcactgtcc	ttcactgtcc	ttcactgtcc	430
Name: T186 Len: 255 Check: 110A						
actcggcttc	cttgttttag	ggatggctca	ccacactcct	ctgttcagaa	actctcaggg	440
gagctgtctt	cctgaagcac	gagctccaca	ccgcttggtg	ggagaggagc	ctccgggttc	450
tctgagagct	tctctcactc	ctctctatga	atgggagatg	atggagacog	cagggtgctg	460
tctggagact	tgtctgtgtt	cttgccttcc	tgtattccat	tttctatgat	togatcgagt	470
ccagcaaggg	gacaa	tttctatgat	tttctatgat	tttctatgat	tttctatgat	480
Name: T187 Len: 255 Check: CB3						
acattctatg	gagtgaaccg	cagcagcaac	aggagggtca	gtttttcttc	cagaacctat	490
aaaaccccag	tgtatctgac	aagcaagtga	acaccgaggc	tgtgaaaaga	aacaaactat	500
gttacaagcc	ataccttaac	tatttcagac	nataaaaaaa	aatgaacaga	aacagaaaat	510
caaaccttta	tctcatgntc	tttttcccta	gaaaattaaa	ctaagaataa	aaggcatttg	520
taaaggcaat	anagt	ctaagaataa	ctaagaataa	ctaagaataa	ctaagaataa	530
Name: T188 Len: 255 Check: 3B4						
actttgaata	cagcgatgac	caaaaagtgc	aaaatacaaa	gataactgca	ttccattgca	540
gcactgttcc	aaaacccctc	tgagtcaaat	atgggcatga	cagttgttta	gatgcacgaa	550
actaccttga	aaaatgtctc	agaaacttat	gtgggtgtg	ataacgagtg	ttaaactctg	560
ctaaaaagag	cctgtccatc	ttccacagcc	ataaaaaatca	ccttggtcaa	ggacaggcac	570
atgagttagg	ccctg	ggacaggcac	ggacaggcac	ggacaggcac	ggacaggcac	580
Name: T189 Len: 255 Check: B03						
cgcggggccc	gagngtacct	ctcaacccct	gacagtccag	ctctggtctg	tgacctcatt	590
cgatacatct	gtggggtlaag	tcaccccttc	taacgaggtg	ctgagttctg	atatcttgcc	600
ccgattgggc	atcattggct	ggctcctgac	aaatgtccag	tcacatgttg	ctgctctcaa	610
tgcacagctg	gctttgtttt	atgactggct	gttcttcagc	ccagacaagg	atagcattat	620
gaacatagag	ccagc	atagcattat	atagcattat	atagcattat	atagcattat	630
Name: T190 Len: 255 Check: 1C24						
agaaggagag	cttcatgaag	ccctggaaag	ccggttggtt	tgtctgggac	aagaccaagc	640



accaggtgag	tggtggtaga	gggacaagg	aaacagaag	gaggtgtg	tgaggtgag	127
gaatgtgtgt	tatcatctct	accagctg	gttactatga	ccacaggtg	gacacagaat	128
gcaaggggtg	cattgacctg	gcagaggtg	aaggtgtg	acctggcaca	ccacacatag	129
gtgccccaa	gaatg					130
Name: T190	Len: 255	Check: 1B2F				
nnnnnnnnnt	ogggottano	ogttgggtcc	ogggcccgag	gtacacccgg	accggtggaa	131
gootgtggag	gtgttaottg	gtgtggccac	aaggtcataa	gctggagaaa	ccacotctgt	132
gagatgtcag	gtaggaagct	gaactgtctt	ggcttcagct	ggatcgaaa	gtaagttctt	133
atagattgnt	tcgttgagag	actttctctt	gcagtaggic	gaccccggtt	gggggtccag	134
gacacagaag	ccccc					135
Name: T191	Len: 255	Check: 2395				
acactctotra	cangggogaot	tctagatota	cnatgatgtc	actttntctt	ggaatattnc	136
tgctctgtgt	actagngct	tctccannca	tgaacccnna	atntnchnag	aagtngnna	137
nnatgnncnc	gtnggagctc	tgatgcctnt	ntttcaagnc	ttcttcacca	tangnatnat	138
actgtntctn	gnattcaacta	tctgacagaa	ctctcataagc	agcaccana	tcctgtaatt	139
gtctctgtgg	ctagg					140
Name: T192	Len: 255	Check: 66B				
accaactctt	gntctgtggc	ttctcttgag	tcagattcc	atttatgggc	ctctgtcaga	141
ctggctcttt	ggctggccaga	ctcccccagg	ctcagttctc	tttcccaatac	ctcttttctc	142
ttgggaactgn	gatctccaga	acctgctaatt	ctcagattct	ctctgggagc	ttctccaggc	143
ctcagctctc	attctgtgagc	ctcagctggc	ctgggaatcca	ngtctctggc	ctctgtctgg	144
ctctgctctc	agctt					145
Name: T193	Len: 255	Check: 423				
aggtacaccca	ttgagaaccc	aaggcacttc	gtggactcac	accaacagaa	gootgtcaat	146
gctatctattg	agcatgttct	agacggcagt	gtggctccgg	ccctgtctct	tcgggatcac	147
tacctgttta	ccgtcatgct	gtcagggatt	aagtgcacaa	cccttctgtc	agaaacagat	148
ggtagtgaag	caccagagcc	cttctgtgca	gaagccaaat	ttttccaggc	gtctcgactg	149
cttcagagag	atgtt					150
Name: T194	Len: 255	Check: 47F				
accaagctct	gntttctggc	ttctcttgag	tcagattcc	atttatgggc	ctctgtcaga	151
ctggctcttt	ggctggccaga	ctcccccagg	ctcagttctc	tttcccaatac	ctcttttctc	152
ttgggaactgn	gatctccaga	acctgctaatt	ctcagattct	ctctgggagn	ttcttcaggc	153
ctnancctcc	attttctgagc	ctcagctggn	ctgggaatcaa	ggnctctggc	ctctgntngg	154
ctttggctctc	cagtc					155
Name: T195	Len: 255	Check: 142B				
acatgtaaat	gactgtttct	taacccgaac	ttaactaccg	agcaaaaaat	ttataaagct	156
gcaaaaaaac	aaaaagcaaa	caaacaaaaa	ccagctttca	gcattacatt	ctgggaaact	157
gaagtgtctg	atcttattca	aagttttagt	tccttttttt	agttactaca	atactgataa	158
acaggatata	ctttatatgg	atcagatagc	caggatataa	ttctgttatg	tgaataactt	159
cattaaagca	aaaga					160
Name: T196	Len: 255	Check: 1424				
accagcgcaa	agcaggtctc	ctgggtgttg	ccgtattatc	tgacgtgtgt	ggtgaccaca	161
tcagacaaag	actgctatac	ccactgtctc	agatcgtgtg	caaggccctg	gatgacccct	162
cacaggttgt	tcgaaatgct	gctctgtttg	ccctggggca	gttttcagag	aacttacagc	163
cccatatcag	cagctattcc	gaggaggtta	tgccctgtgt	ctttacctac	ctgaagtcaa	164
gtgcttatgg	gaaac					165
Name: T197	Len: 255	Check: 100B				
caagcttttt	tttttttttt	tttttttttt	tttttttttt	tttttttttt	tggtctactt	166
naannnnnc	tttnnnntc	ncacnnnnc	caannctgat	entctncact	nongatnate	167
ngtgccttg	nnontgaggt	cnctcanna	gtntacgta	atnctctctt	natgcccnc	168
gaaccacttn	ttcagantac	tttnnnncnc	atatctncan	ctattccctt	gtnggttaant	169
gnccctgttt	cctta					170
Name: T198	Len: 255	Check: 23E3				
accatgtctc	agagagcctc	tggtttttgt	tcatttttta	tgagtttaat	cagattttct	171
taatcaggaa	ggctccttgg	gaccttcata	gtaagctgaa	gctgtctctc	tcctcactgt	172
agtgttgatt	tcaggtcaat	ggcgggcacc	cccccctccc	tccttctgtt	gaagtctctg	173
aacctgttgt	tctcaagtgg	agcgggcaca	agccaaaggca	ccaggtcatt	tcagtagcag	174
gatataccca	tctta					175
Name: T199	Len: 255	Check: 1622				
acaagctttt	tttttttttt	tttttttttt	tttttttttt	tttttttttt	ggacaacatg	176
tcacatttatt	aaaaaaaagng	taanatttca	atctgttaan	atttgacttg	taagcttttt	177
acacatttctg	atttttttca	anattttaaaa	aaoncaaggca	aaatgaaana	atttttttct	178
canaccantt	tatctgaatc	actgaaatta	aatgaagcct	gnggcctana	ctcagggggc	179

Name: T2 Len: 255 Check: 428  
 acatggcggg aacacccanga gtatngnaca tgcgagccccc agtccaaagga ccaggntcgc  
 tggaaagngca nccagcccag tgcacagca ggnccgggga agcngnctna nanatnccag  
 ccgottanac gcctttccac ttgggcaagn agacaaagga aggacacago naactacaca  
 tntccaaaac tacctaccat cnggaaaacc agtgcccgaa tgatgaagggt gaonngcaac  
 ggnnaatna ctcc  
 Name: T17 Len: 255 Check: 17CF  
 acgggatagt cagcgatggg tgcacgttc ctctttctgc ctctgttatg gtgttaccct  
 ccagccaaag gtctgccttaa attctgcccag gggtgttatg accgagtga caggccctgga  
 tctgtgttta aaaaactcaaa tacagtttgc tccaaagtgc ccaactgtccc cccaaggaa  
 ttggaahggo cgaatagcg ttattaatca ggaatactgc agtaatgagg attgtgtccc  
 cccccccccc cccct  
 Name: T200 Len: 255 Check: 5E4  
 acaacatgct gaacggggac actacccgoc acctcatgggt ctgctttctg tggatcatga  
 aaaaacgggga ccagagccctc atcaggaagt ggatcgccga cctgccttcc atgcagctca  
 acaggatctt agacctgctg ttcattctgtg tctctgtctt tgaatacaag ggaaagcaga  
 gttctgacaa agtcagtaac caggtccctgc ayaagtcaag agatgtcaag gccaaagtgg  
 aagaagctct gctcc  
 Name: T201 Len: 255 Check: 1966  
 accaaaagnt tatatatacc ttgtctaaag acacttaagc gtgactttcc ggggagaagc  
 ccacactgat gcttggggtct atctcaccoc tgtccgggac acctctctat cgaactgccat  
 gctctagatc taagtgaaaa atggcccttt agtaaatctc caattctgnt tcaactgttc  
 tctccatgaa attcttttct ctgtcaaaag cgaaggtctt agtgccctccg tctgogttgc  
 ccacaaacgg gtgag  
 Name: T202 Len: 255 Check: 680  
 accaagctct gcttctgggc ttctcttgag tcaagattcc atttatgggc ctctgtcaga  
 ctggctctct ggctcgccaga ctccccaggg ctccagtctgc tttccaatcc ctcttttctc  
 ttgggactgt gatctccaga acctgctaact ccagactctt cctctggagt ttctccaggg  
 ctccagctct attctcgagc ctccagctgt ctggaatcca ggtctctggc ctctgtctgg  
 ctctgcttca gtctc  
 Name: T203 Len: 255 Check: 500  
 accctgagga aaagtctctc tttagctggc annctctctt gaonnggtgt cttttgattt  
 cactcttctt tntaatnca cgtcaaatga ccactctctat tgatagagac ctgccccttc  
 agtctgtctc ttaggactgn ntaancatcc aggtatgct tgcagagac tacatgntca  
 ggtgntctgg gaatgagcac ccagctctgg ccagctctct gaatcatgtg gctgaggga  
 aagcactggc ctcca  
 Name: T204 Len: 255 Check: 1ABB  
 cccaaaanaag ccnngagnnn tngctcnat ctgcttgatc tntgnttgn tncannngt  
 ggacccagat gaacactcta attctgacag tgtccacact ggctatgagc ccactctnct  
 gctcgagga ctnaatggac tacyggctgt ctcccagct atcccatogg ctccctctca  
 ttaggaatc accactcag gcactctcag accgtctctn ccagccaggn tgtcccttgc  
 tggactgat cgaat  
 Name: T205 Len: 255 Check: 47F  
 acatgctctt gnnacagacg accaccatt atcatagac tttctacaa ctaccgctg  
 ccattggtga agaaggtgag gagyntcatg agccaaagaa cagaaatgga agbanaagag  
 gaaactgggt ctgttcaagc taacctcact ccagctcaca cngatgccag cctgagtcac  
 gagacccan ctctccagcc tgactgctcc aatcagaagg aggtgctctc cagtccacac  
 gaagatctct ctgct  
 Name: T206 Len: 255 Check: 501  
 aaatacctag ctttntcaca ggtcggnatc gogagggcaat ccanggtggg aagtccggta  
 agtcttctat ctgggntctg ntaaaactga aggaactagc aggcagttac cnaantnng  
 gcttgagcac tgnagntct cactatttnc cgaatcactc anaaaagnat aacattccct  
 tttctctggt ttaactacag aatctggcga aaagctaagc tcaacttttc tgatgcttca  
 ggctctccac aggtt  
 Name: T207 Len: 255 Check: 61E  
 actannntna gagacattag gagttnctac cataactga ctanagccat ttggggcatt  
 atgggtggat gcaactgccc acactggnnt tactccatat ttattctgca ngaatgctt  
 gnttgntca ctgtcantga ntctgctctg ggnncgaga tntgggggt tannacant  
 ctctca gttg tcttaagta atagcaaaan ttccagatca ttggtctgta actttttgoc  
 tggaaatctt gagac  
 Name: T208 Len: 255 Check: 511  
 acatcaaaac cgaattccat aacaggagcg acagcaggca gcaicagcag cagcagcagc

[illegible]

ccacatccca ccaagtagac tgnjatccca taacacagaa aataagagag ttttccagat 60  
ttttcccaatt cctag 255  
Name: T219 Len: 255 Check: 49D  
ttccgatccg ccccccgggc aggaacctgc gct jngcana goanntaang ccgaggtgtt 60  
tgagaatctt gctgtttgtg atgaaattg tctctctag gaaaaattcc ttaagcaaa 120  
ggaggaaga agtacttgc tgaagaagct cctccagatc cagctcttaa ctgaagggga 180  
accacagctt gctgctcctt cccacagctc cagttttgccc ctggcttatg ggtccaccag 240  
ctctgtgwa acac 255  
Name: T220 Len: 212 Check: 2307  
actcttcanc anagacctnt ccaaggccat tttjgggact cactctggac actcctttgg 60  
tgaccttana gctctctcac ctgctcagct tttccaggat ccagggtgtg tctacatggc 120  
ccaagacttg ccagtgcctg gtagagcccg gggtccagg ttgccagagg aagggggcag 180  
cagccggcca gaggactctt cagagggcca tgaggaggaa gt 240  
Name: T220 Len: 255 Check: 1157  
acctttccca tgcctaccag tggaggcatt cagaccagaa aagcaaggcca gcaagtaaca 60  
ttcttaagyt tagagaaagc cagttgtgtt gctgcatacc ctgagacaaa gacatcctt 120  
tgccagatag agagcctgag acaccaggcc actctccaca aactagatc atttaaaagt 180  
tactgttcca accaggtgtg gtagtgcctg ctcttagttt agtgcctgga ctggcagctc 240  
gagaccagca tgcac 255  
Name: T221 Len: 255 Check: 1CF5  
accatgttag aaagggctaa acttcccttt gctgaagaga agaaggttat acagagacat 60  
caatgcccba gctctcactt tcacaatcac atcttagaga acgataagtc agaacagaat 120  
tgctctggcc agggatattt tatgttgaca aaatatgtt gcaatatttg aatctccaga 180  
ctgggaattt ccaggctgaa attgtttgtg tcagaatttt tattttaatg ttccaagaat 240  
gaggtatctt acatt 255  
Name: T222 Len: 255 Check: A3A  
acctttccag agctccctta cagaaaggag atggtgagag ctgatctgat taataagaaa 60  
gttggaatca aagagactcc tgcaaatctt gcaaaactcc tgaccaggat gtgtctgaag 120  
tcagaagtca taggtgatgg caatcagatt gaggttgaia tccctccgac cagagccgat 180  
gtcatccatg cgtgtgacat tgtggaggac gcagctattg cttatggtta taacaacatt 240  
cagatgactc tcccg 255  
Name: T223 Len: 255 Check: 1A34  
acagacctaa ggccaagtaa aaggattgoc agcaaaaaag tttacagggt agaatcagga 60  
aaagcaggct gcttctctcc caaagtccct cgtaaagaaa aggtccgaag atctctccgt 120  
ctgaaattta gtctgaggaa gaacggagat tcaaatggat gttctgtcat caatagacat 180  
gaaaatgttg gtgcagcact agcgaatcag cagaatctaa aaaataggat tgagtctgta 240  
aaaaagggtc tgcct 255  
Name: T224 Len: 255 Check: 57B  
actagatcaa gaagactgat atttactata aagaaaatcc caacottctg tgcctctgggc 60  
cccaacagca aacaccgcca aggtccacatc aataggaggg ctcatgtttc cattggatgc 120  
cttccactct ctgaaatagc gctctgcctt ctgcacgcag agctgatacc tgtgcacaca 180  
tgcctagagt aagagctggc cctctgagct cctctctgag acagagcctt catctgtcca 240  
ggctgtgta ttaac 255  
Name: T225 Len: 222 Check: EE6  
actngttaca gttcactgtt gtggngggtt ggttttccct agcgtttana atagccatca 60  
ttgtcttcca ataggcagag ctatccagtc caggaaaaat gaggggaacc agaggcagcg 120  
ngagatccaa atacagnttt caaaggtaat tggncagtg gtgcctggng aggaaggagg 180  
ggatgactct ccagagntag ccatcttctt tgggggtgtt gt 240  
Name: T226 Len: 255 Check: 16F2  
atggccaggc tgggtccag gtaggatgga tttcactgga agcgggagct tgcctcctct 60  
gggactctga atgggtctat agtcaagacc ttttaattag ctaagagcca gctccagttt 120  
gtggttccac aaaaactgtg gagtctgttc ctcaagattg tagtccact ttacaagttc 180  
tttogaact ctctccgttt cctcactctt ctgttggga ggactagctt ggacactagc 240  
attcagagat tccac 255  
Name: T227 Len: 255 Check: 25E3  
acctttatng gatattctcc agaaggtaata ccgtctctatc acttcatggg tgatgctttt 60  
cagcacagct ctcajctcgtt ccttaggttt attaaaggat caatgaaca gattctctag 120  
gagagtact ctaggcagat ctttactctt ctgtgttga atctgtctt cactctgtg 180  
gagttgtctt atggagtgtt caccacactt ctgggctgta tctcagacgg attccactg 240  
ctctttact gctcc 255  
Name: T228 Len: 255 Check: 1D3C  
actccatatt ggtgtgtgag cagagtgaag gcagcagtg gtgtgttaaag gagaacactc 60  
ccaaggggg aggttgttgt gctacgata acagttgcca cgaaccaagaa gagagggaag 120

[illegible]

gtttttgggg gtttttgggg gtttttgggg gtttttgggg gtttttgggg gtttttgggg 181  
 gtttttgggg gtttttgggg gtttttgggg gtttttgggg gtttttgggg gtttttgggg 240  
 gtttttgggg gtttttgggg gtttttgggg gtttttgggg gtttttgggg gtttttgggg 255  
 Name: T244 Len: 255 Check: 21ED  
 actatggggg tnnngagcat ttaagggntn canntottga nttttcaatt gnnocaggttn 60  
 ncatgtattta tncagattat tanonnntgn taocgnnacn ngattncctn onangtttat 120  
 natogaagnt gtoonnngtg tnnntnnonan gongnattnn ngtnnnctnt ntggnnogac 180  
 taotacagga tcoogaactnt gntacncta ootagagtga aannnnccat anctotaacc 240  
 tgggttgaaa tgggg 255  
 Name: T240 Len: 255 Check: 11A5  
 acattgnttt gatcattttcc acagcacatt tctctctccag aaaogggaaa aacacaagcg 60  
 tttgggtttcc gcatntttta ggataagaga gagnaagagg ttgggtatag taggaaggg 120  
 tttgagaaga gatgtgtgta tgggtacagag ggggggtttt caootgttat tgtogaogco 180  
 tctctcagtt ccaattgctt tatgtccctt cctttctctt gttttaactg ttatacatac 240  
 agtaataact gaata 255  
 Name: T241 Len: 255 Check: C48  
 acataaaagg aocccatata tcatgttgtt aaataggac attcagaatg cacacacttc 60  
 tttttttttt cttatgtgat aggtagattt ttaattgtaa gattttttat ttttgtattt 120  
 actccatttg taacttaata gtcttggtat taaatttaca atttgccctg ttttgtattt 180  
 ttttttaatt tggaaaggat aattggaaqt taactgaaat aatgggaagt gaattttatac 240  
 tctgcatttt tatat 255  
 Name: T240 Len: 238 Check: 1CD3  
 actactaaga aatgggacaa gtcaactgag acttcagcgg ctggggctccc catccagat 60  
 aagtccaccc cccacaccca ccacacaccca cacacacagg gatgtcttgg gaagccctgc 120  
 tctccaccca ggaactaccc tagacccata agaagggcag ttggccactg agctgcctga 180  
 ggtaggacaa ggaaccccca cttagtgttc ctggccgggc ggccgctoga aagccgaa 238  
 Name: T243 Len: 255 Check: 1640  
 taotcgggga gtmatgtgtc ttctctttt acacactggg agtcagtctt ggagctgcag 60  
 aagaagtggg tacaggagca gaggtggyac atccgggygc ggccatgtgt agagpagctt 120  
 tggagtcctc tagaaaatag catcatcnnc gagccttnat cctnctngt tgggtgaccc 180  
 caottgatcc caagactctg gcttttaacc ctaagaagaa gaattatgag cggcttcaga 240  
 aagctctgga tagtg 255  
 Name: T244 Len: 255 Check: 44F  
 acacctaggg cagctcgagg caagcgatct ttaaccaagat cctctccagc catccgtagc 60  
 ggtctgcctc tggtagtagt tctgatcgtt caogttctgc cactctcca gcaacaagga 120  
 atctctctgg atctcggaca cctctcttag cacttagtag ccttagaatg agctgtttta 180  
 gctctctag catgtcaca actctcttg accgatgtag attacctgga atgttagaac 240  
 cctctgggaag tgcta 255  
 Name: T245 Len: 254 Check: 1622  
 accacatcac ttctgggctc tctctgcttt gtccctttca attttctctc gaaccccttg 60  
 tctggcagga gctcttcagc cttctccctc ctgggckcct cagcagcccg gcgtatctca 120  
 tctctctgta gttctgttg tgcagctgac agctcttgcc cttgtctctt ccgtctgttc 180  
 tctctctcta aagctctctg cctctctctt tcttcacgtt ccgctgtctt ctgcgacaca 240  
 agtcccaama tctt 254  
 Name: T246 Len: 254 Check: 874  
 taccaggatg taacatttat tggtttttga ttcacagtct tgggaaggat gctgtgtttt 60  
 aggttcagaa cttcagcmat gggcnnaac tcttcagyc cttctaagcc aggagtctca 120  
 gggctgtctg gaggcagctc tgtcaatgga ggtcgctctt gctgtttaca cactgtctca 180  
 cgaatttagt aggtcttctc taaccactca gctctctctt cagccagcac tgtccacacg 240  
 aggaacccaa aact 254  
 Name: T247 Len: 255 Check: D04  
 acatattctt atattattat atatcaactt acatatatac atatttttt mggggtgggtg 60  
 ggaaatnggt gtggctacct ccacctgctt tomogtgtna camgctgaa ggggtgctta 120  
 gggcttgata caggttcatt gtgagaagtg tgcacatga ctcaggactc aactggcat 180  
 ggaacaccc aggcacatcc cacacatgta tgtgacatgt agacagacac ctgpcatttg 240  
 ctacacgcta ccttj 255  
 Name: T248 Len: 255 Check: 1F32  
 taogcagggc cggctatctt ggcagctgtt taagcagctg ctgctctcac cttacttgnc 60  
 accaggggcm cmcaccmcygc mycgcnncan nncocannng ccacargyc tccaggcaca 120  
 gctggaagt cctctcttag cccgttaagaa agggacccac agtaaaactga ccatgtctga 180  
 tgggtggccc aggcactctg gggctgatjg tctagtata agataaggct gctcagacg 240  
 cctttggcaa cccaa 255  
 Name: T249 Len: 254 Check: FA1

caatrasgo catjagcate	tcagggetoc	tcctggaatt	ccctcatctt	cactgggtog	60
taaaaaamrb aawgarawt	gcaannnngo	nnnnccacn	nnnnnnnaa	aagagttgoc	120
cgcatgggng tctctctt	ogaataggoc	agaatggto	taagggaatt	tctcaggtgc	180
tctcattga agttgggtgc	tttgctaac	aaggatgca	gtgcatggt	taactgcate	240
tttactcttg caaa					300
Name: T25	Len: 255	Check: 040			
acccctcaggt agagcacang	gctctctgoc	ctgggtcttg	aggacaagtt	cattgcttcc	60
cagcgcttgc cttcagagct	tctctctgct	tgaactgttg	tcagggaagoc	cgtagctctg	120
ctttctctca ttttagctc	aggaaagatg	tcaggctcaa	acccctctcc	aggttaattg	180
acccctgttg tggctctgtg	caactgtctg	cagtatttta	agggagaaga	taaggcaggg	240
agagagtagg aggtc					300
Name: T250	Len: 255	Check: 1930			
acccggabcc tggctgcagtt	tcttttgtca	cgaattttac	tataatttat	gttaagatgg	60
gotatctctg ccggccagkg	gnnaaacaat	gnjagcggg	cccttaagct	tcttaactgoc	120
atggaaggga aacctcagcc	acagcaggac	agtttaattg	atcttttaat	accaactctt	180
tttcaatga aataccggc	tgaatcatcc	aatcagctt	ctccatttaa	tcttgctgag	240
aaacccaaaga ctgtg					300
Name: T251	Len: 255	Check: 400			
taacactagg gcagctcgag	gcaagckatc	tttaacaaga	tctctctcag	ccatccgtag	60
cggtctgcat ctggaagtag	ttctgatcgc	tcacgttctg	ccactctctc	agcaacaagg	120
aatcattctg gatctcgga	acctctgtga	gcacttagta	gctctagaat	gagctgtttt	180
agtgctcta gcctgtcacc	aactctctt	gaccgatgta	gatccacttg	aatgctagaa	240
ccctctgga ggtct					300
Name: T252	Len: 255	Check: 845			
acctcttgcc tcatcagct	gccatggcca	atcccacagg	gaacssgagg	gaaggaggat	60
gttggtgas aaasmgaga	gatasamaca	gaagaggggg	agtgaatgga	cccagtgggc	120
tgtcttattt caaagtgggt	gtgtatgat	cttatactac	atctatatag	agatattaag	180
gcctctgag ttaaagaaac	tsyctctat	ccgtgctgtt	cactcatgtt	tgtaaaaatt	240
gttccatgct aacat					300
Name: T253	Len: 220	Check: 990			
actgtcaaca caactggawg	acgtgcgggg	ccagaacatc	gamaagaaaa	ctgagaagat	60
cttgagagag ttccttmstt	hmatnanga	ccagtatggt	gtctcctctc	tcaacagcat	120
gggcatgag attgagggca	ccngcctcc	ggagcchnh	tgtctgpgg	caaggtgccc	180
ctggatgaac gcatcatctt	ctccgggaac	ctttctcagt			240
Name: T25	Len: 255	Check: 249E			
acttgaaccc gaagcaactgc	ataccocccac	gtctatgacc	acacccctctc	tgactccttt	60
taactccagt ctggttttca	ctwtctctag	cacaccagag	ccctgttctc	cagcccatcg	120
aaagagttag agcagcagtg	gtgacccctc	ctccgaaccc	ctaggttctc	ccacactctt	180
gggttttga ggcacccagc	cacaccctt	gcaggtgcta	ccgttggtca	tctcttttc	240
ctgttctatcc agcag					300
Name: T27	Len: 255	Check: 2554			
acaaatttag ccacctggcc	ccccgggagc	ggcagacaa	gttcgagctc	tcaaagatgt	60
tctgtctctg ccttaactac	tggaagcttg	agacccctgc	tcaattccgg	cagcgatccc	120
ggctcgagga tgttgctaac	tataaggtca	actataccag	atgtctctgt	tactgccaag	180
tgtctcagag ctgogacagc	ctccccgat	atgagaccac	ccatgtgttt	ggcogaagcc	240
ctctgctgct cattt					300
Name: T26	Len: 255	Check: 1010			
annnnnncc ngncgaagn	acncttttac	agannngn	annantatna	nnacantgn	60
taactactgg ngncggctn	annnatcag	gaacncang	gagcnnaang	anaanaaggt	120
ntaganpcta caaaanntta	cagngantgg	ancnaaggct	aangncaen	tggaagctc	180
nannctctc atgnnctgg	acatatcngc	tannagcttg	ataaacatcg	agagcttctt	240
cagtcagyan gtctc					300
Name: T29	Len: 85	Check: 250			
tctgaatggt gtatatgoc	attctagtcc	tcattctcac	agcttggtca	acccactctt	60
gaggtgttt ttgacatct	gtggg				85
Name: T2	Len: 255	Check: 1779			
ctatctntt ctatgatttc	ccagatttc	tgggaggatt	tacttgctga	cttgatttc	60
ttttctctg ctgaggtgc	aggggaagat	ttgactctt	tttgatggt	aggttctctt	120
gagccctgg tggctgctt	atgctgttg	gagggcatgc	tggtagccat	gtccacagg	180
gtctcattt ctatctcag	gctcccgagg	ggtctctcag	cagctgaatt	ctcagttttt	240
ttgggttggg ttttg					300
Name: T30	Len: 255	Check: 6E7			
acttgccac aaggccaggt	gattoggaga	tgaatatgc	ccgaagcgc	ctaatcactg	60

jgottggggg ggggggagaa ggtggttagg cctggttagg totgggggga ggaaggggtg 120  
 tggagttttt tgaagucatt cagttgtgtg acatcctggg acagatataa gaaaaataac 130  
 atctacaagg aatgaacaag ggcatggat : aaacctatit tttttgcaaa cctgtttgaa 140  
 ggottggggg tttt 250  
 Name: T31 Len: 235 Check: CA5  
 acttgcgttt nngcgnntgc aggttgaac : anggttaggc gaaggcaagc acatggggca 60  
 gtagagcctc gatgaatggg tggaaactcat cctggcgaga ggtggggaaa ctgangctca 120  
 ggtgttccca catagatggg gaaaccaaa cctggataga cctccactg atggagagga 130  
 ggtcagga atgaaagccc tggatagct : actaggactt ccaaggagat gaocggggcc 140  
 aagtgagga cctta 250  
 Name: T32 Len: 255 Check: 22F3  
 acttccagac taggtgttta taacgtttt cttcttagat aagggtttct ggtttttgtt 60  
 tgtttttctt atatcatttt gtgtttttg : attctgaccc attttacaaa ttaaaatgtg 120  
 tttctgtgtt tttttttttt tttacaagct aagaacctag aatagagctg totgcogcag 130  
 cttcctaana caaaagttta caattgttaa agccacagta tctttttaat tgctaataat 240  
 caacctttct tttccc 255  
 Name: T33 Len: 253 Check: 24A0  
 acttaagat tcagggatct gaaagattaa nagannaaac anacotggag tattatcaat 60  
 agttctcanc ntaagatatg anttggatga atnaaanaat tgggtcttta anggtntggn 120  
 gnatgaatc tggngngta gtaanacant ntctnatggn tatacttttt ttgnttnatt 130  
 tctgaggtta gaattgtnng gacaaaactn tggggcatta gattctagta ttaaaacaag 240  
 tccaattggn acc 253  
 Name: T34 Len: 255 Check: 1A63  
 acttanagag aacagccgccc ccatgggaga gcagattcag gagcctgagt ctgagcatgg 60  
 ttctgaacaa gactttttac acaatcccca gatgcagatc tottgggttag gccacgccga 120  
 agttagaaga cttgaatctg gaaggacacg aacaggcatg aactacatga aagtgagagc 130  
 tggagttaagg catgctgttc ggggtctaat ggaggaaat getgagccca tctttgaaga 240  
 tgtgatgatg tcac 255  
 Name: T35 Len: 255 Check: 23D0  
 ttogggttag cgtgggtcgc ggcgaggtac ttctgcaggg ctttgtagtc ctccacagat 60  
 gtgacatona acttgtgctt tgtctttgtt ttaggtgtgt caaatggaca cgtgagaatt 120  
 gcaatottag catccaacac ttctttcggc atctgtgggt gactgaagtc cttatcaacg 130  
 atcacacctt ttataagttt ggtgtctctc agccgcacac ctactttgoc ttccactttg 240  
 atgagttcaa agtca 255  
 Name: T36 Len: 243 Check: 1CC4  
 acacacgaac tgottcttta taaattatga actggagctc ctgatcaagg cggggccggg 60  
 gaggacacat cctagggtctt tgctctctgg aagaacacct ttaggtaatt tttaaaaact 120  
 ttagcatcag gctgctgaag tgcttgacag aactcctgaa ttattctctg agcgacttgc 130  
 aaggagggca ggtattcttg ctgaagatac tgaacacatt cggggccccc tttgagatga 240  
 att 243  
 Name: T37 Len: 255 Check: 103E  
 ttogggttag cgggggtcgc gctgaggtac ttctattgga ttttgaaga tgaatgggct 60  
 ttaggtgaat gtggcagtta aacataccgg cattttttgg acttgcacat ttagctgggt 120  
 ggaacagagt tgtttccttc ctgaatttca aagataagac tctgacagtc gcatcacaat 130  
 attcagtggt gaaatcttga ttgttaactgt catccacatt ctcttcgttt agaatacaga 240  
 taaagttgta tttca 255  
 Name: T38 Len: 255 Check: 2311  
 acttgcagat ctttgtcaaa ggcagagagc agytgggag catgggagcc cttctctttt 60  
 gagcctcttg tgcctgtgga ccagggtgag ggtacaggct ccagaactgc cccggaaggg 120  
 tgcctctcat gctggagcat gctactgtgg catagggaat ttaatttttt ttttttaatt 130  
 tcaatctttt tcaattccact gtgtaaagtg ctaggaaatt tcaatttga agttttgctt 240  
 tttctgacat tggca 255  
 Name: T39 Len: 127 Check: CE4  
 actctatgoc ttgangton ntactnaca gaggncaca ccccgantgc naggaacagt 60  
 tctngnggnc cngatggac attcancttg tnnctganc aagatcatat nccncaaaaa 120  
 ngtactt 127  
 Name: T4 Len: 255 Check: 1BDE  
 acttgcgca gactcgaggc ctgaggagct gaggaaaacc aaaactccac tccctaccc 60  
 cgcctccga ttggwttcc acacatttgt tctctgaat gctgttgtt ttgctaagtt 120  
 tggcatgta agacottaag ggtgtgtgtg tgcawgmmt gcbatgttt ctaggcagtt 130  
 ttagcttctg tcttcacata gatgagagoc taactgttgt cagtgaanaa agtgggtgct 240  
 cagggatutg gtgt 255  
 Name: T40 Len: 255 Check: 23B



acttgggttga caagggttcat caaggaagogg cctactgtgt tggcagcaga caactcclla 40  
gacagacat catongcata ctgcaatada gtgotttagag catcctggat ccgggtgtgag 120  
gcccctccca cttgtctgtaa gtcaactgag agtccaatca cccggttggg gctaaaaacat 180  
gtcttcanga tgaggtcaac tccaatggcg tcaagtgtcat aatacgcata cttcactgtg 240  
agaggggtga acatc  
Name: T41 Len: 255 Check: 19F3  
tgagcabcot gaaggtgaag ggtctagttt tgggcoccat tcacaagaac cagaaggatg 40  
aagtcaatga aacogacttg aaacagattg atcccgattt angctccag gaagatttta 120  
aagacottot acaaagnycc aagaaaaaga gcattccat catcttggac ctccctccc 180  
actataaggg ccagaatgca tggttccctc ctccctcaggc tgacattgta gccacaaaa 240  
tgaaggaggc totga  
Name: T42 Len: 255 Check: 1B8C  
actgggataa agaagttctg cgagccaaga aggacagctc ggaagccttc cttaacgaag 40  
gcaatcgtga agtgttaact gaaatottac ctgatttttg gaatttttac gttaattgag 120  
gagacaccc gagtagtca gcccatattt ttagggaata ttattgatta ttttgagaa 180  
tatgactctg aoguctcggc ogctttgcac acagcttaag gctacggcggc ggtgctgtcg 240  
ctgtgcacgc toatc  
Name: T43 Len: 124 Check: 20A1  
tcattggcat atacagaagc acagtcacat tggcggttagc ctacgctaag ggcataattta 40  
atagctactt tcacctgacc aggtcactc ttccatgtcc ccagaccaat cagaggcctc 120  
ttct  
Name: T44 Len: 255 Check: 2014  
acttgcocag aatgtcggga ccacccaaga totgctggac atttgtctga agagggccac 40  
agtcagggt gctcagcatg tgttcacaga cgttgtgctt cagggaaggca agccagtcac 120  
caacacagaag agctctggac gatgctggat cttttcttgt ctgaatgta tgagacttc 180  
attcatgaaa aaatttaaca ttgaagaatt tgagtttagt cagtcttacc tgttttttg 240  
ggacaaggto gaag  
Name: T45 Len: 255 Check: 16FC  
acatggctgg aattgatggg gagaaggaa acgctaattg cctgaagata ctgctggaga 40  
tgggcaggtt cttccagatc caggacagct acottgatct cttggagac ccagtggtga 120  
ccggaaaagt cggcaactgac atccagaca acaaatgcag ctggctgggtg gttcaagtgt 180  
ctgctacgag ccactcctca gcaaggccta gatcttagag gagaattatg ggcagaaagg 240  
accacaaaa agtgn  
Name: T46 Len: 255 Check: 11CC  
acttcatata tttaaaacttg gaatgaggcc aaagcaagaa aaacacaaag aacacaggt 40  
gttaattaaa aaaaaaatca agaattctaa ctagtgnaaa tattatcaca tgaaaaacca 120  
cccggatta acaaaacaac cttatgatta gacacttaag acctcgattt tttgcttaac 180  
tagaaattta caccacana agttcctgat taaaatacag aaatctataa agctggcgca 240  
ggacgttaac ttgat  
Name: T47 Len: 127 Check: 6E7  
acaatcagag ttcttagaag taatgaacga aatctgggoc aacgacaaaa tcaggagcgc 40  
cgtccattat tcttcaaagc ctggctgctt tgttcaggt gctgacatca acatgctggc 120  
ctcttgt  
Name: T48 Len: 205 Check: 95C  
acaaagtggg ggaacttttc ttctatctca cgatgggatt ttctcagcc ttgggtgtga 40  
catcaatgaa taacactgac gaacttcaag agcttgcttg tgggggctg atctactgac 120  
tgggagtctg gttctcgaag agcgatggca tcattccatt cggccatgcc atctggcacc 180  
tgttctgggc cacagccgnc gcctg  
Name: T49 Len: 255 Check: 4E4  
ttttttttt ttttttttt ttttttttt taaaaagaaa tttttgctt tattajaatg 40  
gcattaggcc ttaaatatgc caatttttgt aatcacatta ttgttttaac aagaaacgac 120  
tctacagaat tgcaatactg gtccaacagt cttgtcttct ttttaagca agaaaacagaa 180  
tjtaagtaac cagaaagcag ggcaggcacc agctaaccac ggagactagc ttcttaganc 240  
ciagcgttgg cagag  
Name: T5 Len: 255 Check: 2E80  
acaagctttt ttttttttt ttttttttt ttttttttg ggaaganaat tttattagct 40  
tcacagajaaa gagctgcbac gagcaagac ctggttgggg ataggactgt ggtggcttcc 120  
aaccaaaatc gtatagtant ccacctgntc cctnccatc tgtggaaaaga gttcaagcct 180  
gacacccaag aacacottac tgggttggcc ttgtgnatag acacagactt gggcaaaagca 240  
acotttgttg gacat  
Name: T50 Len: 166 Check: 12C3  
acotttttcc agatggngtg ctcttgatgg tggatgagat cttggagcct ncttttgtgt 40  
cccacagaat tttcttgctc atgtctccag ctactatato ctggcangag gngncttgg 120

aggaactg	atntgcac	tatnctgtct	ccanagact	cttgnn	166
Name: T51	Len: 255	Check: 7E7			
actggttaca	cactctcttt	atagaactcc	ttntgctgga	aaattttccac	atgctttttga 60
gagattcccc	aaagggcgac	gotatttata	tttagtaagc	tatttatctc	tgcttttgaa 120
atattcaaac	ctggaggtcc	ttttttcagt	atgacttttc	ttattttgtc	ttttttttat 180
tttgcttttt	aggttacttc	gtcagaagca	taacagggta	taagttgatt	cataataaat 240
acctgtccat	cttca				255
Name: T52	Len: 255	Check: 6B			
acattcttag	ttttacaatg	cagattcaac	gaatacagga	attccagcat	caaccaagtc 60
tttttttaca	ttttctcttg	agttacagat	actattttaac	aagattccaa	ttcttaagaa 120
aaacttagtc	acaatgctat	ttgatcttcc	cttaggtctc	aaggctgaaa	atgtttctca 180
ttctgcttta	acaataacaa	ggctcttatt	ctgaaatata	gcaataccag	ccataaccca 240
acagtgaacc	caaaa				255
Name: T53	Len: 255	Check: 23D4			
acgaatttgg	ttccagatgg	tgaccatcca	tgacatacata	gcagccactg	tgagggtgtc 60
tgtggcctga	ggcctgggtc	ttctgaattt	ggggactgoc	acattctggc	ttctctctct 120
atgattntct	gggtctgntt	ttgtagcngn	ccattctgggt	caagtttaca	ctaccagagt 180
gattattttt	tgacaaaaaa	gggtagcaan	agagccaggag	atggtctgng	cgggacagtc 240
cggtctggag	ngggg				255
Name: T54	Len: 255	Check: 13A6			
acaagctttt	ntnnnttttt	tttttttttt	ttccaggtt	ttaaaaacttt	atttcgcatat 60
taaaaaaatt	gggcattcca	ataattaaaa	tcgnttgaac	aaaaaaaaaat	ggnactntga 120
ttaaaacngc	ttttcatatc	tgcaagacat	ntttattttt	ctctnaattc	caacctntcc 180
caaccagntt	ttctcttnac	caacatgcaa	gttctttttc	ctntctgcca	nocaggccag 240
naggtggggg	gcana				255
Name: T55	Len: 255	Check: F10			
acaattctga	ttttccacat	tgtggccttt	taaacaccta	aaatatttta	taaaaaagaa 60
attttcccat	ctctgggtcc	ttatccagtg	tgccaggtct	cgagttaatga	cccaacataa 120
aaattcaagc	aaatgtaaag	ccagccacac	tgtctccaga	acagtggtta	ttcccttctc 180
ctagtgcctg	acattctctt	agtgtttgtg	agaaaaatag	tttaaatctg	aatattccaa 240
gtgaaaaagc	gaaat				255
Name: T56	Len: 255	Check: 113D			
acgtctctct	ttggctcttt	aaagaaatgg	ctgcacogac	ctctcggagc	gtttccagggg 60
ggcccagagt	gtgaatgctt	ttaggataac	ctgctagctc	ttcatgaact	cgcatagccc 120
agattctgatt	ttctttaaga	atgaaaaacg	tgtctctgtt	agtaacttca	tatgcagcat 180
ccatgttggg	tggaagagac	ggccaaaaat	aagagatcaa	ataaaaagca	ggctccagggg 240
ttctgagaga	ttttc				255
Name: T57	Len: 241	Check: 9CF			
actaatctct	tcagcatgtg	ccatncccca	gctgtctcca	cacacccctc	ttctccctag 60
ctctaaagct	atcagttctg	agttcaactg	agctccttta	tttcaaatgc	agtcacaggt 120
agatgggaaa	tcagttttgt	cagaacaaat	ttacccaacc	cttcccaaag	gaatttcata 180
actcagaata	ctccagggaa	cttagacatg	catgnttaaa	tattatttta	tgaccagactg 240
t					241
Name: T58	Len: 255	Check: 529			
cggactaagt	agctggcgaa	gcantacat	gcantgacc	agnacncttc	taagtgcacn 60
ganctgtctc	ccaaataggt	gaaggagatg	naacagttcc	tgaanaanta	tgatanogna 120
gctntgngcg	ntngcnaogn	gaaccttgon	ttogagatga	atgattaaag	tgaccaaggag 180
cncaaccccg	cgggagacan	aaaacnccca	gonaongtgg	gttncaagga	caantctgna 240
naagccaaga	anacc				255
Name: T59	Len: 252	Check: 1323			
acaagtttaa	ggcatcaaaa	tgactaatta	tagaogataa	taacagtctg	gatccctagga 60
ggbaacttga	ggggttttaa	ttggaaataa	gcatttgaga	taagtgttaat	agcagtgcaag 120
aaaaatgaag	ttaaaaacaa	aatcagtgtt	aagaagcctt	cggctcttga	ccttgctttt 180
aatcatctcc	ttccagagaa	atgagcagaa	ccttctctga	gtctccagaa	gtgtcgccct 240
tgataaaaaga	gt				252
Name: T6	Len: 255	Check: 1773			
actgtaaagc	agagtcogct	gctgtctctg	ccaggccagc	ctctgtgaag	gctctccagag 60
acgtctgctc	ctgcacacgt	ctgaactcgt	gtcagggtca	ggtctctggg	gagtgaaggg 120
gtggacactc	gggggtgggg	ggcttgcaaa	gaacacaggt	atttcacagat	agtgtcagct 180
catttgaaaa	ttaatctttt	ttgttaaaaa	taactatttt	aacctctgag	tygctctctt 240
ttaaaacaaa	aaact				245
Name: T60	Len: 242	Check: 1F3C			
accagcgctt	agggggtaga	ctatgaggag	cgagtgtctg	cgtccattgn	taatgaggtg 60

atcaagaggt	tttgggocaa	gttcaacac	ccccagttt	tttcccaag	gctccaggtg	120
cccttcttga	tcgaagaga	gctgacaga	cggtgccaagg	acttcagcct	catactggac	180
gatttagcta	tcacagagct	aagcttcac	cgagagtacc	tgcccggnn	ggccgctoga	240
aa						240
Name: T61 Len: 255 Check: 1C6F						
cgccgatatt	tgcccaagtt	tgtgttgatg	cgggccaata	tcagggctgt	gtccctcaag	60
atacaaacct	taaaatccaa	caactcaatg	gcacaagcca	tgaaggggtg	tactaaggcc	120
atgycaccca	tgaacagaca	gctgaaatta	ccccagatcc	agaagatcat	gatggagttt	180
gaacggcagg	cajagatcat	ggacatgaag	gaagaaatga	tgiatgatgc	cattgatgat	240
gcattgggtg	atgag					240
Name: T62 Len: 255 Check: 705						
accttacaga	tgaagagact	totgtccagg	tttcccttgac	tgiagggcat	aagtttgacc	60
gggatgttga	actcctgatt	tactacogtg	aagtgcacag	ccccagtgtt	gctgtggaga	120
agggaatgca	ggacaagaag	cgagatagtt	tgatgggagc	tccttctgca	atggtgagct	180
tttaccacaga	catccacaga	gtgaacgctt	caaaggtctg	tggagaattt	gtgtttctaa	240
tggaacgctc	aggaa					255
Name: T63 Len: 183 Check: 61A						
ttcggcttcc	gagcggccgc	ccgggcaggt	acacctcgtt	ggtgtgaagg	aaaagagaga	60
tcctgtccgg	cggtgtaaac	aggagcagta	ggcgtgcag	gaacccaggt	aggaaggag	120
tgggtcgtcc	cacaaacacg	ggcagaagca	ccccgggggg	aggctgaccc	ccccgggag	180
goc						183
Name: T64 Len: 183 Check: 20D3						
accatgttgc	atgtggcttc	ctctggatar	atctaagccc	ttctgcacat	ctacacttan	60
atggagntgg	tcaaagggaa	catctgggtt	atgccttttt	tacagttagt	ttaggaaccc	120
tggcatgtt	gtgttgaag	tgtggagttg	tgagccgttg	actgtggaca	gtcnacagcg	180
ngt						183
Name: T65 Len: 255 Check: 1711						
acaaacccgt	gaacttcaat	cagcagagag	ataaaggcgt	aacacaaccc	cccacccaag	60
gtaatgggtg	acagcaaggc	tggaatccct	atccctgcaag	caaagaagag	gggactgcaa	120
agtggagttt	gtgggtaaac	ttantctctc	cttgcactg	aattcataaa	gnaagaggcc	180
tttacaataa	acccacaccc	tttaattttc	tactacataa	taggattata	aggccacaga	240
attccttttg	ggaaa					255
Name: T66 Len: 245 Check: 2607						
tacttncaga	caaaccacata	cttcacaaac	atgggtgatc	tcaggaggtt	ccagcgcaac	60
cgctcaggtc	ggtttgtgtc	tcattctacc	ccaatacgtt	ggcatcgggg	acaggaaacc	120
caggtctgca	atcgcaggag	ccacgacacc	agagaaagct	tcttcaactg	gttttccaac	180
cacagccctc	cagaagctga	cagaattgct	gagattatca	agaatgaact	gtgggttaac	240
ccagt						245
Name: T67 Len: 166 Check: 1320						
acagcgcocg	gcaga-gaagg	cgctgaacc	gaggcctgcg	gaggaagcag	caactcaatg	60
tcaggcgctt	gaggaaggcc	aagaaggagg	cgccacccat	ggagaagccg	gaggctcgtg	120
agaacccact	tagggacatg	atcattctgc	ccgagatggt	cggcag		166
Name: T68 Len: 194 Check: 2479						
aaaaaaaaaa	aaaaaaaaaa	aaaaaaaaag	tgtacacggc	caggtgtcct	tcctcgatct	60
tgtggatgga	ggccntaaag	gaggatccgc	cacccaaccc	accactgnan	ccacccaaaag	120
ccgggttga	gtcatattca	tccttgnctc	tcgggtcagt	gacgcctcgc	ccccgcocgc	180
acgtgcaagn	ccgc					194
Name: T69 Len: 239 Check: 1C69						
acggcgcgaa	atacatccag	acagacagcg	gcocctactg	tgttccctgc	tacgacaaca	60
ccctcgccaa	ccactgtgcc	gagtgcacgc	agctcatcgg	ccgcgattca	agggaaactgt	120
tttatgagga	tcgcacttcc	caagagggct	gcttcgcctg	ctgcgcctgc	cagcgtctcc	180
tcggcgatga	gcocctccac	tgtcaggaca	gtgagcttcc	ctgtaatgag	tgtcactgt	239
Name: T7 Len: 219 Check: 343						
gtacaagctt	tttttttttt	tttttttttt	tttttttagga	aagcagagat	ccactgagtt	60
tattttctca	acgntttctg	cagtgaacat	agngaagaa	ccacagcagc	tgggcocccag	120
ggncacaagg	gatgctgcgc	tggacatcaa	aaggngacag	actgaaatga	gcaggactga	180
gctgtgtggt	tggnctntnc	acacccagcg	nottnaact			219
Name: T70 Len: 255 Check: 118A						
ttcggcttcc	gagcggccgc	ccgggcaggt	acgttcccat	tatgcaccca	ttgggtttttt	60
gaaaatgagt	gacacccatg	ccgttttatc	ctttgaagaa	aaacacgtgg	ttcaagagaa	120
gatccggctt	gtgtctgagt	ccccaaaggg	tgtttggatg	caagcagaag	tcagcttttaa	180
gaagcccatg	cccaaggaag	tggtctttat	gagcctatgc	aaaagctttt	gggactgtgg	240
actggtagcc	ctgga					255

Name: T71	Len: 255	Check: 1207	
aggatagag	agaggcagga	ctttgaagctt	ctggaaatag
tgaataggca	gaggagagag	caaggcgagaa	gaggcctttg
ccggcctctc	gtctccacttg	ccctccagccc	ctttctctac
caagggttga	gtgggggttg	tgtccttagg	ggctcaagtt
gagatggctg	ctcaa		ccctctctca
			gttgggacag
			255
Name: T72	Len: 255	Check: 1027	
agaggcttca	aattcgatctt	atcaatgaaa	gatcccttat
ggcttcaact	taggaaaattt	ggaaaaca jt	ggtttaactt
cgagctaat	atcagataga	tacctcgcaa	tgttcttggt
attctatatt	tgttjttaag	ggcgatctgc	cagattgtga
tgatcaaggt	ccaa		agctgaccaa
			cttttacaga
			255
Name: T73	Len: 255	Check: 1816	
taggatgag	aaaaggtagg	tggggagaa	actggaggct
atgatorgaa	taagttccag	caactctgac	ctgggtgtgt
aggtagattt	tccattttgc	atccacatgc	ttctctgttt
ggcttaacaa	aacagatagg	gggtttatat	gggtatgtgt
ggaatgtttt	atata		ccaggagcca
			caggcatatt
			255
Name: T74	Len: 255	Check: 191	
acatacacag	agggagacag	agactcagga	aggatggggc
tgtccactcc	cccccttgc	tgtgtctgt	ttccacagg
ataaagcagg	gtggacctgc	cccttccctn	ccgacttctt
gttatccatgc	ccaagtccga	cggaaccaagg	tggcagatgg
gcacaaatgc	tcaca		gtaggggtgt
			aagagtgtgt
			255
Name: T75	Len: 255	Check: 02A	
cttccactct	cgctgtggga	aagctctgaa	tgaggcgaaa
ccggcgatgt	gcagggtgaca	tcttccacca	gcagtgcaag
tgtgcagccc	aatgaggcgg	tatacaccaa	gatgatgacc
caacccctgag	gagtctgagc	tggaacctaac	ctatggcaac
ccctgatgccc	tatga		agatacaaga
			atgtgaagct
			255
Name: T76	Len: 107	Check: 197E	
acctgtgtccc	tgttaaaactc	ttccaaaaaca	tgatggctccc
cccattgcatg	agggtgcccc	ttggccttctg	ttccaaacaca
			gacaaag
			107
Name: T77	Len: 163	Check: 1460	
accaagaccc	agctctganat	aggttgataa	gggttatgct
tttaacgaaat	atgctgtgtgc	ttgctgtgtgc	acataaatag
ggcctgggatt	ttaaaaaaaag	aaaaaaataa	agagagcaga
			att
			163
Name: T78	Len: 255	Check: 2638	
acctccaaaa	gaacccatgag	gagggaaatg	ggagatctgc
atcaatgttgg	agatgaaagg	ggcccccgggc	ctggatctaa
agggccgaat	atgaagantt	ggctgagcag	aaccggaaa
gagaagagtgc	catcgttgca	gcaacagatt	tcagacgacg
agaaacgagc	tgatg		caggagcaat
			caaggcgccc
			255
Name: T79	Len: 255	Check: 39	
accagatctt	acgggaggttc	tcgaggagcc	agagaagcaa
tgattttgtca	gaccagagca	ggtgtcagac	ctctgaggaa
gaggccctgtg	ccgagacggg	ctgttccagg	acacggcca
caatgacgca	gcataacttc	aggtccacga	ggtgaactggc
tgtgtctctt	cggtc		caactgacca
			cccaagaggc
			255
Name: T8	Len: 255	Check: 12E4	
acagcagttc	aggtaaagga	gngaagggga	gttggcctct
agtccctgac	gttgggttga	gpcagggttt	ctgtccacatc
tctctctctc	atctccatca	agagactctt	ncacttgng
tgtccagggc	catgttccaga	acccgagaa	ncaggctctg
ncagggtctcc	gggaa		ggccannctc
			catccgttca
			255
Name: T80	Len: 255	Check: 1360	
acttcgaagt	gttgggaccc	acctcgtgtg	ggcgaaggag
gacagacggg	ccagagcggc	cttgcaaggc	ccctccacaca
catctcgttg	aaggaggagg	ntgcagacct	toggatgaaa
gtgggttctg	ggcactggcc	taagacccag	aatgcctggc
agaatgttga	gcaca		tggtcaaaact
			ccgaggggca
			255
Name: T81	Len: 255	Check: 963	
acaagaggct	aggccacttg	tgccgacagc	cgttccgtgc
			atgttctctg
			ctttgttgaa
			60

cccttctggt	g acccaaaa	agaggttaag	gcacaaactgt	caatgggaaa	gaaggtgat	127
tgggaaagaa	gcttttgtgt	tggttatctc	ttttaaaccac	caattgggaa	aaatgggggc	130
ctctgggctg	ggtcttaaac	ctgggttaca	aacctttgaa	gttccactca	ccattgagct	240
tgactgtgac	aatat					245

Name: T52      Len: 255      Check: 153

ttcgggttag	cgtgggtcgc	gcagaggtac	gagaccccca	gacccctata	ctgcagacca	60
aataccgtgc	aagggtgtgt	acctgcaaaa	gtgcgycaga	gaaggaggcc	gaggaaactg	120
agaaactgca	acaatacaaa	ttcaaaagca	gggaacttga	tcccagaatt	tttgaagggt	130
gccccatctt	gccccagaga	ccacctgtta	agcttctac	ccagctgtgt	ggctttgact	240
tggaatttga	gaaac					245

Name: T30      Len: 255      Check: 1670

acaagcttct	tttttttttt	tttttttttt	tttttttttt	tttttttttt	tttttttttt	60
ttttttttaa	ggttcaaaaa	aatattttat	tataaaaaaa	acaatggaaa	aaattttatg	120
tgaaaaaatg	agcaataaat	acagttaaag	ggaacaggga	ctttacagta	aaacattggc	130
acaaatgaaa	tttgaaggca	ccccacccan	acctacatgt	ctggggccat	ttttgtaaac	240
ccccctttaa	agcnc					255

Name: T34      Len: 255      Check: 1218

actgcattgt	gatgnccacc	gggggncacc	ggacactcct	tgaggagct	aggtctctca	60
gacagtgcc	agaggtgtgt	cagagaggtt	agagcagggc	agcaagcttc	ctacggcctc	120
ccagatggt	tccaggtgt	catcttgtgt	ctgagggcca	cagagctgca	tgaagtctgg	130
caaacgcaac	aaggattcaa	gggtgtggcc	agagaagcct	cggcaagcaa	ggatctgtgt	240
ggcaatgacc	tcttc					255

Name: T35      Len: 255      Check: 203E

accagagact	tgntctgtat	ctgtgggttc	taacctgnt	tcccttactc	ctgagccatc	60
tgaaagcaaa	cttatggttt	caactcactc	tgaaacaggt	tcatctcatg	agatgccact	120
tccagttaga	cttccccctc	ctacattgca	gtctatggct	ccgtctgggc	ccaccccttc	130
tacagtgcac	acgccattgc	ctttcccccc	gagcttacct	ccctctcttc	ctcttctctg	240
aagtggctct	ggtgt					255

Name: T85      Len: 255      Check: 1097

ggcttgctgt	gctagtctat	gtgggagagt	ccctgtatgc	cttgggtatt	tgacggcgta	60
caggaatcac	agacagccag	gcccagctcc	tctggttctc	acagactttt	ctgttttggt	120
tagcctctct	ctccatctct	tttgcctaca	gaccaaagca	ccaaaaacat	aattaaagga	130
gaaagcgggg	tttcttttcc	acttcttcaa	gcctctcttc	agtgggtctc	ggtttccagg	240
atgatctctc	tgtct					255

Name: T87      Len: 197      Check: 58E

acatggcaca	acctcaactg	gggaaacacc	tcatacggtc	agtctgtaga	caaggctgtg	60
gggaattgtc	ttaatgactg	agagaagaac	tcagtctgat	gtgggtggca	ctacctctag	120
ataggctgaa	aacaggctga	gtgagacagt	cagcaacact	ggttttgctt	cagttccttc	130
tctgggtctc	gccttaa					197

Name: T88      Len: 255      Check: 1602

ccagttaccc	tgcagacacc	tcttggcctg	cggcggagca	aggttcatca	agaccgacct	60
ctcttgaaga	gtttacagtg	cttcacgtct	gtgcbagggt	tggtctctgt	gggcagctcc	120
tcaaaagcat	acccaacctg	cttcagaag	gacagccgc	attgggtgga	gatccacagc	130
cttagagacc	ttgttgcaag	ccacacacct	agcaggaaga	aatgcgtctc	ttcccaggac	240
ctcttggcaa	agatg					255

Name: T89      Len: 255      Check: 1500

acaagctctt	tttttttttt	tttttttttt	tttctacggt	aggggtgctg	gctcgggttac	60
atgctcatgt	gttccgggag	aacatagcaa	atgtcgtccc	aggggtgagc	atacagccct	120
tgcttcaagc	tcttctggtc	aagatagtgc	ccgatgaagc	ccatactctc	tcccagcaca	130
aagacgcat	tgagggtctc	aatgtcaaca	tcccggccag	cttctctccg	ggtgaaggag	240
ccacagtctc	taagc					255

Name: T9      Len: 255      Check: B94

acttgagctt	caatcccccc	cagcttagtc	gagggcatga	ccgcttggtt	ttgctgtgta	60
ctgttctgtc	ctctcaccga	ccctttgatg	acggagaggc	acaagaactt	ggtagccctg	120
aggatcact	gcaggacagc	agtgaacctg	atacttgca	tgaggaggaa	gtcagttagc	130
ggctgtctcc	acccacagct	ccaggagact	tcacccgaat	gcaggacatt	ccccaagaga	240
cagaaaagcc	agatg					255

Name: T90      Len: 255      Check: 2E2

ttcgggttag	cgtgggtcgc	gcagaggtac	ccgttatctt	tatattagaa	aagtagaato	60
ccacaaatga	caagatggaa	cagaaacaga	gtaaaaatat	atcagctggg	ttattttttg	120
aggnatagt	taactaaaca	cttttcaaac	taaagctcat	tctttaagga	ccctctggag	130
accatatgaa	tgtttgtgta	tggtgtgtta	tatattttact	tatatctctga	attctactta	240
attttggctc	tctta					255

Name: T91 Len: 41 Check: 1D  
 cgcataaaaa cgcagaacttg aacccacatt tgcocaaaao cacattttatt cgaacctaao 60  
 agccgaattta cagcttgagg t 61

Name: T92 Len: 149 Check: 231F  
 nncaaatnan acccacagca gactacotag gttacotgga aagaactaag tttotatagt 67  
 aataaccaat aagaaatgaa gaccaaacca ccatotataa aacotcaoot tatcotttga 100  
 atccaaattct gacagcatgg aagatcaga 114

Name: T93 Len: 255 Check: 14F3  
 acgctgatgg agattccatg caccataaaag cagttcagcg cggagaaaaa gctccocagg 114  
 gacogaatcg acaaaagaaga aatgggaaac ggaaagaaaa ctggggcatt tccctttcct 120  
 cgttggttta atctggacaa aagootaact cctggcatca ggatgctact gtgactcaag 130  
 agagaagcta gaactgcact agtcacgaag gtcaagttca acctotagga ggatggagaa 241  
 caotcttcct gtggc 255

Name: T94 Len: 255 Check: 138B  
 ggataacago ttctttctact tgaggacacp tgcaaccaag aggatctctg gcatacaaaa 60  
 cttotaacac aatgtctgag gcttcaatca cctttttaag ttccctgacaa tgtaacttct 120  
 ttggattctg tttgcctgat ttagctttct ttattttggg ctcatcagat tccctctgag 130  
 tttccatatt agattgctca tcatcagggp taatttcaag ntctctctct cgttcttggt 240  
 ctttttgct gtcaa 255

Name: T95 Len: 255 Check: 15A9  
 atccagtgcc catggatgcg ggtttttggt ttgtttcagg ctgtgagaag ttacacgctg 60  
 gtcagctgac tttcttttct tgagagaato acctctcaaa tgctttcctg tgctccctga 120  
 gggctctctg gctgggttga ggtttctgtt ttactgggtg tctgggctgg ctgggtgctt 130  
 gttatcactt gatagaaaaga atagaaaatg ttctactctt taccctgcta gcgttgagta 240  
 gtgttaaaatc ctata 255

Name: T96 Len: 255 Check: 1353  
 atccgcttaa cggggggccc gcccaaggaa aagaacggga aaccgggaaa atcctgcaac 60  
 aaagccaaca acaaaaaagg aaggaagggg cggggcagtg ccaagactga tggctgtcag 120  
 ggcaagtga attctagact gagcatggtt ttctggaaaca gatgatcttg gatgatcagg 130  
 aatccagga cctggaccgt ccatcattga gccaccagtt tgctggagca cagacatggg 240  
 tgttttagca ctcc 255

Name: T97 Len: 255 Check: 1E90  
 acctcajaga abccaggcca gggcagatca ctgagtgcaac cttcctgcct aggcagggct 60  
 gctctcggac ctagtcaact tatctgatgt caggttggtg ccatagcctt tgtgaacttc 120  
 ttgacccag agctatttgc tgaggtttgt atgagaagtg tgtggacaac aacctcaggt 130  
 ttatcagatg tatttagtag tagggcaaga gcatctcctc tggatttctg ntccctttt 240  
 cttagtcca tacat 255

Name: T98 Len: 255 Check: 1ECE  
 ttgggttttc gagcggccgc cggggcaggt acctcttaga gccagttgct gcagaactca 60  
 aatctctgct gggcaaggat gttctgttct tgaaggattg tgtgggctca gaagtagaga 120  
 atgctctgct caaccacgg gctgggactg tcatcctcct ggagaacccc ccccttcaag 130  
 gaaaagaaaa aaggaaggga aaagatgct ctgggaacaa ggttaaagct gagccagcta 240  
 aaattgatgc ttcc 255

Name: T99 Len: 255 Check: 134E  
 acnttgjoca tonaentoca ggaanngtg ggggaagaac gagagggncc acaccaaccc 60  
 nggancttin cggaaagcaca ctcaacagnc aggnctcncc ganacnggag nggcnnnag 120  
 abccaacaan aagangngc annngnggn caaacngcct ngggnnnnng gaggaanga 130  
 agcnngncca annngagngc acaaggngc ggaaagncc ngcnngang naaaannagn 240  
 gncctgnca aannn 255

Figur 12

Name: 1	Len: 489	Check: 2459	
NABHCCCTTC	ATCGATTAT	AGAICCTTTTC	AGAGTGATGG
ATCTTGGATA	TCGGGGCACA	CTTIAAGAGA	CTCTATGGAA
AAGGGTGACA	CATCTGGAGA	CTACAGGAA	GTACTGCTTG
TAAATAAAAA	ATCCAGAAAG	GACAGGAGGA	TTCTCAACAC
TTTTTCTACA	CTGCTATTAT	CATTATCTCA	GAATGCTTAT
GCTGCTCCT	AGCAATATAG	ACTGCTCTGA	TTATTATTCA
GAATCTTTTA	AACTGTGATT	TGGCATTITCC	AAAGCNTATA
NABAGTAGGA	NTTAAATAG	TATTCCTCTGT	TTTTTAAAA
Name: 10	Len: 227	Check: 1473	
TTTAACTGTG	TTGCTGTGGA	GTGTGACCTC	GGAGGCTCTT
ATKASAAAAC	ACCAACTGTG	CTGCAAGGAC	TGCTATCTCA
ACCGGCTATG	GATGTAAGGC	TCCATACGAA	AGCACTGTTG
TGCTGCTCAT	GTAGATCNAT	AAATATGTGT	NGTATGTCTT
Name: 100	Len: 452	Check: 178A	
TGTATTTTTG	ATGAGGTTAG	TTTTGGTATT	ACAGCAAATT
GTGCTGTGTT	TATATTAACT	AAATCTTTAA	AAATACGAAT
ACATTTTTGA	CTAAAGAAAT	AATCCCTTCA	TTGTTAAATC
CCATGGAACA	TAAAGATAAG	CTGGAATTCA	AACTTCTGAT
CTCTGAGCAG	AAATAAAAAC	CACATAGTAG	ATAATACACA
TTGATGACCC	TGGATTTTTG	TAAATACAA	AAAGSTCACT
TAGCTGGGAG	AATAGCACTG	AACAGTGTAT	TGCATTGAGC
ACACTGGATT	CATTTTTTAGA	CAGGCATAGA	CT
Name: 101	Len: 447	Check: E33	
TTTTTCAATC	CTGATAGTTC	TTTATTTTTT	CAAAATATAT
GCAATAGGTC	TCATAATGAG	AATAACCCAA	ACTGGATAAA
GCATTTTACA	CCCTTTAATT	ACAACCATAT	AAGAATGAGG
ACTACTGCAA	TGCTACTTAT	ATTCTTGCAA	TAAACCAGC
TTATCATGTC	ACTTCCAACT	TTTTCCCTTC	AAGAACAATT
AGTCTCATAG	GTCAATAAAG	CTTCTGCGAG	ATTCTTATGC
GATATGTTTT	GCTCGTTTAT	ATGAGTCACT	TAGAAGGATT
AGATTGGGTT	TCTGGACTTA	GGTTTCC	
Name: 102	Len: 368	Check: 1FEC	
TTTTTTTCAA	AAAAAGAAAT	CTTTTAATAA	AAATTACTCA
AAAGAGCAAG	ATATTCTCTA	TTACATTTAT	AAAAGAACAT
TCCCTTTTAA	TTTAAATACA	TTTCTTATTT	ACAGATTAAA
TGCAAGCAT	ATTGCACTAT	ACAGAGAAAG	ATTTGTGTAT
TTTCAACATC	TATACTTTTT	TTTGTAAAAA	GATTTACCTT
AATGCAAGCT	GTGTTTTGCT	ATTTAAAACT	AAAACAAAAT
CTCTGCT			
Name: 103	Len: 635	Check: 1390	
TGGGATCTTT	TTTTATTITT	ATACACATGA	CAAGATTTTA
GTACAAATTT	ACATTCAGGA	GGAAATGTAA	AAAAAATTCA
CTGTGACCCA	TAATCCCAAC	ATTTTACAT	GCAGSGGAGA
CAAAACAGAT	CTCTCAAAAG	AAATGACTTC	AAAACTTCAC
TCATAGGCGA	AGTATAATTT	ACAATTCATC	CTTCTCTGTA
CTCTCTCTCT	TCTGTCCTTG	CATTCATCTC	TTCTCCCTCA
GTCTTTTGAG	GTGTTTCAA	GGCTCTTCTT	CTGGTTCTTC
CAAAAGTTAA	ACTGAGGCTA	AGATTCTTTT	CAATCGAACT
TAGAGATPAA	CTTGAACCAA	GTGTTGACGG	TTTCAACAA
CTGTCTTGCG	AACTTCAAGG	TCTTAAATTC	GGGGAAAAAT
CTGGAATGAG	TTCGAACGTT	TTCTTTAGAC	CGGCATAGTA
CGGGCTGGTA	AGGCTGTGGC	TTCAA	
Name: 104	Len: 676	Check: E36	
GCTCATTTTT	AATTTTATT	GAITTTTTTAA	TGCTGCACAA
GAATTTTATT	TATTTCTTTA	TTTCTGTGTC	TGCTTTTATT
GBAACTTTTG	TGCTCTTTTT	TTTCTTTTTT	TTCTGTAGGC
TGGAACATCT	AAAGCAAGCTG	AAAGCAAGAG	GGGTTTTTCA
AAAGGTTGCG	GTGTTTATCA	TGCTCTATGG	TGGGTGACCA
TCATCTTTAA	TTAATTTGTC	TTAAGGCTGA	ATTAAATTTG
GCTCTGATTG	GCGGAGATGC	ATCTCTGTGA	TGAGTCAAG
GGATGTTCTC	AGTGTCAGG	GCCTAGGTAA	AGTGAGGGA
ACTAGCAGTG	CTGATTCTCA	GAATCTCATC	CGGAATGAAN

TTTCTTCTCT	TTTGGCTTGG	GAGTCTCAT	TTTAAGAAST	GTGTACCCAS	CGAATCTGGS	487
AAAGTAGTTC	TTAATCTGGA	TTTGGCTCCG	GGACTTCTCA	GCAGCACTG	TTGCTTCTGT	488
AGAAATATAT	ACAAGA					489

Name: 119      Len: 367      Check: 135E

GACGGGAAT	GAACGGGGT	CTGGGAGCAG	CAAGGCTCAG	GGTAGCAGCC	GAGGCCCCAG	49
AATGCTCAAT	TTTCTTTTCC	AAGACCAAAAT	TAATGAGTAC	AAGGAATGCT	TCTCTCTGTA	120
TSACAAACAG	CAGAGGGGGA	AGATAAAAGG	CACCGAATCT	ATGGTGGGGA	TGAGGTGCTT	130
GGTGTAGTCT	CAAGGCTAGG	GGAGGTGTAG	CGGCAATGGA	GACCGAGGGA	ATAGAGGGAA	240
ATGAGAGAT	CAATTTCTCT	ACTTTTCTGA	CGATTATGGA	CATGCAAAATA	AAAGAGAGAG	310
ACTCAAGGAA	ATAAATTTCT	CTAGGCAATG	TSATGCTGGA	CAAGGAGGAG	AAAGGTTAGG	360
TCATGAT						367

Name: 124      Len: 440      Check: 1B8A

GCTGTGCTTG	GATGAGTGGT	AGGCTCGGAA	ATGAGGAGCA	GAGGCGCAAA	TTTTGCCAG	60
CGCTCTGTAC	GATGGAGAGG	TTTGGTTTCT	ACTGCTCTAC	TGAAGCAGGA	AGTGGGAGTG	120
ATGCTGCTCT	TTTTCTGACC	TCCGCTAAGA	AACAGGGAGA	TCATTACATC	CTCAATGGCT	130
CCAAAGGCTT	CATCAGTGGT	GCTGCTGAGT	CAGACATCTA	TGTGGTCATG	TGCCAAGCAG	240
GAGGACCAAG	CCCCAAGGCA	TGCTCATGCA	TAGTTGTTGA	GAAGGGGAGC	CCTGGCTTCA	300
GCTTTGGCAA	GAAGGAGAAA	AAGGTGGGGT	GGAACTCCCA	GCCAACACGA	GCTGTGATAT	360
TGGAAGACTG	TGCTGTGCTT	GTGGCCAACA	GAATTGGGAG	CGAGGGGAGG	GGCTTCTCTA	420
TTGCTCTGAG	AGGACTGAAC					440

Name: 107      Len: 442      Check: 19D2

GCACACCTGT	AGTCTTAGCT	ACTCAGGAGG	CTGAGGTATG	AGAATCGCTT	GAAGTTGGGA	60
CGGGAGTTA	CAGTGAGCCA	AGATTGCGCC	ACTGCACTCC	AGCCTGGGGG	ACAGAGCGAG	120
AGCTCTCTTC	AAAAAAGAAA	AAAAAGATGA	TGTAACTTTC	ACAGGGCAAG	GTCTTGTGTG	130
TTGCTCACTT	CTGGGTTATG	CTCATAAAGC	AACTTTTTCG	CCATGTACCC	TAAGTCAGAC	240
CCAAAGATGG	TCTCTACCAA	TGATTGTCTC	TTGCTACTTA	CCGTACGCTT	ACAGAAAGTG	300
CGTCTGTGTA	TGCGCATACA	CAAAGAAGTC	GTCTCTCTTC	TTGTGCTCCA	GCACGGAATG	360
GCTCTTCTGG	AAGTAATTTA	ACACACTCAA	AATGCTNGCG	TTCGTGTTAT	ACGGTGAAAG	420
AGGGGCAAG	CAGATGTCTT	GA				442

Name: 108      Len: 453      Check: 6FD

GAACTGCAAT	AGGGCTCGGC	GTGGGGGGTA	TTCTACTATT	TTGTCACTGC	CCTGGGCATA	60
ACAGCAGGAG	CTCATGCTCT	GTGGAGCCAC	CGCTCTTACA	AAGCTCGGGT	GCCCCACGG	120
CTCTTTCTGA	TCATTGCCAA	CACAATGGGA	TTCCAGAATG	ATGTCTATGA	ATGGGCTCGT	130
GACCAACGTC	CCCAACACAA	GTTTTTCAGAA	ACACATGCTG	ATCCTCATAA	TTCCGACGT	240
GGCTTTTCTT	TCTCTCACGT	GGGTTGGGCT	CTTGTGGGCA	AACACCCAGC	TGTCAAAGAG	300
AAGGGAGATA	CGCTAGACTT	GTCTGACCTA	GAAGCTGAGA	AACTGCTGAT	GTTCCAGAGG	360
AGGTACTACA	AACCTGGCTT	GCTGATGATG	TGCTTCATCC	TGCCCCAGCT	TGTGCCCTGG	420
TATTTCTGGG	GTGAAACTTT	TCAAAACAGT	GTG			453

Name: 109      Len: 421      Check: 1318

TTTTTTTTGT	GCAGAAACAT	TCTGAACATC	AAAGGGGGCT	ATTTTTGCTT	CTGGATATGG	60
AACTCTTGGG	GCATCAGAAT	AGAAAGCTTC	TAGCTCAAAA	GGCCCCCTTC	TCAGAAAGGT	120
GAAGACTTTG	GAGAAAGGAG	CAGCATGGTT	TGCACTAAAG	ACTTCATGAA	CACCTTCAGT	130
ATCTCTGGA	CTATGGTTCC	AGATCAGAGA	TATTTGAAAA	GGAAGTGCAT	CTGTGACGGA	240
AAATTTCTTA	ACTTTAAATG	CCGGGGGAAA	TATTTGCACAC	TGTAATGCAAC	ATCCTCTGGC	300
TACTGCTTCA	TCTGCATGGA	GTGTTGTGCT	AATATGTTTT	CCAAAGAAAT	TGCAATTTCT	360
TTCTTTGACA	CTTGGAATTC	GTGTAGCGCC	TCCATCAATC	TCTACTGCAAC	TCACATCTTC	420
T						421

Name: 11      Len: 621      Check: 23BA

CAGGAAAAAA	ATATGTTTGA	TNCCCTGGGT	AACTGTCTCC	TTATCTGCAA	ANTGACATCC	60
CAAGGAGATT	GATGCTCTGG	GCTACTGCA	AAAGAAATCAT	CAAGCTGGGG	GCTGTGCAATC	120
CCGAAATTTT	GAGTCCAGAA	CCCAACCCCA	TGGGTGTCAG	GCTTATCTGT	GGACATTGCA	130
AGAAATATTT	TCTGTGGACA	GAGTTTACAG	AAGGCACTTT	GSCAGGTTGT	CTCTACTGCA	240
GGAAATGCTC	ATCTATTGGG	CGCAGATACC	CAGCTAAGAG	ATGTATCTGT	TCTCTCTGGC	300
TTGCTTTGCT	TTTGGCAGTC	ACTGGCACTG	GCTTGGCTTT	TGNACATGGA	AGCATGCAAG	360
GGGATATGGA	GGCATCTATG	CAGGCTGGGG	ATTTCTCATC	CTGTTGGGTC	TGCTGTGTTT	420
GGGCTGGGCT	CTTTAATTGG	GCTGTATGGA	AGGTCAGCC	AACTGGGTCC	AGAAATTTCT	480
CTGAAGGCTG	ATGAATACAA	GAGCGGTGCT	TTGGGCTCTC	GCTGCTNGGG	AGCAGTTACA	540
CTATGAAAGA	AGGTGCGGTA	GTAAAGGGT	CTGGGCTTTN	TAAGAGGAGG	CTAAGCAACT	600
TGCTTTCTTT	TGCTGGGGA	A				621

Name: 110      Len: 309      Check: 1332

ATAAGAAATG	CTGCTACCAA	GGGTTCTAGC	AAGGTGGTTG	GTTGGTTCTT	AACTCACTCT	60
TGATTAATTT	AAACAGTTCT	GTGTTTGTCT	TTTTCTTTTA	GGGTTTAGAA	TAGCATCAT	120
TGTCTTGCAG	TAGGCAGAGC	TATCACTGCT	AGGAAAAATG	AGGGAGGGAA	CCACAGAGGC	180



ATTTTGAATTT TAAATAAAGG TAAATTAAGG TAAATTAAGG AGTGGTGGGT TAAATTAAGG 142  
TAAATTAAGG TAAATTAAGG TAAATTAAGG TAAATTAAGG TAAATTAAGG TAAATTAAGG 300  
TAAATTAAGG TAAATTAAGG TAAATTAAGG TAAATTAAGG TAAATTAAGG TAAATTAAGG 312

Name: 111 Len: 482 Check: 902  
CTACTACTAC TAAATTCGCG GCCGGGTGCGA CGAAGAAGCA GGTATTTATT TTAATAAAGG 60  
AATGGTTGGT ATTCTAGTTA ATCAAGTAAT TCTTTTATTA GCAAGGCAGA AACTAGTGT 120  
TTTATATAAA GTTGAATGTT AATTGTACAG GTGTATTTTA CAATTTTGT TTAATTAATA 180  
AAATGTACT ATATTAAATA TCAAGTGTGT TAAAGACCTTT CAGGTTTGT CGTTTGTAGT 240  
AGTGGTGTG ATTCAAGTGT TAAAGTGTGT TATGATATCA TGTGAGGCG CTTTGTCAAT 300  
CCGATTAATA AGATGCTGCT AGAGCTTGTG GTGATCAGCA TAAAGAGTCA GATGCGCTGT 360  
AGTGGTGTG AGTGGTGTG AGTGGTGTG AGTGGTGTG AGTGGTGTG AGTGGTGTG 420  
AGTGGTGTG AGTGGTGTG AGTGGTGTG AGTGGTGTG AGTGGTGTG AGTGGTGTG 480  
AGTGGTGTG AGTGGTGTG AGTGGTGTG AGTGGTGTG AGTGGTGTG AGTGGTGTG 492

Name: 112 Len: 563 Check: 1430  
GGATCAGAA TTGATGAGAG ACATTTAGAG CATGCACATT TTCCTTACTG AAAGGAAACT 60  
CACTGTGGA GATGTGTATA AGCTGTGCT ACGATACTAG AATGAAGAAT GCAGAAACTG 120  
TTGACCGCTT GGACCTAGCA TCAAGCTTTA TCCATTCATA TACCATGCTG TCGAGTCTGT 180  
TGATGAGAG GTTGAAGTAT CAGGTCAGAG AGCAGGAGAG TGAGGAGAG AGCAGTATAG 240  
ATGCTGTGT AGTGGTGTG AGAGAGCTGT GTTTGTAGCT GTCAGGTGTA ATATATGAAT 300  
TGATTAAGT TAATATAAAT GTGTACATAA TCCACATTTG TAGTCAAGGA CCGAATCTCT 360  
TCCAGACATG TCGAGTGTG AGTGGTGTG TCTAAACTGT CTCCATGCTG ACTCAGTGTG 420  
AGTGGTGTG GTTTGTGTG TATTTGTGTG TATGTAGTGT TTTCAATCTT TGATGTTTAT 480  
GTGTTGTGT CATGAGATGT CTTGTGATAT CACATGGAAG GTTGTGTGTA GCTGTGCGG 540  
TCTGTTGTG CTTGTGATAT TAT 563

Name: 113 Len: 587 Check: 2109  
TTTGGCTGT TGAATTAAT CTTCAATGCA CATCAGTGTG ATGAGGAGGA GAGGATGAGA 60  
ATGAGGAGGA GAGGAGTAT TAGTGAAGAT TATCGCAGGT TTTTACAGCA CCTTCTGGA 120  
AATATGAGAT ACAGTGTGT TTTGTGTAT CAGGTTATAA GCAATGCTGT CAAAGTTTGT 180  
GTTTGAAGG TAATGCTGT CAAAGTGTG GAGTATCAGA GGCTCAGGAT CGATGCTATA 240  
AATGAAGAT CATTTATATG CAATTATAAG GAACACTGGT TTACAGTTAG AAAATTAGGA 300  
AATGAGTGT TTAAGTGTG TTTGTGTGT ACGGGTCCAG AATTAATATC AGATACATAT 360  
CTTGCACTT TCTTGGCTCA ATTACAACAG GAAGGTTATT CTATAATTGT CGTTAAGGGT 420  
GATGTGCGAG ATTGCGAGGT GACCAACTGT TGCAGATGAT TAGGGTCAAC AGATGCATGT 480  
ACCAAACTT ATTGGAGAAG AATTAGCACA ACTAAAGAG CAAAGAGTCC ATAAGACAGA 540  
CCTGGAACGA GTGTTAGAAG CACATGATGT CTCAGGAATG TTAGAGG 587

Name: 114 Len: 222 Check: 12B6  
TTTTGAATCA AAATTAACAT CAATATATAG ATTCTAGTAT ATTCTGTCTA AAGCCTTTAG 60  
AATGATATAA ATGACATTTT GCAACATATG CCAAACTTCA TGTTTAGTGT AACTTCTTAA 120  
TTATTTGGAT AGAGGGATAT AACTGTATAA TAACCTGAAA TGACACCATG CAATGTTGAA 180  
ACTACAGAAG TTGGTGAAGA GAAGTATTTA CATAATGTAA TA 240

Name: 115 Len: 512 Check: 1EAB  
TTTTTGTGTA TATGATAGC TTTTGGGGT TGGTATTAGA CATGGCTTTC GTAAATAATG 60  
CACTGTGTTT TGTGATGTG CACTGTGCTG TCTGTGGCTT CCAGGTAAAG TGGGGGAGT 120  
ACCTATGTGT GTAGCTCAAC AGGTGTGCTG TCTTCAAGATG TTAGCTGCTG GGAGCTGACA 180  
TCTGTAGAAG GTTGTGAGT TTTTGGGAA TGTTCGGGCG ACAGTGTGTG CTGCTGTAGA 240  
TCTTGTGCTT CAAACTGTG ACCGTGTGTG TCATCTGCAT GCTCTTTTTT GGAGTGTGGG 300  
TGAAGTGAAG CTTGTGAGT AATTTGTGTA GGTGTGTGTG GCAGGATGTA GGTGTGTGAG 360  
TCAAGGAGAG GTGAGTGTG CCGCTTCAAG GAGTTGGGGA TTGTGTAGAC CTGATGCTGT 420  
TCTGTGGGCT GTGAGTGTG GGAATATGCT TCAAAATTC TGGGGGCTG CTGAGGCTTA 480  
AGGATGTGAT AATGTGTGTG ATGATAGTGT GG 512

Name: 116 Len: 566 Check: A72  
TTTTTTTTT TTTTTTTT CCGCTGTGTG AAGCTGTGTG CCGCTGTGTG CCGCTGTGTG 60  
GAAGAGTCT TGGGAGAGG AGCTGTGTG AGCTGTGTG TGAAGTGTG GTGCTGTGTG 120  
TCTGTGTGTA TGGAGTGTG GAGTGTGTG GAGTGTGTG GAGTGTGTG GAGTGTGTG 180  
TGTGTGTGTA TGGGAGAGG AGCTGTGTG AAGTGTGTG AAGTGTGTG AAGTGTGTG 240  
TGGGAGAGG GTTGTGAGT CTAAGTGTG ATATCAGCAG CTATTCAAAG GAGGTAATGT 300  
CACTGTGTGT TGTGTGTG AAGTGTGTG CTGTGTGTG CACATGTGTG CTAGCTGTGT 360  
CTGTGTGTG TGTGTGTG TTTGTGTG AGCTGTGTG CAAAGTGTG CTTATGTGTG 420  
GAGTGTGTG TGAATGTGT GTGTGTGTG TGAGGAAGCT CAGCTGTGTG CCGGCTGTGT 480  
AGTGTGTGT GAGTGTGTG GAGTGTGTG CTAGCTGTG CAGCTGTGTG CTGTGTGTGT 540  
AGTGTGTGT CATGTGTGT CAGCTGTG

Name: 117 Len: 549 Check: 1682  
CCTGTGTCAA TGTTTAGTGT TCAAGTGTG CCAAGTGTG ATAATGTAAA TAATACTGTG 60

TTTGGAGATT	ATTACAGATT	GUT ATAAAT	GGGGGATAAA	GTATTAAAT	AAAGGAAAG	120
TTATTTTCAA	ATGGGTAAT	AAT GACTGC	AGGTGGCTGG	GGGACAAAT	GTGGCAAT	180
GGGTGGGTA	AATGGAAATCA	TTC ATCACT	CTTGAAGAAC	ACAACTCCA	AGCAATAAT	240
TAAAGGCTTA	CAGGGCAAGTT	OUT GAAGTCC	ATCGGTGTTC	TTCATTGATG	TCACCAACAA	300
GGGTGGGAG	AATCCCATTTG	TGAATAGAA	AAAGAGTTCA	ACCACCTTAT	ATTTTTCATG	360
GTAGAGAAAT	ACATAAATGG	TTCCTCCAGC	TGCCATGAGC	CAGATAAACC	AACGCATATG	420
AGATGGCAAG	GGTCCCAAGTT	CAGGAAGATT	TAACCATGGA	GCATAAGAAG	CAGCATGAA	480
GAATAGATA	AACATTTAT	CACACAIGTG	AAAACATGG	TTCCTCTCT	TTAAGTGGCT	540
CTTTTCCA						600

Name: 112      Len: 416      Check: 71A

CGGGGGCAJA	TAAATAGTAT	GGCTTAGAAG	AAGGCGTGGG	TACAGATGTC	CAGGAATGCT	60
AGGTGTGTTC	GGTTGATGCC	GATGTAACT	ATTATGATTC	CTAGTTGACT	TGAAGCGGAG	120
AGGTGTAGCA	TTTTTTTGA	TGTCATTTT	TGTAAGGGGG	CAGACTGCTG	CGAACAGAGT	180
GGTGTAGCG	CCTAAGCATA	GTGTTAGAGT	TTGGATTAGT	GGGCTATTTT	GTGCTAGGGG	240
GTGGAAGTGG	ATGAATAAGA	AGATTCCTGC	TACAACATA	GTGCTTGAAT	GGAGTAGGGC	300
TGAGACTGGG	GTGGGGGCTT	CTATGGCTGA	GGGGAGTCAG	GGGTGGAGAC	CTAATTGGGC	360
TGATTTTACT	GTGCTGCTA	GGAAGAAGCC	CAATAAGTGG	GTGAGGCTTG	GTTTAG	416

Name: 115      Len: 405      Check: 23A0

CGGGGGCTTA	CTGTGGAGCA	CCTGTTCCGC	TTCAACAACA	TTAACTTGA	TCCACTTACA	60
TAAACTTATG	GGATTCCTTT	CTACCTACAA	TACCTGGCCC	ACTGGCCAGA	GTATTTTCAIT	120
GTGTGAGAGG	TACCTGGTGG	AGAATTAATG	GGTTATATTA	TGGGTAAAGC	AGAAGGCTCA	180
GTAGCTAGGG	AAGAATGGCA	CGGSCACGTC	ACAGCTCTGT	CTGTTGGCCC	AGAATTTTGA	240
CGGGCTTGGT	TGGCTGCTAA	ACTTATGGAG	TTACTAGAGG	AGATTTTCA	AAGAAAGGGT	300
GGATTTTTCG	TGGATCTCTT	TGTAAGAGTA	TCTAACCAAG	TTGCAGTTAA	CATGTACAAG	360
CASTTGGGCT	ACAGTGTATA	TAGGACGGTC	ATAGAGTACT	ATTGC		405

Name: 11      Len: 409      Check: 3A2

CAGACGCTTC	CTAAAGCTTT	GTGGGCTGGG	CACTCAGCTC	CACCATCCAG	CGCTTCTACA	60
AGAACGAGGG	AGGTACATGG	TCACTGGAGA	AGGTGATCCA	GGTGGCCCCC	AAGAAAGTGA	120
AGGGCTGGCT	GTGGGGGAAA	TGCCAGGGCT	GATCACCGAC	ATCCTGGCTCT	CCCTGGAGCA	180
CGGGCTTCTC	TACTTCAGCA	ACTGGCTGCA	TGGGGAGCTG	AGGCAGTATG	ACATCTCTGA	240
CGGACAGAGA	CGGGGGCTCA	CAGGACAGCT	CTTCTCGGA	GGCAGCATTG	TTAAGGGAGG	300
CGGTGTGCAA	GTGGTGGAGG	CGAGGAAGTA	AAGTCCGAGC	CAGAGCCCCC	AGTGGTCAAG	360
CGAAAGCGGG	TGNTGGAGG	CCTCAGATGA	TCCAGTCAGC	CTGGATGGG		409

Name: 120      Len: 318      Check: 266B

CGGACGCAAG	TACATCCAGA	CAGACAGCGG	CCCCACTGT	GTGCCCTGCT	ATGACAATAC	60
CTTTGGTAAAC	AGCTGTGCTG	AGTGCCAGCA	GCTTATCGGG	CATGACTCGA	GGGAGCTGTT	120
CTATGAAGAC	CGCCATTTC	ACGAGGGCTG	CTTCCGCTGC	TGCCGCTGOC	AGCGCTCACT	180
AGGCGATGAA	CCCTTCACCT	CGCAGGACAG	TGAGCTGCTC	TGCAATGACT	GCTACTGCAG	240
TGGGTTCCTC	TGGCACTGCT	CGGCTTGTGG	GGAGACTGTC	ATGCTTGGGT	CGCGGAAAGC	300
TGGAAATATG	GAGGCGCA					318

Name: 121      Len: 460      Check: 2526

TTTAATCTAA	GAATTTCTTT	ATTTTATGCA	TAATAAAAGG	GACTACAAAG	AACAGCTGAA	60
TAAGCAGAA	ACAAAGGAAC	AAAAATAAAC	AATGACTGT	ATTCCAAAGC	AAACAATGAG	120
AAATCTATGC	AACTAGACTA	TGAGTTCAAT	CTATTTCCAG	GTCGCTATCC	TCACTGTGAC	180
AGGTGGCAGA	GTAAAGCACA	GATGTACGCA	CCAGAGCTTC	CTTTCTGGG	AGTAATCCAA	240
ATTCTCTGAG	AAAAGCTTCA	AGGTCCACAG	CAAGAAATC	ATCCCCCAGC	TGGTCAGTAA	300
CAGGAACAAA	ATTGGCGATC	AATTCACCCC	CCTTATAGAT	CAGCAGGGCA	GGAAGGGCAT	360
TGGTGGTGAA	CTGACTGCTG	GGGCAATAA	CTGAGCTCTT	CACCTTGCAG	AACTTGACAG	420
CTGGGTAATC	TGCGGCAAGG	CAGATCATGC	AACCATTCAT			460

Name: 112      Len: 672      Check: 138D

ATAGAGGCTC	ACAGCTGCA	GCTGTCTTTC	GGGCGGAAAC	GTGTGGGTCA	GTGAGGTGOC	60
ATCTGGGAGC	TGAGCTGTA	TGOSACACTG	GTGATACTOC	GGCTTGGTGG	GAGGCTCCTG	120
GGTGGGAGAA	GAGGGGAACAG	GAGCTGGGTC	TGGTGCTACT	GGGGGTGGCT	GAGAGGCCAC	180
AGTGGGAGCA	TACTTCTTGG	CTCTCTCTGC	TTGGTCTCTC	TGATCTTTT	CTCTAAGCTCT	240
TGGTGGGCT	GCTAACTGCT	CGGCTTTTTC	CCTCGGCTTC	TGGTGGGAG	CGGCTGGCAT	300
CTGATCTTTC	TGTAGGCTCT	GTGCTGCTGC	TGACAACTCT	TGCCCTTGTG	TGCTGGGCTG	360
CGGTTCCTCT	TTCATGCTCT	CGGCTTCTCT	TCTTTCTTCA	CGCTGGGCT	GCTTCTGGGG	420
CGACAGGCTC	AACATGCTCT	CTAGTTTCTT	CTCTCTTTTC	TCTTCTCTCA	AAGNGGGGT	480
TGCTCTTCTC	CGCAGGCGAG	AACAGATTCT	TCAAGGGGCG	CTGCTCTTTC	AGGAATTGGG	540
GTCTCTCTCT	AAGATATGTC	CAAGGGGAGG	ITTAAGAGGG	TCTTTCAAAA	TGGGTGGGT	600
CTGCTCTTTC	AAAAAGCAT	TCATAGAAAG	CTTGAAGTCT	CTTTCTCTTT	GAAGGGCAAA	660
AACTTTCTCT	GG					672

Name: 123      Len: 310      Check: 1D0

TTTAAATACAA	TATCTTCTTA	ACTGTAATCT	GTGAAATCTT	AAAAATCTTA	TTTAAATCTT	60
ACTGTATAT	GGGTAATCT	GGCAAAAAAG	GAATAACTTG	CTGTACAGAG	ATCAATGAAT	120
GTGAAATCTG	AGCACATAC	TGTGCTAAAG	ATCTGTATAG	TACCAATACA	GCAGGAAGCT	180
TCAAAATCTAA	CTCAATCTTC	GGTGGATTG	GAGATGGCAT	TAAATGCACT	GATCTGGAGG	240
AATGTTCCAA	TGAAATCTAT	ATGTGCAGCT	AGCATGCAAA	CTGCAAGAA	ACCATGGGAT	300
CTTAACTCTT						310

Name: 124 Len: 392 Check: 144A

GCATATCTGT	ACCTCTTAAC	CCGGATGAGT	CTGCTCTCTT	TCTGCAAGCT	ATCAGGAGT	60
GCATATGAA	CGATTCATCT	GGCAGAGCTG	CANAATAGCA	GCAGCAACAA	CAATGAGT	120
AAAGATCTCT	AGCAGAGAGA	AACTCTGGGT	CTCTGGAGG	GGGAAGTCTA	GACCCAGGCT	180
TGTTAGATG	CGGATTAAGA	GGCCCAAGGG	AAAGAGTCA	AGAGAAAGAA	GACTAAGTCT	240
GATGGAGAT	AGAGAGAGCA	GGTGGGGAT	AGGGGGAGCT	CAGGATTTAA	GGCTGAGGCT	300
TC						300

Name: 125 Len: 911 Check: 1B68

TTTAAAGTTT	GTAAGAATTT	TTTAAACAAA	ACAGAAATCA	CAGTGACCAA	GGGTAATGCT	60
AGTCTCTCT	TTCTTGGCTT	ATGCTGCTCT	CCACAGCTCT	CGGTGGGTAC	TAAATGAGCT	120
GGCACTGAT	GATGCTTGTG	TCTTTCCCTG	CCCTGGAGAT	GAGGTGGCTG	TCTTACAGAA	180
GGAAATCTAA	ATTCTCTACA	TGCTCTCTCT	CTCTCTCTTA	GATCTGGCTT	GGAGCTCTTA	240
ACTGCGAGCA	GGGCTATGAG	AAGAGGTGCA	CTTTGCCAAA	GTCTCTCTCT	CTTGACAGGA	300
TTTTCTCTCT	ATGGGCTCGA	CAGACGGCAT	TTATGTTGGT	TCTCTCTCTG	CCTTCTGGCT	360
ACACTCTAAA	AAAATGGGAT	CCCAAGTGG	AGGTATAGGT	AGGCTCTCTA	ATGTCTCTTG	420
TAGTTCTCTA	ACTTACGACT	TGCTTACAGG	CAGAGGGAAC	CCAGTAGAGG	ATTTCTCTAGT	480
CTCGGGAATT	TGACACGAGG	AACTGTGAGT	TTACAGACCA	GTCCAGGTGA	GTAATGAAGC	540
TGGAATGAGC	CGAGCACTTG	CCCACTCGCG	TGTACTTCTT	CCCTTTTGTA	CTAAAGGCAAT	600
ATATATAGAT	GCASTTGTCT	TGTAGGCTTA	TGGTAAAGAA	ATTTCTCTAT	TGGTGAATAT	660
TGCTTACAG	AGAGGCTGAC	GGTCTCTCT	TGTGTGAAGG	GGGCTCTCTA	CTTTGTTTTT	720
TCTCTCTTAA	AACAACCTAC	CTCTCTCTTA	CTGCTCTCTG	TTCTCTCTCT	GACCTCTCTG	780
GGATGAAATC	AAGAGAAGTG	GGGCTTTCT	C			811

Name: 126 Len: 496 Check: 11A

TTTTTTTTTT	TAAATACAA	AAAACAGCTT	TACTCAGACT	TTTTGACTGC	CATGTCTCTC	60
TTTAGAAGGA	CTACAGTTTG	GCTACTTGGT	CTCTCTCTGG	GCAGATCTTG	CATCTGAGG	120
TGTGTGAGCT	TCTGCTGGTG	CAGATACAGC	TCCTACCAAA	GTAGGGGTGG	TCTCAGATAA	180
AGCAGGCTAT	GCTTCTGGAG	TGGAAGTGGC	TCCTGCTCTA	CTGGGGGTGG	TGTCAGTTTG	240
AAAGGCTGGA	GTTTCTTGAC	GSCAGCTGGT	GTCTGTTGGA	CTGGGTATGA	TGTCAGCTTG	300
AAAGCTGATG	GCTCTTCTTT	CTGTTTCCAA	TTCTGTTTCT	TGATTTTGA	CTTCTCTACC	360
CTCTCTCTAC	ATAGCAGGTG	GTAGTTGTAA	TAAAGTCTGA	TGATAATGAT	GTGTAGTCTG	420
TATCAATGCT	ATGTACATGT	TGTATACAAA	GTTTGC			456

Name: 127 Len: 292 Check: 131

TTCTGACTCT	TTTCAATGT	TTTTCGATAG	CACTGCTATT	TTGGCTGGAC	TGGCAGCTTC	60
TGTTATTTCA	AAATGAGAG	ATAATGATGC	TTTCTCTCTT	GGGTATGTTA	GAGCGGAAGT	120
TCTGGTTGGC	TTTGTCAATG	GCTATTTTTT	GATCTTCACT	GCTTTTTTTA	TTTTCTCAGA	180
AGGAGTTGAG	AGAGCATTAG	CCCTCTCAGA	TGTCTCACTT	GAGAGACTGC	TTCTTGTCTC	240
CAATCTTGGG	GTTGTGGTAA	ACCTAATAGG	AATATTTGTT	TTCAAAATG	GA	292

Name: 128 Len: 433 Check: 51B

GTAATTTCT	AGTTATTTTA	ATAACAGGCT	TTACATTAAC	AGTTAGTGA	TGAATTTTTT	60
TCTTTAATCT	CAGCTAAACT	CAAAACACAG	TTTTGTTTAC	GGTTCAAAAC	AAACAGGCTT	120
TCACTTTCTA	GAGCTGCTCT	ACAGCTAGCA	CAGTTTACAG	GAGATTACTG	TCTGTCTATA	180
TCCACAGAGC	ACAGAACTGA	ACACCCACAC	ACCASTTTTC	AAAGAGGGAA	CTTACAAATGA	240
ATGCTGCTCT	CCCAAGGGAC	CCATGAGTGT	ATCTGGGCT	CAATTTGGAG	TTTTCCAGGG	300
GAGAAAGGCT	GGCAAGGCTT	GTGGCAAGGA	AGTTGGGCT	TGCCCCCTCT	ACTGGGAAAG	360
TCTTTCTCTA	GGGCTTGAAT	GAAATCTCTG	GCTTAGGCT	CAGCTCTCTG	TGGAAGGCT	420
GGCAATTTCT	AGT					433

Name: 129 Len: 372 Check: 11BF

GATCAGGAG	CCATCAGCT	GCCATGCTTC	ANAAGGCTCT	GGAAAGCTAC	CCAGGAGATG	60
TGCTGCTCT	CNCCTTTTCT	GANTTGTCTGA	TTCTAATCTAT	NAAGGCTATT	GTAGGCTATC	120
TGGAAGGCTG	GGCAGAGTA	TCTCTCTGGG	CCCTTCTAGC	AGGTGCTCTGA	CCAGCATTTG	180
CACTGAGGAA	CTAGGCTTGT	CTGAGGTTTG	GGCAAGGCT	TTAGGAGGCA	CAAGGCTATC	240
CTAGATGGA	GAAGGCTATG	AGGAAGAGAG	GGCTGCTTCT	TCTGTGGGAA	TCTTGGATG	300
TAGGCTTCTA	GGCTAGGCT	CCACAACAGG	AAATGAGGA	GANTGAGAGA	AGTGGAAAGG	360
AACTTGGAAA	GT					372

Name: 130 Len: 433 Check: 1E55

CTCGGCTAAA	TTGTAATTTT	TTTATTGGA	AACTAAATATA	CACTTGGGAA	TGATTTTGA	60
GGCAATTTCT	GCCATAAGCA	GATTTTAAGT	GGCTAAACAA	AGTTTAAAAA	GCAAGTAACA	120

ATAAAGAAAA ATGTTTCTGG TAGAGGACCA GCAATACAAA AAAATAGTGT ACCGATACCT 180  
GATAATACAA CCCGTTTTGG AATAGTGCAA CTTTTAGTA CATATGTTT ACTATCCATA 240  
GTCCAGGCAG AGTTATAACT CACACTTCA ACAATACAT GCTGACAGT CTTAAAGAAA 300  
ACACTTTTAA AAAAGGDATA AACCAGATGT TCCCTCAITT GACCAACTCC ATCTAAGTTT 360  
AGATGTGCAG AAGGTTTTAG ATATATCCAG AATAAGCCAC ATGCAACATG GTTACTTAT 420  
CAATTTTCTA AAATAAGT

Name: 130 Len: 528 Check: 1041  
GAGCGGAAAC GGAGCTGAAAG CCGTAGCCCG 32333333AG CGCGCGGAG GGGGGAAGCA 60  
GGCGGAGGAG GGCTCTATGG CCGTAGCCCG 32333333AG CGCGCGGAG GGGGGAAGCA 120  
GGCGGAGGAG GGCTCTATGG CCGTAGCCCG 32333333AG CGCGCGGAG GGGGGAAGCA 180  
GTCCAGGCAG AGTTATAACT CACACTTCA ACAATACAT GCTGACAGT CTTAAAGAAA 240  
ACACTTTTAA AAAAGGDATA AACCAGATGT TCCCTCAITT GACCAACTCC ATCTAAGTTT 300  
AGATGTGCAG AAGGTTTTAG ATATATCCAG AATAAGCCAC ATGCAACATG GTTACTTAT 360  
CAATTTTCTA AAATAAGT

Name: 131 Len: 521 Check: 253E  
GAGCGGAAAC GGAGCTGAAAG CCGTAGCCCG 32333333AG CGCGCGGAG GGGGGAAGCA 60  
GGCGGAGGAG GGCTCTATGG CCGTAGCCCG 32333333AG CGCGCGGAG GGGGGAAGCA 120  
GGCGGAGGAG GGCTCTATGG CCGTAGCCCG 32333333AG CGCGCGGAG GGGGGAAGCA 180  
GTCCAGGCAG AGTTATAACT CACACTTCA ACAATACAT GCTGACAGT CTTAAAGAAA 240  
ACACTTTTAA AAAAGGDATA AACCAGATGT TCCCTCAITT GACCAACTCC ATCTAAGTTT 300  
AGATGTGCAG AAGGTTTTAG ATATATCCAG AATAAGCCAC ATGCAACATG GTTACTTAT 360  
CAATTTTCTA AAATAAGT

Name: 132 Len: 429 Check: 19CF  
GAGCGGAAAC GGAGCTGAAAG CCGTAGCCCG 32333333AG CGCGCGGAG GGGGGAAGCA 60  
GGCGGAGGAG GGCTCTATGG CCGTAGCCCG 32333333AG CGCGCGGAG GGGGGAAGCA 120  
GGCGGAGGAG GGCTCTATGG CCGTAGCCCG 32333333AG CGCGCGGAG GGGGGAAGCA 180  
GTCCAGGCAG AGTTATAACT CACACTTCA ACAATACAT GCTGACAGT CTTAAAGAAA 240  
ACACTTTTAA AAAAGGDATA AACCAGATGT TCCCTCAITT GACCAACTCC ATCTAAGTTT 300  
AGATGTGCAG AAGGTTTTAG ATATATCCAG AATAAGCCAC ATGCAACATG GTTACTTAT 360  
CAATTTTCTA AAATAAGT

Name: 133 Len: 442 Check: 5E9  
GAGCGGAAAC GGAGCTGAAAG CCGTAGCCCG 32333333AG CGCGCGGAG GGGGGAAGCA 60  
GGCGGAGGAG GGCTCTATGG CCGTAGCCCG 32333333AG CGCGCGGAG GGGGGAAGCA 120  
GGCGGAGGAG GGCTCTATGG CCGTAGCCCG 32333333AG CGCGCGGAG GGGGGAAGCA 180  
GTCCAGGCAG AGTTATAACT CACACTTCA ACAATACAT GCTGACAGT CTTAAAGAAA 240  
ACACTTTTAA AAAAGGDATA AACCAGATGT TCCCTCAITT GACCAACTCC ATCTAAGTTT 300  
AGATGTGCAG AAGGTTTTAG ATATATCCAG AATAAGCCAC ATGCAACATG GTTACTTAT 360  
CAATTTTCTA AAATAAGT

Name: 134 Len: 913 Check: F1E  
GAGCGGAAAC GGAGCTGAAAG CCGTAGCCCG 32333333AG CGCGCGGAG GGGGGAAGCA 60  
GGCGGAGGAG GGCTCTATGG CCGTAGCCCG 32333333AG CGCGCGGAG GGGGGAAGCA 120  
GGCGGAGGAG GGCTCTATGG CCGTAGCCCG 32333333AG CGCGCGGAG GGGGGAAGCA 180  
GTCCAGGCAG AGTTATAACT CACACTTCA ACAATACAT GCTGACAGT CTTAAAGAAA 240  
ACACTTTTAA AAAAGGDATA AACCAGATGT TCCCTCAITT GACCAACTCC ATCTAAGTTT 300  
AGATGTGCAG AAGGTTTTAG ATATATCCAG AATAAGCCAC ATGCAACATG GTTACTTAT 360  
CAATTTTCTA AAATAAGT

Name: 135 Len: 750 Check: 1F3D  
TTTTTTTTTT TTGTATTCA TASTAAAAAT TTATTGAACA GAAAACCCAG CAAAGGTTTT 60

AGGTTTGGGA AAGTTCGGNT TAGTTTAAAG TAAAGCACTG CATTTTAAAA AGCAATATA 120  
CATAAGTCTT TCTAGAGAAA GTCTGCTAA AACATGTCTA GCAATTTGAT TGATTATATA 130  
AGGTAGTACA CTTAGTGTAA TTTAAADATT CCAAGAGGAA TCAAATCGTA CCAGCAGAAC 240  
CACTGTCTCA TGTATGACTT CTATGTACAA ACACACATGC ACACACACAC ATTTGGAAAA 300  
GTCTGTCAAG CATAGACATG CAACAACCTAA GGCCTTCTAC GTACAGTGT TATTAAACTA 360  
CATAAGTAT ATATTAAAGC TCTTCAGAA AAAGACATGA GAAGCCTTGG GCATTNTTTG 420  
TTCAATATTT TGATATACGG CTTTACGTTT CTGCTTTTGG TTGCTTAAAA AAGCATATCA 480  
TCATATACAG TGTTTTTTAA AAACCTCATCA TTGCTATGTT CAGGAGAGGG AATCTAGCTG 540  
GASTAGGTTG ATCTASTCCA TTCTGTCTAA AGCTTCCAA AGCTACACCA CAACACCAT 600  
CAGTGTCTGA TGGTTTGGGG GCCTTCTGGA AGAAGAGAGG TAAAGAAAGT CTTGAAGACA 660  
AGCATGTCTG TGCTCATAAA GGAGGGGGCTG GTCTGTCTGG CATCTAGTAC ATCCTGTCT 720  
TSGAGGGAGG TGGTTTGGGG TTTCATTTC

Name: 135 Len: 348 Check: 263  
AAAAAGAGGG CCAGTGAATT GTAATACGAC TCACTATAGG GCGAATTGGG CCTCTAGAT 60  
GCATGTCTGA GCGGCGGCCA GTGTGATGGA TATCTGCAGA ATTGGGCTTT TGACACCAGA 120  
CCAACTGGTA ATGGTAGCGA CTGGCGCTCA GCTGGAATTC CGGCTGGGAC TACCGGGTCT 180  
CACTCAGAA GAGGCTTCTT CAGAGCATGG TAGTCTTGGG GTTCTAAGAG AATGAGAGTA 240  
CAAGCTTCAA AACCTTTTGA AACTGGGGCT TGGAGTTCAC ACATGACTCT CTCCACATTC 300  
TGTCTGTCA AAGCGAATCA TAAGSACAGC ACAGACTCAA GGGATAAG 360

Name: 137 Len: 505 Check: 1021  
AAACGACGGC CAGTGAATTG TAATACGACT CACTATAGGG CCAATTGGGG CCTCTAGATG 60  
CATGCTCTGAG CGGCGGCCAG TGTGATGGAT ATCTGCAGAA TTGGGCTTTT KACACCAGAC 120  
CAACTGGTAA TGGTAGCAGC CGGTTCTCAG CTGGAATTCG GGATTGGTCC AATTGGGTAT 180  
GAGGAGTTCA GTTATATGTT TGGGATTTT TAGGTAGTGG GTGTTGAGCT TGAACGCTTT 240  
CTTAATTGGT GGCTGCTTTT AGGCCTACTA TGGGTGTTAA ATTTTACT CTCTCTACAA 300  
GGTTTTTTTC TASTGTCCAA AGAGCTGTTT CTCTCTTGA CTAACAGTTA AATTACAAAG 360  
GGGATTTAGA GGGTCTGTG GGGCAAATTT AAAGTTGAAC TAAGATTCTA TCTTGGACAA 420  
CCAGCTATCA CCAGGCTGGG TAGGTTTGTG GCCTCTWCCT ATAAATCTTC CCACTATTTT 480  
TBTATATAGA CGGGTGTCT CTTTT

Name: 138 Len: 513 Check: 1170  
AGGCTCGAST GGAGGTGCTG GTGGAGAGAA ACGGGTCCCT TGTGIGGGGG ATGGTGTGTG 60  
GCCAAACTG GGGCATCGTG GAGGCCATGG TGGTCTGCCG CCAGCTGGGC CTGGGATTCG 120  
CCAGCAACGC CTTCCAGGAG ACCTSGTATT GGCACGGAGA TGTCAACAGC AACAAAGTGG 180  
TCAGGAGTGG AGTGAAGTGC TCGGGAACGG AGCTGTCCCT GGCGCACTGC CGCCACGACG 240  
GGAGGAGCT GGCTGCCCC CAGGGCGGGG TGCAGTACGG GGCGGAGTT GCCTGCTCAG 300  
AAACCGCCCC TGACCTGGTC CTCAATGCGG AGATGSTGCA GCAGACCAAC TACCTGGAGG 360  
ACTGGCTCAT GTTCTGTCTG CAGTGTGCCA TGGAGGAGAA CTGCTCTCTG GCCTCAGCCG 420  
CGAGAGCTGA CCGCAACAGG GGCTACCGGC GGCTCCTGCG CTTCTCTCTC CAGATCCACA 480  
ACAATGGGCA GTCCGACTTC CGGCCCAAGA ACG

Name: 139 Len: 340 Check: 220  
TTTTTTTTTT TTTTGAAT GASTAAATTT ATAGCTTTAT TTGCATACAG AAAAGTGCAT 60  
CAGAAAATAA GTATGTACAA AACAGTTGTG TGGCTGATCA TGACTTTCAA AAATTCAACT 120  
ACCTAGAAAT AGTTAGCTCC AGTTTAGCAC ATTTAGGTAT TTGGAATTT AAAGTACTAT 180  
TTTAACTCTG TGTTTATAGT GACTGAGTAG GAAGCTGATA GAAATTTATG CCATATATGA 240  
TTAACATTA CATTAAACA TAAACCACA GCACTTTCTA CTTGGGGCTA ATCAATAGAG 300  
GCTTATGTGG CCGCTGTCTT GTTAGCTTC TGAGCATCAT

Name: 14 Len: 436 Check: 1FA  
CCTAGGAAGA TAGTTGTAC ATACTGAAGT AGGTTATTAA ATAAAGTAAT GAAATATCTT 60  
TGAAATATA TATAAATAGG ACAGGCTTAT ATTCTAACTA GTTTCGGSTG TTTTCAGCTA 120  
ACTTATACAC ACCTAATCAT CTGTGTAAAG CTTGATGCAT TTTATATCAT TTTTAGGCTG 180  
TTTACGAGA CACAAAATC ACAGATATCG AAAATGGGAG TCTTGTAAAC ATACCAGCTG 240  
TGAGAGAAAT ACATTTGAAA AACATAAAC TAAAAAAAT CTTTCAAGA TTACAGAGT 300  
TGAAATACCT CAGGTAAAA CATTCTACTT GTGTTCACTA GNTATTGGGT ATTTTCTCTT 360  
CAGCTTTTA ATACACACT TTAGGCACAC CTCAGGCAAA GCACTAAGTA AGGCAGCAAG 420  
GGGTGATTC AACATAATG ACTCTCCAGG TTGCATGAGG TGTTTTAAAG AGTAGAGAG 480  
CTTTAN

Name: 140 Len: 334 Check: 1ADF  
GGCTTTTGG TCCAGAAAA ATAGAGGGGA TCTCTGTGGA GTTCTTTGG TTTTTCATCA 60  
ATTCGGGGG TATTAAACT AGCCATTCTAT CTAACGAGGG CCAAGCAAT TCCAGAGGCT 120  
TGAAATCTG GTTTTGTGA GTTTTATTC CATTGTAGGC TATAACAAAT CCATTACTGG 180  
GGBAATATG AACAAATGA AAGAGTGAAC AAAACATTCT CCAATTCCTT AAAAGGCTCT 240  
TCATTTGAGC ATCATAATTG CTAGAGAGGG TAAGCAGTTT ATGACCATTT GTGTAGCAA 300  
CTTCAGCAAG GTTTTGTAGA ATCTTTAGGT ACTG 334

Name: 141 Len: 147 Check: 1A5F

TTTAAGGTTA	CACGATTATT	TATTGAGAGC	CTCTCTCTG	CGCCCTTGDA	ATCTCTAGGT	60
CACTTCTCT	GCTTSTAGAT	TTTGCCGCGA	AGCCCAAGAA	AGACGGGTGS	GGGCAGGGGT	120
GCTGCTATAT	GTTCAATGAS	AGCCATAATG	TGGCTGTAAAC	TGTCTTCTCT	ATATTGCAAG	180
AACACTGCTG	GCAGATCCAG	CTCTCATAT	AGCGCTTCA	CCCGGCTCAC	TTTCTCAGCC	240
TCCTTCTGCT	CGTAATTTTC	CTTCAGGATC	TGGTACTGTT	CTGGAGTGGC	CCGTTGACAG	300
CACTGAACTA	TCAGCCAGAT	GCATTTGTTG	TGCTGATGTT	CAGTGCCAAAT	TTTGCTGCTC	360
ACACTGCTCT	TCCCAAGAGG	GTCAAGGTAA	TCATCTCTGA	TCTGAAAGAA	CTCTCCCATC	420
TCCAGTAAIA	TCCTTTTCTG	ATTGGCTGCT	TCCTCTCTG	CATCAATTCG	TGCTATGTA	480
ATGCTGCTAG	CTATAAG					497

Name: 142 Len: 353 Check: 1831

TTTTTTTTTT	TTTTAGAGAT	TGTTSTGACT	TTTATTCAAT	TTGAAATGCG	GATTAAATA	60
AAAGTGTGA	GAGCAAGGCT	TTACAAATAT	TACATTACTA	CGTCATTGAT	ATGGCTTTTA	120
CACTGATTGG	ATACAGGAAA	AAAAAAACCT	TAACATTAGA	ATTAAGGCGG	TAACACATG	180
TGCACACCCA	GCACACCCCC	TGACAGTCTT	CAGTAGAAAA	CTACTCTGGT	CAGGTGGTAT	240
CTGACATGGC	TGCATGACGG	TCTCATTGCA	TGGAAGGATA	GGTCTGAGG	AGCTTCATTC	300
CTTAAGGGGG	AAAAGGACCC	TTCTCACTGG	CCAACGATGG	CCAGGAGCAG	CTT	353

Name: 143 Len: 559 Check: 1138

ATGCTTCACA	CTTGGTTTGC	TTATATTGAT	CATTTAAAAA	GAGATATTAA	TCTTACCTAT	60
TGCTATGAAT	ATTTCAATTA	CATTCAATTA	TGTTTTAGCG	GATGTCTCCA	TGAATAATAA	120
ACTATTGTCA	TCTGCATAGG	ACTGTGCTTC	CTGAAATCT	ACTGCTCTTT	TATTTGCTAG	180
GTGCGCTTIG	TTTCCCGATA	AAGCTATTAC	AATGTTAGGA	CTGCTTGGCC	TCTGAASTTC	240
TTTAACCCAA	TTTTTTGCTC	TTGCAAAGGA	CTCCTCATTT	GTGATATCAT	ATACAATAT	300
GGTGTCTTGT	GCTCCTCTGT	AGTACATTGG	TGCTAGGCTA	TGCTATGCTT	CTTGACACAG	360
TGTAATCCAT	ATTTCAAACT	TTACTGTAGT	GTCAATCAAG	CATRCAGTTT	GGGTTAGAAA	420
AGCAGCTTCA	ATGCTACTTT	CTTGAAATCA	TGACATTGGC	TTTCAAAAAA	CAGGCACTAG	480
GCCTGATTTG	CAACAGCGGA	CTCTCCGAGA	GTACTAGTTT	GAACTGCTTA	TNTATTTCCA	540
GTATTGGCCG	CGTGCTTCT					559

Name: 144 Len: 572 Check: D1C

TTTTTTTTCC	TTTTAAATGC	TTCTTTTTATT	TCATTGGTTG	TACATTGGGT	GAGTGAAGTG	60
AAATATTACA	CCAAAACATA	GTATTGATAC	AAATTAGACT	CCTGTTTACA	CTGTAAGGTA	120
ATGAATGAGG	GAATTCTTTA	AGTGTACAG	AAAGATTAG	TAGAAATGTT	ACCACTGGTA	180
TGCTGTAAAG	AATATTTGGG	TGAAGTGCTG	TTATATCTCT	AAAACCAAGA	GTGAAATGTA	240
GTTCCTCATAC	AAGTGGAGAG	TTAGTCTCTT	AACTACAGTA	TTGTGTGAAC	TGATATCTTC	300
ATGTCTTTGA	TATTGGTGAT	TTTTGTTTTT	TAATTAACA	AAGCATTTAA	GATTTATTCA	360
TCATAGTCAG	ACTTCTGAAT	ATAAACAAAC	TTTTGSCAAA	TATATTTTAT	ACAGAAAAAT	420
AGTTTTAGAT	CCTCTCAAAAT	CCCAGAAATTA	TTCTATAAAA	TTACATTATA	AATAAATAAA	480
AAGCAAAATC	TGTTGTACAT	ATATTTGTAC	ATCTAIGCAT	TTGCTTTGCC	TCCTCCTTAT	540
TCTAAATGGC	ATATTTATGA	CTCTTTGCAT	AT			572

Name: 145 Len: 402 Check: 1D03

TTTTTTTTTT	TTTTTTGTCT	TAAGGAAGTT	TTTTGGCATT	CTTTTTTTTT	TTAGATTACA	60
AACTACATAC	AATAAGTGA	TTTTATCAAA	ATACAGCACA	TTCTCTCTAC	TATATCCATA	120
AAATCAATTT	CTATGTGAAA	TAGTACTGAA	AATCAACTAA	AATGAGTTAA	AATTTACAAA	180
GATTTGTAA	AGGCTTTTAA	TCAAAATTTA	TAAACTATA	CAGTACAATA	ACCAATTGAT	240
AACATCTTGA	AAGAAGTCCA	ATATTTGAGT	TCACATATTT	TTAAAGTGGC	TGCTACTTTA	300
CTCTGACTAG	CAAGAATGGA	AAGTGAAGTC	AACTACTTTT	TSCAAAAATA	ATGTTGCTTG	360
GTCTTTTAA	CTAGCTTTAT	AAAAGTCTTA	ATTAAATCA	AG		402

Name: 146 Len: 482 Check: 23

AGTAAACA	AAGTATGTTT	AATGGTTGCT	TTGGAAAGGG	GAACTGGGCA	CTCATGCCA	60
GGGAGATTTA	AAAATGAGAC	TTTCAAGCA	AGCACTGCTT	ATAGCATAGT	CTCATATTTT	120
GAATATTTAA	AGTAAATTTT	AATATATAT	AAATAAATAT	TTTAAAAAAT	CAACACCAACA	180
AGTAAAAAAC	TGTAATTTTG	TTTACAAAGT	GTACGCTCAG	TACAGCAAAAC	TCATCTCAAC	240
AAAGATTAT	GTCTGCTTTC	TGCGGCTTTA	AAATTCCTCT	GGTTTTCAT	TAAATGCTTT	300
AACTATTGAGT	CATCTCTCAT	ACATGAAAGG	CCTGTSTAAAT	GAAGCTTGGG	TCCTTTAACA	360
CTCTCTATTA	ATTAATTTCA	ACATAAGTGA	GTATGAGACC	TGNGAAGTAA	ATTGTCTATCA	420
TCTGATTGAT	GAGGTACAGA	TTATCTGAAT	AAAATTTCTG	ACCTGCTTAT	GATCAGTAA	480
TT						492

Name: 147 Len: 449 Check: 149E

TTTTTTTTTA	CATTCTTAAG	TTCTTTTATT	CTTATAGTT	TTCTAATGAA	CAAAATAGTTA	60
TTTTCTCTGA	GTAAGATTAT	AAAAAGTTA	AGCATTCTTC	CAAAAGTATA	AAGACCAATA	120
AAATCTGAC	TCATAATACA	AATTTTTTAA	ATAGTATTA	AGGTGACAGAT	ATTGATGCCC	180
CCTCTTCTAT	ATGATTGGCC	CACTCTTTAA	AAAGACTGCA	ACAGAGGATT	CAATTTCTTA	240
AAATCTTCTG	AAGTACAGAA	ATTAATGCT	TTAGTCCATA	AACATATCCC	TCATCTATTG	300

TTTCTTATAGG TAAAGATGGA TAAAAATGTA TTAATGCGAC TTCTACTTAA GCAATCTCTT 460  
GGCAACCGAGT GGAAGATGCG TAGAAAATT TTTCTAGTGG GGAAGTAAJA TTTCTATTTA 420  
AATGTTCTTG TGAATGCTT TTCCACCGAT TSTATTGCTC CAGATTTTAA ACTTTCAATG 480  
AAGTCTGAC 480

Name: 148 Len: 372 Check: DA7  
TTTCACTTTT TAATTTTATA TTATTTGCGT CATACTTTT CTSTAACGGA AGTGTTAATT 60  
TTACTGTAAT TTTTGGTACC TTTTGGGAAT CTAATTTATF GTAAGGTATT TTACAGGTGT 120  
CCTTATTTTG CCACAACCTG GATATTGAAG CTATCCAAGC TTTTGAAATA AAATTTAAAA 180  
AGTTTCAAGT TTGCTTGAGT TTGGGATAAG TTGTGTGAGA CTTCTTTCTC AGGTTTGAAG 240  
GAGTGGGGG GGGGGGNNNN CNNNNNCCCT CNAATTTTTC CTTCTTTCTC NNCANCTCTT 300  
TCACTTTTGA GGCCTAATTT GGGGSTATCT TTTAAGGACT GCTTCTCTTA GGTCTGGGCT 360  
CCTTTTTCAA GA 372

Name: 149 Len: 491 Check: CA  
GTTTTTAAAA CAACCAAATT TTAITAAAGG AAAATTTTTC AGGTTTAAAG TTTGTAGGTG 60  
AAATTTTCTA GGTGAAAAAGG TTTACTTTTC ACCAGTCTGT TCTGGCATGC TTCTAATGAT 120  
GTGAGAGTCA CTTGGATCAA TGATAGCCAG TGTGCACT CTGTAGTATT TTCCGCATGC 180  
GCTGGCCAGT TCAATATTAT TGCCACTGTA GTGATGGACA CCASTTTTTC CCAACATAGC 240  
ATAGTACTCT ATTTGAGATT TCTCAAAAGC TGGGCTAGTT TTAGTGAGAA TGACCAATTT 300  
GCTTTTGCCT TCTCTGATCA TCTTCAGAGT CTGCTTTGTAC CCCAGGACCT ACTTCCCACT 360  
TTTCATAAAG AGTTGGAGCC TAGAGTTGAT GCACTCCAGC GACTTTTTTC TCTTCTTTGC 420  
GGCCACCAAT TCTCTGCCTT AGGAGCGGGA GGGGCCCCAA CCTAGAAGAG ACAGAGAACA 480  
GGACAGGAAT T 491

Name: 15 Len: 601 Check: 1356  
CGACAACCTGT GGTGACAAAC CATGTTCTTG CAGCCAGTCT CACTGTTGTA CAGCATGGTC 60  
AGCCATGGGT GTGATGTCC TCTTTTTCGC TTGTTTATGG TGTACCTTC CAGCCAAGGG 120  
TTGGCTTAAA TTSTGGTAGG GGTGTTATGA CCGGCTTAC AGGCTCTGTT GCGCTGTAA 180  
AAATTCAAAC ACAGTTTCTT GCAAGTTTC CACTGTCTTC CCTAGGAAT TTGAAAAACC 240  
AACATAGCAT CATTAATCAG GAATATTACA GTAATGAGGA TTTTTTCTCT CTTTTTTTAA 300  
TACACATATG CAAACCACTA AACAGTTATA ATCTTGGCAC TGTAAATAJA AAGTTGGGAT 360  
AGTCTTTGCT GTTTGGGGTG AAATGCTTTT TGTCCATGT CCGTTTTTAC TGGATATGCT 420  
TGTTAGAAT CCACTAATG GAGCTCAAAG TATGAGATAC AGAAGTTGGG TGANCCATGT 480  
ANTGCATAAG CTAAAGCAAC ACAGACATC CTANGCAAAG TTTTTGTTG GTGAATAGTA 540  
CCTTGCAAAA CTTTAAATT AGCAGATGAC TTTTTTCCAT GGGTTTCTCC AGAGAGAATG 600  
T 601

Name: 150 Len: 455 Check: 2548  
CATTTTTAAT TTATTATTAT TGCAAAAGAA CAGTTTTTCT CATGATTAT GAAATAGAAA 60  
ACTCACAATA TACTTAAGAG TCTGCAACAA GTTACATAGA ATCAGAGGGA CTTCAAAGGC 120  
TTAAAAAGAC GTTTACAAT TAAATGCATT TTTAAGAAJA AAAACTGATT TTTCTTTAAA 180  
CCTCTACTCG TACCTTCAAA TTGCAAGAAA TTAACAATA CAGTGGGCAA AGGATCTGC 240  
AGCAACTCTT TAAAATACTG TTAACATCTT TGGGTTTGT GAGGCTTGT AGTAACTTAC 300  
ATCAAAATCT CCAAAAGAA GATCTGATTA CATAAGATG ACTAAAGCT TTTGTAGTAA 360  
CAATCAATT TTACACATTA ATTTGCTGTT GCAAAATCTG CCAAAGCTAC AGGTAATGAA 420  
AAATAAGGA ATGTAAAAAT GATAGTCTG AACT 455

Name: 151 Len: 465 Check: 298  
AGCTTGTGGA GGTGTCGCA GGGGTGGATC CTGAGCTGCC GAAGCGGCGG TCTGCTCTC 60  
GCGGCGGGG TTTCTAATT CCATTGTTTT TTTTAGATT TCTCGGCGCT AGCGTCTCT 120  
GGAAGCGGAT ATTGCGGTG GCGGCTTCTG CCGCTGGGCT CTAGCGGCTT AACAGTAGCA 180  
ACAGAAAGCG GCGCGCGGGG AGCAGTAGCA GCACGAGAG CAATCTCTTC CCGAACACGA 240  
GCAAGCAGG GCGCGGAAGG CCGGAACAGG CTTTTAGAGA AAATGCGAGA CGATATTGAT 300  
ATTGAAGCAA TCTTGAGGC TCTTACAAJ AAGGTGAGAA AAACATCTC GGTGAGGTTT 360  
ATATAATTTT TAATTTAGCA TTAITCAAGA AACTACTCTT GAAATGTAAA CTAACTTCC 420  
CGAGGCGCTT TTATTTATG CTATTAGAGA TCTCTTACT GTAG 465

Name: 152 Len: 586 Check: 1873  
TCTTTCTTAG TTTCTTCTC AAATGCTTC TTAGGCTCTAG TGGTGGGCGG TGAATAGGC 60  
CCAGCTCTCT GTATACTTC CACAGAGCTG GGCACACAT AAGTTAGGGG CAAACTGGAA 120  
CTGTGGGAAG GAGCTGCAGC CTGTACTTTC CTTTCAGTTA GAGCTTGAAG CTGAGGAGC 180  
TTCTTTTAGCA AGTACTTCT TTTCTTTTT GTTTTAAJAA ATTTTCTCT AAGACGAGCA 240  
ATTCATAC AAATAAGAGC ATTTTCAAA AAGTGGGCT TGGTCTCTT GCGAGCGGCT 300  
AGGTAITTTA GCGGTACTT CTCATCTCT GCTTTCTCTG GAGCTTTTTT CATCTGGGCT 360  
TCTCTGACT GTANTGAGG CTGCGG 586

Name: 153 Len: 601 Check: 182  
TTTTTTTATT GCTTGGTTT TATTTTCTAT GTTTATAAAA AAAATATGAA CTTCTTTGT 60  
GTGAGTGAAG GGGGTGTTAG CTTGTGATG TTGCTCTTGG GTGCTGTAC CCAAGTGGCT 120



TTTCAATTTT	TAA	CACTG	CTAAATTAAG	CAAGCTCCAG	CTTAAATTT	CTTACACTT	130
TTTCTTTTGG	AAA	ATTTCT	TTTCTTTAGT	TTACTCCAGT	AGGCTTTCTT	CTTCTTTTAC	210
AGGCTCACTT	TTT	TTTAAAG	AACATATGAA	ATATCATCTT	ATGATGAGCT	ATATAGCTCT	300
TTTCTTCACT	TTT	TTTATC	AAGATAGTGT	CCAATGAAGT	CTTACTCTCT	TTTCACTACA	380
AAGATGCTAT	TTA	AGGCTCT	AATGTAAATA	TATTCATCAG	CTTCTTCTCT	AGTAAAGGAC	420
CTACATTTT	TAA	ATATCT	TACAAATGCT	ACTGCGATGA	GATCATCTAC	ATTGAGGATA	480
AGATTTTGGT	TTT	TTTGAAT	GTAATTTTCT	CTACTTTCTG	TTTATAAATC	GAGCAGAGAG	540
TTTCTCAAGG	TTT	TTTCTT	TTTAAATCTT	TTTAAATCTG	CTTCTGCTAT	TTTCTGCTAT	600

Name: 154 Len: 240 Check: 11AF

GGTCTTTTCT	ACTTTTATT	GGCAATGCTT	TAAATGCTCT	AACTATAAAA	AAAAAGACAT	60
TTTGAATATA	AACTATGCTT	TTTGGCTGCT	AATAAATAAA	AACTTTTATT	ACAAGGAATG	120
CACTTTTCTA	GGCAAGAAAT	TTTCAAAAA	TTAATGAAAA	AAATTTATAT	ATGCTCATAG	180
TTCAATGCTT	GGCAAGAAAT	AGCTGCTCTA	ATTACAGCTT	TTAAACAACA	TGGGAGCTTC	240
CTGCTTTTCT	CTTCTCTCTT	AGGAAGTATA	TTCAAGCTTC	CTTAACTCTT	TGGCTGAAAT	300
CTTCTCAACA	GAGAGAAATTT	AAGAATCAAT	GCACCTTTCT			340

Name: 155 Len: 759 Check: 01EB

CTTCTCTCTA	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	60
CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	120
CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	180
CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	240
CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	300
CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	360
CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	420
CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	480
CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	540
CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	600
CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	660
CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	720
CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	759

Name: 156 Len: 703 Check: 24F3

TTTTTGAAG	TATACAGGGA	GCTTTATTAT	ACAAAATGGC	GGGCTGGGGG	GGGCTGGGGG	60
GGGCTGGGGG	TATACAGGGA	GAGGCTAGGT	CATGCTGGCA	ACAGGAAGCA	ACTTCTTAGC	120
CAGGGCTGGG	GGGCTGGGGG	CTGGCTGGAA	TTCTCCCTGG	GTACATGGAG	GGTGGCAGCC	180
GGCTGGAGCT	GGGCTGGGGG	GAAGCGAGAT	GGGACGCTTA	GGGAGCCGCG	GGGCTGGGGG	240
GAAGCAGCTT	CTTCTCTCTT	CCATGCTGGG	TGGCCACAAA	CTTATACCTG	TTTCTAGATG	300
GGGTCTCTTT	AATTTGTTGAT	GAGGTCTTGG	AGCTCTCTCT	CTTCTCTCTT	AGGCTTTTCT	360
TGCTCATGTC	TTTCTCTCTT	ATATCTCTTC	AGGACGGAGT	CTTCTCTCTT	GACTGAGCTT	420
GTACCTGAGC	GGGCTGGGGG	CTTCTCTCTT	TACTGGCCAC	AGGCTCTCTT	GGGCTCTCTT	480
TGGAGGCTTG	GGGCTGGGGG	CTTCTCTCTT	GGGCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	540
GTCTGAGGCA	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	GCAAGTCTTG	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	600
TACTCTCTTT	TATTTGAGCG	TTTCTCTCTT	TGGCTCTGTC	NATGAAGTTC	GTGCTGGGCT	660
CAGGGAAGCG	AGGCTCTGTC	GATCTCTCTT	CAAAACCAAG	GGG		703

Name: 157 Len: 757 Check: 07F

CTTGGTCTGT	CTTCTCTCTT	AGGCTCTCTT	TCTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	60
CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	120
CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	180
CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	240
CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	300
CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	360
CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	420
CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	480
CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	540
CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	600
CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	660
CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	720
CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	757

Name: 158 Len: 455 Check: E31

GGAAAGTAAA	AAATCTCTTT	CAAGCTCTCT	TTATTCTCTT	ATAATGACTA	CTTCAAGGCT	60
CATCTGCTCT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	CTTCTCTCTT	120
AAAGGAGGAA	AAATCTCTTT	CAAGCTCTCT	TTATTCTCTT	ATAATGACTA	CTTCAAGGCT	180
AGATTTATAA	AAATCTCTTT	CAAGCTCTCT	TTATTCTCTT	ATAATGACTA	CTTCAAGGCT	240
GCAAAAAGTC	CTGAAGCTCT	CTGAAGCTCT	CTGAAGCTCT	CTGAAGCTCT	CTGAAGCTCT	300



TATGTGGAAC	TATAATACAT	ACATAATGAA	TAATGGAAC	ASAAAAAGAG	TAAATTTCTG	367
ATTATAATGC	AAAAAGAGTT	TATCTAAATG	TGGAGGTAGG	TCTTCACTCC	ATTATACAA	420
ATAAGTTATC	AGTTTATATC	AAAGAATTAT	AAGTC			455
Name: 159 Len: 486 Check: 517						
TGGTTTTCTT	CAGGCGCAGT	CTTGTCTCT	CTGAAGAAAA	TTCTTGCAC	GCTCAGTGAG	27
AAATACAGCA	ATTCAAATTC	CTGTAGATAG	ACATCCAGTC	GCTTTTGAGT	GAGATTCAAT	101
GTITGTAGCA	GTTTTTTATC	TGGACTGAT	GACTGTACAT	TCTGTGCTT	AGCAACTGCT	191
CTTATCTCT	TCAGGTATTT	CTCTTAAAC	GACTGGAAC	AGTGAAGTGA	ATCAAACTTC	24
CAATAATAT	CCAAAAGCTT	TAGAATGTA	GCCACACCA	TGGCAAGGCG	ATCATCAGTA	311
AAGGCACCTC	CAATTTTATT	TTTTTATTT	AATTTTTCT	TGCAACTAAT	GGAATGCTCT	361
ACAAAGTTGA	GGGTACAGAG	GGGAACAAT	ATATAGAAAT	TTCCAGAGATG	TATATTCTTT	411
GGCTTCGAA	ATTCTGAGC	AAAAAGCTCT	ACAAGCATTT	TSAAATATTC	TGTGCTTTC	481
GCAGAA						486

Name: 16 Len: 511 Check: A08						
AGAGGATGCG	CAAGGCGCTG	AACGAGAAAT	CTTGCAACTG	CCTCTGCTC	AAAGTCAACC	61
AGATTGGCTC	CGTGACCGAG	TCTCTTCAGG	CGTGCAAGCT	GGCTTAGGCC	AATGGTTGGG	120
GGGTCACTGT	GTCTCATCGT	TGGGGGAGCA	CTGAAGATAC	CTTCATCGCT	GACCTGGTTG	191
TGGGCTGTG	CACTGGGCGAG	ATCAAGATTC	GTGCTCTTG	CGGATCTGAG	CGCTTGGGCA	241
AGTACATCCA	GCTCTCAGA	ATTGAAGAGG	AGGCGGCGAG	CAAGGCTAAG	TTTGGCGGCA	300
GAATTTGAGA	AAACCTCTTG	CCAAAGTAAG	TGTGGGCGAG	CAAGGCTTCC	GTCACTCTGT	360
GGGTACACAG	ACCCCTCTCC	TGCTGTCTAGT	CAGGCGCTCG	AGGCGGCGAG	CAACACTTTC	420
AGGGGTCTCT	CTAGTTAGCG	CCCAAGCGCG	TTGAGTTCGT	ACCCTTCTTA	GAATNTACAG	480
AAGCTAANTC	CTTGGAGCCT	GTTGCANTCT	A			511

Name: 160 Len: 638 Check: 251						
GGGCTCTCTC	TTCACTTTCT	TTATCTTCAT	CATCTGAAGA	CTCTTCTCTG	TTTTTCTTTT	61
CATCTTCTATC	ACTAGTAGAT	TCATCTGACA	GAATTTTCAGG	ACATTTGGTT	CGCTTAGCCT	121
TACTTGGCAT	TCCAGAACTG	TTCCGCTCTC	TTTTACTGCC	TTTCTACAA	GACTTTTTAA	181
ATTTGGCAAA	TGGTTTGCCA	GAAGGCTTTG	GATGCAATTA	GAAATTCAGG	ATCCTCTTCA	241
CTAGTTTACT	ATTTACACCT	GATCTCTCCA	AATCAAGAAC	CTCACAGATG	CTCTTTAACA	301
TGGCATTTCT	AAATTTTTC	AACATTTCTT	CCTTCTTTTT	ATATTGGACA	CTTCTTTTTT	361
CAAAAGGAAA	GCGACTGAAC	TGACCCACAT	TCTTCTTTAA	TGAGGACACA	CAGCCTGGCC	421
TGTGTAAAG	CACTTTGTGT	ACATATCTAA	GATCATCCGT	TTTCTTCTTA	CTTAGAAAAA	481
CATGTATGCT	CTCAATTTCA	CAAAGCGTCT	GGCGCTTTCC	TTGCTGCATT	GTAAATTGCT	541
CTCTCTGCAG	GGAGAGACGT	GCATTGGGAC	CTCTCTACTT	TTTCTTTTCC	CTCTTGCCTT	601
CTCGAAGAAA	CCTTTTTTTT	TCTTCTCTCT	CTTCTCTC			638

Name: 161 Len: 845 Check: 445						
GAATTCGGCA	CGAGCCTGTC	TGGAGGAGTG	GTAGTGAGTG	CTATATTCTT	CATTTTGTCT	60
GCGAATATCT	TATCATCTCT	CTCTAAGAGA	GGACAAAAAG	GTACCTTAT	TGGATATTCT	120
CTGGAAGGAA	CACCTCTTTA	TAACTTCATG	GGTGATGCTT	TTCCAGCATAG	CTCTCAATCG	180
ATTCCTAGGT	TTATTAAAGGA	ATCACTAAAA	CAAATTCCTG	AGGAGAGTGA	CTCTAGGCAAG	240
ATCTTTTACT	TCTTGTGCTT	GAATCTGCTT	TTTACCTTTG	TGGAAATATT	CTATGGCGTG	300
CTGACCAATA	GTCTGGGCCT	GATCTCGGAT	GGATTCCACA	TGCTTTTTGA	CTGCTCTGCT	360
TNATCTATGG	GACTTTTTTG	TGCGCTGATG	AGTAGGTGGA	AAGCCACTCG	GATTTTCTCC	420
AAGGCTAGGG	GCGAATAAAA	ATTCTGTCTG	GATTTATNAA	TGGGCTTTTT	TCCAAANAGN	480
AAAGAGGGGT	TTTTGGGGTT	ANGGGAGNCA	AGNGGCAAGA	TGGATTGGAN	GGGCGAGGAA	540
TTAAGGCTTC	CCACANNGNA	AACAGCCAGN	NCCANTTGN	GGGCGNINAA	NNAAACCCCTN	600
ANTGGGACCN	GGGNCCTTNA	NCCAAAGGCC	AAGNCANGCC	CAGGGGGGCT	CCNCAAGGGG	660
AGNNGGACCN	AAANNGGGNC	AAAGGCTTTT	CAAACNCANN	GGNNGGGNCA	AGGGACCCNG	720
GGGNGGGGG	AACCNCGGGG	TNNGGGGGGG	GNGNAAAAACN	CAAAANNGGG	GGGNATCCCA	780
AAAGGTTGGG	AAAAACCTTG	GNAAAAAGGG	GGNNGGNCC	AAAGGCGNAA	AAANNGGTGG	845

Name: 162 Len: 496 Check: 176A						
TGTAATACCT	CTCATCTTTT	TCTCTTACA	CAGTGTCTGA	GAACATTTAC	ATTATAGATA	60
AGTAGTACAT	GGTGGATAAC	TTCTACTTTT	AGGAGGACTA	CTCTCTCTG	ACAGTCTAG	120
ACTGGTTTTC	TACATAAGA	CACCATGAG	GAGTATGTGC	TCTATTATT	CTTGGCTTTG	180
TCTCTGCGCA	AACTCTTCTT	TAGCCTTCA	CACATCGCAC	TGAAGAATAT	GATGCTGAAG	240
CATATGGAAG	ACAATGATGA	TGATGATGAT	GATGATGATG	ATGATGATGA	TGATGATGAT	300
GAGGATAACT	CTCTTTTTTC	AACAAGAGAG	CCAAGAGGCC	ATTTTTTTTC	CATTTGATCT	360
TTTTCTAAG	TCTTCAATTTG	GATGTCACTG	CTATTACAGA	GTTGTACATT	GCTCAATTTT	420
AGTTTTCACC	TCACTTCCAA	CCAACATTC	ATTTGATACT	CGAATGCTTG	ATCTTCAAAA	480
CAATAAAAAT	AAGGAA					496

Name: 163 Len: 491 Check: 21BF						
TAGGATTAA	AAAGGATTTT	AATTATACAC	ATATGGTAC	AATTTTGCCT	TAAAAAGATT	60

TTTGGGAAAT GTACATRAAG TCGGTTGTAA ATGTAGATG DATTACTAT ATGTUTTATG 120  
 TCCAGGAAAG AAAATGTTAT CATACAGATT TCGTCTTACT TGGGAGTAG CTATTCAAAA 130  
 ATACAGTACT GTTCTGTACA AAGAAAAAAG TCACATCACA TTTAATAABA TGAAGAAAGG 240  
 ATTGGTTCG ATGGAACCA AATATCTCAG TCCATATTT TATATTATG ACAATACCTT 300  
 GACTTAACTT GAAATGTAT CAAATTTCTAG CAGGTGCATA TTAACASTCA AATATATGT 360  
 TATAAAGCA AATATATCTCA CAATAATAAA AAGAAAGCTG GTTCATACCT CTGAAACCAT 420  
 ATAARATATA AAAATTTTTA AAAAATTAAT CTGATTTGG AAAAAAAT TTACATTATA 480  
 CAACATATA T

Name: 164 Len: 457 Check: 1489  
 TTTTITITIT TATATACAT TATTATGCT GGGGGGTTGG GAGAGAGAT TGGAGAAATA 60  
 TGTGGGTGCA AGAGTCCCA GGTGGGACA GGGAAAGTGT TGAAGGCTTG CCACTACTGG 120  
 GCAGGGAAGA CAGAGTTGGC ACTGTATGCA CAGGGAATGA GCACTCTCTG GTACTGCAGG 180  
 GGCAGGTGGC GCTCCACTAG CACGTGCAGT CAGACTTGGT CAGTGAACAG GGCCTGCGGC 240  
 CCGATCAGCA GCTCCAGGTC CTCTGGCTTC ACAGTCTTGG GGCAGCATG AGCAGCAAT 300  
 ACGTCCAGAT CATCACAAAG ATGCTGGAAA TATTTATCTA GGCATTTCTG CAGCATCTCA 360  
 AGAGGCTTTC TCTCCATGGG CATCTTGGCA TAGAACTAA AGAGTTTTCAG ATAGTGGCTC 420  
 AGTTCAGGCT TGTGGGATG TTGGCGGNGC CTGGNGC

Name: 165 Len: 477 Check: 1741  
 TTTTITITIT TTTIATTTTT CTTCCTCAAT GGTCTCTCAG CCGCACTGCT GGGCCCTGAA 60  
 ATAGGTCAG CTCTCTGTAT AGTTCCCAACA GAGGTGGCCA CAGCATAGT CAGGGGGCAA 120  
 CTGGAAGTGT GGGAAAGAGC TGCAGCCTGT ACTTCCCTTT CAGTTAGAGC CTGAAGCTGG 180  
 AGGAGCTTCT TTAGCAAGTA CTTTCTTTCT TCTTTTGTG TAAGAAATTT TTCTCAAGA 240  
 CGAGCAATTT CATCAAAAT AGCAGCATTT TCAACACCG TGGGCTTGGC CGCTTTGGGC 300  
 AGCGGAGGT ACTTCAGCG GTACTTCTCA TTCTGGCTCT TCTTCGGGAG CTTTTTCATC 360  
 CTGGGCTTGG TGGACTGAG CGGAGCGCGC GCGAGGAAG CGAGGCGCTC CAGCAGGCTC 420  
 ATGCTCCAGC CTTGCTAGG GGGCCCGAG AGGCTTCCCG CATCGGATCC TAAGTGG 477

Name: 166 Len: 469 Check: 1844  
 GAGAGATGA CAGAAGGGGC TACTGCGGCA GAACAGAGG GCGCTGAAC GTGCCATGG 60  
 GGATTTGGAT CGGAGCGAC AGAACTAGA GACTCAGGAG AAGAAATCA TTGCAGACAT 120  
 TAAGAAGATG GCCAAGCAAG GCCAGATGGA TGCTTTTGGC ATCATGGCAA AAGACTTGGT 180  
 GCGCAGCGCG CGGTATGTGC GCAAGTTTGT ATTATGCGG GCGCAACATCT AGGCTGTGTC 240  
 CCTCAAGATC CAGACACTCA AGTCCAACAA CTGATGGCA CAAGGCAATGA AGGGTGTGAC 300  
 CAAGGCGATG GGCATCATGA ACAGACAGCT GAAGTTGCCC CAGATCCAGA AGATCATGAT 360  
 GGAGTTTGA CCGCAGGAG AGATCATGGA TATGAAGGAG GAGATGATGA ATGATGCCAT 420  
 TGATGATGCC ATGGGTGAT AGGAAGATGA AGAGAGAGT GATGCTGT 468

Name: 167 Len: 399 Check: 208  
 TTTTITITIT TTAGGTTTAT AATCAGCATC ATCTCATCT CGAGGTCTCT TTAATGGCTT 60  
 TATATCTCT TTAGGAGGAA CAAAATAGCC ATCATCTTCA GGTTCATCTT TAATTTGTGG 120  
 TGGACTAGAG AAGGCAATTT CTTTCTCCTT CTTTATTTTT GCATCCCGAG AGGCTCGAAC 180  
 CTTTCTCTCT TTGGTTTTT CTTTGTCTCT GTCTTTATGT TTGTCTTTAT CTTTCTTGA 240  
 GCTTCATCTT TTGTGTTTT TCTTCTCCTT CTCTTTGTGT TCTTTTTCAG AATCTTTATG 300  
 TTAATGTTG CTATGCTTGG ACTTTTCCCG GNCCTTCTCC TTTCTGGGTT CTTTTGNGCC 360  
 GNGGTCTGCA TCTTTTGGTT ATTTTTTGT TATGAGAT

Name: 168 Len: 557 Check: F21  
 GAGGCAAGC GCTTTCTGG CAACAGGJAA GCTTCACCCA CCAGAGGCA AGATGTCCAG 60  
 CAAGCGGGCT AAAGGCAAGA CCACCAAGAA GCGGCCACAG CCGGCCACAT CTAATGTCTT 120  
 TGCAATGTTT GAGCAGTCCC AGATCCAGGA GTTTAAGSAG GCTTTCAACA TGATTGACCA 180  
 GAAGCTGTAT GGTTCATTG ACAAGGAGGA CCTCCACGAC ATGCTGGCTT CGCTGGGJAA 240  
 GAAGCTTACA GAAGAAATAC TGGAGGGCAT GATGACGAG GCTTGGGGG CCAATCACTT 300  
 CAACATGTTT CTCACCATGT TTGGGGAGAA GCTTAACGCG ACAGGACCTCG AGGATGTGAT 360  
 TCGCAAGGCT TTTGCTCTCT TCGACGAGGA AGCTTCAGGT TTGATCCATG AAGACCACTT 420  
 CCGGGAAGCT CTCACCAACA TGGGTGACUG CTTTACACAT GAGGAAGTGG ACGAGATGTA 480  
 CCGGGAAGTA CTTATTGATA AGAAAGGCAA CTTTACTTAC GTGGAATTCA CCGGATCTCT 540  
 TAAATATGCT GCGAAGG

Name: 169 Len: 564 Check: 163  
 AGAGCTTGG CATGCTGAAA CAGATGAACA ATTACAGAAT ATTATATCTA AATTCTCTTC 60  
 TCTGTTTTG TTAAGACTCT TAGCACCCA AGAAGGAGTA CGTAAAAAGG TAATGGAAT 120  
 GGTGGTTCAT CTGAATAAAC GTATAAAAA GCGGCCCAAA ATACAACTTC CAGTAGAGAC 180  
 ACTGTTGCTT CATACCCAGG AGCTGTCTTC AGTTTCTTTT CTCACAAATT TTAATATAAT 240  
 TTAATGTAAG ATGGGTATC CTCGCTTACC AGTGGAAAAA AATGTGAAC TGGGCTCTAC 300  
 GCTTCTACT GCDATGGAAG GGAAGGCTCA GGCACAGAG GATAGCTTAA TGCATCTTTT 360  
 AATACCAAC CTTTTTTCACA TGAATACCC GTTTGAATCA TCAAAATCAG CTTCTCCATT 420  
 TAACTTTCTT GAGAAACCAA AGACTGTGCA GGTGCTTTTT GACTTCATGC TAGATGTCTT 480

TCTGATGCTT TATGGTTACG TTTTAAATTA ATCTCAGAT CGGCAAAATC ATCTTTCAGC 341  
ACAGGGTCTT TCTTTTCACA GTGG 364

Name: 17 Len: 438 Check: 14BF  
CAATGTTTGA AATATAAAAA GCTGAGAGTG TTCTGGGGCA GGGATCTCTC AGAACCAGGA 60  
GAAGAAGAT TTGGACCTTG GATGTTTCAT ACTACTCAGA TGATAAAGGC GTGGCAGGTC 120  
CAGATGTAGA GAAGASAAAG CGATTGCTAG AGAGCTCTCG AGGCCACACA CTTGATGTTA 180  
TTCTGTGTCT TCAAGATAAA CACTGCTTTA ATTACTCTCG GATGAATGTC TGCAGGCTCT 240  
TGAGGAGGTA TTTGGGGTTA CAGATAATTC TAGGAGTTT CAGGTCAAT ATCTAACAC 300  
NTTATCAGAA GGATGAGAA AAGTTGCTCG TATATGTC 360

Name: 170 Len: 457 Check: A6C  
GATTGTATG TGGGGTGGTG AACTATTITT ACATATTATA CCTAATGAGT AAAATTAGTG 60  
TAAATGTATA ACATGCTTCT AACTGTATT CTAGTGACCT TTTAGCGGTA GGTATTGATA 120  
CCTGCTATTT ATGATGAGT ATATAAGTGG TGAATAATA CTGACAGTAT TGTGTTTCT 180  
GTACATGCTT GGTCTTTTGA AACASATTTT AGTAAGCATT TTCCAGAGGT AAACTGTGT 240  
CTATTGCTA ATTTTATTC TAGGGCAAAAG TAGAGAGGGA TTATTTCTTT GAATGTATT 300  
CCAAATTAAT ATTTTCTTCT TTGGTATTTT TACATTTTAA GGCCATTTGG TGCAATTAG 360  
AAAGTGTGG CCTCCCTTCC GCTAGCCACA TTCANAATTA ACTTCCAAA CCTCAGGAAC 420  
ATTACAAABA ATTGAAACCT TCAATATGCT AGCAGG 480

Name: 171 Len: 527 Check: 703  
TTTTTTTTTT GATGGATACT AAGGGAGTAT TTTATGAAA AAAATAGAAA ACTACATTTT 60  
TACACGAAAT AAACCTTATGT CTGCAATACT CAGCCTTAAA TTTACCCCTC ACTTCAGAAG 120  
AGGTCCCAAG GGCAGGAATA ACACGCACAG ATTGTTTTTT CAGGACTTCC AGCCGGTCCA 180  
CCAGACCTGT GGCAGGTAA TACTGTACAA AGTCTTCCA CGTGATTTCT CTTCCAGGAT 240  
CTCGAAATA GAGGTAGAAA AATCCCATGG CAACGCTGCG CCCCAAAAAG GGCAGACTGC 300  
GGAAATCTCT GTCATCCAG GGGAAAGTCC CCGTTCTGCA TCCGCTCTTA CCAGGCAACG 360  
TTATCTGCTT TCCCTCTCTCT CTGCTCTCCG TCTCTCTCAG ACTCAGCAT CTCTAGTTCA 420  
CCAGTCTCTT TGGGTGTTTT TGAACACAG CACCAAGAAA ATAACCTCG TCTTGGCTGC 480  
AGAGTCAGCT TCTGAACCTG GATCCCTGAG AAGCACTGGA ACAGGAG 527

Name: 172 Len: 546 Check: 101E  
CGGCACGAG GACAACGCG CCGATAAAT AAGTGGACGA CTTTTCTTAA GGCCAGACTG 60  
ATTTGCTCAA TTCCTGGAAG TGATGGGGCA GATCTTACT TTGATGAGCT TCAAGATATT 120  
TATTTACTCC CCACAAGAGA TGAAGAAAT CCTGTAGTAT ATGGAGTCTT TACTACAACC 180  
AGCTCCATCT TCAAAGGCTC TGCTGTTTGT GTGTATAGCA TGGCTGACAT CAGAGCAGTT 240  
TTTAATSGTC CATATGCTCA TAAGGAAAGT GCAGACCATC GTTGGGTGCA GTATGATGG 300  
AGAATTCCTT ATCCACGCGC TGGTACATGT CCAAGCAAAA CCTATGAGCT ACTGATTAAG 360  
TCCACCCGAG ATTTTCCAGA TGATGTCATC AGTTTCATAA AGCGGCACTC TGTGATGAT 420  
AAGTCCGAT ACCCAGTTGC AGGAGGACCA AGCTTCAAGA GAATCAATGT GGATTACAGA 480  
CTGACACAGA TAGTGGTGA TCATGTCATT GTAGAGCATG GCCAGTACCA TGTAAATGTT 540  
CTTGGA 546

Name: 173 Len: 710 Check: 316  
CTCTTCTCT ATCTGGGCTT TCTTTTGAGC TCTTCTTGT TTATTACGTA GCTTCTTTAG 60  
CTCTTTGTC GACATGTTTG CTGTATCAGC TTCTTCTCT TTATTCTCAT CTGTAAGGGG 120  
CTTCTCATGA AGCTTCAAT AGATCTTAT AGCAATCTT GCTGCTTGA AGTAAATGG 180  
ATGCTGTGGA AGTACATCTT CTAGTTTTTA TAAGTCCACA TATGATCTAA GGGTAATCTT 240  
CTCTATACAG TATGATGAA ATCAAACTG GTCATCAGT ATTTCTATAA AATGCTCTC 300  
AATCTCATGA CATTTCTTAA GTGCTTCACC AAATTTATTC ATGCTTTAT AAGCTTGGC 360  
ACATCTCTT TGGAAACACA TGCATGCTAT TTCATTCAAA TCTCTACCG CTGATGTTCC 420  
TTCTCTCTTA AACTTTTAGC ACATTTCTTC AGCTTCTTTA ATCAGGTTTG CTTTTAGCAT 480  
GTATTTTGA CATTTGAGT TGATAAATCT GTCTCTCTG TCCAGGCTT GNGCCTCATC 540  
CATCTCATCT GAGCTCTT TAATATTCT AGCATGCTTA TAGATTTTAG CTHTCAGGAG 600  
AAGANCTCT ATTAATCTAG TGTACTTCA ATAGCCTAT TTATGTACTC CANAGCANTA 660  
TATGCTCTAC CAATTTTCTC AATATGCTGT GGCAGTAGT ACITGACCA 710

Name: 174 Len: 409 Check: 6EF  
TGCACAGCA TTACTACATG TGCACAGGAA GTAAAGAGC CATCTTCATT TGAACCTAAA 60  
TACAATAATC CTGAAATCTT TAGCAGCAAG TATTACTTTT AAAAGTAAAG ACACCTGAGT 120  
CTCTCTCCA CATATTGTTG ACTTCTCTCT ACTCAGACTG CATGTCATTT GAGATTTTAA 180  
AAASTTACT GGCACATTT TGAAGAAATGC CAGTCTTAA AAATAATTGT GTTAAAGAA 240  
CAAAAGTTTA GGTAAACAGA TTTTGAGTAC TGAAGACCAT TCAATGTTAC AAAGAAAAGT 300  
GAAAATACCA TTCTTTGCTC TAGATTAGCT CTCTCTTTA CATTAATTTA ACATTCGGAT 360  
GCTCTTTTGA AAACCTTTAA AATGTTGAAA CTGAAGAGC AAACAAAA 420

Name: 175 Len: 410 Check: 132D  
GGCATGAGCT TTGCAGGGAA TGAATACTGG ATTTACTCAG CCAGCAGCTT GAGGCGAGGG 60  
TACCCCAAGC CATGAGCCAG CTGAGGAGTG CCGCTGATG TCCAGCGAGT GATGCTGCC 120

TTTAAATTTAA	CTAAAAACAA	GAAGACATAC	ATCTTTTGCTG	TAGACAAATT	CTGGACATAC	180
ARTGAAATTA	AGAAGAAAAT	GGATCTCTGG	TTCTCCAAGC	TCATCGCABA	TCCTTSGAAT	240
GCATCTCCCG	ATAAGCTGGA	TGCCCTCTCT	GACTTGCABG	GCGGTGCTCA	CAGCTACTTT	300
TTCAAGGGTG	CTTATTACCT	GAAGCTGGAG	AACDAAAGTC	TAAACAGCGT	GAAGTTTGGA	360
ACCATCAAAAT	CCGATTGGCT	AGGCTGCTGA	GCTGSCCCTG	GCTCCACAG		420

Name: 176      Len: 473      Check: 2689

TTTCTTTTTC	TTTTTTTTC	AAAGGAAAAA	AAAGCTACTT	TTGTTTTTGG	CAACATTAAG	60
AAAGAAAGAA	ATATAAAAAA	CAATGTGGCA	TTGTTCTCTA	TTTATTAAAA	AAAAAGGGTA	120
CTTGGGCGAG	ACAATATCAG	AATTAGTTTG	TTTTCTAAAA	TTTACAGTAT	CTGGGATTTT	180
AAAAGTAGAA	CTTTTAAAAA	AGTTCAACAA	GTCATATAAC	ACTTAAACAA	TAAAAAAGC	240
TTTCTGADAA	AAAGCTCAGC	TTTTAAATCA	CGTTTTGTTC	CTTCAAAATT	GGGAGACAAA	300
TTGAGTTCTT	ACTGAAATGT	GGCTATGCGC	TGGTTGACAA	ATCTGAATTC	GAATGTCTCC	360
AAATGCGAGT	GCTTCTCTTT	CCGCTCTCTC	TAGGAGCACA	CCAATAACCA	GCTCCCAAGC	420
ACAAAGTTCT	GTTCCCATTT	TTTCTGTAGG	GGTGGGGGGT	GGACCTTCAG	GCT	473

Name: 177      Len: 423      Check: F33

TTTTTTTTTT	TTTTTTTTTA	CAAAGCTTTC	TGTAATATTT	TTATTTTCCA	TATTTTAGAG	60
TCAGAAAGAA	GCGCTTGGTA	ATAAAAAATA	TAGAGAATTA	TTTTCTTCAA	GCGCGCTCTG	120
CGCTGCGGCG	GGTCTCTCTC	CCCCGGGCGC	AGGCTGAGT	GGCGGGGCTC	AGAGGCTCCA	180
ACTCTATCTC	ACTATTTACA	GATATGTTAC	AGGCGGGGAT	GGTCACAGAG	GAAGGCTCCAG	240
CTCTCAGCAT	GGCGCCACGT	GGTGAGGAGC	CCCCAGGCTC	CTCGGGGCTG	TCTCGGACAG	300
AGACTGAGAA	GGCTGCGGCG	TCCCGTGGGG	GCTTAGGCTG	GGCGGGGCTC	CAGCGGGGGG	360
CAGGAGTGGG	GGTGTATCTC	GCTGTGCTTG	TACGCGGCTT	GGTCCAGGTC	CAGCAGCCTC	420
CGG						423

Name: 178      Len: 304      Check: 1952

TCAGGTTCAA	GTGCTGGATT	GTGTCTATGT	ACCATCCCAA	AACTCAGAGC	ACTTTATGGC	60
CGTCTTTGCC	CTCTGTGACA	TAACCTGAAA	ACTGCTGAT	GGCTTTTCTG	CAGTGGTTCC	120
CTCAGGGAAG	CGTTGATCTC	AGTTGAAGAA	GTCTTTCTCT	GGCATTCGAA	TGCTCTGTTC	180
AGCTTCATAC	TCTCTAGACA	CCCTTAACAA	AGGCTGTCTT	GCACACAAAT	TGATAAATAC	240
ACAAATATAA	TGATAATTAC	ACTAATAATG	ATATGTTTCA	AGGGGCACTG	GCGAGGTTCA	300
CACA						304

Name: 179      Len: 541      Check: 1295

GGGGCAAGAA	AAAATGTGAA	GGATTGGAAC	TGCATTTCTG	GAGAAAAATA	TGTCTTAATC	60
GCAAGTGTGG	CCAAGAAGAG	CATGATGTCC	TCTTGAGCAA	TGAAGAGGAT	CGAAAGTGGA	120
GAAAACTTTT	TGAAGACACC	AAGTATACCA	CTCTGATTGC	AAAACATAAG	TCAGATGGAA	180
TTCCCATGTA	TAAACGCAAT	GTTATGATAT	TGACGAATCC	AGTTGCTGCC	AAGAAGAATG	240
TCTCCATCAA	TACAGTTACC	TATGAGTGGG	CTCTCTCTGT	CCAGAATCAA	GCAITGGCCA	300
GGCAGTACAT	GCAGATGCTA	CCCAAGGAAA	AGCAGCCAGT	AGCAGGCTCA	GAGGGGGCAC	360
AGTACCGGAA	GAAGCAGCTG	GCGAAGCAGC	TCCCTGCACA	TGACAGGAGC	CTTTCAAAGT	420
GCCATGAGTT	GTCTCCGAGA	GAGGTGAAGG	AGATGGAGCA	GTCTGTGAAG	AAATATAAGA	480
GCGAAGCTCT	GGGAGTAGGA	GATGTCAAAC	TTCCCTGTGA	GATGGATGCC	CAAGGCCCCA	540
A						541

Name: 18      Len: 245      Check: E67

AGGAAATTA	CATTTTGATA	CCCATGCTAT	GGTTCAGGAC	NTTGGAAAT	CATGGNTTTG	60
ACAAAACACA	AGCAGAAACA	ATTGTATCAG	CGTTAACTGC	TTTATCAAAAT	GTCAGCCTGG	120
ATACTATCTA	TAAAGAGATG	GTCATCAAG	CTCAACAGGA	AATAACAGTA	CAACAGCTAA	180
TGCTCTATTT	GGATGCTATC	AGGAAAGACA	TGGTCTCTCT	AGGAAAAAT	GNATTTGCAN	240
ATCTG						245

Name: 180      Len: 685      Check: 531

TCCTGGAACA	AAAGTTATCC	TACACCTGAA	AGAAGACCAA	ACTGAGTACT	TGGAGGAACG	60
AAGAAATAGG	GAGATTTCTA	AGAAACATTC	TCAGTTTATT	GGATATCTCA	TTATTTCTTT	120
TCTGAGGAAG	GAGCTGTATA	AAAGAGTAAG	CTATGATGAG	GTTGAAGAAA	AGGAGACAAA	180
AGAAAGAGAA	AAAGAAAAAG	AAAGAGAAAG	GTGGGAAGAC	AAAGCTCAAA	TTGAGATGAT	240
TGGTTCTGAT	GATTAAGAAAG	AAAAGAAGCA	TGCTGACAAA	AGAAAGAAAG	AGAGATTAA	300
GGAAAGATAC	ATCATCTAAG	AAAGCTCAAA	CAAAACAAAAG	CCCATCTGGA	CCATTAATCC	360
CGAGATATTT	ACTAATAGG	AGTACGAGAG	ATTCTATAAG	AGCTTGACTA	ATGACTGGGA	420
AGATCACTTG	GCAGTGAAGC	ATTTTTCTAGT	TGAAGGACAG	TTGGAATTCA	GAGGCTTTCT	480
ATTTGTCGCA	CGAGCTCTCT	CTTTTGATCT	GTTTGAAGAA	AGAAAGAAAG	AGAACAATAT	540
CAAAATTTAT	GTAAGCAGAG	TTTTCTATCT	GGATAACTGT	GAGGAGCTAA	TCCCTGAATA	600
TCTGAAGCTC	ATTAGAGGGG	TGGTAGACTC	AGAGGATCTC	CTCTAAATA	TATCTCTTGA	660
TATGTTGCAA	CAAGGCAAAA	TTTTG				685

Name: 181      Len: 207      Check: A1C

TTCTCAGAGG	AACAGAAATG	AAATGACTCT	AAGGCTGGGT	TCTGGTGGCT	GCAGTGGTGG	60
GCTTGGTGGG	TGCTCTCTCT	TACGCTCTCA	TCCAGCAAGAT	TGAGGAGGCT	CATCTGGCTG	120

TGATATTCAG AGGAGTACGT TTAATAA TA GGGGCACTTG AGGAGGTAT CATATTCAT 182  
TGCTTTTAT TACTAGTIT CAGAATC 207

Name: 183 Len: 540 Check: A17  
AAATCATTTT GGTTTACGGA CACTTTCAGT AGCACTTAAAG AGTTTCAGAA TGAGCTTCTT 62  
CACTCTTCTT AGCATTTTCC CAGCAGCTCT TGATCTCTTC AGATTCAGCT GAATTCCTTGA 122  
AGCTCTTCTT AGCTTTAGAA CACTCATCTT TGCTCTCTAG CAAGCTCTCTT GCTTCATGAT 180  
GGATCTCTTA GGTCCTCTGA TACCTGACCA CCAGAGAAAG TCTCTCTCTT AAAATCTATG 240  
TCACTCTCTT ATCTCTCTT CACTCTCTAG TATCATCTT GCTCTCTCTT GCTCTCTCTT 300  
GCTCTCTCTT GCTCTCTCTT TCTCTCTCTT AATCTCTCTT GCTCTCTCTT GCTCTCTCTT 360  
CATCTCTCTT AGAAGCTCTT CAGCAGCTAA CTTCTCTCTT AGGATCTCTT CAGCTCTCTT 420  
GCTCTCTCTT AACTCTCTT GCTCTCTCTT AACTCTCTT CAGCAGCTAA CAGCTCTCTT 480  
TGATCTCTTA AGCTCTCTT CAGCAGCTCT CAGCAGCTT GCTCTCTCTT 540

Name: 183 Len: 526 Check: 7E1  
TCTATCTAA CTAGGCTAT TACTTCTGAG TAATGTGGGA GGAGATGGAG AAGAGATTGA 60  
AAGATCTTCT AAATTACATC AGCAAGACCA GGCTTGTGCA AGTTCTCTTA TCTCTCTT 120  
CTCTCTCTT GCTCTCTGATA GAGAAGTATC TGCTCTGGCT AGCTCTCTT TCTCTCTT 180  
GCTCTCTGAA GCTCTCTGAA GATTTCTCAAG CACTCTCTCT CCTCTCTCTT ATCTCTCTT 240  
CATCTCTCTT TCTCTCTCTT ATTTCTCTT TCTCTCTCTT AGTCTCTCTT CTTCTCTT 300  
TCTCTCTT TCTCTCTCTT CCTCTCTCTT TATCAGCTT CCTCTCTCTT CAATCTCTT 360  
GCTCTCTCTT GGAAGCTCTT CACTCTCTT CACTCTCTT CACTCTCTT CACTCTCTT 420  
GATCTCTCTT TCTCTCTCTT AACTCTCTT TCTCTCTT TCTCTCTT TCTCTCTT 480  
CATCTCTCTT GGAAGCTCTT TCTCTCTT AATATTCAAG AGTCTCTT 526

Name: 184 Len: 612 Check: 1418  
CAAGAGAGAG AAGAGAGAG GAGAGAGAG CAGCTCTCTT CAGCAGCTT TCTCTCTT 60  
GCTCTCTCTT AAGAGAGAG GATCTCTCTT CAGCAGCTT AGTCTCTCTT TGAGCTCTT 120  
GCTCTCTCTT AAGAGAGAG GATCTCTCTT CAGCAGCTT AGTCTCTCTT TGAGCTCTT 180  
GCTCTCTCTT AAGAGAGAG GATCTCTCTT CAGCAGCTT AGTCTCTCTT TGAGCTCTT 240  
GCTCTCTCTT AAGAGAGAG GATCTCTCTT CAGCAGCTT AGTCTCTCTT TGAGCTCTT 300  
GCTCTCTCTT AAGAGAGAG GATCTCTCTT CAGCAGCTT AGTCTCTCTT TGAGCTCTT 360  
GCTCTCTCTT AAGAGAGAG GATCTCTCTT CAGCAGCTT AGTCTCTCTT TGAGCTCTT 420  
GCTCTCTCTT AAGAGAGAG GATCTCTCTT CAGCAGCTT AGTCTCTCTT TGAGCTCTT 480  
GCTCTCTCTT AAGAGAGAG GATCTCTCTT CAGCAGCTT AGTCTCTCTT TGAGCTCTT 540  
GCTCTCTCTT AAGAGAGAG GATCTCTCTT CAGCAGCTT AGTCTCTCTT TGAGCTCTT 600  
ATCATCTAAAG AC 612

Name: 185 Len: 433 Check: 075  
GTTCTCTCTT GACAGAGAG TATCAAAAG CTTCTCTCTT AGTCAAAAG AGGCTCTCTT 60  
AGATCTCTCTT AATCTCTCTT ATCATCTCTT ACAGCTCTT ATTTCTCTT GATCTCTCTT 120  
AAGAGAGAG TCTCTCTCTT TCTCTCTCTT CAGCTCTCTT CTCAAACTT AATCTCTCTT 180  
AAGAGAGAG TCTCTCTCTT TCTCTCTCTT CAGCTCTCTT CTCAAACTT AATCTCTCTT 240  
GAACTCTCTT AATCTCTCTT TCTCTCTCTT CAGCTCTCTT CTCAAACTT AATCTCTCTT 300  
GCTCTCTCTT AATCTCTCTT TCTCTCTCTT CAGCTCTCTT CTCAAACTT AATCTCTCTT 360  
GCTCTCTCTT AATCTCTCTT TCTCTCTCTT CAGCTCTCTT CTCAAACTT AATCTCTCTT 420  
AAGAGAGAG TCTCTCTCTT TCTCTCTCTT CAGCTCTCTT CTCAAACTT AATCTCTCTT 480

Name: 186 Len: 377 Check: 2316  
ATATCTCTT GCTCTCTCTT GCTCTCTCTT TCTCTCTCTT TCTCTCTCTT TCTCTCTCTT 60  
AATCTCTCTT AATCTCTCTT AATCTCTCTT AATCTCTCTT AATCTCTCTT AATCTCTCTT 120  
AATCTCTCTT AATCTCTCTT AATCTCTCTT AATCTCTCTT AATCTCTCTT AATCTCTCTT 180  
AATCTCTCTT AATCTCTCTT AATCTCTCTT AATCTCTCTT AATCTCTCTT AATCTCTCTT 240  
AATCTCTCTT AATCTCTCTT AATCTCTCTT AATCTCTCTT AATCTCTCTT AATCTCTCTT 300  
AATCTCTCTT AATCTCTCTT AATCTCTCTT AATCTCTCTT AATCTCTCTT AATCTCTCTT 360  
AATCTCTCTT AATCTCTCTT AATCTCTCTT AATCTCTCTT AATCTCTCTT AATCTCTCTT 420  
AATCTCTCTT AATCTCTCTT AATCTCTCTT AATCTCTCTT AATCTCTCTT AATCTCTCTT 480

Name: 187 Len: 413 Check: 6F4  
GCTCTCTCTT GCTCTCTCTT GCTCTCTCTT TCTCTCTCTT TCTCTCTCTT TCTCTCTCTT 60  
GCTCTCTCTT GCTCTCTCTT GCTCTCTCTT TCTCTCTCTT TCTCTCTCTT TCTCTCTCTT 120  
GCTCTCTCTT GCTCTCTCTT GCTCTCTCTT TCTCTCTCTT TCTCTCTCTT TCTCTCTCTT 180  
GCTCTCTCTT GCTCTCTCTT GCTCTCTCTT TCTCTCTCTT TCTCTCTCTT TCTCTCTCTT 240  
GCTCTCTCTT GCTCTCTCTT GCTCTCTCTT TCTCTCTCTT TCTCTCTCTT TCTCTCTCTT 300  
GCTCTCTCTT GCTCTCTCTT GCTCTCTCTT TCTCTCTCTT TCTCTCTCTT TCTCTCTCTT 360  
GCTCTCTCTT GCTCTCTCTT GCTCTCTCTT TCTCTCTCTT TCTCTCTCTT TCTCTCTCTT 420

Name: 183 Len: 378 Check: 11F6  
GCTCTCTCTT GCTCTCTCTT GCTCTCTCTT TCTCTCTCTT TCTCTCTCTT TCTCTCTCTT 60  
GCTCTCTCTT GCTCTCTCTT GCTCTCTCTT TCTCTCTCTT TCTCTCTCTT TCTCTCTCTT 120  
GCTCTCTCTT GCTCTCTCTT GCTCTCTCTT TCTCTCTCTT TCTCTCTCTT TCTCTCTCTT 180

CTCTAGAGAA CAGCTCTGAA ATCAGACAA AGGACTTAAA GGAGAGAGAG GAAGTTGTGG 247  
AAGAGGAGAG AAATGGAGAG GAGGCGG TG CTACCGGAGG GCGTAATAG GAAAATGG 300  
AGTAGGAGGG TGACAATGAG GTAGAGAGAG AAGAGGAGAG AGGTGGGAG GAAGAGGAG 260  
AGGAGAGAG AGGTGATG

Name: 189 Len: 545 Check: 214D  
TGTGTAGAG GTTGTAGCAG TGTGTATAC TGTTTGATTT CATGGACTCT GTTTCAGACT 60  
TGAAGAGCAA AGAAATTAAA AGAGCAACAC TGAATGAAC GTTGTAGTAT GTTTCACACT 120  
ATGCTGATGT AATTGTTGAA TCAGCTTATT CTGATATAGT AAAATGATC AGTGCTAACA 180  
TGTTCGATG ACTTCCTCCA AGTGATATC CAGATTTTGA TGCAGAGAG GATGAACCCA 240  
CTCTGAGGG CTCTGGGGCT CACATACAGT TGGTATATGA ATTCTCTCTG AGATTTTTTG 300  
AAGCTCTGA TTTCCAGGCT AGCATTCGAA AACGATACAT TGATCAGAAA TTTGTACAAC 360  
AGCTCTGGA GCTTTTTGAT AGTGAAGATC CAGAGAGAG TGACTTCTCT AAGACTGTTC 420  
TGCAGGCAAT TTATGGGAAA TTTCTTGAT TAAGAGCATT CATCAGAAAA CAAATTAACA 480  
AATTTTTCT CAGTTTTATA TATGAAACAG AACATTTCAA TGGGTGTCTG AACTTCTTGA 540  
ATATT

Name: 19 Len: 304 Check: 137B  
GATCAACAAA AGTGTGATAG TCTATGCAAG TAACCAGGCA TGTATTTGTA ACAACTTCTC 60  
CTATAGTGGC TTCCACTTCA CACCCAGCA GAGGAACCA AGCATAATCC GCAACAGTTC 120  
TGTCAAGAG GGACATGATT TTCCAGCAT TTTCTTTTAA INIANGTTTTC GATGTTAGAT 180  
TCATTTTCA TACTAAAAAC CAAAACAAGG AAATCTTTTT GGCTAAATAA GCCTTCTTCA 240  
GTAATTCTNG AAACATCAGG GGACACAATG ACTTGACAGA AGACTGGGTT TTCCTTCTTT 300  
GGCA

Name: 190 Len: 648 Check: 1E3C  
GGGTGTGGGA TTGTGTGGGA CGGTCTGGGG CAGCCAGCA GGGGTGACC CTCTGCCTGC 60  
GGGGAAGGGA GTCGCCAGGC GGCGTCTATG GGGGTGTGG AGAGGCAAGT CAAGAAAATG 120  
GTGTCCAGT ATAAATACAG AGACCTAATC GTAGTGAAG GTGTCAATGT TATTACTCTA 180  
TACAAAGATG TCAACCTGT TTTGGATTCA TATGTTTTTA AGCATGGCAG TTCCAGGGAA 240  
CTAATGAAGC TCACTGGGAA AATGCTGTG CTTATAGAG GTAATACATA CAATATTCCA 300  
ATATGCTTAT GGTACTGGA CACATACCCA TATAATCCCG CTATCTGTTT TGTAAAGCCT 360  
ACTAGTTCAA TGACTATTAA AACAGGAAAG CATGTTGATG CAAATGGGAA GATATATCTT 420  
CCTTATCTAC ATGAATGGAA ACACCCACAG TCAGACTTGT TGGGGCTTAT TCAGGTCTAT 480  
ATTGTGTAT TTGGAGATGA ACCTCCAGTC TTCTCTGTC CTATTTCCGC ATCCTATCCG 540  
CTATACAGG CAACGGGGCC ACCAAATACT TCTACATGN CCAGCATGCC AGGTGGAATC 600  
TCTCCATACC CATNNGGATA CNCTCCANT CCGAGTGGST ACCAGCT 648

Name: 191 Len: 339 Check: 127B  
GTGTTTAAG CTCAGGCTAA AGATGATATA AATAGAGGTG CACCATCCAT CACATCTGTC 60  
ACGCCAGAG GACTGTGCAG AGATGAGGAA GACACCTCTT TTGAATCACT TTCTAAATTC 120  
ATGTCAAGT TTCCACCTAT GGACAATGAC TCAACTTTCT TACATAGCAC TCCAGAGAGA 180  
CCCGGCATCC TTAGTCTCTG CACGTCTGAG GCAGTGTGCC AAGAGAAATT TAATATGGAG 240  
TTCAGAGACA ACCCAGGGAA CTTTGTAAA ACAGAAGAAA CTTTATTTGA AATTCAGGGA 300  
ATTGAACCCA TAGCTTCAGC TATACAAAAC CTTAAAACA 339

Name: 192 Len: 152 Check: 122B  
TGATAGTAT GGATGACGC CGCTGCACTG CGTGTCTCT TGTAAAGAGG TTCACCTCTG 60  
CAACAGGCTG GTGAGAGTG GTGCCGCTAT TTTTNCCTCA AGCATAGAG ACATTGAAAC 120  
TGCTGAGAG AATGTGAGG NGATGAGGA AGGCTACATC CAGTGCTCTC AGTTTCTATA 180  
TGGGTGAG GTGTGATGAA CAAAGGTGTG GGNATCTC TGTGGGACTA 240  
TGAGGTGAG AA

Name: 193 Len: 272 Check: 27D  
BACAAAGAG ACTACCGCA GGGCTGGGAC CTGTCCACT TTGTAAAGCA GACCAAATTC 60  
AGTTCAACCA CTGAGGATTT GGATTACAGA AATCTCTATG AANTCAATA TATGAGAGAA 120  
ATTGCTCTCT CTTAATCTCA GGACAGCAT GTCCGAGAA AGCAGGCTT GTACCTTATG 180  
TTTCAACTT CTCAGGAGAG CCGTGTCAAG TCACTCTCCG TCCGATCTC AGAGTCCCCG 240  
ACGCTCTTT CAGGCTCAAG TTTGAAGAG AT

Name: 194 Len: 334 Check: 19FF  
BAGAGCTGG AAAATTTAAC CACATGAGAN AGGATACACT AGTCCAGATG TTGACGTTGG 60  
BAAATATCG TACTGCAAC AAAATGATG TATGGAAC GTGTGAGG TTGGTGTCTG 120  
GTGCAATAT GGAACGATG GGAGGTTTTG GCTCCATAT TCACTTATC CCGGAGGAG 180  
BAGTCTCTG GAGAGCAAC GCAAGTTTIG GATTTCCAA ATTTTCTC AGTGGTCTTT 240  
ATGAATTCG TTTCAACAAA GTGGGACAGT CTTCTACATG GAACATTTT TGGCAAGATG 300  
TTATTTGAG AGCCAAAAGA CAGTGTCTTG GTTG

Name: 195 Len: 352 Check: 133F  
TTTTGTTTT GTCAAATGTT TTATTGATG TAGACATCTG GAGTATGTA AAACATGCAT 60  
TATCTGTAGA TTCAAAAAGG AGCAAGCCAC ATTGTCTCA CTGTCAATG TGTGAGCTT 120

GGCATAATAT	ATTAATATTA	ATGAAGTATC	ATGAGAGTAA	TATGTTTCTT	AAAAAGCTTT	141
TACAATTTGG	AGTAAGGTCT	TAATCACGTG	AAAAAGCAAA	GTGTTTACAT	TTAGTGAAGG	140
TGCATTTTCAT	GGATGGGGGG	GGGTACACAN	TATTTTAATT	TTAAAACAAA	TAAAAATAAT	139
TTGTTTGTCA	AASATTCCCA	TCTCCCCAAC	TTTATTTGTC	GCATTGGTTT	TC	138

Name: 196      Len: 355      Check: 9AF

TTATGAAGAA	GAAATTATTC	ATTTTAAGAA	AGAACTTCGA	GAACCACAAT	TTGGGGATGC	60
TGAGGAAAAG	TATAGAGAAA	TCATATTTGT	TATGAGGACA	ACAGAACTTG	TGAACAAGGA	120
TCTGGATATT	TATTATAAGA	CTCTTGAACA	AGCAATAATG	AAATTTTACA	GTATGAAAAAT	180
GGAAAGAAATC	ATTAATAATTA	TACGTGATCT	GTGGCGAAGT	ACCTATCTGT	GACAAGATAT	240
TGAATACATA	GAAATAAGGT	CTGATGCTGA	TGAAAATGTA	TTAGCTTCTG	ATAAAAGGCG	300
GAATTATATC	TACCGAGTGG	TGATGCTGAA	GGGAGACACA	GCCTTGGATA	TGCGA	360

Name: 197      Len: 456      Check: A6C

GCACGAGTCT	ACATCCAGAG	GACCAAGAGC	ATGTTCCAGA	GGACCAAGTA	CAAGTATGAG	60
ATGATTAACA	AGCAGAAATG	GCAGATGCAT	GCCTGCTGCT	GCATTGCTCT	CACGATGTAC	120
CCCATGCGTA	TTGATGAGAG	CATTCACTCT	CAGCTGCGGG	AGAAATATGG	GGACAAAGATG	180
TTGGCGATGC	AGAAAGGTGA	CCCACAAGTC	TATGAAGAAC	TTTTGAGTTA	CTCTGCTCTT	240
AAGTTCTCTGT	CGCTGTAGT	GCCCCAATAT	GATAATGTGC	ACCCCCAATA	CCACAAAAGAG	300
CCCTTCTCTGC	AGCACTCTGA	GGTGTCTTCT	GATGAAGTAC	AGCAGCAATG	CCAGCTTTCA	360
ACCATCCGCA	GCTTCTGTA	GCTCTACACC	ACCATGCTCT	TGGCCAAAGCT	GGCTGGCTCT	420
CTGGACCTCA	CAGAGCAGGA	GTTCCGGATC	CAGCTT			480

Name: 198      Len: 422      Check: 1FAE

GCACGAGATA	CTGTGAAATA	CCTTTTCTCA	CAAAAAGGCA	AATATTGAAG	TTGTTTATCA	60
ACTTCGCTAG	AAAAAATAAA	CACTTGGCAT	ACAAAATATT	TAAGTGAAGG	AGAAGTCTAA	120
CGCTGAACTG	ACAAATGAAG	GAAATTTGTT	ATGTGTTATG	AACATCCAAG	TCTTTCTCTT	180
TTTTTAAGTT	GTCAAGAGAA	CTTCCACAAA	ATTAGAAAAG	ACAAAGCTTC	TGAGCTGTAA	240
TTTGGCTCTTA	AAGTCTGGAC	ACTCTATATG	TAGTGCATTT	TTAAAGCTTA	AATATATAAT	300
ATTCAGCTAG	CTTAAGCCCA	TACAATGTAT	GTACAATACA	ATGTACAATT	ATGTCTCTTG	360
AGCATCAATC	TTTCTACTGC	TGATTCTTGT	AAATCTTTTT	GCTTCTACTT	TCATCTTAAA	420
CT						480

Name: 199      Len: 446      Check: 1C55

CGATGGAGAC	ATCAAAACAAG	AGCCAGGAAT	GTATCGGGAA	GGACCCACAT	ACCAACGGCG	60
AGGATCACTT	CAGCTCTGGC	AGTTTTTGGT	AGCTCTTCTG	GATGAGCTTT	CAAAATCTCTA	120
TTTTATTGCT	TGAACTGGTC	GAGGCAAGGA	ATTTAAACTG	ATTGAGCTCT	AAGAGGTGGC	180
CCGACGTTGG	GGCATTTCAGA	AAAAACAGGC	AGCTATGAAC	TATGATAAAC	TTAGCCGTTT	240
ACTCCGCTAT	TACTATGAGA	AAGGAATTAT	GCAAAAGGTG	GCTGGAGAGA	GATATGTCTA	300
CAAGTTTGTG	TGTGATCCAG	AAGCCCTTTT	CTCCATGGCC	TTCCAGATA	ATCAGCGTCC	360
ACTGCTGAAG	ACAGACATGG	AACCTCACAT	CAACGAGGAG	GACACAGTGC	CTCTTTCTCA	420
CTTTTGAGAG	AGCATGGCTT	ACATGC				480

Name: 2      Len: 352      Check: FBA

CATGGCATGC	AGAGGATCTA	CAAAATGGGT	TCAACAGGCC	TGTCTACAAC	GCTGGGTGGA	60
TGAAAAGCAA	ACAGGAAACA	GTACAGCCAG	AGTGGCATGT	CCTCAGTSCA	ATGCTGAATA	120
CCTAATAGTT	TTTTCAAAAT	TGGGTCCAGT	GGTTTACGTC	TTGGATCTTG	CAGATAGACT	180
GATCTCAAAA	GCCTTCCCAT	TTGCTGCAGC	AGGAATAATG	GTGGGCTCTA	TCTATTGGAC	240
AGCTGTGACT	TATGAGCAG	TGACAGTGAT	GCAGTTTGTA	GGTCAIAAAG	AAGGTCTGGA	300
TGTTATGGAG	AGAGCTGATC	CTTTATCTCT	TTTAATTTGG	GACTTCTTAC	TA	360

Name: 20      Len: 1558      Check: F16

AGGAGGGGGC	GGCGGNGCAG	GGCGGGCGACT	GCCTGCCTGC	CTGGGTTGCG	GAAGTGATAG	60
CGCGCGAGCG	AGCCTGCTGC	TTCTTTGCTA	CTGCTTGGGC	TTCCCGCTTA	CTTCCCTGGG	120
ACGGTGAAGG	CGGCTCAGCT	GTGGATGGTC	AGATAGCCCT	TGTCTCCCGC	CGCCAAATCTC	180
TGGCCCTTAG	CAGCAAGGAG	CAGACGGGGG	CAGCAGCAGC	AGCAGGCGAG	GAGGAAGATG	240
CGGGGAGGGC	TGCGGCTCTG	TGTGGTGGAC	TGTGGCACGG	GGTATACAAA	ACTAGGATAT	300
GCTGGAAATA	CAGAAACACA	GTCTATGATC	CCTTCTCTTA	TTGCTATTAA	GGAGTCACTA	360
AAAGTGGGTT	ATCAAGCTCA	AAGGAGGGTG	ATGAAAGGTG	TTTGATGATC	TAGACTTCTT	420
CCATTGNGTG	ATGAAGCAAT	AGAAAAACCT	ACATATTGCA	ACAAAGTTGG	CCTAATCTTC	480
CATGGTATAG	TNTGAAGATT	GGGACTTTAA	TGGAAAGGTT	TATGGAGCAA	GTGATCTTTT	540
AAATATTTTA	NGGGCAGAAC	CCTGGAAGAC	ATTATTTTCT	TTTGACTGAA	CCTCCATTGA	600
ATACTGAGGA	AAACAGGGAA	TATACTGCTG	AAATAATGTT	TGASTCTTTC	AAATTTCTAG	660
GCTTGATCAT	TGCTGTGAG	GCTTCTCTTG	CCTTATCTGC	ATCTTGGACC	TCAAGACAAG	720
TAGGAGAGCG	GACGTTGACC	GGTNGGCTAA	TAGACAGTGG	AGATGGTGTG	ACTCATGTCA	780
TTCTGTGGC	TGAAGGGTAT	GTGATTGGCA	GCTGTATTAA	ACACATTCCA	ATGGCAGGGA	840
CGGAAGATAT	AACAATATTT	TAATTCAAGC	AACTGCTGTA	GAGACCTGAG	AAGTAGGGAA	900
TCCCTCCAAAG	AAACAAACCT	TGGAACCTG	CTAAGGCAGT	AAAGGAGCGC	TATAGTTATG	960
TCTGCCGAGA	TTTAGTAANA	GAATTTAACA	AGTGCTTTTG	GAACATAAGAG	CTAGTATCTT	1020



GAATTAAGT	ATGATGCTA	GTCTTTCTG	ATTACGCGA	CTCTGTTT	TGCTTAAAT	114
AAAGAGTAA	SACAGAGTG	TTGACCCAGT	ATTGAGTTC	TGTAGTGT	TTCTTAAAT	114
AAAGCNAAT	AAACACATA	ATTATACAA	ATTGATAT	TTAAAGCCTA	ACATCTAAT	1100
AAAGGACAA	ATTCTTTT	AAATACTGT	TTCACTCT	TTNATCTCT	TATAGTTAA	1260
CTAATAAAT	TATTTCTTC	AGACTCTGC	AATATTTCT	TAAAATCAG	ACAGTTAGCA	1320
AGCTGACTT	TGTAATGTG	TGNAANAACA	ANACTTTGTA	ACTTTTAAAT	TGTTGAGTGC	1380
TCTCATTTT	ATAACTGGAT	CTCCATTGGA	TATTTTCATT	TGNATAACTC	ATTTGCGAGT	1440
TGAAAGTTT	TTTTAGGCG	AGTCCCTGGA	CATATCATG	AAAGTTAAT	TTCTTTGCAAT	1500
TGTAATAAT	CTGGATTATG	GAGGAAAAAT	GATGNAATA	AATTAATAAT	GAATTAGC	1560

Name: 200 Len: 511 Check: 256

CGAAAAA	TCAGAAATG	AAAGTGTCT	GGCCAGGCT	GATAACTAT	GACAGCAAGA	50
ACTTGCGGAT	CTTTCTGTGA	ACTATAATGT	AAATCTCTCC	ATTACTGGAA	ATGATCTATC	120
CCCTCCAGTG	TCTTTTAACT	TAATGTTCAA	GACTTTTCATT	GGGCTGCGG	GAAACATGDC	180
TGGGTACTTG	AGACCAAAAA	CTGCACAGGG	GATTTCTCTG	AATTTCAATC	GACTTTTGGG	240
GTTCAACCAA	GGAAAGTTGC	CTTTTCTGTC	TGCCCAGATT	GGAAATTTCT	TTAGAAATGA	300
GATCTCTCT	CGATCTGGAC	TGATCAGAGT	CAGAGAATTC	ACAATGGCAG	AAATTGAGCA	360
CTTTGTAGAT	CCCACTGAGG	AAAGAACAAC	CCAGTTTCCA	GAATGTGGCA	GAOCTTCAGC	420
TTTATTTGTA	TTCAACAAAA	GGCCAGGCTC	GCAGCAGTCT	CGCTTGGAAT	ATGGGCTGGG	480
GAGATGCTGT	TGAACAGGGT	GTGATTAATA	ACACAGTATT	AGGCTATTTT	ATTGGCCGCA	540
TCTAGCTCTA	CTTCACGAAG	GTGGAATATC	TTCAAGATAA	C		561

Name: 201 Len: 625 Check: 22A9

GTCTCTGGCC	AGAGCTTGGA	CGGGGCTGAA	GGACAAGGGG	GACAGGGCTC	CTGGCTTCTT	50
CGCCCGGCTC	CTGGCCGAGA	GCCTGGAGCA	TGATGAGCAC	TCTTGTCCCT	TTAAAAAATC	120
AGCGCGCAC	CCCGCTCTCC	TGGCCAGCAA	GAAACCTAAA	AGGGAAACAA	ACTCTGACAG	180
CTCTCCAGCT	GGCTACGAGC	CCATCTGCGT	CGCTGAGGCG	CTCAACGGCC	TCCGGGCTGT	240
CTCCCGGCG	ATCCCTGCGG	CCCTCTTTTA	TGAAGAAATC	ACCTATTGAG	GCATCTCGGA	300
CGGCTCTCT	CAGGCTAGNT	GTCCCTCTGC	GGCTATGAGC	CACATCTCTG	ACAGCAGGCG	360
CCAGAAGGGC	AGGCTGAGGA	GCAAGGCGCC	CGACAGCAGC	CTAGGCTGCC	CGTCTTCCGC	420
CATCCACGAA	GAGGATGAGG	AGAAGCTCTC	CGAGGAGCTG	GAGGCGGCTC	CCCACTGGG	480
TGGCGCAGAG	CTGGCCCTGC	GGGAAAGCAG	CTCCCTCTGAG	AGTTTTCATA	CAGAAGAGGT	540
TGATGAGTGG	TCTGTCAACA	CAAGCAAGGG	GACCCGAGCA	GCTTCCATTG	AGAATGTCTT	600
GCAGACAAAG	CAAGNCCCGA	GCACT				625

Name: 202 Len: 306 Check: 1E23

TCTAGTTTTT	GGAAATGAGC	CTGCGATCCT	ATACAACCTT	TTACAAGGCC	AGAAATGTAT	60
TGTTCAAACA	ACTTCATGCT	CCCAGTGTCT	AAAGACCTGT	GGAACTGGTA	TCTCCACACG	120
AGTTACCAAT	GACAACCTCT	AGTGGCGGCT	TGTGAAAGAA	ACCCGGATT	GTGAGGTGCG	180
GCCTTGTGGA	CAGCCAGTGT	ACAGCAGGCT	GAAGAAAGGG	AAGAAATGCA	GCAAGACCAA	240
GAAATCCCCC	GAACCACTCA	GGTTTACTTA	CGCTGATGCT	TTGAGTGTGA	AGAAATACCG	300
GGCCAAATAC	TGGGCTTCTT	GCCTGAGAGG	CCGATGCTGC	ACGCCCAAGC	TGACCAGGAC	360
TGTGAAGATG	CGGTTCGCGT	GCGAAGATGG	GGAGACATTT	TCCAAAGAAC	TCATGATGAT	420
CCACTCTCTG	AAATGCAACT	ACAACTGCCC	GCATGCGCAAT	GAAGCAGGCT	TTCCCTTCTA	480
CAGGCTCTTC	AATGACATTC	ACAAATTTAG	GGACTTAAATG	CTACCTGCGT	TTCCAGGGCA	540
CAGCTTAGACA	AACAAAGGAG	AAGATGTGAG	AATCAAAATC	ATGGAGAAAA	TGGGCGGGGG	600
TGGTGTGGGT	GATGGGACTC	ANTGTAGAAA	GGAGGCTCTG	CTCANTCTCT	AGGANCANTA	660
AGGATTTCTG	AAACTGCAAA	GGGTGCTGCT	GGGATGGGAC	ACTAANGCAG	CCAGGATTTG	720
AJAATACTTT	GONTCATAGT	ANTGGAGCAC	AGTTATNGCT	CAATTTGGAG	CNTGTGGAAT	780
TGAGACTTCC	NGNTTCCGCT	TGAAAT				806

Name: 203 Len: 439 Check: 610

GCACGAGCGG	CAAGATTTTC	ATTTTTCCAA	AAAGAAAAAA	AATGACAAAA	GGTGAACCTT	50
ACATACAAAT	ATTACTCTAT	TTGTTGTGTC	ACTGAGTAAA	GAATTTTTCG	ATCAAGCGGA	120
AAGAGTTTAA	GTGTTTAAAC	AACTTAAAGC	TACTGTAGTA	CCATAAAAGT	CAGTSTTGTA	180
CATAGTATAA	AAACTCTGCA	GAGAAGTATT	CCCAATAAGG	AAATAGCATT	GAAATGTTAA	240
ATACAAATTC	TGAAAGTTAT	GTTTTTTTTT	TATCATCTGG	TATACCATTC	CTTTATTTTT	300
ATAAATTTAT	TTCTCATTCG	CATTGGAATA	GATATCTCAG	ATTGTGTAGA	TATGCTATTT	360
AAATAATTTA	TCAGGAAATA	CTGCTTGTAG	AGTTAGTATT	TCTATTTTGA	TATAATGTTT	420
GCACATGAA	TTGAAAGAA	GTTGCTTTTT	TCTTTTTTTT	GTTTNGNNTT	TTTTTTTTTT	480
TTTTTTTTTG						439

Name: 204 Len: 408 Check: 20BF

CAAGCTCAGA	AGGCTCATCT	CAGAGTTCAC	TCTCTCTCTG	ACTCATTTGG	GGAAACCATF	50
TGATCACTGC	AGGCTGTGCA	AGGCGAAGTA	AAAGAAATTC	AGGCAAAAAA	GTTTGCAGAG	120
TGGAATCAGG	AAAGGCAAGG	TGCTTTCTCT	TTAAAAACAA	CCCAAAAAAG	AAAGGTTCCG	180
AAGATCTCTG	CCGTTTGAAT	TTCAATCTAG	GGAAAAATGG	CAGAGAAGTA	AATGGGATGT	240
TCTGGTGTCA	ATAGGATATT	GAAAGTGTTC	GTTGGGCGAC	TTCAAAATCA	ACAAAGTTTA	300



AAAAATCDBA ACTNBAATCT GTAAAAACAG GTTTCCTTTT TAAGG TARN ATGTTGATT 660  
GGAAAAANST TACDANAAGA AAGGGGTTCA AGAAAAAGGA TCA 403  
Name: 205 Len: 462 Check: 1821

TTTACAGGTA CACAATTAA TATTTATTAT ATGCAATTIA TATACATTAT TTTTCAACAG 60  
CTGTATGTTT GCTATGTGCT ACAATCTTAA AAATTTGCTG ATTCATAGTT TGTAAAACAA 120  
AAAGCTTACA AAATCCTACA AAATCTGCAA ACTCATCASA AAATCTTTCT GGAAGACTAG 180  
AAAAATATCT TTATTCTCTT AATCATGCTT TACACAAACA AAATCTTTAG TTACACATA 240  
AAATTAAGCA CATCTAAAAA AATAAAACAG GGATAACTAG TCAAAACACA GCAGATTTCT 300  
GTATCTGAT TCAACTATTT TTGTATCTTA TTTTAATGC AAATAAACT TTATTCTAAA 360  
TATTTTAAA CAATTTAGTT TTGTTTGGA TCATGGTAAA CCAAGATATA TATCTTAGGG 420  
GGAACTACTT TCTTTTATA TTTAACTAT AAAATACTCC AT 482

Name: 206 Len: 724 Check: 2100  
GTCAAGGCT GTAGCAAGTA CATTAGCTTC AAGTTCCTTA ACTTGSACAT TCAATATTC 60  
TTCTTGCTCT ATTAAGGCT GGATGCTTGC AGTAAATTTT TCTAGTGTGT TCTTATTTT 120  
TCTTCTACTA TGCCGTAAGT TAACTACTCT TTCTTCAAGT TGTACTTTCT GTTCTTGAT 180  
TTGCAATCTT TTTTATAGAGT CGTTTTCGAA CTGTGATTC ATTTTCTTA CTTCTTCTT 240  
AGAGATTTCA ATAACAAGTG AGGAACCCAT TCTTCTTTT ATTACTTTGC TTCTAGCACC 300  
AGTCACTCTA CTTACTCTT CTATGATTTT TCTCTGTAAA GTTACTACTC TCTATCTCT 360  
ATCTTTTCTA TATGCTACTC TTGTGGCTTG ATCCAAGTTG TCAGCTACTA AGGTATCTCG 420  
TAAAGCAAAA TAAAAAGCTT GGCGAATTTT CTCATCTTTT ACTTTTACTA AATCAATAA 480  
AAGAGGCTA TTTTAGGAG TTTGAATTTT GGTCTCTTTT TTGGGCTATA CAGCTATCTT 540  
ATCTAAAGCT ATAAAGTTG CAACTCCAAT ATTTTGTCT TTTAAGGAAG TTACAGATTT 600  
TTTGGCTAT ATCAATAGA TCAACCAACA ATGTAGTCCA GTGCATGACA ACAGGATGAT 660  
TAACTACTT CCAATTTTTT ATTAATGGGT TCTAAGGCC CAATCTGCTA TATATTTCTG 720  
GATC 724

Name: 207 Len: 371 Check: 1633  
CCTCGTBCAA GTTANAGGTT GCGNGGNTNS CAGACCTCAC AGAAGATDAG CTACCTCTCT 60  
GTGAGATCTT GAAGGATACT ATTGCCAGAG CTCTGCCCTT CTGGAATGAA GAAATAGTTT 120  
CCCAGATCAA GGAAGGGGAAA CGTGTACTGA TTGCAGCCCA TGGCAACAGC CTCCGGGGCA 180  
TTGTCAAGCA TCTGGAGGGT CTCTCTGAAG AGGCTATCAT GGAGCTGAAC CTGCCACTG 240  
GTATTCCTAT TCTCTATGAA TTGGACAAGA ACTTGAAGCC TATCAAGCTC ATGCAGTTT 300  
TGGGGGATGA AGAGACGGTG GCGAAAGCCA TGGAGCTGT GGTGCCCCAG GCGAAGGGCA 360  
AGAACTGAAG G 371

Name: 208 Len: 359 Check: 57A  
CGGCCATCAC CTCATTCTCT TCAAGGAGAA CCTCGTTGAC AAAATCTGGA CAGACCTGCT 60  
TGAGCGCTCT TCAAGGCTCT TCTCACACT GGGCTTGGAT TACACAGGCA TCTCTGGA 120  
GGACAAGGTT GCAGACCTTC GGTGAAAAAT GGCTGAGAGG AACCTCATGT GGTCTGCT 180  
CACTGCTCTG GATGAGATTG CGTGGCTATT TAATCTCCGA GGATCAGATG TGGAGCAACA 240  
TCCASTATTT TNNCTCTACG CAATCATAGG ACTTAGAGAG GGTCTATGCT TTCTATGAT 300  
GTGACCTCAT AGACGGGCTCT AGTCTTGAAG GAGCACCTGN TTTCTTTAAC TTGGGCTT 359

Name: 209 Len: 353 Check: 22DB  
TGGCAGGAGG CCGTGTCCAA GATGTTTTCA GTTCAACACA CAGTCTCTCT CATTATTTT 60  
ATCGTCTGAT TCTTACCGGA GCGGAAAGCA AAGTAATGG GGAAGAGGGT TATGGGCGGA 120  
GCTTGAATA CCGGCTCTCT AATCTTGGCG CCTGCACTG CCGCTTCTCT CACTATCAAC 180  
AGGCAAGCT CCGCTCTGAG GAGGCAATTA GGATTTGCCA GGAGTCCAA GATCACTCT 240  
GTCTCAGCA CTGCTTTGAG TGGCTTTATG TGCTGGGGCA GAAGAGATCT GATAGCTAT 300  
TTCTCTCTGA GATTTCTGTG AAGANGGAG TACATTTTGG GGTTAAGCTA CTT 353

Name: 21 Len: 561 Check: 14E5  
AGCCAGGTTT CCGAGGTTCT GAGAAGNCA GAACTCCGC AGACTACTCT TCAGAGAGCA 60  
AAAAGCAGAA AACTGAAGAA AAGGAAATTG CAGCTCGTTA TGACAGGAT GGTGAGAAAA 120  
GTGATGACAA CTGCTGCTTT GACSTTTCCA ATGAGGATCC ATCTTCTCT CAGGGAAGCC 180  
CAGCACATTC CCGCAGAGAG AATGGCCTAG ACAAGACAG CCTGCTCAAG AAAGATGCTC 240  
GATTAATCT AGCTCTTATT GCATCTTCCA GCACTACTCT CTCTTCCAAA TCAAGGAAC 300  
TTAGCTTAA TGAATAATCT ACTACTCCCG TCTCAAGTC CAATAAGGCT TACTTCAACA 360  
ACTGATGCTG CCACTCTCAG GCAGTAACTC TANTCCGGG ATTTGAGGCT TTGTANCTG 420  
GAAAACCAAC AGCACTTGGG CTTTTTGGC TCAAGCCTAA GGACCTCAAT GGAAGTAC 480  
TTGTCTATA TNCANTOCA TTTGGGATT GTGCCATGC TGGAAATGAAC GGGCAGCTGA 540  
NCAGGCGGG NGTGGCTAC G 561

Name: 210 Len: 551 Check: EC9  
TTTTTTTGGT TGTCTTCA TTAATGGAGA TTGCTGATTT CTCTTCAGCT TTTATTTCT 60  
TTGCTGATGA TGTCTTGGAG GCTGGAGAAA ATCCACCCAG GGTGGAAGG GCTGGAGTT 120  
CATCGGAT CAATCCCTTT GCTTTTAATT TGGCTTCTTG TAAGGCTACT TTTCTTTTT 180  
CTACTTCTTT TCTAGTAAT TCATAGTTTG GCTTTTTTCT GGTATAAAGC CTAAGTGT 240

CTATCGAAT	TTCCTGCAAT	TTCCTCTCTG	TAGTACCAAA	AAAGAGAAA	CAATCGGAA	310
CASTTGGCAA	CGAATCTGA	AGTGTCTAG	CTGCAAGGTA	GATGCAAGCA	CATGCTATAG	360
TCTCTGCTG	AAATCGAACA	AAACATTTG	TTTGAAGACT	CTCATTCATG	TAATTCGAGG	420
CAGTTTGAAT	CAGGCTTTGA	TTAGCTTCAC	ATTCTAAGAC	TTGTAAATAC	ATAACAATGA	480
TCTTATGAGG	ATGCTTGACA	TGAACACAAA	ATCCCAACTC	CTTTAGCACC	CTCCTCTCTG	540
CTTTGATAAC	TTGATTTTGG	GTGTTAATGT	AGTCTTGATC	AAGGATCAGG	GGGCTTGGAG	600
TCTTTCTCT	TTTAACTGCG	GGAGGTGGTG	GAATACATTA	ATACATCTCT	T	660

Name: 111      Len: 779      Check: 755

CAAGAGCAAT	ACATGAGGG	CTCTGACGGG	GGCTGGGACA	CTGGGTACCT	GTGGCATGTT	
CAATTCACAT	CCATCAGCAG	CAAAATCCAGC	ATGGGOCATC	CATTTTTCCT	AAAAACAAAA	120
ACAATGTCTG	CTATCCTCTG	AGAAGAGGTT	GAATGGATCA	CAATTAATGT	GGGCATGAAT	180
GGCTATTACA	TTGTGCATTA	CGAGGAGAT	GGATGGGACT	CTTTGACTGG	CTTTTANAAA	240
GGACACACAA	CAGCAGCCAG	CAGTAATGAT	CGGGCAAGTC	TCATTAAACAA	TGATTTTCAG	300
CTCCTCAGCA	TTGGGAAGGT	GTCCATTGAA	RAGGCTTTGG	ATTTATCCCT	GTATTTGAAA	360
CATGAAACTG	AAATTATGCG	CGTGTTCCTA	GGTTTGAATG	AGCTGATTCG	TATGTATAAG	420
TTAATGGAGA	AAAGAGATAT	GAATGAAGTG	GAAACTCAAT	TCAAGGCTCT	CTCATCAGG	480
CTGCTAAGGG	ACCTCATTGA	TAAGCAGACA	TGGACAGACG	AGGGCTCAGT	CTCAGAGCAA	540
ATGCTGGGGA	GTGAACTACT	ACTCCTCTCT	TCTCTCACA	ACTATCAGCC	GTGCTACAG	600
AGGCGAGAG	GTATTTTCAG	AAAGTGGGAG	GAATCCAAAT	GAACTTGAG	CTGCTCTCTG	660
AGCTGAGCT	TGGCAGTGT	TGCTGTGGGG	GGCAGAGACA	CAGAAGGCTG	GGATTTTCTT	720
TATAGTAAAT	ATCAGTTTTT	TTTGTCCAGT	ACTGAGAAAA	GGCAANTGA	ATTTTCCCTC	780
TTCAGAACAA						840

Name: 112      Len: 457      Check: D31

CAATTAAGGG	CTTTGGCGGG	ATTGGCTCCG	CGTTTGGGCT	GGTCCGCTGC	TCCCAACCTA	60
CCAGGGGTGG	ATCCGGAGCC	CTTCCCCGGG	GGGGGGGGAC	CTCCAAACAA	CCGACTCCTT	120
TCCAGGTGAA	GAAACACTTA	AATTCTGGAA	ATAGCAGCTC	AGTATCATGG	CCAGCAGCCT	180
TAATGAAGAT	CCAGAGGGAA	GCAGAAATCA	TTATGTGAAA	GGAGACCTTT	TTGCATGGCC	240
GAAGACAGAC	TCTTTAGCCG	ACTGTATCAG	TGAGGATTGT	CGCATGGGGG	CTGGGATAGC	300
TCTCCTCTTT	AAGAAGAAAT	TTGGAGGGGT	GCAAGAACTT	TTAAATCAAC	AAAAAGAAAT	360
TGGAGAASTG	GCTGTTCTGA	AGAGAGATGG	GGCATATATA	TATTACTTGA	TTACAAAGAA	420
AAGGGCTTGG	CACAAGCCCA	CTTATGAAAA	CTTACAG			480

Name: 113      Len: 727      Check: 30C

TTTTTTTCT	GGTAATATAT	TGCTGCACTG	AGTGTGTGCA	ATTTTATTTC	AAGGTGATCG	60
TGATGCTGAG	AAGTTTCTGT	GATAACCTGT	CCATCTCTAG	TTTCAACCCT	CTTAATCAGA	120
AGTGTCTCTT	TTGAGTGGGT	ATCAACCCAG	GGGAGTGAAT	CCAGATTAGT	TCCCTCAGG	180
TTGAGGGAGG	AAAAGTTTGG	AAGAGGCCAG	GAAATCTTGC	TCTCCTCGCC	TTCCAGCAGC	240
TTCTGTAGG	TGGCAATCTC	AATGTCAAGG	GGCATCTTAA	CATTGAGCAG	GTCTTGGTAT	300
TCAAGAAAGT	GACGAGCCAT	TTCTCCTTTC	ATATTCTGAA	TCTCATCCTG	CAGGCGGCCA	360
ATAGTGTCTT	GCTAGTTAGC	AGCTTCAAGG	GCAAGTTTCT	CTTCCATTTC	ACGCATCTGG	420
CGTTCCAGGG	ACTCATTGGT	TCCTTTAAGG	GCATCCACTT	CACAGGTGAG	GGACTGCACC	480
TGCTCTCGGT	ACTCAGTGGG	CTCTGCTTTT	GGCTGGCGCA	GGGCTGCATT	GTTCGGGTTG	540
GCAGCCTCAG	AGAGGTGAGC	AACTTTGGAT	TTGTACCATT	CTTCTGCCTC	CTGCAAGTTC	600
TTGGCAGGCC	CACTTTCATT	TTGCTGAGCT	AGGTGACGCA	GGGCGCGGCT	GAGGTCAAGC	660
TTGGAAGCAT	CTACATCGAT	TTGACATGCG	TGTTCTTGGA	TCTGAGCCTT	GGGCTTCTGG	720
ATTTCTT						780

Name: 114      Len: 622      Check: 19DE

GTCTCTGTGA	GTACACACTC	CGAAACAGTT	AAACCCAGCT	CTAATTCCAA	CTCTGCAAGA	60
GCTTTTANGG	AAATGCAAGG	CTTGTCTGCA	ACAGAGAAAC	TCACTCCAAAG	AGCAAGAAAG	120
CAAGAGAAAG	AAAACATAAG	ATGATGAAGG	AGCAACTCCC	ATTAAAAGGC	GGGCTGTTAG	180
CACTGATGAG	GAGCAGACTG	TAGACAGCTG	CATCASTGAC	ATGAAAACAG	AAACGAGGGA	240
GTCTCTGAGC	CAAGAGAGCA	CTTCTGACAA	TGAGACAGCA	GATTCCTCAA	TTATTGATTC	300
AGGAATCTAG	CAAGATCTTC	CTTCCCCGGA	AAATAGTTCT	GTAAAGAAT	ACCGAATGGA	360
AGTTCTATCT	TGTTTTTCAG	AAGACATGTC	AAATATCAGG	TCACAGCATG	CAGAAGAAAC	420
GTCCAAACAT	GCTAGATATG	ACGATTGTAA	AGAAATTAAG	GACTTCCACT	GTTCGAAGGA	480
TCTTACCTTA	GCTGAGGAAG	AATCTGAGTT	GGCTTCTAAT	TCTATCTCTG	CAGTTTCTGT	540
TGCTTAATCT	GACTTGAGAA	GCTGTGATGG	CGAAGCTTTG	CTTTTCCAGG	AGCCTGAGGT	600
TCTTTTATCT	CTCAGTTTGT	GC				660

Name: 115      Len: 448      Check: EDC

ATAGTTAAAC	AACTTTATTA	ACATAGTCAA	GCAGTGATTA	ACATTCACAT	CTATTATGTC	60
ATATCATACA	AATGTAAATA	CAAAATTACT	ACAGTACAAAT	ATATATTCTC	TGCATGATCC	120
AAATATTTTG	GTGGCCCCAA	AAAACCTCTT	TTAAATTTCA	GCACCTTATC	AAAAATTAAA	180
AGGTATTTCT	ATTTAAATAG	GAGATCTCTT	AGCAGAGAGT	TAGACTTCAA	GAAATATCAA	240
TTTAGTACAG	TTTGAGAAAT	TGCAGGAGGA	TATGTTTGAA	GGACACATTC	TAACATAGTG	300

TGGTAGGTAC AGGAAACATC AGATTTAAAG CTTTAAAGCA TACATCATAC AACCTAACTT 361  
 GTCACAGAGAA AGATCAATTT ATATTTGTAA CTAAGSCTAA TGCTACTAAA TTATTTGACC 420  
 CATCTTAAAC ATATTAATGT TAAACTG 448

Name: 116 Len: 595 Check: E48  
 TTCTCTCTAA TGTATCTTAA AGCTCTCTAA AATCTTGGAG AACAGCTTCC TTATCGCTTT 60  
 GATCTATTTT CTCAGAAATGA GATTTTGTGT CTTTCTAGCTT TTCAATAAGA TGGCTAAGAT 120  
 CTCTCTAGTG TGTCTTAGTC AACTCTTCAA GCAGTTTCTT AGSAGTGTCC TTTCTTTTCA 180  
 AATAGTACT TTGAAGGTCA TCTATAGGAT GACCATGATG TTACCTATG GTAAGSAAAT 240  
 GATCATAAAC TAATTTTTTA TCTAATAGAC AGTAAACATT TAATGCTTGC CTGTAATGTT 300  
 CAGCTATGT TACAATATCT GGATCTCTT CTTGCTGCTA CTTTCAATA ATAGCTCTTA 360  
 GTCTAAATTT AACAGGTAAA GATTCATGTC CAGTTGAGAG AATTTCTAGTA ATATTTCTGC 420  
 AATTAGTCCA CTTGATGTGA ATTCTAAAG GTCTCCATAT ATAAAGTTA CCATATGCT 480  
 GAAGATCTT TTCCAAACAA TTTCTACAAA ATGATGAGA GCATGAGAGT ACAGAGGAT 540  
 CTTCAAAAT ACTATAACAT ATGGGACAAG TTAACCTCTG CTCANAATTG TGCAT 595

Name: 117 Len: 153 Check: 330  
 AATCTCTGG CTTCTCTAAG CTCGACACCA GTGCGACTGA GGCCAGGGCC CTCGCTCTT 60  
 AATCTCTGG CTTCTCTAAG CTCGACACCA GTGCGACTGA GGCCAGGGCC CTCGCTCTT 120  
 CTTCTCTAAG CTTCTCTAAG CTCGACACCA GTGCGACTGA GGCCAGGGCC CTCGCTCTT 153

Name: 118 Len: 446 Check: 92D  
 TATATGCTA CTTCTCTCTA ACAGCAGATG CCCATCATT CCTCTGACC GACCTGGCC 60  
 CTTCTCTCTA CTTCTCTCTA ACAGCAGATG CCCATCATT CCTCTGACC GACCTGGCC 120  
 CTTCTCTCTA CTTCTCTCTA ACAGCAGATG CCCATCATT CCTCTGACC GACCTGGCC 180  
 GACCTGGCC CTTCTCTCTA ACAGCAGATG CCCATCATT CCTCTGACC GACCTGGCC 240  
 GACCTGGCC CTTCTCTCTA ACAGCAGATG CCCATCATT CCTCTGACC GACCTGGCC 300  
 GACCTGGCC CTTCTCTCTA ACAGCAGATG CCCATCATT CCTCTGACC GACCTGGCC 360  
 GACCTGGCC CTTCTCTCTA ACAGCAGATG CCCATCATT CCTCTGACC GACCTGGCC 420  
 GACCTGGCC CTTCTCTCTA ACAGCAGATG CCCATCATT CCTCTGACC GACCTGGCC 446

Name: 119 Len: 581 Check: A7F  
 ACGGATAGCG GATCTGCGAC AGGGCTGCT GGACATCAGC AACCATTTCA TCCCTCTGCT 60  
 TGGGCACTTT GGCTGCTAGA CTATTTTCCA TCCGAGTCTC CTCTTCTAGCT TTTCTGCTT 120  
 GCTCATTTTT TGGTCTATCT TCTCTCTCA ACTGTGATGC TCTCTGAGAC TGATGCTCT 180  
 AAGGATAGCG GATCTGCGAC AGGGCTGCT GGACATCAGC AACCATTTCA TCCCTCTGCT 240  
 CTCTCTCTCT ATCTGTTTTT TCTCTCTCT TCTTATTTGT CTTCTGCTT TCTTCTCT 300  
 CTCTCTCTCT ATCTGTTTTT TCTCTCTCT TCTTATTTGT CTTCTGCTT TCTTCTCT 360  
 CTCTCTCTCT ATCTGTTTTT TCTCTCTCT TCTTATTTGT CTTCTGCTT TCTTCTCT 420  
 CTCTCTCTCT ATCTGTTTTT TCTCTCTCT TCTTATTTGT CTTCTGCTT TCTTCTCT 480  
 CTCTCTCTCT ATCTGTTTTT TCTCTCTCT TCTTATTTGT CTTCTGCTT TCTTCTCT 540  
 CTCTCTCTCT ATCTGTTTTT TCTCTCTCT TCTTATTTGT CTTCTGCTT TCTTCTCT 581

Name: 120 Len: 450 Check: C1B  
 CCGAGATTTT ACATTACACT TGTCTCTCTT ATAATTGATA TTTAGGATG TTTGGGTGTT 60  
 TTTAGGATG ACATTACACT TGTCTCTCTT ATAATTGATA TTTAGGATG TTTGGGTGTT 120  
 TTTAGGATG ACATTACACT TGTCTCTCTT ATAATTGATA TTTAGGATG TTTGGGTGTT 180  
 TTTAGGATG ACATTACACT TGTCTCTCTT ATAATTGATA TTTAGGATG TTTGGGTGTT 240  
 TTTAGGATG ACATTACACT TGTCTCTCTT ATAATTGATA TTTAGGATG TTTGGGTGTT 300  
 TTTAGGATG ACATTACACT TGTCTCTCTT ATAATTGATA TTTAGGATG TTTGGGTGTT 360  
 TTTAGGATG ACATTACACT TGTCTCTCTT ATAATTGATA TTTAGGATG TTTGGGTGTT 420  
 TTTAGGATG ACATTACACT TGTCTCTCTT ATAATTGATA TTTAGGATG TTTGGGTGTT 450

Name: 121 Len: 372 Check: B74  
 TTTGAACTA ATAGGAGAT GTTGGAAATC GACTTGGGGA CAGTGGTGT AAACAGTGAG 60  
 GATGAGGAG AAGGAGATGG AACTATGAAA AGAAATGCAA CAGTGGTGT AAACAGTGAG 120  
 GATGAGGAG AAGGAGATGG AACTATGAAA AGAAATGCAA CAGTGGTGT AAACAGTGAG 180  
 GATGAGGAG AAGGAGATGG AACTATGAAA AGAAATGCAA CAGTGGTGT AAACAGTGAG 240  
 GATGAGGAG AAGGAGATGG AACTATGAAA AGAAATGCAA CAGTGGTGT AAACAGTGAG 300  
 GATGAGGAG AAGGAGATGG AACTATGAAA AGAAATGCAA CAGTGGTGT AAACAGTGAG 360  
 GATGAGGAG AAGGAGATGG AACTATGAAA AGAAATGCAA CAGTGGTGT AAACAGTGAG 372

Name: 122 Len: 448 Check: 77C  
 TTTTCTTTT TTTTCTATG CACTTCAAGT GCATATGTC TATTTTATTC TTTAGGAAAT 60  
 TATATTTTTC TTTTCTATG CACTTCAAGT GCATATGTC TATTTTATTC TTTAGGAAAT 120  
 TATATTTTTC TTTTCTATG CACTTCAAGT GCATATGTC TATTTTATTC TTTAGGAAAT 180  
 TATATTTTTC TTTTCTATG CACTTCAAGT GCATATGTC TATTTTATTC TTTAGGAAAT 240  
 TATATTTTTC TTTTCTATG CACTTCAAGT GCATATGTC TATTTTATTC TTTAGGAAAT 300  
 TATATTTTTC TTTTCTATG CACTTCAAGT GCATATGTC TATTTTATTC TTTAGGAAAT 360  
 TATATTTTTC TTTTCTATG CACTTCAAGT GCATATGTC TATTTTATTC TTTAGGAAAT 420

TTTTTTTTTT GTTTTGAATA TTCTAAGA  
Name: 221 Len: 273 Check: A98  
GTGTGCACATG CGGTGGGCA TGATTGTATA TGCTGTSGTG GTGSGTGCTT ACTTCCTCAT 60  
CACGGGAATA AATAATTTATG ATGTTATTGT TGAACCTCCA AGTGTGGGTT CTATGACPGA 120  
TAAACATGGG CATCAGAGGG CAGTAGCTTT CTGGGCTAC AGAGTAAATG GACAATAIAT 180  
TATGGAAGGA GTTTCATCCA GCTTCTATT TACAATGGGA GGATTAGGTT TCATAATCCT 240  
GGACCBATGG AATTCACCAA ATATCCCAAB ACTCAATAGA TTCTTCTTC TGTTCATTGG 300  
ATTCTCTCTT GTTTTATTGA GTTTTTTGAT GGCTAGAGTA TTCATGAGAA TBAAACTGGC 360  
GTTCTATCTG ATG  
Name: 223 Len: 336 Check: 824  
GGCAGGAGGG TTCAAGCTAC TGGGAAATG CATCTGCGAG ATGACCGGGC CTGTGTGGGA 60  
GGGCTGGCTG GGGAGGCTCT CATTTGAGAA ACCTAATATT GAGCAGGGTG TGCTTAACTT 120  
TGTCAATAC AATTTTATG ACCTGGCTCT CCGGGAGCTG CAGACGATGT TCGAGCTCTC 180  
AAGAGGCTTG TTCTCTGGC TTAATCTACT GAAGCTTGAG ACAGCTGCC AGTTTCGGCA 240  
GAGGTCTGAG GCTGAGGAG TGGCTACTTA CAAGGTCAAT TACAGCAGAT GGCTCTGTTA 300  
CTGGCAGCTG CCGCAGAGCT GTGATAGCTT CCGCGCTAC GAAAGCACTC ATGTCTTTGG 360  
GGGAGGCTT CTGGGCTCA TTTTCA  
Name: 224 Len: 523 Check: 1068  
GGCAGGAGGA TTGCAAGCT AAAGCTTGA GATCATCAGC TGCCTTTCAA ACATTTAATT 60  
GGCAGGTTA TGATTGACAA AAATCCAGGA ATCACTCAG CAGTAAATAA AATAAATAAT 120  
ATTGACAAATA TGTACGAAA TTTCGAAATG GAAGTGCTAT CTGGAGAGCA GAACATGATG 180  
ACAAAGGTTG GAGAAAAACA CTACAGCTAT GAATTTGATT TTTCAAAAGT CTATTGGAAT 240  
CTCTCTCTGT CTACAGACA CAGCGCTATC ACAGAACTTC TCAAACCTGG GGATGTCTTA 300  
TTTGTATTTT TTCTGGGGT TGGGCTCTT GGCATTCCAG TAGCAAGAA AAAGTGCCT 360  
GTATTTGGCA ATGATCTCAA TCTGAACTT CATAAATGGC TGTGTACAA CTGTAAATTA 420  
AATAAGTGG ACCAAAAGGT GAAAGTCTTC AACTTGGATG GGAAGAGCTT CTTCAAGGA 480  
CGAGTCAAG AAGAGTTAAT GCAGCTGCTG TGTCTGTCAA AAGAAAGAAA ACCCTCTGTG 540  
CAGCTTGTCA TGAAGTTGGC AGCAAAAGCT ATAGAGTTTC TTAGTGCTTT CAA 598  
Name: 225 Len: 477 Check: 26B9  
GTAAGTTGAG CGGCGCGGCT CGGCGCGGCT CTGCGCTCC CGCGCGGCGG GGGATGTATT 60  
GCTCGCGGCT CTGCTGCTCC CAGGATGAGT TCCACCGGT CATCGAGGGC CTGCTGCTCC 120  
AGTGGCGGCT CTGCGCTAC ACCTGCTTCA ACCTGCAGGC GCGGAAGGCG AAGTACTTCA 180  
AGAGCAGCA GAAGCGGATG TCGAAGGAGC AGGAGCGTGC GGTCAAGGAC GAGCTGTGG 240  
GCGAGAAAGC CGAGGTCAAG CAGAASTGGG CGTGGCGGCT GCTGGCCAAG CTGGGCAAGG 300  
ACATCGGGG CGAGTGGGCG GAGGACTTCC TGCTGAGCAT CACCGGCAAG AAGGCGCGG 360  
GCTGGCTGCT CTGCAAGGCG GAGGAGGAG GCGAGATGCG GCGCATCGAC TGTCTCGGG 420  
AGGCGGACAA GGTGTGGGCG CTGAGCTGG TCATGCTCAT CTTGTTCAAG GGCATCC 477  
Name: 226 Len: 299 Check: DE7  
GCAAAAGCTC AATACCCAT TGTGATTTG GTAAAGATGC TCACTGAGCA AGGCAAAAAA 60  
GTGAGGTTTG GAATTCAGCC AGTGGAGGG CGAATGCGTG GNCAGCTTAA TGTGCTGCTG 120  
GCTGAGGCTG GTGTGCCATA TGACATGCTG TTGGAAATGG ATGAGATCAA CCATGATTTT 180  
CCAGATACTG AATTTGGTCT TGTAAATGGA GCTAATGACA CTGTTAATTC AGCAGCTCAA 240  
GAAGATCCCA ACTCTATTAT TCGAGGCTG CCACTCTTG AGGTCTGSA ATCAAAGCA 299  
Name: 227 Len: 390 Check: 2565  
GASTGAAGGA GTTGAACCTT TTCTTTTAG TGTACAACTC ATTTTGGGCG AATTTTCACA 60  
AGTSTTTGTC TTTGTCTGAA TGAGAAGTGA GAAGGTTTTT ATACTCTGGG ATGCAACCGA 120  
CATGTTCAAA TSTTTGAAAT CCGCAATGT TAGACCAATC TTAAGTTTGG TAAGTTATTT 180  
GCTTTAAGAT ATATATTAAA CAGAAATCTA AGTAGAATG CATTGACTAA CCACTCCCTC 240  
TGCATGCTGG TGAACCTGAA GATCTCTTAA AGCTCTAAGA CTGTCTAACA CGGTTTTCAT 300  
TCAATGTCTC CACAGACTGG GTAGCAAAA AATCACTTTT TAGTTTGTAG TTTTAATCTA 360  
AAGATGTTAG ACAGATGCTG AGTGTGGTT  
Name: 228 Len: 423 Check: 1661  
TTCTCTCTG GGGTGTGGCC AAGTGGGAT AAAGAGAAGA GCACATCTC TAATGACTAG 60  
CTGATGCTG TGTCTGTAT CTACTTGAAG CACACAGAGA GCATTCTGAA GGCAATAGAG 120  
GAGATTGCTG GTTGTGTGT CCGCAATGT ATCAACTCTC GTAAAGATGC ATCTGCTCTC 180  
ACATTCTCTA CACTGAGCAG CTATACTTTT GTTGTCTTCT TGGTGTGAT GATGGTGA 240  
CTAGAGAAGA GGTGAAAAA ATTGAGCTG GAGAGGAGC AGACTGCGAG CAGATTTCAT 300  
GAAGAGAAAC TCTCTACTG GAAAGATGGG GTGTTGAGGA CTTGAGTATC CTCATTCAAC 360  
TTGATTAATA GGTATTTTGA TAGTTCTATC TGTUCTGGC ATGTATGTTT GGAAGGGAAG 420  
GAT  
Name: 229 Len: 417 Check: 1300  
TAGAAAAAGAA AAGAAAACTT GAAAAATAT CTGATATTAA GGCATCAAAT GTGGAACCTA 60  
TGAAAAAGGA GTTTGGGCTT TGCAAAACTG AGAACAAGC CAAGTGGGGC AAACAGAATT 120

AAAAAGG T STAGAGGAAA GAAGTTAAAA AGGTGATTGA AGGTGAGGAT GTTGTCTAG 180  
 AGTGTGTA A TGACAGAGT CCTCTTGGTT GCAGATGT TCAGGTAGAA GAGGCGATTG 240  
 TGAGAGT AGAGAAAAAG CTGTACITA TATTAAATAA ATCAGATCTG GGTACAAAAG 300  
 GAGGATTG GAGAGCTGGG NTAAATTATT TTGAAGGAAA GATTGTGCGA ACAGTGGGTG 360  
 TTTCAGAGG TCAGCCAAAA CCTAAAGGGT TAAAGGGGGN GGTTTACCCA GGGTTTT 420  
 Name: 131 Len: 476 Check: 113A  
 CTTACTCTT CCGATATGCT ATGACATCC GGTATCTTAG TTGCACTACT GAAGATGTGG 60  
 TATGAGGCTA AAGAAATGGGA TTACITTAAT GAAATATTA TGTCTTTGTC CAAAAGGGGG 120  
 AGTGTGTA AAGAGGCTGT TGGCAAAATG GTTCAAGAGT GGTGTACTTA TGTGAGAGAA 180  
 ATACAGAGG TTCTATCAAA ACTTCGATTA ATTGATAGTC TACGATGGT TACGAGAGCA 240  
 AGATTATGT TGAATTTGAG GTTGGCGGAG TGAATAAAC ATTAGCAACT ATAAAGAAAG 300  
 AAGATGCTGA TGTAAAGAG GCAGGCTCCA TTTTACAGGA GTTACAGGTG GAAAGCTACG 360  
 GGTCAATGGA AAGAGAGAG GAGTGGGAT TTTTGTGGA GCAATGAGG CTCTGCTAG 420  
 CTGTGAGGA TTACATTGGA ACACAAATCA TCAGCAAGAA AATTAAAGC GAATT 476  
 Name: 132 Len: 441 Check: 1340  
 CAGTTTCTG TATTGGAATC GACAAGACAC CTGCTCTGAT TGTCTAIGTA TGGGTGAGC 60  
 AGGTGTGAGC CTGCGAGTGA GCAATCAGT TATGTTAAT ITACATTGGC AGAAGGGGCA 120  
 CAGAGGCTG TGTATGCT GTGTCAAACT TTTCTGTAC CAGAAAGAC TCACTTCAG 180  
 AATGCTCTAT TTCAAGTGT TTTCACATCT TTACGGAATG GCGGTANCT GGTATTAATA 240  
 ATAAAGCTTA TGGAGAGAGT CACTATAAAT ACTGATGATA TTGATTTGGC TGGTGTATC 300  
 ATCAATGCA TGGCATCAT TTTTGTCTAT GAAGAGCTTC AAGTGAAGG GGTATTTCT 360  
 GTCTATTTG AGGGAATTAC GGAAAGGTGC TAGTTAAGGT GGATGAATAT CTTTTCAGT 420  
 CATTGAGAG CTGCACTGCT T 441  
 Name: 131 Len: 333 Check: 480  
 GGTGTGAGC GAAGTCAGCC ATTACTCCCC AGTGAATGG ATCTAGCTCG ACACAGGGA 60  
 CATCCATA TGGGTGGGCT AATGCAGAGA ATGATCTCTC CAAGAGGAAT GGTGCGCTTA 120  
 GAGCAGAGA ACTATGAGG TGCAATGAGA CCTTACTGTA ATGTTTTAGG TGGGCTGGG 180  
 AATGCTTGG AATGAAGCAT GGTCCAGGTG GTGTAGAGC TTGCTCAAG CCAACAAATG 240  
 CCAATTTCAA TTACCATACT CCTTCAGCAT CTCTGAGGA ATTTATTGTT AGGTCTCCA 300  
 GGTAGGTTGA TGGGCGACCA GGNACACCC TTC 333  
 Name: 132 Len: 402 Check: 1753  
 CTTTACAC AGACTCACTT GTCACTCACT GCGATAGAGT ACAGTCAGC CCAAGACAGG 60  
 TACTAGCAG GTGAAGCTT TGTCTGCGG AATAGCTGG CCGGTCTCTT GGAACACAC 120  
 TCAGACTCAA TGGACTCTGC CTCAAATCCC ACCAGCTTG TCAGCACTC CCAAGGCAC 180  
 GGGCTCTTG TTTCTCTCTG TGGCTCTCCA CCAAGCACTG CTTCACTCTT GCGCAGGCTA 240  
 TGTCTCAGGG GGTCTCAGCC ATACCTGGA GAGCTGAGT GCTCTCTGA CTGAGTGGGC 300  
 GGGAGGCTT CTTCTCAGGG ACAGTTGAG GATGTTGATT GCACTTTCTT TCGGAGAG 360  
 GTTGAATGCT CAGGTTTGGG ACCCAAGGT TGAAGCTGTT TT 402  
 Name: 133 Len: 492 Check: 1260  
 TGGGATGATA AGGAGGCTT AAATACTTGT TATTGACTGG GGTATTTTT ATGCTGTAGC 60  
 AAATGTGAGA GGTCTTTTT AGCAAAATTT TTGAAAATTT TTTTGTATT ACTCTGAAAC 120  
 AAAATTTAAG TTGGAATTT AGGGATTTAG GGAGTATTT TCATTCTACA TGAAGTAGG 180  
 TATATTTAG STAAGTCAA TATTGGTTA AAAAACTAT ACATATCAGA ATAGTACTAA 240  
 AATACTGTAG GAATTTTGG CATTTTTATT TTGACTTTG TGTGGGATT AGGTGTGTA 300  
 GAAATAGCC AACCTTTTAA AATGTATAT TASTTGGGCT AAAGGCTGAG GGTGTTAAA 360  
 CAGGAGAGC GGAAGTGGG NTTGGNTTGG GGTAACTTT TTGAGGGGT TTTGTCCAA 420  
 TAGGCTGTGT GAGGAGTTA CCATTTTCTT TTAAGGTTG GGTGTGCTC CTTGTCCAGA 480  
 GTTCTGAGG AC 492  
 Name: 134 Len: 321 Check: -  
 GGTGTGCTC GAGCAGCTCT ACCAATACAC GCAGAGTAT TATGAGAGA TCATCAATGC 60  
 TTTGAGAGG GATCTTGGG GGCAGAGAT GCGCTGCTC TTGCGCTGTC AGCAGATTGC 120  
 GGTGTGCTG GAGAAAGAG TCACTGAGCT CTGAGCTACA ATCTCAGTG CTGCTTGGG 180  
 ACATAGTAT CTGAGGTAAC TGAGAGGCTT TGAAGAGG NGGCGAGTG GGTGTGCTG 240  
 AGGTCTGAG GGTCTCTG GAGGCGGCT CAGGTGGAN TGGTGTGAG GGAAGCGGN 300  
 GAGGTTTTT AACTGTAGC A 321  
 Name: 135 Len: 359 Check: 1242  
 GTTGTGATG AAGCAATGTG TGAATGGACA ATGTTGAATG AATGTGTGGT TCACTGATGG 60  
 AAGGCTAGT TATCTTTGA AATCTAGGG TCTTACTCA TGAAGAGAT TCACTGCTT 120  
 GAGTGTATG TGTACAGAG GTTGTGTGT GTGTGTATG TGAAGGATG CAAGCTTGAT 180  
 TCACTTCA GGGGCTGATA ACCTAGTAAA TCATCAAAAT GAGATATAA GTGTTAATGT 240  
 AACTGTGACA TGAAGATAA SACTGGTTTA GCAAGAGACA TTGCTTACT CTGAGGCTG 300  
 TGTGTGTGT TCTGCTTTT CCAAGCTCTT TCTGCTGAG CAATCTTTT TTTTTTTT 359  
 Name: 136 Len: 306 Check: 329

STGATGATGG GCAGCCTGGT GTACCTGCGG CTGGGCTTGG AGAATAGG CTACTGCGAC 72  
 CTGCTGGAGA GCAGCCTATG GGCAGAGATG TGTAGACCT TTACCGGGA CCGCTGCTTC 120  
 CTGCTGGGCT TTCTCTGGA GTCTGCGCTT AGCTCACTT TTGCTGCTGG CTGCTGCTTC 180  
 CTGCTGCTCT TATGAAATAT CAAGCCTGCT ATTGAGAGG GGTAGTTCAT TGGGCTGCTTC 240  
 AATGAAAGG AGGATGATG GATTGAGATT NAAATAGGCA TGAAGTCTTC GTAATCTTC 300  
 GTNTTC 360

Name: 237 Len: 335 Check: 1312  
 GTGAAATAT TACATGAGAA TGTGAGTSTA ATATGTSTAA CCAAAATGAG AAAAATAGCA 60  
 AGAATGCTTT CTGGAGCTAG TTATCTCTCA CAATTTTSTA GAATTTTATA GCATCTTTGA 120  
 TAACTCTCT AGTGAAGATG TTCTCTAGG AAGTTCAGTT AAAATATAAT AGAATGCTTT 180  
 ATCTCTCTAT CTCTAAGTAT ACATTTAATT GTACAGAAA TTTAATCTAT AACATTTTTC 240  
 AACATTTTGA GATTGACTGT ATATGACCTT AATCTTTTGT SCAGCTTGAA GGATCAGTGT 300  
 AGTTAATGCT NGGAGAAAGT GCTTTCTTAC CTAGGACTTC CTTCTCTTAC TTCTCTCTCT 360  
 AAAGAGAGCT CTAANTATGG CTTTCTTCTG TTTCT

Name: 238 Len: 440 Check: 1545  
 GACAATGCT TAATTCAGG TGGCTGCGAT GATCAGATTT TTAATATGTA AAAATGCAAG 60  
 CAAAAACAG TGTAGCAAG AAGTCTGCT CAAGGACCAA AGATTTTATA GATAAAAAATA 120  
 CCAATTTAGA AGATATATAG TAGATATAT GAGAGAGAT TATATTTTGT ACATCTCTAT 180  
 ATACATTTAA GTGCTCTTTC CTTCTGAAA ATTTGAGTG GCATATTTAT TTTATGCTTT 240  
 AATGATTAT TTATTTTATC AGGAGCTGCT TCAAGAAGAA AATAACATAA GCTTGTGGA 300  
 TGGGTGGGAG AAAATGCTCT ATTTTCTCT GGCATAACT TGTATTAAG TTAACNTTGT 360  
 TGGATCTTA TATTATCTTA GGTAGCTGT TATGTGTGTA TTAATTATAT GGTGTGTGT 420  
 TAAATTTAT CTTTATATA 440

Name: 239 Len: 507 Check: 2655  
 NGGCTCTAT CAGTGCACCT GCGCTGATGG TTACCGCAAG ATCGGGGCGG AGCTGTGGA 60  
 CATAGAGAG TGGCTGATG GCTACTGCGA GCACCTGCTG GTGAACCTGC CTGCTCTCT 120  
 CCGCTGCTAG TGGAGCGCG GCTTCCAGCT GGGGCTTAA TACCGCTCT GTCTGTATGT 180  
 GAAGAGCTGT GATATGGGG CCGCATGGA GCAGCGCTGC TTCACTCTAT ATGCGACCT 240  
 CTTGTCTGCT TGGCAGCAG GCTATGAGCT GCATCGGGAT GGCTTCTCT GCATGATAT 300  
 TATGAGTGT AGCTACTCCA GCTACCTCTG TTCAGTACCG CTGCTGCAAC GAGCGAGGG 360  
 CGTTTCTCT TGGCAGCTGC CACAGGGGT TACAGCTGN TGGGCGAAAA GCTTTTCTG 420  
 AAGAACATTT GATTGAGTGT TGAATTTGCT TGGGNAACAG TGGTCTCGAG GCGCAAAANT 480  
 TTGTTAAAT TCCATGGGG TTAACGT 507

Name: 24 Len: 273 Check: DEF  
 AATTCGGGCC GAGGGTCTCT GGTGCAATC CAGCAAAAAA ACGCTGCTTA CACAGCGCCA 60  
 AAAGAAGAG GCTAAGCTCT GAGTATCACC CTCTCTCTCT CCGCAGGAC CACTGGACCA 120  
 ATTACCTTTG AATGCTGTAT TTGGATCTCA CGCTGCTCT GTGGTTCTCT CCGTCAATTT 180  
 TCTGAGCTG CATAGCTCTG CATTATGAG GACAATGAT GCTATTCTAA ACGCTAAGGA 240  
 AAAAAACAA ACACAGGACT GTTTNAAAGT ACTCAAGA 273

Name: 240 Len: 369 Check: 1CF5  
 GAGACAGAT GCGCAGCAG AGCTGTTGCT CTGCTTGCCT TCTGCGAGG CTTNGAGAAG 60  
 GAGGTGCGCA TAATCTTTGA CTAGAGAGG TGGAACTTG ACGAGAAGAT TGTGAGAT 120  
 CTGCTTGAAG AAGCTCTCTT GAGAGCTGAG ATCTGATAT TAACTTACA AGCTGGATCA 180  
 CTGGAAGCTG CTCAGGCAAT CTTGTGCAAA AATGGGAGC CCGAGACAC TAGATTTGAC 240  
 CAGCTGCTG CATAGAGG TGGGGAAGA GCTGCTGAT GCAATTAATA CAATNGCAAG 300  
 GAAGATGGAA CATNGAAGA CTTNGCTTGA NCGCATTTNA ACGATCTNT TCTTNGCTT 360  
 GCGAGGAG 369

Name: 241 Len: 243 Check: 1F04  
 AATCTAATTC AAATTTGTAA AGCTAGAAA GGGGGGAAGA CATCTGTATT AHTTTTGTCT 60  
 AGTCAGAACT TCTTAAACA AATACTACT ACTGTGAGCA GATCTATTAT ACATCTTCT 120  
 CATGAAATCC ATTAGAACA TAAAAATTC ATCTTGAGAA ATAGCCACAA TGAAAGTAT 180  
 TTACACAATA TAAACAATG AAGNTCTAC AGATGCACTT GCTCATGAG TTACATGCT 240  
 ATACACAA 243

Name: 242 Len: 248 Check: D09  
 GTTTTCAAAA TCACTGTAC ATBATAGCT TGGTGTCTT GTACCAAGT TTTTAACTGA 60  
 AGGAACCACT TGTAACTGC CAATTTTAA CTAAGCTTC AAGAACTAAA ACATCAATGC 120  
 AAACCTTTCA GCATTTTTC CCAAACTTC TTAAGCTGT AATGCAAGAA CCAATGCAAC 180  
 TGTATCTTC CACCAACTAA TTAGAAGGA TAAHTTTC ACTTAAAGT GAAAAAGGA 240  
 AAATCTACCA TGGCTTGAAG TTAAGGGA GAMCTCTTA CTACCAT 248

Name: 243 Len: 423 Check: 1FEC  
 AAAGAGTTAA GGAAGGCGG TTGCTCTCT ATTCAGGCA CTCTCTCTT TNCATGTA 60  
 GCATGCTCT TGTGCACTT TATCTTCAAG CAGGATGAA GCGAGACTGG CCAAGACTCT 120  
 TACGCTCAC ACTGCAATTT GCTCTCTTC CCGTATCAT TTATCTGGG CTTTCTCTG 180

TTTCTGATTA TAAACACGAC TGGAGGCGATG TGTGAGCTGG ACTTATTCAG GAGCTGTGG 241  
TTGCAATATT AATTGCTGTA TATGTATCGG ATTTGTTCAA AGAAAGAACT TCTTTTAAAG 300  
ANAGAAAAGA GGAGSACTCT CATACAACCT TGGCATGGA ACACCAACAA CTGGGGGATC 360  
ACTNTGDCGA GCGAATCACC AGCCTTGAAA GGCAGCCAGG GTTCCNAGGT GAAGCTG600 420  
TGT 423

Name: 244 Len: 460 Check: 1420  
CCAAACAGTAT CTCTGCTAT AAACGCGCTCT CTGGGCTCTT CAAASTCTCT BATATCATG 60  
CTTTGACCTT GCATGCTGT ATGCACCAGA AGCAGAGGCT CAGAAAGCTG BACGATTTG 120  
CTGCTTTTGA AGACTGTGTT CTCTTGSCAA CAGATGTGCT AGTCTGCTGT CTGATATT 180  
GTAAATTTCA GCATGCTAT CATTACGAGG TGGCAGTAC CTGAGATT PATGTCTAC 240  
GAAGTGTGCG AACTGCTGCA GCTAGCAATG AAGGCTTCAG TCTGATGCTC ATTGGGCTG 300  
AGGATGTGAT CAATTTTAAG AAGATTTACA AAACGCTCAA GAAAGATGAG SATATCCCAC 360  
TGTTCCTGCT GCAGACAAAA TACATGGGAT GTGGTTCAAG GAGCGAATCT GTTTTAGCTC 420  
GACAGATTTG AGGAATCTGA GTATTCCGAA CTTTCNNGGT 460

Name: 145 Len: 2533 Check: 349  
CCAAAGCCCAT GAGGGCCGCG CGCCCGGCGG CCGGTGCTGA CGAGACGGAG CTCTG33CC 60  
CCGAGGAGGA GGAGAGGATC AATGCGGTTT AAGAATCGAT TCCAGCGGTT CATGAACCAT 120  
CCAGCTTTAG CCAATGGCCG CTACAAGCCA ACTTGCTATG AACATGCTCC TAATGTATC 180  
ACACAGCAT TCTCATTGT TCCGGCCATC GTGGGCTAGT CCGCTCTCCA TCGCTGTCT 240  
GATGACTGCT GGGAAAAGAT AACAGCATGG ATTTATGGAA TGGGACTCTG TGGCTCTTC 300  
ATCGCTTTCA CAGTATTTCA CATTGTATCA TGGAAAAAGA GCGACTTAAG GACAGCGGAG 360  
CATTTGTTTC ACATGTGTGA TAGAATGGTT ATCTATTTCT TCATTGCTGC TTCTTATGCT 420  
CCATGCTTAA ATCTTCGTGA ACTTGGACCC CTGGCATCTC ATATGCGTTG GTTTATCTGG 480  
CTCATGCGAG CTGGAGGAAC CATTATATGTA TTTCTCTACC ATGAAAAATA TAAGGTGGTT 540  
GAATCTCTTT TCTATCTCAC AATGGGATTC TCTCCAGCCT TGGTGGTGAG ATCAATGAAC 600  
AACACGATG GACTTCAGSA ACTTGCTGT GGGGGCTTAA TTTATTGCTT GGGAGTTGTG 660  
TCTTTAAGA GTGATGGCAT CATTCCATT GCGCAGGCA TCTGGCACCT GTTTTGGGCC 720  
ACGGCAGCTG CAGTGCTAT CTACGCCATT TGGAAATACC TTTACCGAAG TCCACGGAC 780  
TTTATGCGGC ATTTATGACC AATCTGTACT AATTCTCCAA ACCAGTATTA TTTCAATTAT 840  
GGCACTTGGG AGTGGGGTGA GAGCTAAACA TTGCACAGGG CAAAGAAAAA AAATAACTGC 900  
ACTGACTTTA TATCTTTTGA ATATAATTAC TGTGAAAGTA TAAAGGCTGT GTTCTGGAAT 960  
TTTCTGCTC ACAGCAAATA AATAAGGTAG TGAATTAATT ATTCATTCCA TTCCACTATC 1020  
ATGAAGSACT CTGAATAGAC TTGGCCAACT GATGTTTACA AACCAAGACT TTATATTTTA 1080  
ATTTTACAGA TTTTACTACA TGATTTTCT AAATTACTAT GTCAGGTTGT AAAAGTCAGT 1140  
GCAATAACAA ACCTTCCTTT TTAAGAAGAA AATTGTTTCT ATTACTTTCC CATTCACTAG 1200  
GTAAAGAACT ATGGACAGAA CTTACACTAC TTTTACCAT GTTTCATCTT GGCATAACAT 1260  
GGTCTTTTTT TAAATAGAAA CTTTAGTTTT TTGTAAATTT TTAATAAAT ATTTTATTGA 1320  
TATGATCTC TGCAGTCTC CATTATGTT GTAAATTTTT GGAGCAAGCA GTCAACATTC 1380  
CACAAAGCAA CAAACATTAT ACCTCTTCTG ATAGTTTTAT TAAGCATGGA GAATTTGCCA 1440  
ATTTTAAAAA ACTGCAGTTT TCCAAACTTT TCTGCCAACC TCTTACTCTG AATTCACTGC 1500  
TGCTTTGGGA CATATACTTG ACCTAGCTTG GTTTACAGT GATGGAAAAG TATTTTGATA 1560  
TCATTAATTT TTTCAAAAGA TCCAACTTTT TCTCTATGCC TTTGCCACAT TCTCTCAGG 1620  
GTCTCTTTCC ACAGCGGATA AATGTTTTTT CTGTATTATG ACAGTATTGT TGTGATGGCC 1680  
ATCTGCTGGA AACTCTGAA GAGCATTATG TATTACAGT AGCASTTGTA TTGCTGTCTT 1740  
GGTGCCTAAT GGTAAAGTCA TTGTCACTTA GCTTTATATT GTCAGTTTGA TATCTATTTT 1800  
AAATTTGGA ACTAGATGCA TAAATTCACA TTTCTGCCTT TCCTTTGCTC CTCTCATAT 1860  
ATTGCTTTT TTTTTTTTTT CCTAGAAAAA ATATTTAAAG CATTGTTTGA CAGGTAGAAA 1920  
CTCATGTATC TGTAGTCCAT GAGTTATATC CTGGCTCAGT GGAATGATAT TTATGTATTA 1980  
TTTTTACTTT TCTCTCAGT TCTTATATTA AGATTAACAT GTTGTAAATA GTTGTGTTGT 2040  
TGATTAATCT CTCTGTTTGG TGTTTTAAATA AATGAAATAG GCTTGCCTTT AGATCGGGTG 2100  
CTGATATCTC TGTCTCTTA GTAATGGGCT GATCAATGA TCASTGSAAT TCTTGTGTTG 2160  
ATGATAAAT TATTAATTGA AATTTTTTAC TGTATGSGCT TTAAGAAGG TTTATTTTGT 2220  
ATATGTTAG AACTCTCTGA TTTTGATGAA TTATATGSGA GTGAGAAACA GAAGAGTGG 2280  
TATTTGTTGG CAGTTTAAAT AGGCAAGGTA CCCAGTGATA ACACCAACCA AACCCTCCT 2340  
ATCTGCTGGA TCTGAACAT CTGGATGCTT GTTGTTTTAC TGTGTATATT TTATTTTAA 2400  
TATATTAAT TTGTGATTC ATTTAAGGTC TACTCAAAAG TAACACTGTC CAAACACTA 2460  
ATATGATGT AAAAATTTG CTGTATACTA CAATAAAAT GTTACTTGGA TTTGTTCCAA 2520  
AAAAAATAAA AAA 2533

Name: 145 Len: 6072 Check: 1F2E  
GCTGCTGCGG CCGGAGGCGG CCGGCTTTA AAATAATGCG TGGGGGCGCG CCGGAGCAT 60  
GCAATGCGGA GCGCTGCTG TGGGGCTGGT GCTGCTGCGG CTTGGGCTCT ATGAGATATT 120  
GTGCTGCTG TCTGCGCTGG GCGGAGCAT GGGCTTCTAC CAGGCTTTT CCGCTCAGCTT 180  
CGGCTTCCAG GCTGTGAGGA GCGGCGACGG CCGGCGCTCG CCGAATCTCG GCGGCTGCGG 240



CGCGCTGGG	GGGTATCGG	GGCGTGTG	GCTGCAACCG	CGGGGACCG	GGGAGCGCA	300
GAGCDDGGG	AAGGCTCGG	GGCTCTGG	GCCGGGATG	TGCGGCCCCG	CCAACTGSGG	260
CTACCTCTG	GGGGGGGGG	GGCGGGGGG	GACGAGATG	GAGAAAGCGT	ACAGCGGCGG	400
CTTCCTCTG	CAGCTGCGT	CCGAGATG	CGACCTGCA	CGGGGCATGT	TGCTCTTTG	450
CTACGACAA	TACATGGCT	ACGCTTCCG	CCAGGACGAG	CTCAACCCCA	TCCACTGCG	540
CGGCCTGGG	CCGACCGGG	GGGACCGTT	AAATCTGAAC	ATCAATGATG	TACTAGGGAA	600
CTACTCATT	ACTCTTGTG	ATGCATTGCA	TACACTTGCA	ATAATGGGAA	ATTCATCGGA	660
CTTTCAGAAA	CACTCAAGT	TAGTGATCAA	CACASTTTCA	TTTGACAAAG	ATTCACCGT	720
CAAACTCTTT	CAAGCGACGA	TAAGGCTCT	GGGAAGCCTG	CTTTCTGCTC	ACAGAATAAT	780
AACTGACTCC	AAAGCAACCT	TTGGTGACAT	GACAATTAA	GACTATGATA	ATGATTTGTT	840
ATACATGGCC	CATGACCTGG	CGGTGCCTG	CTCTCTGCT	TTTGAACCA	CCAGGACAGG	900
GATTCATAT	CTCGGGTGA	ATCTAAAGAC	AGGAGTTCT	CTTGACACCA	ATAATGAGAC	960
ATGCACAGCG	GGAGCCGGTT	CCCTCTGGT	GGAATTTGG	ATTCTGAGTC	GACTCTGGG	1020
GGACTCCACA	TTTGAGTGGG	TGGCCAGACG	AGCAGTGAA	GCCCTTTGGA	ACCTCCGGAG	1080
CAATGATACA	GGATTACTAG	GCAATGTCT	GAACATTGAG	ACGGGCCACT	GGTTTGGA	1140
GCAGAGTGG	CTGGGTGCG	GGCTGGACTC	CTTCTATGAA	TACCTCTTGA	AACTTACAT	1200
TCTCTTTGGA	GAAGAAAGAA	ACCTAGAAAT	GTTTAATGCT	GCATATCAGA	GTATTCAGAA	1260
CTACTTAAGA	AGAAGGGGG	AAGCTTCAA	TGAAGGAGAA	GGAGACCTC	CACTCTATGT	1320
CAAGCTGAAC	ATGTTCAAGT	GGCAGCTGAT	GAACACCTGG	ATTGACTCTC	TGCAGGCCTT	1380
TTTCCCTGGA	CTGCAGGTGC	TGATAGGAGA	TGTGGAAGAT	GCCATCTGCC	TTCATGCCTT	1440
CTACTATGCC	ATATGGAAC	GATATGGTGC	CTCTCTGAG	AGATATAACT	GGCAGCTGCA	1500
GGCCCTGAC	GTTCTCTTCT	ACCCACTGAG	ACCAGAGTTA	GTGGAATCCA	CATATCTCT	1560
CTACCAGGCA	ACCAAGAATC	CCTTCTACCT	CCATGTAGGA	ATGGATATTC	TGCAGAGTCT	1620
GGAAAGTAC	ACAAAGTCA	AGTGTGGGTA	CGCCACGCTG	CATCACGTCA	TTGACAAGTC	1680
CACAGAGGAC	CGGATGGAGA	GCTTCTTTCT	CAGTGAGACC	TGTAAATATT	TGTATCTGCT	1740
CTTTGATGAA	GACAATCCAG	TACACAAGTC	TGGAAACAGA	TACATGTTCA	CACAGAGGG	1800
ACACATTGTA	TCTGTGGATG	AGCATCTTCG	GGAATTGCGA	TGGAAAGGAAT	TCTTCTCTGA	1860
AGAGGGAGGG	CAGGACCAAG	GGGGAAAGTC	TGTGCACAGG	CCGAAACCTC	ATGAGTTAAA	1920
ASTCATCAAC	TCCAGCTCCA	ACTGCAATCG	TGTACCTGAT	GAGAGGAGGT	ACTCCCTGCC	1980
CTTAAAGAGC	ATCTACATGC	GACAGATTGA	CCAGATGGTT	GGTTTGATTT	GATCTGCTCT	2040
CTGTGAGGCC	TCATCTTGAA	CCAGACCTTA	ACGACCAAAC	CCAGACCATG	CCAAAGTCCA	2100
GTCTGAAATG	AAAGGGGACA	GAAGTCTTGC	TGTCCATGGT	GGTGATAGGAA	TTTCTGTGCA	2160
ACACCTCACC	ACGCTGGTT	AATCCTTGCA	CACTTCAGTG	TTTCTCTCCT	GTCAATAAAA	2220
ATGCCCTGTT	AAGGATATAA	TTTGAAGTGA	GAAGATACAT	GGAAATTGCC	CTCTTATGAC	2280
ATGTTGATGT	TATAAGCACA	ATAGATGGGG	CATCTTTGGA	TTGATGTTCA	CAGCTTTATA	2340
CTTCAGAACC	TAAGTCTCTT	CACTTTGCTG	GCACCTGCTA	TACTGGAGTA	TTGCTATGTC	2400
TTTAAAAAAT	TTTTTTTTAT	TATATTTTAT	TTTTTTGAGA	CAGGGTCTTG	ATATTTTTTT	2460
GAGACAGGGT	TACCTGGGCT	CAAGTGATCC	TTCTGCCTCA	GCCTCCGAG	TAGCTGGGAT	2520
TACAGGTGAG	CACCACTGTA	CCTGGCTAGC	TACTTCTTTG	TTAGAGGATT	GAGAAATGAA	2580
TTTCTGCAAA	AGGGCCCATG	GTTCAATTTG	TATCCCTATT	TAATTGCATT	GAAATGTCA	2640
TCCTTTCTGT	TGTTAGATAA	TTGGGGTCTT	CCCTGATAT	CCAACCGTGA	TTTTGGATCA	2700
CATGGGAGAA	AAAGTCATCC	AGTTTTTCAT	GTTTGCCTCA	AGTAATCTTT	ACAGTGTAC	2760
AAATTATTTG	CTTAAGAAGA	ATGGTCTTAA	CCAGAATTCT	TAACAGATAG	TCTCTTAGGT	2820
TATTATGTTA	TGGTCTAAGA	GGTTAACTGA	CATCTTTTGG	ATGGTATTTT	GCATTTTGAA	2880
TATGAACCTA	CCTGAGGAAC	TCCCATAGTT	CCAGAATCAG	GTGCCTTTTA	GGGAGAGAAC	2940
AATACCTAAG	ATTGTCTGAG	CTTCCATCTT	TCTCATATTT	CCTAAGCAAG	GATTCTCACT	3000
TATGACCATA	TTTGGGTTAG	AGTTCTGTTT	TGTTTCTGTT	TTCTGTGTCT	AGTGCCTAAT	3060
AGCTAAATCA	GGGAGAAAGA	AATGATCACA	TGACTTTTAG	CATCCTTGAG	CCATTTCTCT	3120
GTGTAATACA	GGCTTTAGAT	TAGTGCTTAA	TATTGGTTTT	GGTTTGGGGC	ACTGGATGTC	3180
GCAGCTACTG	CTATGTTTTG	AGGAGGCTG	TTTAGCCACA	TGGTGAGACC	GTGTTGAAAG	3240
GGGATGGAA	ATTGCTTGGG	CAGTCTTTG	CTTTCATCCT	GTAAAAGTAA	GCATGTAGAA	3300
GGAGGAAGTT	GTGCTAAAA	GCCTTTGTTT	TTTGTATT	ATTTTCTTAG	CCAGAACATC	3360
TCTCTTTGAA	CTCAGACTGA	TACACACTG	CTACTCTTAC	ACAGTGCAGC	AGGGCTGACT	3420
CTTAGTCTGG	CTTCCATGAA	GCCTCATGGG	TGGAAACGCA	TTCTAGTAAA	AAAGGTAGGA	3480
AATCCCTAAA	ACTTCCAGCC	TCACATAGCA	CGGTTCTCAC	CTGTCACTGT	TTTCCACCT	3540
CTAAGGATTT	CATGTACATC	TTTTCAAGC	TAGAAATAAG	CACTGTCTAA	GTTTATGTTG	3600
CATTTTTAGT	CAAAAGGGAG	AAATCTTATT	CCTTCTTGAA	AATTTTAAGT	GTTATGGTTT	3660
TATATAGTTC	AGTTCTTTGA	GATTTTTGAA	AAGAGTATTT	TCAGTAATAA	ACGTGCCATC	3720
TCTATCTCTT	AAACATTTAT	TACAACAATT	CTTTTAAAT	AGAAAAATA	AAATGCTTCT	3780
ATTTTACCTT	TTTTCAATTC	AGAAGCATTA	TTCTTTTTAT	TAACAGTGTC	CCATCTACTG	3840
AATAGAAAAC	TTTGAGAAAT	ATATATATAT	ATATTTTAAA	TGTTTTTACT	GACTCATTTA	3900
AAATGTTAAT	TACACACACA	TGCATGCAAG	CACACACGAG	CATACTTGTA	CCTTTGTCTC	3960
TGGGCAAAACA	GGTGGAAGTC	TTAGTGAACC	ATTTGGGAAA	ATAGAGCATC	TCAGAGAAGG	4020



AGGTGAGTTT	TTCTTGCCTG	TCATTTCTCT	TGGGCTTCC	CTCTCTCTCC	TTCTTGGCTT	4080
CTTGTGGGGG	AGTGGTGGGT	AAGCACTCCA	GTCTTCTTTT	AATGAGGCAC	TTTGCCTGTC	4140
ACTCGAGCAA	GGCTGGGTGT	TCCTTCCCTC	TCATGCTCCT	GGAATAGGGA	ATAGGGATCT	4200
CATGCTTGCA	AACTACACAA	TGCTGCAGGT	GCTTCCCAGG	GGCCACAGGC	TGTCAGGAAA	4260
CSTGTTTTAT	GTAAAGTCAC	AAACCCACTT	GACTTCTGGG	TACTGSAATT	AATACCACTG	4320
GGTGAGACTG	AGGGTGAGTG	AGTTAGTACA	TATTAATCCT	GGTTGTTGAG	CTTCCAGACT	4380
ACCCCTGCCA	AASTTTGATG	CTATGTAGTC	AGTGGTTTGT	GGGGCTGGAT	GCCAGAAGGT	4440
TCTTTGAGCC	AGTTTCAAAG	GTTACTTGT	TTTTTTTTTT	TTTTTTTAA	TCAGAATGTT	4500
AAAGCTTTG	ATATACTCTG	CAGGGCTTTT	GCATTTTCTT	CTGTTCTGTG	TTCTGAAATC	4560
CTGGGTAGAG	AATGGCTGAG	GAGGAGATTA	CCAGAGAAGT	TGCTTTGCTC	AGTGGCTTTG	4620
CCCAAGATTG	CTTCAAATCT	GAGTGGACTT	CATCTTTTGT	GGGGCTCTG	AGCTGGGCCC	4680
ATCTTCTAT	TCCCACTGT	AGCTAGTGT	TAGTGTGAGC	TTTGCTCAAT	GTGGTGGAAA	4740
CATTTTGAG	AACTGTTGTA	GAAAGCTGCT	TTATAGTTGG	CTTGACAAA	CATAATTCTC	4800
TCATAACAAA	CTTTCAAATC	ATTACAGTAG	CTTAGCTACT	TTAGTTGATG	TGACCGAGGA	4860
ATCTCTTCTA	GAATCATAGG	TGGCAAGGGA	GGGTTTGCTA	GCTCTCCATT	TGCACCTGGC	4920
ATTGTGAAAA	ACCAGCTTCT	GTATTCAAAT	CTTCTCTTCA	TTTTTTTTAA	TTTTTTTTTT	4980
GGCAGCGCTT	GTGCTGGAAC	TTACTCATTG	TAACTGAATC	CTCAGGGCTT	TTCTTGTTTT	5040
AGATCATGGA	CTGTGCACTG	GACACTTAAA	TAATTTTCTA	TGTATTTAAA	GAAGAAATGCA	5100
CCAGGATGCT	GTCTGTGAC	GTGACTATTA	GAGGAGCGTC	TGTAGAAGTA	CTTGGTTTGG	5160
TCAGTGCACT	TGTGCAATCT	GAGGGCCTTG	TTTCTCTCTC	CCCTTTCCCC	TTCTCCCCAC	5220
CAAAGGAAAA	TATCCTCTCT	AATGATTTGG	TAGTTGAGTT	TACTGAATGA	TTACCACTCT	5280
TAATTCCTCT	TTGGATTGTT	TAGACTCAAC	ATGAGACATT	CCTTTCTGCT	TTCTGGAGGG	5340
CACCAAGGGG	CTTTCTCTTT	GATAAATTTT	TTTTGTCTGT	TGACAAAAAC	AAAAATCTTT	5400
TTTTCAAATG	AGTGTCTGGT	AAAAGGTAGG	GCTGAGTGAT	TACCTTAGCC	ACAGGGTGGC	5460
TGAGCAGGAA	CTTTAGAGAA	AAATCCTGAG	CTTCTCTGTC	CATTCOCAGC	ATCCAGCTCC	5520
TATTTAGATG	CTCTTCCCT	GCAGGGCAGG	GAATCTTGG	GAAATCGAGG	AGGTGGGACG	5580
GGCTGGGCCC	TGTGTCCAG	GTTTCACAGG	GCTCAGGGTT	ATGCTCCGCG	TTGAATCTGG	5640
ACGTGAATCT	GGTAAAAATA	TCAAGTACCT	GTGGAACCTC	CTGATTCTAT	ACCTCTTCTC	5700
TTCTTTCTGC	AAGGCAGAGG	AATAATATTT	TTAAGGTTA	TTTTGTTTTA	GTTTTAAATA	5760
GCAAAACACA	AGCTGCATTT	TTATTTATTT	TGCATAAGAA	AGGTAAATCT	TTTTACAAAA	5820
AAAAGTATAG	AGTTGGAAAC	TCTGGGAAAA	CTTACGGAAA	TACACAAATG	CTTCTCTGTA	5880
ATGTGCAATA	TGCTTTGCAA	CTGTAGATGA	TATTTTATGT	TTAATCTGTA	AATAAGAAAT	5940
GTATTTAAAT	TAAAAGGGAT	CTTTTGTGTA	AAGGACCAAA	TGTTCTTTTA	TAAATGTAAT	6000
AAGGAATATC	TTGCTCTTTA	AAATTTATTA	GGATTTTAT	GAGTAATTTT	TATTAAGA	6060
TTTCTTTTTT	TG					6072

Name: 247

Len: 5615 Check: 2627

GAAACTGCGG	GTGTGACCCC	CCCGTGGTGG	CTCTGGGTGT	CTGCGGAGGA	GCTGGGGGCG	50
GAAGATGAGG	CTAAAGGCTT	GGCTTCAGTG	AAAGCACCGG	GATGTGCAGG	CCGGGAGGTA	120
GAGGAGGCT	GATGGGGGAG	GGAACGAGCA	GGCTGTGAGA	CGGGGTGACG	CCGGCTACCA	130
GGCGGGGGGG	GCACCGGGAC	TGGAAGAGTT	GGCTGAGCAG	CCGGCTGGTC	CGCGGGCCAG	240
GCTAGGGGGG	GGGCGAGCGC	CCAGTTGAGC	CTGCTGGGGC	TGGAGGAGCG	AGAAGGGTTT	300
TCTTCACATT	TCAGAGGGAA	CCAGACGGGG	ACASTAAGGT	TTGGAGGAAG	GGGATCGTT	360
GGAAGTAGCA	AGAAGTGGAG	AGAATCTGGC	AATAGACGAG	AAACCGAAAG	AATCAGAAAG	420
AASTCTATCT	GAGTAGCTGA	AAGCATTGGG	TGACAGAGAA	GAAGGTGCGT	GTAAAGTGAAG	480
GAAGAGTGAG	GTGTGGCTGG	ATCAAAAGGC	TAAGAGAAGC	GGGTCTGTGT	AAGTGGATGT	540
GASTGAGGAT	CAAGGAAAAAG	CCGTGGAAAT	GGCGGGGGGT	CGGGGCGGCA	GAAGTGGCAG	600
ACGGGGGGGG	AAAGCAGGCG	AGCGGAGTTC	AAATTTGAGA	GCGTTTGGAA	ATTGGAAGAC	660
TTGGTGGGGA	ACGAGGGTCA	GGACCTGCAT	CTTCTCTCAG	AGAGTTATCG	ACGTATCCGG	720
AATGTGGGAT	CAGAGGGCTG	TGAGGTTGGC	CTGTTTGCAG	CATCTGGGGG	CTTCTATGG	780
TATTAAGGTG	AAAGGTGTCC	GTGGGCACTG	CGATGCGAGG	AGACATGAAA	CAGCAGCCAC	840
GGAAATAGGG	GGTAAATAT	TTGAGTAGCC	TTTAAATGCA	CTGGGGGATT	CTGCTTACCC	900
AGAAATAGGA	CACATTCGAA	GCTTCTCTGT	CGATGCTTGC	AGATCTTTAG	AAGACCATAT	960
TCATAAGGAA	GGGCTTTTTC	GGAAATCAGG	ATCTGTGATT	CGCTTAAAG	CACTAAAGAA	1020
TAAAGTGGAT	CATGGTGAAG	GTTGCTATCT	TTCTGCAGCT	CTTGTGATA	TTGGGGGACT	1080
TCTTAAGCAG	TTTTTTTAGGG	AACTGCCAGA	GCCCATTTCT	CCAGCTGATT	TGCATGAAGC	1140
ACTTTTGAAG	GCTCAACAGT	TAGGCACAGA	GGAAAGGAAT	AAAGCTACAC	TGTTGCTCTC	1200
CTGCTCTCTG	GCTGACGACA	CAGTTGATGT	ATTAAGATAC	TTCTTTAACT	TTCTCAGGAA	1260
TGTTTCTCTT	AGATCCAGTG	AGAATAAGAT	GGACAGCAGC	AATCTTGCAG	TAATATTTTG	1320
ACCGAATCTT	CTTCAGACAA	GTGAAGGACA	TGAAAAGATG	TCTTCTAACA	CAGAAAAGAA	1380
GCTACGATTA	CAGGCTGCAG	TAGTACAGAG	TCTTATGAT	TATGATGAG	ATATTGGGCG	1440
TGTACGAGAT	TTTATCTTGG	AAAAGATACC	AGCCATGTTG	GGTATTGATG	GTCTCTGTGC	1500
TACTGATCA	CTGGAAGGCT	TTGAAGAAAG	TGAATATGAA	ACTCTGTGTG	AATATAAGAG	1560
AAAGAGAAGA	CAAGGTGTAG	GAGATTTTGT	TAGTGGAGCA	CTAAATAAAT	TTAAACCTAA	1620

ACAAAGAGCT	TCTATTACAC	CTCAAGAAAG	AAGAATTGCC	CAGGTATCTG	AATCAGCAGT	1457
CAATCTTACA	CCAAATGCTA	AGCGTACATT	GCCAGTAGAT	TCTTCTCTTG	GTCTCTCAAG	1460
TARGAAAGGG	AAGTCCATCA	AGCACAATTT	TAACCTTTGAG	CTGTTCGJAA	GTAATCTCTT	1466
CAATAGCACT	TCTACACCGG	TATCAGTTCA	CATCGATACA	AGCTCAGAGG	GGTCATCTCA	1469
GAGTTCACTC	TCTCCTGTAC	TCATTGGTGG	AAACCATTTG	ATCACTGCGAG	GTGTGCCAAG	1470
GCGAAGTAAA	AGAAATTCGAG	GCAAAAAAAGT	TTGCAAGAGTG	GAATCAGGAA	AAGCAGGCTG	1480
CTTCTCTGCT	AAAAATCAGCC	ATAAAGAAAA	GGTTCCGAAGA	TCTCTGCTTT	TGAAATTCAG	2040
TCTAGGGAAG	AATGGCAGAG	AAATAAATGG	ATGTTCTGGT	GTCAATAGAT	ATGAAAGTGT	2100
TGGTTTGGCA	CTTGCAAAATC	AACTAAAGTTT	AAAAAATCGA	ATTGAATCTG	TAAAAACAGG	2161
TCTGCTTTT	AGCTCAGATG	TTGATGAAAA	GTTACCAAAG	AAAGGTTCTG	AAAAGATCAG	2221
TAACTCTGAG	GAAACCTTAC	TAACTCCAGA	GCGACTAGTT	GGAAATAAAT	ACCGGATGTC	2280
TTGGACAGGA	CTTAATAATT	CAAGTTTTCA	AGAAGTAGAT	GCAAAATGAG	CTTCTTCAAT	2340
GCTGGAAAACT	CTTGAGGTAG	AAAACCTCTT	GGAGCCTGAT	ATTATGCTAG	AAAAGTCACC	2400
TGCTACTTCA	TGTGAATCTA	CCCTTTCCAA	TTTAAACAAT	AAGCATAATA	GCAACATAAC	2460
AAGTAGGCTT	CTTAGCGGGG	ATGAAAAATA	CATGACCAAA	GAGACTTTGG	TGAAAGTTCA	2520
AAAGGCTGTT	TCTGAATCTG	GAAGTAATCT	TCACGCATTG	ATGAATCAGA	GGCAGTCATC	2580
AGTAACTAAT	GTGGGGAAAG	TAAAATTAAC	TGAACCATCT	TATTTAGAGG	ATAGCCCAGA	2640
GGAAATCTA	TTTGAACCTA	ATGATTTGAC	TATAGTAGAA	TCAAAGGAGA	AATATGAACA	2700
CCACACTGCT	AAAGGTGAAA	AATGTTTTTC	AGAGAGGGAC	TTTTTCACCC	TTCAAACTCA	2760
AACATTTAAT	AGAGAAACAA	CTATAAAATG	TTATTCAACT	CAGATGAAGA	TGSAACATGA	2820
AAAAAGCAAT	CATTCAAATA	TGCCAAAAAG	TTATTTAAGC	AAGCAAGAAT	TCTCCAGTGA	2880
TGAAGAAATA	AAGAAACAGC	AGTCCCCAAA	GGATAAACCTA	AATAATAAAT	TAAAGAGAG	2940
TGAGAAATAG	ATGGAAGGTA	ACTTACCGAA	GTGTGCAGCA	CATAGCAAGG	ACGAGGCTAG	3000
ATCTCTTTTC	TCACAGCAGA	GTACATGTST	GTAAACAAAC	TTGTCAAAAC	CTAGGCCCTAT	3060
GAGAATTGCT	AAACAGCAGT	CATTGGAAAC	ATGTGAGAAA	ACAGTTTTCTG	AAAGTTCACA	3120
AATGACAGAA	CATAGAAAGG	TTTCTGATCA	CATACAGTGG	TTTAAACAAG	TTTCTTTAAA	3180
TGAACCAAAAT	AGAATAAAAG	TCAAGTCAAC	TCTTAAGTTT	CAGCTGACTC	CTGTTCTGTC	3240
GTCTCTCAGA	AGAATTAATT	CTTTGTTGGA	GTATAGCAGA	CAACCTACAG	GGCATAAGTT	3300
GGCTAGTCTT	GGTGATACAG	CTTCTCCTTT	GGTCAAATCA	GTGAGCTGTG	ACGGTGTCTT	3360
TTCTCTTTGT	ATAGAAAGTG	CATCAAAAGA	TTCTCTGTGT	TCATGTATCA	AATCAGGTCC	3420
TAAAGAACAG	AAGTCCATGT	CATGTGAAGA	GTCAAATATT	GGTGCAATTT	CAAAGTCAAG	3480
CATGAGTTTA	CCCTCGAAAT	CTTTCTTAAA	GATGAGGAAG	CACCCAGATT	CAGTGAATGC	3540
TTCTCTTAGG	TCTACTACAG	TTTATAAACA	GAAGATCTTA	TCTGATGGCC	AAGTTAAGGT	3600
TTCTCTGGAT	GATCTGACTA	ATCATGATAT	AGTAAAACCA	GTTGTAAATA	ACAACATGGG	3660
CATTCTCTCT	GGGATAAATA	ACAGGGTCTT	TAGGAGACCA	TCAGAAAGAG	GAAGGGCCTG	3720
GTACAAAGGT	TCTCCAAAAC	ATCCTATCGG	AAAAACTCAA	TTACTACCAA	CAAGTAAACC	3780
TGTAGATTTG	TAATTGGTAA	ATGTTATACT	TGTCATTAAT	GTAAATAAAG	TGAGTAATTG	3840
GTATGACTTG	CAGGATGATG	TACATGTTAG	TTTGTAGCTC	AGGATGATTG	TTAAGCAATA	3900
GATTGCTCTT	ATTGAAAATG	TTTCATTTT	TTCACTGTAC	AAGCAACTTA	GATTTTTATT	3960
TGTACAAATT	ACTTCTTTGT	TTTTCTTAAT	GATGGCAATT	TTTAAACTTT	AATTTTTATT	4020
TGATCTCTTA	AAGCAGAGGT	TAGACTTTAC	CTTTCTGACT	CTGTCTGCTA	GGCTGGAGTG	4080
CAGTGGGGCA	ATCTCACTGC	AACTGCCACT	TCTGTGGTTT	ATGCCATTTT	CTGTGCTCAG	4140
CTCTCCGAGT	AGCTGGGACT	ACAGGTGCCCC	GCCACCACGC	CCAGCTAATT	TTTTGTATTT	4200
TTAGTAGAGA	CGGTTTCACC	GTGTTAGCCA	GGATGGTCTC	GATCTCCTGA	CTTGTGTATC	4260
CGCCCGGCTC	AGCCTCCCAA	AGTCTGGBGA	TTACAGGCAT	GAGCCACCCAC	CCCGGGCTAG	4320
ACTTTACCTT	TCTAAAGAAA	TTGTTTACTG	GATTTATAAG	AAGTTAATTT	TTGAAAATGA	4380
CATATTTTTG	TGTGATAGAA	AGAAATGGAAC	AAGTTGTGCC	TATTTCTCTC	AAGTCAGATA	4440
AGGTTTTCTAA	AATAAATAAA	TTTCTAGCAT	ATAAAGGGTA	GAGATAAACT	CTGCAAACTC	4500
TATGCTCTGA	ATTATATTAA	TGTTTTATTGT	CCTTGCCAAA	ATTCTAGAG	ATTAATTTCT	4560
TTCAATAGCA	TCTTAAACT	CTATTTTTAT	TTGGGCGAGA	GTAATTTCTT	TTATAGTGCC	4620
AGTAGGTTGA	CTTGTGTCTC	ACTCGAACTA	AGAACAATGG	TTAAGGCAGA	ATAATGACTA	4680
AAATATGTTT	ATATATTATG	ATGTGGAAT	AATTGATAAC	TTTTAAGGCA	TACTATGTTT	4740
TTAAAGATAA	TTTGCACAAA	CAGTTTTGTG	TCTGTTCTGT	CCAATATAGA	TTTGGCAATT	4800
ATTTAAAGAG	GGATAATCTT	GAATAAAAT	AAACCAAGGTG	ATTTCTTATA	TGTAGATGCT	4860
CGATTTTGGG	ATTTGAAATA	GTAGATGCAC	CTCTTTACCT	TTTTTACTTG	GATAAAAACC	4920
TATGATGATT	TTGTCTCTGT	TGTAATATTT	ATTTATTTAG	CATAGACATT	AAAGATAACT	4980
CTCTGGAAAA	TGACTTGACT	AACTCTCTCA	TGAAATTCAG	AGTGCCATTT	AGAACATGCA	5040
CCAAATTTCT	AAGTAAATTT	GTCTAAATTT	ATATTTTAAA	TTATTACAAA	TTACACATCT	5100
TTGAGGAAAG	AGTATTATGA	ACAATAAGAC	ATATTCTCTA	GGTTGTAGAG	GAAGGAATAA	5160
GCAGACAGAA	TCAACCACTA	AAGGTAGTTT	TTGAGATTGG	TTGTTAGAAT	GTGATGTTTA	5220
GATGTTGGAG	CAGATTAGAG	CAGCATTCAT	GCCACTCGGA	GCAACCGAGC	TTACAGCATA	5280
AGTATGTACG	AGGAATTTCA	AATCATCAGA	TGTTTGCTTG	GCTAGGTTCT	ACTTTGTTTA	5340
TTTGATATCA	AATAGGTTTT	TAGATGTTTA	TGGCATTCTT	AATTGTAAAT	AGAGACAAAA	5400

TATTGATATA TTGAGATATA TSTTGTGTTC TTTAAACAAT TTTTAAATTT TAAAAATGGA 5460  
TTAAGGTGCTT TTTATATGCA TCAAGGUAAS GATGAAATGT TGAATTTGAA GACTAATTCA 5470  
STAAGCAAGT CTAGGGGTTT AACTTACAT ACTACCTGAA CTGGCTTTTC TGAGAGATGA 5480  
ATCAATAATG AAACATGTCT GTTTTAAAAA CTAGC 5490  
Name: 248 Len: 5298 Check: F37  
GGGCGGCGAC CCCAGCCACC GCGCTGCGGC CAGCGGCTCC TCGACTCGC CGCGCGGAGA 60  
CCCGGAGGCT CCACAGATT CAGAAATGTC CAGAAATGAC AAAGAACCST TTTTGTGAA 120  
GTTTTTAAAG TCCTCAGACA ATTCCAAATG TTTTGTAAA GCTCTCGAGT CCATAAAAGA 140  
ATTCTAATTA GAGAAATATC TCCAGATATC TACAGAGGAA GAGGCATTGA AGATAAAGGA 160  
GAATATATA TCACTTTTATA TCTGTGADTC TTTTAGTGGC GTTGTCTTTT ATCAGCTCAA 180  
AAAGCTTGGC TCCAGAAATG TTGCTCTTCA AGTAGTCTTA TTTTGTATGC ACCAGCAGCG 200  
ATGTGTGCTA AGAGCCGAAC ATCCAGTTTA TAATATGGTT ATGTCTGATG TAACCATATC 220  
TTGTACAAGT CTGAAAAAG AAAAAAGGGA AGAAGTTTAT AAATATGTAC AAATGATGGG 240  
CGGACGAGTA TACAGAGACC TTAATGTATC AGTAACTCAC CTTATTGCAG GAGAAGTTGG 260  
TAGCAAAAAA TATTTAGTTG CTGCAAAACT GAAGAAACCT AGATATACTG ATATAAACAT 280  
AAAAACACTT TGGGAGAAGT CACAAGAGAA AAAAAATACT AGATATACTG ATATAAACAT 300  
GGAAGATTTT AAGTGTCTTA TTTTCTTGG TTGCATAATC TGTGTGACTG GCTTATGTGG 320  
CTTAGACAGG AAGTAATTTT AGCAACTCAC AGTTAAGCAT GGAGGTCAAT ACATGGGACA 340  
ATTGAAAAATG AATGAATGTA CACACCTCAT TGTGCAAGAA CCAAAAGGTC AGAAGTATGA 360  
GTGTGCCAAG AGATGGAATG TACACTGTGT GACCACACAG TGGTTTTTTG ACAGTATTGA 380  
GAAAGGTTTT TGTGAGATG AATCCATATA CAAGACAGAA CCTAGACDAG AAGCAAGAC 400  
TATGCCCAAT TCTTCAACTC CTACAGGCA GATCAACACA ATTGATAGTC GTACTCTTTC 420  
AGATGTGAGC AATATTTTCA ACATAAATGC AAGTTGCGTA AGTGAATCAA TATGTAATTC 440  
ACTTAACAGC AACTGGAGC CTACACTTGA AAATCTAGAA AATCTGGATG TCAGTGCATT 460  
TCAAGCACCT GAAGATTTAT TAGATGTTTG TCGGATATAT CTTTGGCGTT TTAGTGGCAG 480  
AAAGCTAGAT AACTGAGAA GACTTATTA CAGTGGAGGT GAGTTCTGTT TTAACAGCT 500  
AAATGAAGAT GTAACTCATG TTATTGTGG AGATTATGAT GATGAATTGA AGCAGTTTTG 520  
GAATAAATCA GCGCACAGGC CTCATGTAGT GGGAGCAAG TGGTTGCTAG AGTGTTCAG 540  
TAAAGGTTAT ATGCTTCTG AAGAACCATA TATCCATGCT AATTACCAGC CAGTGGAAAT 560  
TCCAGTTTCA CTCAGCCTG AAAGTAAAGC AGCTCTTTTA AAAAGAAGA ACAGCAGCTT 580  
CTCTAAGAAA GACTTTGCTC CTAGTGAAAA GCATGAGCAA GCTGATGAAG ATCTGCTCTC 600  
TCAATATGAA AATGGTAGCT CCACAGTAGT TGAGGCTAAG ACCTCTGAAG CCAGGCCCTT 620  
TAATGATTCT ACTCATGCTG AGCCCTTGAA TGATTTCTACT CACATTTCTT TGCAAGAAGA 640  
AAACCAGTCT TCTGTGCTG ATTGTGCTCC TGATGTTTCT ACAATTACTG AAGAAGGCTT 660  
ATTTAGCCAA AAGAGTTTCC TTGTTTTGGG TTTTAGTAAT GAAAATGAAT CTAACATCGC 680  
AAACATCATA AAAGAAAATG CTGGGAAAAT CATGTCCCTT CTGAGCAGAA CTGTTGCGGA 700  
TTATGCTGTG GTTCTCTGCT TGGGGTGTGA AGTGGAGGC ACTGTGGGAG AAGTTGTTAC 720  
AAATACATGG CTGTTTACTT GCATAGACTA TCAGACTTTG TTTGATCCAA AGTCCGAATC 740  
TCTCTTCACA CCAGTTCCAG TAATGACAGG AATGACTCCT TTAGAGGATT GTGTTATTTT 760  
ATTTAGCCAG TGTGCTGGAG CAGAAAAAGA GTCTTTAACA TTCTAGCAA ACCTCCTTGG 780  
AGCAAGTGTT CAAGAATACT TTGTTGCAA ATCCAATGCA AAGAAAGGCA TGTTTGCCAG 800  
TACTCATCTT ATACTGAAAG AACGTGGTGG CTCTAAATAT GAAGCTGCAA AGAAGTGGAA 820  
TTTACCTGCT GTTACTATAG CTTGGCTTCT GGAGACTGCT AGAACGGCAA AGAGAGCAGA 840  
CGAAAGCCAT TTTCTGATTG AAAATTCAAC TAAAGAAGAA CGAAGTTTGG AAACAGAAAT 860  
AACAAATGGA ATCAATCTAA ATTCAGATAC TGCAGAGCAT CTTGGCAGAC GCCTGCAAAAC 880  
TCACAGAAAA ACCGTGCTTA CACCTTTAGA TATGAACCGC TTTGAGAGTA AAGCTTTCCG 900  
TGTGTGGTCT TTACAACATG CCAGACAGGT CGCAGCCTCC CCAGCAGTAG GACAACCACT 920  
TCAGAAAGGAG CCGTCGTTAC ACCTGGATAC ACCATCAAAA TTCTGTGTTCA AGGACAAACT 940  
CTTCAAGCCT TCTTTTGATG TGAAGGATGC ACTTGCAGCC TTGSAAACTC CAGGACGTCC 960  
CAGCCACACG AAAAGGAAAC CGAGTACGCC ACTCTCAGAA GTTATTGTCA AAAACTTGCA 980  
ACTTGTCTTG TAAATAGCT CTGGAATGCT TGTGCTCTTT TCTGCGAGCT CTCAACTGAA 1000  
AGAGGCGCAG TACAGAAAGG AAGAAGCCCT AAAGCCTCTT TATAAAGTAG TGGTATGTGT 1020  
TAGTAAAAAA CTCAGTAAGA AGCAGAGTGA ACTAATGGG ATGCGAGCCT CTCTAGGAGC 1040  
ASATTACAGG TGGAGTTTTC ATGAAACAGT GACTCATTTT ATCTATCAAG GCGGGCCAAA 1060  
TGACACTAAT CCGAGTATA AATCTGTAAA AGAAAGAGGA TACACATTG TTTCCGAGCA 1080  
CTGGCTTTTA GATTGTGCC AAGAGTGTA ACATCTCTCT GAATCTCTTT ATCCACATAC 1100  
TTATAATCCC AAAATGAGCT TGGATATCAG CCGAGTSCAA BATGGCCGCT TGTSTAATAG 1120  
TCACTACTC TCACTGTGT CTTCAACAAA GATGATGAG CCAGATCCTT TGATTTTAGA 1140  
AGAAAATGAT GTAGACAATA TGGCACCCAA TAATAAAGAG TCAGCACCAT CAAATGGAAG 1160  
TGGAAAGSAT GACTCTAAAG GAGTTCTGAC ACAGACCTTA GAGATGAGAG AGAAGTTTCA 1180  
GAAGCAGTTA CAGGAGATAA TGTCTGCAAC ATCAATAGTG AAACCCCAA GGCAGAGGAC 1200  
TTCTCTTTCA AGAAGTGTTT GTAACAGCGC ATCTTCAACC CTTGACAGCA CTGCTCTGTC 1220  
TCGAGTGGA CBAAGTAGAG TCCTAGAGGC ACTGAGGCAG TCTGTGTCAGA CAGTACTTGA 1240

TTTTAAATATA AAATTTTCTT AAAATGAACA GATCATTTGG GATCA CTAA GAGCAAGGGA 3547  
 GCAATATGGA AGGATTTGGA GCAATTTGGA GTGGGCTAGT GTTCCAGAA ATACTCTCTGA 3600  
 GCTTAAATTTT GCAATTTGGA AATTGGGAGG TTCTCTTTT CAAAAA TTTT TACATGATTC 3683  
 AGAATTTCTT AAATAGGCTG TCTGTGATTC TGGAAACATA CTTGTCTCTT AAGCTCTGGA 3727  
 ACACCTCATC TTTGAAGAACT TGGAAACTCT CATAAAAGAC AGCCACTCTA TCCCTACGCC 3780  
 TCAAGCTCTC AATTATTGCT TTCCACTCTG CAACCTCTCT GTGGCTCTCT ACCCTAGAGA 3840  
 AAAGATTTATA AGGATAGAGG AGACTCATGA AGAATTAATA CTGATTGAGA AACTAGCTCT 3900  
 ATGATTTCTT AATCTTTAAG AAGCTATTCT CTATTCTCT CTGATTGAGA AACTAGCTCT 3960  
 ATTGTTGATA GAAGAGCTT GCTTTTATTC CACCTCTCTA CACATTCTCT TGGGACATCT 4020  
 ACTTGAAGAA GAGAGCTATT TAGCTCTCTT GCGAGCTCTG AAGTCTCTCT CTCATCTCTC 4080  
 CTACTTTGAA GCTTGCAGGA CTGCTGGACA CTCTCTGCTG GAAGAACTCT ATGAATGGGG 4140  
 AAGATTTCTT ATACTTGAAG TTTTGACTCT AATCAATGTA CAGCAAGGAA GACTAGCTCT 4200  
 TGCATCTATG AGATGGAGAA AAAAAATCTA GCAAGACAA GAATCTCTGA TTGTTGAGGG 4260  
 AGCATTTTAT GGGTGGAGG TTAATTTTACA TGTGGATCAG TCTCTGAGAG CAGGCTTCAA 4320  
 ACGCTCTCTT CAGTCTAGGAG GAGCAAGGT GCTACCTGGT CATTCTCTCT CTTTATTTAA 4380  
 AGAGCTCTCA CATCTTTTTT CTGACTTGAA TAAACTGAAA CCAGATGACT CAGGAGTTAA 4440  
 TATAGCAGAA GCTGCTGCTC AGAACGTGTA CTGCTTGAGA ACAGAATACT TTGCTGATTA 4500  
 TCTCATCTAG AATCACTCT CTCATCTAGA AAATTTACTG CTACCTGAG CTATTTCTCT 4560  
 TATTCTGAT AATAAGGAA TTGGGACTGG ATTATCACAA AAGAGGAAAG CTCCTACAGA 4620  
 AAAAAATATA ATCAAACGAC CTAGAGTACA CTAATCTGAT CTACCTTTTA GTTACCAAC 4680  
 ATTAAATCTT TTTAAAAAT GAAAGCTCTA ATGTGACTGT GATAGATTTG GGTAGTAAT 4740  
 TAAAGATGAG TACCTGAAGA ATTCTGCTTC AGAGTATAAT GATGACCTCT CTTGAGTTTT 4800  
 GAGCTCTCTA AATTGTAATC ACTGAAATAT TAACTGTTTC TTAATAAAAA GTTACCTGAA 4860  
 ATACATCTAA AATACAACTC CTCAGCTAGC TTGCTGTTAA ACCACATTGA AGTCTGTTAA 4920  
 AAGATATTTA TTTTCTCTGT AAATATCTGA AGCTGTAGCT TAGTGGAAAT TTTAGCAAGG 4980  
 TAATGATTTT TGCTTAAAAA TGCTCTGCTT ACAAATCTAT AACACAGAA TTTGTCAGTC 5040  
 AGCATTTTAT CATGTTTTCT CTGATTTTTA TCTTCTCACC ATTTTACCTC TTTTACAGG 5100  
 AGCTCTGAGA CAAGGTTTTA TGAGGAAGCT GGGGCTATAA ATATCTCTGT ATATATGTAT 5160  
 ATCTATCTTT GTACAAATCT CCATGATGTT TGCCAAGTTT GAATCTCTCA AACTTGGAAA 5220  
 ATCTGACAT AAAGAATAAA AGTAGTAAT CAAATTAGTA TTAAGATGTG TTTACATAGA 5280  
 TAAATTTTTT AAAAGAGC

Name: 249 Len: 1594 Check: 12A6  
 GCGCTCTGGC CTAGCATGTC GGAAGCGGGC GAGGAGCAGC CCATGAGAGC GACGGGCGCC 60  
 ACCGAGAAGC GACATGAGGC CGTCCCGGAA GCGAGTCTCG GCGGGGGCTG GACGGGCGCC 120  
 GCGGGCGGGC TGGAGGCGCG ACCGCGCGCG CCCCAGCGCG GAATCAGAAG GCGCGCGAGG 180  
 GACCATGATCA ACCCCAGCAA GAACGAGGAG GACGCGGGAA AAATGTTCTG TGGTGGCCTG 240  
 AGCTGGGATA CTAGCAAAAA AGATTTAAAA GACTATTTTA CTAAATTTGG AGAGGTCGTT 300  
 GACTGTACAA TAAAAATGCA TCCCAACACT GGACGGTCAA GAGGGTTTGG GTTTATCTCT 360  
 TTCAAGATG CAGCCAGTGT GGAGAAGGTC CTAGACCAGA AGGAGCAGAG GCTGGATGGC 420  
 CBTGTCTATG ACCCTAAAAA GGCCATGGCT ATGAAGAAGG ACCCGGTCAA GAAAATCTTT 480  
 GTTGGGGGTC TGAATCTCTA AAGTCCCAT GAGGAAAAGA TCAGGGAGTA CTTTGGCGAG 540  
 TTTGGGGAGA TTAGGGCCAT TGAATTGCCA ATGGATCCAA AGTTGAACAA AAGACGAGGT 600  
 TTTGTGTTA TCACTTTTAA AGAAGAAGAA CCGTGAAGA AGGTTCTGGA GAAAAAGTTC 660  
 CATCTCTCA GTGGAAAGCAA GTGTGAGATC AAGGTGGCCC AGCTCAAGAA AGTCTATCAG 720  
 CAGCAAGAGT ATGGCTCTCT GGGGCGTGGG AACCGCAACC GAGGGAACCG AGGCAGCGGA 780  
 GGTGGTGGTG GAGGTGGAGG TCAGAGTCAAG AGTTGGAATC AGGCTCTACG CAACTACTGG 840  
 AACCAAGGCT ACGGCTACCA GCAGGGCTAC GGGCTCTGGCT ATGGGGCTA CGACTACTCG 900  
 CCTATGGCT ATTACGGCTA CCGGCCCCGGC TACGACTACA CTCAGGGTAG TACAAACTAC 960  
 GGCAGAGGCT AGCGAGCTG TGGCCATCAG AATAACTACA AGCCATACTG AGGGGGCCAA 1020  
 GGGAGCGACC AACTGATCTG ACACATGCTT TGTTTTGATA TGGAGTGAAC ACAATATATG 1080  
 ACCCAATTTA ACTTGGGAAA CTTTTTATTT CTTTCTCCAT CTGCTATCTA TTTAATATTT 1140  
 CTGCTATGTA AATTAATCTC CTGTTGACTA TTTCCAGAGC TCTAGTCTCT TAGGCTAGCT 1200  
 GTGCTGTCTG AGAGGCTATA GCGGCTATCT GGGCTGATTT TTATTACAGG GTCCCTCAGA 1260  
 AGGAGGTGAG AGGCTCTGCT TCTCTCTGCT GCTCTGCTAG CTTGAGCTGT GAGGCTCTGT 1320  
 TGTAAAGAGT AAATGTGATC TTAGGAAAC AGTCTCACCT TTTTCTCAG TTTTATTTT 1380  
 ATATTATTTG CTTCTATCAT TTCTGTAAAC GGAAGTGTTA ATTTTACTGT ACTTTTGGT 1440  
 ACGCTTTTTT GGAATCTAAT GTATTGTAG GTATTTTTACA CTTTCTCTGA TTTTGCCACA 1500  
 ACTTCTATAT TGAGCTATC CAACCTTTTG AAATAAAATT TAAAAAAGG AAGCTGGGT 1560  
 GAGTGTGGGA AAAAAAAAAA AAAA

Name: 25 Len: 237 Check: 14F6  
 GAGTATTGG AGAGGCGGCC TTATGAGGAC CAGGGGCTCG GGGAGAGGAC TCCCTTACT 60  
 ATCATCTCT AGGCTATGCA GGCNCTGAGG GTCAACAGCC AGGCTGGGCC CAGAGAGGCA 120  
 TCTCTTTTTG TGTCTCGCA TGGTGAAGG ATGGATGTTG TGTCTGCAAA GTACTGGCTT 180

JTC CASI C NTCEATNGCA AAGBBDNCTA CATNCGJAGG CAACCTNAGAA CATNCGG 137  
 Name: 25 Len: 1121 Check: 598  
 GGAATTCCT ATAGAGCCCG GTGAGAGAGC GAGGCGCGGT CGGCGGGTGT CGAGGBCGGG 60  
 TTGCTTCAGG CTBACCTTTC CCBCCTCTCT TCTGCTCACA CACGAGGTCC CCGGGBAAGC 110  
 CGCGGTGTCT GCBCCTATGG GGAGCTGAGG GCTCTTGAGA GTCTCATCGA GATGGGCTTC 130  
 CCGAGGGGAC GCGC3GAGAA GGCTCTGGCC CTCATAGGGA ACCAGGGCAT CGAGGCTGGG 240  
 ATBBACTGG TGATGGAGCA CGAAGAAGAT CCGSATGTGG ACGAGCCTTT AGAGACTCCC 300  
 CTTGACATA TCTGGBAGG GGAGCCCACT TCGTCAAGC AAGGGGGCTT TBAAGGATCT 380  
 CTTCTGTCTG CTBBAAGAG CAAAACCTCT TTGAGTGAAG AGBAAGACA GBAACAACT 420  
 AAGAGGATGT TBAAGGTGGT GCGCCAGAA GAGTGGGAGC GTBAAGAAAG AGAGGAACGG 480  
 GAGGCAATGG AAGGGBAAG GGAGGCGAGG AGAAGAGGGC AAGAGTTGTC AGCAGCACGA 540  
 CAGTGGCTAC AGGAAGATGA GATGGGCGGG GCTCTGTGTG AGGAGAGGGG GAGGGAATA 600  
 GCGAGGAGT TAGCAGCCAG ACAAAGAGTT AGAGAAAAGA TCGAGAGGGA CAAAGCAGAG 660  
 AGAGGCAAGA AGTATGGTGG CAGTGTGGGC TCTCAGCCAC CCGCAGTGGC ACCAGAGCCA 720  
 GGTCTGTCTC CTTCTTCTCC CAGCCAGGAG CTTCCACCA AGCGGGAGTA TGACAGTGT 780  
 CGCATACAGG TCAGGCTGCC AGATGGGAGC TCACTGACCC AGACGTTCCG GGCCCGGGAA 840  
 CAGTGTGGCAG CTGTGAGGCT CTATGTGGAG TCTCACCCTG GGGAGGAACT AGGTGGGGGC 900  
 CAGGACCTTG TCAATTGCT CAGTGGCTTC CCGAGACGGG CTTTCTCAGA AGCTGACATG 960  
 GAGCGGCTTC TCGAGGAGCT GGGACTCGTG CTTTCTGTGT TTCTCATTGT GGCCAAGAAA 1020  
 GTGCCAGCT GAGGGCCTTT GTCCCATTTG CCGTCTGTGA CCGCTTCAIC TTTGATAAAG 1080  
 CACTGACATC TCTTCTCTAA TAAATAGACC CTGAGTTCTG T 1121

Name: 251 Len: 2337 Check: 25F0  
 GGAGTGGCCA ACATGGCGGA ACGCAGGAGA CACAAGAAGC GGATCCAGGA AGTTGGTGAA 60  
 CCATCTAAG AAGAGAAGGC TGTGGCCAAG TATCTTCGAT TCAACTGTCC AACAAAGTCC 120  
 ACCAATATGA TGGGTACCG GGTGATTAT TTTATTGCTT CAAAAGCAGT GGACTGTCTT 180  
 TTGGATTCAA ACTGGGCAAA GGCCAAGAAA GGAGAGGAAG CTTTATTTAC AACCAGGGAG 240  
 TCTGTGTTG ACTACTGCAA CAGGCTTTTA AAGAAGCAGT TTTTTCACCG AGCCCTAAAA 300  
 GTAATGAAA TGAATATGA TAAAGACATA AAGAAAGAAA AAGATAAAGG AAAAGCTGAA 360  
 AATGAAAAAG AAGAAGATAA AAAGAGCAAG AAAGAAAATA TAAAGGATGA GAAGACAAAA 420  
 AAGAAAAAG AGAAAAAAA AGATGGTGAA AAGGAAGAAT CCAAAAAGGA GGAAACTCCA 480  
 GGAACTCTTA AAAAGAAGGA AACTAAGAAA AAATTCAAAC TTGAGCCACA TGATGATCAG 540  
 GTTTTTCTGG ATGGAATGA GGTGTATGTA TGGATCTATG ACCCAGTTCA CTTTAAAAA 600  
 TTTGTCTATG GATTAATTCT TGTGATTGCA GTAATAGCGG CCACCTCTTT CCGCTTTGG 660  
 CCAGCAGAAA TGAGAGTAGG TGTATTATAC CTCAGTGTGG GTGCAGGCTG TTTTGTAGCC 720  
 AGTATTCTTC TCCTTGCTGT TGCTCGATGC ATTCTATTT TCATCATTG GCTCATAACT 780  
 GCAGGAAGGC ACCACTTTT GTTCTTGCCA AATCTGACTG CTGATGTGGG CTTTATTGAC 840  
 TCGTTCAGGC CTCTGTACAC ACATGAATAC AAAGGACCAA AAGCAGACTT AAAGAAAGAT 900  
 GAGAAGTCTG AAACCAAAAA GCAACAGAAG TCCGACAGT AGGAAAAGTC AGACAGTGAG 960  
 AAAAAAGGAG ATGAGGAGGG GAAAGTAGGA CCAGGAAATC ATGGAACAGA AGGCTCGGGG 1020  
 GGAGAACGGC ATTCAGACAC GGACAGTGAC AGGAGGGAAG ATGATCGATC CCAGCACAGT 1080  
 AGTGGAAATG GAAATGATTT TGAATGATA ACAAAGAGG AACTGGAACA GCAAACAGAT 1140  
 GGGGATTGTG AAGAGGATGA GGAAGAGGAA AATGATGGAG AAACACCTAA ATCTTCACAT 1200  
 GAATAATCAT AATCTGACTA ATTTTGGGAC TGAATGAATA AGTACAAGAG GTTGGATTTT 1260  
 CTATGTTGGC TGATTACCAT ATTBAACACA TGGCATTGT AGCATTCTTT AATCTATCT 1320  
 ACTBAATGT ATTTGACATT CAGGCAGTTA TATTCGGTCC TTCATTTTAT AGAATATTGG 1380  
 CACTATTATT GGTACAGTTT AAAGCCATTA ATATGTTTTA TCCATTTGAT AATTTTACAG 1440  
 TAAATAGGTC TCATTCAATT TGACAGTTAT CAAAGATGTA CTTTCCACAG TTAATTTTAC 1500  
 ATTAATGGCA ATTTTGTATA GTTTTATGGC TTTTACTGT TAGACTAATC AAAAATAACT 1560  
 TTAAGAGGAA CAAAGAAACT CCAACATTT ACATTATGCA TAGTTATGTA GCCATTTTAC 1620  
 APTTTCTTTA AGATGTGTAA ACTCATTGTC CTGTATAGTT TTTATTTTTC ATTATAAAT 1680  
 TATACAGGA GATTTCTTTT AAGATTCTGA GTTAGCAGAG TTCAAAAATA TTTTGTGGAA 1740  
 ACAAGCTAAC TAGTAACAAT GCAGCAACAC TTCTGTTTGA GCTAAATTAT TTTTCCATG 1800  
 TAGGAATCC AACTGATTT GTACGTCTGA CTGAGAGAAA GATGGTCTCT TCCAGCAGAG 1860  
 AAGTGAACA GCATTGTTG GAAGGTGATG GCTCTCCCTC CTCCCTCCTC ATTTTATTGG 1920  
 CTAAGCTAA AGTGTATTCT GTACATAATT TACAAATAAA ACATTTTATT TTAATTGTTA 1980  
 CTTATTATTT AGATATTTCT CAACACTTAA ATTCATAAAA TTAAGACCAT GTAAGGGTAT 2040  
 GTTTTATAG AGAATGAAGT TTGAGTAACC CAGAGAACAT CTGTGATCTT TCTACAGCAG 2100  
 CTTAGTTTT GTGCAACAT TCGATGTATT TTGAATATGA CCAAAAAGTG ATCTTAAGAG 2160  
 CAGACTTAAA GTAGTTTTGT ACCTCTTAAT GTTCATTTTG ATTTATTTTA AATCTTTACA 2220  
 TTCAGAAATG AGATACTGTA TTATCAGACC AGGAGGCATT GCTGTGAAAG ATAATTTTCT 2280  
 ATTCTAAAT ATCAAATTTA AAATAAGAT AATGAAAGAA AAAAAAATA AAAAAA 2337  
 Name: 252 Len: 3380 Check: 3E0  
 GCACATATG GTGCACTTCT GTGGCCTACT CACCTCCAC GGGGAGCCAG TGCGCTGAA 60

GAATATATTT	ATAGGCTTA	A	ATTAGAA	TTTTGCTGCT	GCTGTGTCTG	AACTTTGAA	120
CTATAGAAAT	GAGGAGAAAG	TTCTTTGGA	GGCTTTCTTT	GTGTTCCCA	TGGATGAGA	120	
CTCTTATGTT	PACAGCTTTG	AGGCTTTGTT	GGATGGGAAG	AAAATTSTAG	CAGAAATTAA	240	
AGATTAAGATG	AAAGGCTGGA	CCAACTATGA	GAAAGCCATC	TCCCAGGCTC	ACCAGGCTTT	360	
CTTATTGAGG	GGGAGAGGA	GCTTCCAGGA	TGTCTTCTCT	TGCAATGTG	GTAACCTCCA	360	
ADCTGCTGCT	AAGGCGGCTG	TCACTCTGAA	GTATGTGCTG	GAGCTGCTCT	TGSAAGCAGA	480	
TGGCTTTCTG	CGCTTCTGCT	TCCAGCTCTG	CCTGAATCTC	AGATACTGCT	TCTCTGGGTC	480	
GTCTAAGGAT	ATTGCTCTTA	ATGTGAAGAT	TCTATAGTCT	CCTGTGGAAG	ACCTGCTCTA	540	
CATCTTCAAT	ATGCTCTCTA	CTATAGATCT	CCAGCTCTCT	ATTGAGAAAT	TCTAATCTAA	600	
CTGCTCTCTG	AGTCTCTCTG	ATACCTAGG	AGAGGACAA	ACTTCTCTCT	AGGTTTCTCT	600	
GGCTCTCTCT	CATAGCTCTG	ATGCTGCTCT	GGAACTCTCT	ATTTACTCTA	ATGAGGTGCA	720	
TACCTCTCTA	CTGCTCTCTA	AGATGCTCTG	GCTAATCTCT	AAGCTGCTCT	ATTTCTCTCT	720	
AGATCTCTCT	GCAATGCTCT	GTCTCTCTCT	AAATATCTCT	GAAGATCTCT	CATCAATATC	840	
CTGTGCTCTG	TTTATCTCTT	TCTGCTCTCT	CTGCTCTCTG	ATGCTGCTCT	CTATGAGTAG	900	
CCAGGATCTA	TCTGCTCTCT	AATACAGGCT	GCTAAGGAAA	CACTGATTTT	GCTCTGAAAG	960	
AGTTTCTCTA	TAGGCTCTCT	TTTCAACATC	TATGCTCTCT	GCTCTCTCTA	TGAGGCTCTC	1020	
TTTCTCTCTA	GTCTGAACTA	CACTGCTCTA	ACAATGCTCT	AGGCTCTCTG	GAGCTGAAAG	1080	
CTTATCTCTG	CTGCTCTCTG	GGCTCTCTCT	ATCTCTCTCT	CACTCTCTCT	CATTTCTCTG	1140	
GGCTCTCTCT	TCTGCTCTCT	CTCTCTCTCT	TTACAGATCT	AGAACTCTCT	GTGTTCTCTA	1200	
GAGCTCTCTA	GTGTAATTA	AGAAGTTAGG	ATCAACAGAC	AGAACTCTCT	GTGTTCTCTA	1260	
TTTCTCTCTG	GAGAACTCTA	CTCTCTCTCT	CTAATAAAAG	GTATTCTCTCT	GGCTCTCTCT	1320	
GGCTCTCTCT	AAATTTCTCT	AGGCTCTCTA	AGGCTCTCTA	CCAAGCTCTCT	CAGGCTCTCT	1380	
AAAGCTCTCT	TGCTGCTCTCT	GGTCTCTCTA	GTCTCTCTCT	GCTGCTCTCT	GCTCTCTCTG	1440	
CTGCTCTCTA	AAATGCTCTCT	CTCTCTCTCT	ACTGCTCTCT	TTAGGCTCTCT	GAGCTCTCTA	1500	
AGCTCTCTCT	AGCTGCTCTCT	GAGCTCTCTA	GCAGCTCTCT	CAACAGCTCT	AGTCTCTCTA	1560	
AAATCTCTCT	TCTGCTCTCT	GACTCTCTCT	GATAAGCTCT	CATTTCTCTCT	ACAAGCTCTA	1620	
CCTGCTCTCT	AGCTCTCTCT	TCTGCTCTCT	GCTCTCTCTA	CCTGCTCTCT	GAGCTCTCTA	1680	
ATGCTCTCTA	GCTGCTCTCT	AGCTCTCTCT	AAAAAGCTCT	CATTTCTCTCT	TAGCTCTCTA	1740	
TCTGCTCTCT	TAAGCTCTCT	CACAGCTCTCT	ATTGCTCTCT	ATAAGCTCTCT	CAACAGCTCT	1800	
CTTCTCTCTA	CTCTGCTCTA	TAGGCTCTCT	CCAAGCTCTA	TTCTGCTCTCT	TGCTCTCTCT	1860	
GGCTCTCTCT	CTCTGCTCTA	ATCAGCTCTCT	CGAAAGCTCT	TACTCTCTCT	CTCTCTCTCT	1920	
CTTCTCTCTA	TAAATGCTCT	GGAAGCTCTA	TGTTATAAGG	CCAAGCTCTA	CTCTCTCTCT	1980	
TCTGCTCTCT	AGCTCTCTCT	GGAAGCTCTA	AAGGCTCTCT	ACAGCTCTCT	CTTTGCTCTA	2040	
GATTCTCTCT	TCTGCTCTCT	GATAAGCTCT	AAGGCTCTCT	GTTCTCTCTA	TCTGCTCTCT	2100	
AATCTCTCTG	TGCTCTCTCT	TTACCTCTCT	AATGCTCTCT	TGGCTCTCTA	GCTGCTCTCT	2160	
GATCTCTCTA	AGATCTCTCT	TATGCTCTCT	GAAGCTCTCT	TCTGCTCTCT	CAGCTCTCTA	2220	
CTTCTCTCTA	CCTCTCTCTCT	GGCTCTCTCT	CTGCTCTCTA	CGCTCTCTCT	GATCTCTCTA	2280	
AAGCTCTCTA	AGTCTCTCTA	GGCTCTCTCT	GAAAGCTCTA	TTACTCTCTCT	GAAGCTCTCT	2340	
CATCTCTCTA	CTCTCTCTCT	TTCTCTCTCT	AAAGCTCTCT	TTACTCTCTCT	GAAGCTCTCT	2400	
CTGCTCTCTA	CTCTCTCTCT	CTTTCTCTCT	TACCCTCTCT	AAAAAGCTCT	GTGCTCTCTA	2460	
ACTCTCTCTA	TTTTCTCTCT	GTATCTCTCT	TGCTCTCTCT	ATGCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	2520	
GGCTCTCTCT	GGATCTCTCT	TTCTCTCTCT	ATGCTCTCTCT	CACTCTCTCT	CTCTCTCTCT	2580	
TCTCTCTCTA	TATCTCTCTCT	CTGCTCTCTCT	TTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	2640	
CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	2700	
CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	2760	
CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	2820	
CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	2880	
CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	2940	
CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	3000	
CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	3060	
CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	3120	
CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	3180	
CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	3240	
CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	3300	
CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	3360	
CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	3420	

Time: 153 Len: 6823 Check: 1202

GGCTCTCTCT	AGCTCTCTCT	GATCTCTCTA	GGCTCTCTCT	AAGCTCTCTA	CATCTCTCTA	60
CTCTCTCTCT	GGCTCTCTCT	AGCTCTCTCT	GGCTCTCTCT	AGCTCTCTCT	AGCTCTCTCT	120
CTCTCTCTCT	AGCTCTCTCT	AGCTCTCTCT	AGCTCTCTCT	AGCTCTCTCT	AGCTCTCTCT	180
CTCTCTCTCT	AGCTCTCTCT	AGCTCTCTCT	AGCTCTCTCT	AGCTCTCTCT	AGCTCTCTCT	240
CTCTCTCTCT	AGCTCTCTCT	AGCTCTCTCT	AGCTCTCTCT	AGCTCTCTCT	AGCTCTCTCT	300
CTCTCTCTCT	AGCTCTCTCT	AGCTCTCTCT	AGCTCTCTCT	AGCTCTCTCT	AGCTCTCTCT	360



TTTCTGCTGG	GAAGGAAATG	ATGGTAATAA	ASTGAAAAA	TTTCTGCTGG	GAAGGAAATG	441
TTATTCACCT	AAAGAAAGAC	ATGAACACGA	TGAAAAAAGA	GGTAAATCT	ATAGGCAATC	450
TTCAAGATTT	GCAATACAAA	AAAAATCTCC	AAATCAGTCT	TCCAATGAAA	GACCAACATC	540
TCTTCTTGTG	ATAGAAACCA	AAAAAATCTC	ACTTAAAAAA	GGAGAGAAAG	AAAGAAAAAA	640
AAGCAATTTG	GAACTCTTCA	AAGAAGAATT	AAAGCAAATT	CAAGAGGAAC	GTGATGAGAG	640
ACATAAAACA	AAAGGCAGAT	TAAGTCGATT	TGAACCTCCT	CAGTCAGATT	CTGATGCTCA	720
GCGTCGTTCT	ATGACGCGGC	CTTCAAGAAG	AAATAGATCA	TCTGCTCTTC	TTGATGATTA	720
CGCATCTGCT	TCAATGATG	PAGGAGATCC	AAGCACTACT	AATTTATACC	TTGAAACAT	740
TAATCCACAG	ATGATGAAAG	AAATGCTCTG	CCAAGAAATT	GGAAAGATTG	GACCTGTTAGC	740
CAGTCTGAAA	ATCATGTGGC	CTAGAACTCA	TGAAGAAAGA	GCCAGAGAGA	GAAATTGCGG	740
CTTCTGTGGC	TTTATGAATA	GAAGAGATGC	TGAAAGAGCT	TTAAAAAATT	TGAATGGAAG	1010
PATGATTATG	TCTTTTGAAG	TGAAGTTAGG	TTGGGGTAAA	GCTGTACCTA	TTCTCCACA	1040
TCATATATAC	ATTCCGCTTT	CTATGATGGA	ACATACGCTT	CCCCCACCTC	CATCCGGAAT	1140
GCTTTTAAAT	GCGCAGCCTA	GAGAGCGGTT	AAAAAACCTT	AATGCTCCTA	TGTTACCGCC	1200
AACATAAAA	AAAAGAGATT	TTGAGAAGAC	TCTGTGCGAA	GCCATAGTCA	AAGTGGTTAT	1260
CCCATACAAA	AGGAATTTGC	TCGCCCTGAT	ACATCGAATG	ATAGAGTTTG	TTGTACGTGA	1320
AGGCAACATG	TTTGAAGCTA	TGATTATGAA	CAGAGAAATC	AACAATCCTA	TGTTCAAGTT	1380
CTATTTTAAA	AACTAGACAC	CAGCCCATGT	TTACTATAGG	TGGAAGCTTT	ATTCTATTCT	1440
GCAGGAGAT	TCTCCAACCTA	AATGGCAGAC	GGAAAGATTT	CGTATGTTCA	AAAATGGATC	1500
TTTTTGGAGG	CAACACCAT	TAAATCCGTA	CTTGCAATGGA	ATGTCAGAAG	AGCAAGAAAC	1560
AGAAGCTTTT	GTAGAGGAAC	CTAGTAAAAA	GGGAGCACTT	AAGGAAGAAC	AGAGGGATTA	1620
ATTGGAAGAA	ATCTTGCGGG	GATTAACCTC	AAGGAAAAAT	GATATTGGAG	ATGCAATGGT	1680
TTTCTCTGCT	AATAATGCTG	AAGCTGCTGA	AGAAATAGTG	GATTGCATTA	CTGATGCTT	1740
GTCCATCTTA	AAGACACCCC	TTCTTAAAAA	GATTGCCAGA	TTATATTTGG	TTTCTGATGT	1800
TTTGTACAA	TCTTCAGCCA	AAGTTGCTAA	TGCTTCATAT	TATAGAAAAT	TTTTTGAAAC	1860
AAATTTATGT	CAGATATTTT	CAGACCTCAA	TGCCACCTAT	CGTACAATTC	AAAGCCATTT	1920
ACATCTTAAA	AACTTTAAGC	AACTGGGTAAT	GACTTGCTTC	AGAGCATGGG	AAATTTGGGC	1980
AAATTTATCA	GAACCATTTT	TGATCAAACT	ACAAAATATT	TTCTTAGGAC	TTGTAAATAT	2040
TATTGAAGAA	AAGGAAACAG	AGGATGTTCC	AGATGACCTT	GATGGTGCCC	CCATCGAGGA	2100
AGAGCTTTGAT	GGTGACCTC	TGGAAGATGT	AGATGGAATT	CCTATTGATG	CTACTCCCAT	2160
CGATGATCTT	GATGGAGTCC	CTATAAAAAG	TCTTGATGAT	GATCTTGATG	GAGTGCCTTT	2220
CGATGCAACT	GAAGACTCAA	AAAAGAATGA	GCCTATATTT	AAAGTTGCCC	CATCAAAATG	2280
GGAGCTGTG	GATGAATCTG	AATTGGAAGC	ACAGGCTGTT	ACAACCTCTA	AATGGGAATT	2340
ATTGGAACAG	CATGAAGAAT	CAGAAGAAGA	AGAAAATCAA	AATCAAGAAG	AAGAAAGTGA	2400
AGATGAAGAA	GATACTCAA	GTTCCAAATC	TGAAGAACAT	CATTTGTACT	CTAATCCAAT	2460
CAAGAGAGAA	ATGACTGAGT	CTAAGTTCTC	TAAGTACTCT	GAAATGAGTG	AGGAAAAACG	2520
AGCCAACTT	CGTGAAATTG	AGCTCAAAGT	TATGAAGTTT	CAGGATGAAT	TGGAATCTGG	2580
GAAGAGACTT	AAAAAACCCAG	GCCAGAGTTT	TCAGGAGCAA	GTAGAACACT	ACAGAGATAA	2640
ACTTCTTTAA	CGAGAGAAAG	AGAAAGAGTT	AGAAAGAGAA	CGAGAAAGAG	ACAAGAAAGA	2700
TAAAGAAAAA	TTGGAATCTC	GCTCCAAAGA	CAAGAAGGAA	AAAGATGAGT	GTACTCCGAC	2760
AAGGAAGGAA	AGGAAGAGGC	GACACAGTAC	ATCCCCCAGC	CCATCTCGCA	GTAGCAGTGG	2820
TAGAGGAGTG	AAATCCCAT	CACCAAAATC	GGAGCGATCA	GAAGGTTTCA	AAAGATCTCA	2880
TAAAGABAGC	TCAAGGTCCA	GCTCATCTCA	CAAAGATTCT	CCTAGAGATG	TTAGCAAAAA	2940
AGCCAAAAGA	TCACCATCTG	GTTCAAGGAC	ACCTAAAAGG	TCTAGGCGAT	CACGGTCTAG	3000
ATCTCTTAAA	AAATCAGGAA	AGAAGTCCAG	ATCCCACTCT	AGATCTCCAC	ACAGGTCTCA	3060
TAAAGAACTA	AAGAAAAACA	AACACTGACG	TAAATTTTTA	AGATGCTGTC	ACTTATTGGA	3120
AAATGCAATTT	GTTTTGTGCC	TGAACGCTCT	GTTTTTTAAA	AAAAACAAAA	ATCAAAATGAA	3180
AGAGCAATTC	TGGGGTTTTT	TGTTTGTITG	TGTATGCTAG	TGTAAACTCA	TGAGCAACTG	3240
CATCTGTAGA	TGTGTCAATTG	TTTTATATTG	TGTAAATTAC	TTTCATTGTG	GCTATTCTTC	3300
AAGATGAAT	TTTTATTGTT	CTAATGGATT	TCATCAGAAA	TGTGTATAAT	GGATCTGCTG	3360
AGATGAGTAG	TATTTTGTIT	TAGGATGTTG	TGACTTAGCA	AAAATAATAC	AGATGTCTTC	3420
CCCGCTTTTG	TAGCTTTGAC	AATTTGAATT	AGATTTTCAA	TAAATCTGTA	ACAGAAAACT	3480
ATAATCTTGT	TTTTTTGCC	CACCGGTGAT	ATTAAGTCCC	TTAAAGTCCCT	ACTGAGTTTC	3540
AACTACTGT	TCTGCTTCTT	ATACCTGATG	CACCTTTATA	GCCCCAGTGT	TCAAGTAGCT	3600
TAACTTTAT	ATTTACTAAG	ATGACTATCC	AAATTAAGGG	ACCTGAGACT	CCTATTGTTG	3660
GGTTTGTAAA	CAATTTGCTT	TTGATAAGTT	TCTCTTGGGT	AATACTAATA	CTCAGATATC	3720
AAAGACTAGG	TAGATATGGC	ATGGCGTTTT	GTTAGTGGAA	TGCTTGCTTA	AAACATTTT	3780
TTCAAGAAAG	CAATATGATT	TCCATACATC	CAACCATCTT	TCTGAGCAAC	TACTTACTTT	3840
TAGGGGAAAA	TAAATATCT	TTTCATTTCC	TCTTCTATTA	TGAAAGAAAT	TTATTTGTAA	3900
AACAAATTTT	CTAACAAGGT	TTGGCCATAG	AATTCCTCTG	TATGATTGTT	GACCTTTTAT	3960
AATCTTTTGT	AGGCIATCTT	TCAAACACTG	GCATCAGAA	ATTTTTTATA	AGTTTGTGTT	4020
TAAACACCTT	ATTTGCTTCC	CCCCCCTACT	CCCAAGAGAC	TTGGGTTTAG	TTATAGCTTT	4080
AAGTAAATTT	TAAAAATAAA	ATGTTTTTCA	GGAAACTTGG	TATCTAATGG	TTTGTAATTT	4140

TAAAGTTGAAA	AAAGTTGATT	TAAACCATTT	GCAGAGTTGA	ACTGTATTAT	AAAAATAAAT	4200
TTGCTACGAT	ATGAGGAAAG	AATAAAACTT	GTGTAATGTT	GGTCATAATA	CTGCTATAAA	4260
TATAATAAAG	GGTTATGTAG	AATTGAAGTG	ACACTATTAT	TTGTGAATCT	TGATTTTCAGT	4320
TTTTTATGTA	GGCACTTCAT	ACACTGGTTT	GATGGGTTTT	TTTTTTCCCTC	CTTAAAAAG	4380
AAAGTAGAAA	ACTATTCTAA	CAATGGATTA	TTTTGATTTA	GCTTGCTTTT	TAAAAAAATC	4440
TTTTCAACTT	GTTTTACTTA	ATCTTGCCTA	GTCACAAAAT	AAGATGTGCA	CCCATGGTTT	4500
GGAGAGTTGC	TATATTAGCT	GAGCAGTGAG	ATACACTATT	TCCAAAACGGT	GCACACCTAC	4560
AGTAGCTTTG	GAAATGAGCC	AATCACTGTT	TTACTTAATG	GTTCTTATCA	GCATGCAAAAT	4620
ATTGCTTAAA	ACTTATTTC	TTATTCACTG	TTTTGTAGT	CCATTTTGT	AGGAAACATT	4680
AATTCCTAAA	AATTTGTTCA	GAATAATTAA	AAGTGAACAT	TTGGTCTGA	TACTCAAAAA	4740
CTTACAAAGG	TAGCCATTTA	AAAAGTAACA	TGTTTTTCTC	CCCTGCTCAT	TGCTGGGAG	4800
AATGGAATTT	TATATACTA	CCTTTCTTTG	CAAAAAATAAC	GGTCGTGTCG	AGTTGGTGGT	4860
GATTTTGGCA	TTCCATCTTG	CACTGGTTTC	TAGTATAGGC	TTAGAAATAA	TTGGTCAGGT	4920
AATAATCTTT	CCAGTCAAGT	TGCAAGGGAT	GCTTATTCT	CTTCAAAAAA	AGACATCTTG	4980
CGGGATTGAG	TAGAAAATTT	TAGGTCAAGT	TTGGGTGCTT	ATTGTGAATA	TTTTTCTTAC	5040
TACATTGGAG	TTTAGCAGTT	CTTTTTTCT	GGATCCAGAT	ACAAGTGTCA	TGGTTTATCT	5100
TACAGTGGGT	GAAAAGTACT	TTCTTTTGGT	TGGGTGGGTG	AGGATTTCTT	AGGCCTGATA	5160
GAATATATAT	TCTTTGAAGT	TTGTTAATGT	ACATATTAGA	TTGTATTGGA	TTTTTTTTTTC	5220
TTGAATTGCA	AATGGTATTA	TTAGATAGGT	TATTTCCAGT	TTTACTTCAT	GACAAATTAC	5280
CTAGAGTAAA	CCTACTTAAT	ACTCCAATGG	ATTCTATGAA	AGTTTAATGG	GATCAGAAAT	5340
TGGTGACTTA	TAAGGGGGAA	GATATTCTAC	CATATTTTTA	TAATAGCTTA	TTATTCAATG	5400
TTCTTGCTCG	AAGGACACTC	AAGTTACAGA	GCAAAATTTT	TATAGGTTGA	CTAGAAATGTT	5460
CATAAGCATG	GTCTTCCAGT	TGCAGGAAAG	ATCATGTTCT	ATCTGTGGAC	ACTTACTCTC	5520
CTCTACACCA	GCTACCTGCC	AGAGTTGTTT	TCCACAGTTC	TTATAAAGGG	CATGACTTAG	5580
GCTCTTACCC	CTCCACTTA	ATGTTTATAC	ACAGGGATTG	TTTACTAGGT	TAATGACATT	5640
TAAGTCTCTT	CTCTTCTGTA	GGTGAGAGAA	AATAAGTAAG	TCTTGATCTG	TTTCTTACCA	5700
AAGAGAGACA	GAAGTATGAT	GGAAAATGAT	CACGTCTCTG	AATTTTTTCT	TTAACGTTAT	5760
AGTTCTTAT	TACAGATAGT	AAGCATATGG	GAATTTCTGA	GCTATAACAT	GTGAGAGAGT	5820
TAGAAATTAA	AACTAACACA	ACAAAAGGCG	CTGAATCAAA	AGATCTTTGC	TTTTATTGGG	5880
CTCAGAATGT	TTTTGGGCTT	TCTGCTAAAG	ATGGCAGAAA	TTACTCTACA	CAGACCTGAT	5940
TTTTCTTTAT	TGCAGACCAT	TCTTGTTGGG	TTACCCTGAG	ACTTTTATCC	CAATTAGTGA	6000
ATCTTGGAGG	GAATACTTGC	TTATTTATGA	CTTAGGTATT	TCCCCCAAAA	CTTTAATATT	6060
CTTGAGCACT	TGAAAATACT	TTTGAGAAAT	TTTAACTGTG	ATTAAATTTA	GGTTTATTAG	6120
AAATATTCTG	TACACATTTG	CCTCCATGGT	GGTGTAAAGT	CTGAAAAAAT	ATATGACCGT	6180
GACAAATAGT	TATCATCATC	ATTATTGTTA	TTCAAAATAA	GGGTAAATAA	ATCTCTGTAT	6240
TGCCAAAGTG	ACTTAAACTG	TTCTGATGAC	CACACAGTGT	GATTTCTTTA	GCAGAGAAAG	6300
TTGGTTTTTAA	AAATAAATAG	TACCACTTTT	CTAAGACTGT	ACAGTTTACA	AATAAGGTTT	6360
TTTTCTTTGT	TGTTTTCCCTC	TTCTATTAA	TTTTAGTGAA	AAGCCTAATT	ACAGAAAAAT	6420
GTGCAGATAC	TAGTGAAGAT	ACTAGTATAA	GTTTTAAAGGA	ACATGTGACT	GTAAAACTCTC	6480
ACATTTACAA	AGTGCTTGAT	CTCTTCATAT	TTACACGCA	TGTTTTAGAA	TAGATTTTAG	6540
GGAGTGTTTA	ATTCAATTATC	CTTTTGACTT	AAAATTTTGT	TTACCAACTT	CTTAGGACTT	6600
AGATAATATA	TAAATAAGTA	CAAATCCCAG	GGGAAGTGT	GTGATGCTAG	ACTAAAAGGT	6660
GGGAATGTGC	TGCTTTCTCG	TGAGCCTTGT	TCCATTGTTG	AAAAATTGAT	GGCTCAGTGT	6720
TTATTACAGT	CCAGCTCATG	GAGCTTCAAT	GTAATGGAT	TATATGTATA	ATTGGTAATT	6780
TGTATAGTTT	TGTAGATTGT	AGATTAAATG	CATCTCATCAT	GTG		6840

Name: 254      Len: 6252      Check:      EDD

GGGGGGGGCA	ATGGCACTGC	AGCTCTGGGC	CCTGACCCTG	CTGGGCTGTC	TGGGGCGCAG	60
TGCCAGCCTG	AGGGCCCGCA	AGCTGGACTT	CTTCCGCGAG	GAGAAAGAGC	TGAACCACT	120
GGCTGTGGAT	GAGCCCTCAG	GGGTGGTGTA	CCTGGGGGGG	GTGAATGCCC	TCTACCAGCT	180
GGATGGGAAG	CTGCAGCTGG	AGCAGCAGGT	GGCCACGGGC	CGGGCCCTGG	ACAAACAAGAA	240
GTGCAGGCG	CCCATGAGG	CCAGCCAGTG	CCATGAGGCT	GAGATGACTG	ACAAATGTCAA	300
CCAGCTCTG	CTGCTTGAAG	CTCCAGGAA	GGGCTGGTG	GATGGCGCA	GCTTTTCAA	360
GGGCATCTGC	GCTCTGCGG	CCCTGAGCAA	CATCTCCCTC	CGCTGTCTT	ACGAGGATGG	420
CAGCGGGGAG	AACTCTTTGG	TGGCCAGCAA	TGATGAGGGC	GTGGCCACAG	TGGGCTGGT	480
GAGCTCCAGG	GCTCTTGGT	GTGACCGGT	GCTGTTTGTG	GGCAAAGGCA	ATGGGCCACA	540
CGACAACGGC	ATCATGTGA	GCACCTGGCT	GTTGGACCGG	ACTGACAGCA	GGGAGGCTTT	600
TGAAGCCTAC	ACGACAGAG	CCACCTACAA	GGCCGGCTAC	CTGTCCACCA	ACACACAGCA	660
GTCTCTGGCG	GCTTTGAGG	ACGCCCCCTA	GCTCTTCTTT	GTCTTCAATC	AGCAGGATAA	720
GCACCCGGGC	CGGAACGGCA	CTCTGCTGGC	ACGCATGTGC	AGAGAAGACC	CCCACTACTA	780
CTCCTACCTG	GAGATGGAG	TGCACTGGCG	GGACCCCGAC	ATCCACGCTG	CTGCTTTTGG	840
CAGCTGGCTG	GCTCTCTCG	TGGCTGCGCG	TGGCTCTGGC	AGGGTGTCTAT	ATGCTGTCTT	900
CAGCAGAGAC	AGCTGGAGCA	GTGGGGGGGC	CGGTGCGGGC	CTGTGCTGT	TCCGCTGTGA	960
CAAGGTGCAC	GCCAAAGATG	AGGCCAACCG	CAACGCTGT	TACACAGGCA	CCCGGGAGGC	1020



CTGACGAA	AGTTTCAT	GTGTTTCGGA	GCATCTGCT	TACTGCTG	GCATCTGCGA	1147
CGGCTTAA	CTACAGG	TGTTGAGG	AACTTACG	CGGTGAGGT		1151
CTTTTCGAG	AAACAAACACA	CTTTTCCTTT	CTTTGCTTAC	CTCTATGCTG	GGATCTTCAA	1200
CTTTTACTTC	ACCTCAGATG	GCACCTCTCT	AGAGTACGAC	TCTATCTTTG	TGGAGATAAA	1320
CAAGAGAGTC	AAGCGGAGAC	TGGTACTGTC	TGGAGACCTG	GGCAGGCTCT	AGGCTATGAC	1330
CTATGACAAAG	GTGTTTCGGG	TGGGCTGTC	GGAGTGCCTG	AGCTACCTGA	CTTGCACTCA	1440
GTGTTTCGAG	TCTCAGGAGC	CTTACTGCGG	CTGCTGCTG	GTCTGAGGAC	GATGCACTCA	1500
GAAGCTTGA	TCTTCTGCGG	CTGAGGAGG	CACTCTGCTG	CTGCTGAGCT	GAAGTGAAGT	1560
CTTTCTTGG	CTCAGCAGG	CTCAGGAGG	CAAGTGAAG	CGGCTGAGCT	AGGCTGAGGT	1620
GAAGCTTGA	CTCAGCAGG	CTCAGGAGG	CAAGTGAAG	CGGCTGAGCT	AGGCTGAGGT	1680
GAAGCTTGA	CTCAGCAGG	CTCAGGAGG	CAAGTGAAG	CGGCTGAGCT	AGGCTGAGGT	1740
TGCTGAGTCT	CTCAGCAGG	CTCAGGAGG	CAAGTGAAG	CGGCTGAGCT	AGGCTGAGGT	1800
AAAGCAGCAT	CTCAGCAGG	CTCAGGAGG	CAAGTGAAG	CGGCTGAGCT	AGGCTGAGGT	1860
CTTTGAGAGC	CTGAGGAGG	ACCTGCGCTG	ACGAGTGCCT	CGAGTCTCTG	CGGCTGAGCT	1920
CGCTATGAGC	CTGAGGAGG	ACCTGCGCTG	ACGAGTGCCT	CGAGTCTCTG	CGGCTGAGCT	1980
CGAGTGGGAC	CTGCGCTTAC	ACGAGTGCCT	CGAGTCTCTG	CGGCTGAGCT	CGGCTGAGCT	2040
CTCTGCTGCT	TACATGAGG	ACAGCTGTCT	CGAGTCTCTG	CGGCTGAGCT	CGGCTGAGCT	2100
CTCTGCTGCT	TACATGAGG	ACAGCTGTCT	CGAGTCTCTG	CGGCTGAGCT	CGGCTGAGCT	2160
CTCTGCTGCT	TACATGAGG	ACAGCTGTCT	CGAGTCTCTG	CGGCTGAGCT	CGGCTGAGCT	2220
ATCTGCGGAC	TTGCTCTTTT	GGACCTCAAA	GGTGTCTCTG	GATGCTCAAG	AGAGCTGTCT	2280
CTCTGCTGCT	TACATGAGG	ACAGCTGTCT	CGAGTCTCTG	CGGCTGAGCT	CGGCTGAGCT	2340
CTCTGCTGCT	TACATGAGG	ACAGCTGTCT	CGAGTCTCTG	CGGCTGAGCT	CGGCTGAGCT	2400
CTCTGCTGCT	TACATGAGG	ACAGCTGTCT	CGAGTCTCTG	CGGCTGAGCT	CGGCTGAGCT	2460
CTCTGCTGCT	TACATGAGG	ACAGCTGTCT	CGAGTCTCTG	CGGCTGAGCT	CGGCTGAGCT	2520
CTCTGCTGCT	TACATGAGG	ACAGCTGTCT	CGAGTCTCTG	CGGCTGAGCT	CGGCTGAGCT	2580
CTCTGCTGCT	TACATGAGG	ACAGCTGTCT	CGAGTCTCTG	CGGCTGAGCT	CGGCTGAGCT	2640
CTCTGCTGCT	TACATGAGG	ACAGCTGTCT	CGAGTCTCTG	CGGCTGAGCT	CGGCTGAGCT	2700
CTCTGCTGCT	TACATGAGG	ACAGCTGTCT	CGAGTCTCTG	CGGCTGAGCT	CGGCTGAGCT	2760
CTCTGCTGCT	TACATGAGG	ACAGCTGTCT	CGAGTCTCTG	CGGCTGAGCT	CGGCTGAGCT	2820
CTCTGCTGCT	TACATGAGG	ACAGCTGTCT	CGAGTCTCTG	CGGCTGAGCT	CGGCTGAGCT	2880
CTCTGCTGCT	TACATGAGG	ACAGCTGTCT	CGAGTCTCTG	CGGCTGAGCT	CGGCTGAGCT	2940
CTCTGCTGCT	TACATGAGG	ACAGCTGTCT	CGAGTCTCTG	CGGCTGAGCT	CGGCTGAGCT	3000
CTCTGCTGCT	TACATGAGG	ACAGCTGTCT	CGAGTCTCTG	CGGCTGAGCT	CGGCTGAGCT	3060
CTCTGCTGCT	TACATGAGG	ACAGCTGTCT	CGAGTCTCTG	CGGCTGAGCT	CGGCTGAGCT	3120
CTCTGCTGCT	TACATGAGG	ACAGCTGTCT	CGAGTCTCTG	CGGCTGAGCT	CGGCTGAGCT	3180
CTCTGCTGCT	TACATGAGG	ACAGCTGTCT	CGAGTCTCTG	CGGCTGAGCT	CGGCTGAGCT	3240
CTCTGCTGCT	TACATGAGG	ACAGCTGTCT	CGAGTCTCTG	CGGCTGAGCT	CGGCTGAGCT	3300
CTCTGCTGCT	TACATGAGG	ACAGCTGTCT	CGAGTCTCTG	CGGCTGAGCT	CGGCTGAGCT	3360
CTCTGCTGCT	TACATGAGG	ACAGCTGTCT	CGAGTCTCTG	CGGCTGAGCT	CGGCTGAGCT	3420
CTCTGCTGCT	TACATGAGG	ACAGCTGTCT	CGAGTCTCTG	CGGCTGAGCT	CGGCTGAGCT	3480
CTCTGCTGCT	TACATGAGG	ACAGCTGTCT	CGAGTCTCTG	CGGCTGAGCT	CGGCTGAGCT	3540
CTCTGCTGCT	TACATGAGG	ACAGCTGTCT	CGAGTCTCTG	CGGCTGAGCT	CGGCTGAGCT	3600
CTCTGCTGCT	TACATGAGG	ACAGCTGTCT	CGAGTCTCTG	CGGCTGAGCT	CGGCTGAGCT	3660
CTCTGCTGCT	TACATGAGG	ACAGCTGTCT	CGAGTCTCTG	CGGCTGAGCT	CGGCTGAGCT	3720
CTCTGCTGCT	TACATGAGG	ACAGCTGTCT	CGAGTCTCTG	CGGCTGAGCT	CGGCTGAGCT	3780
CTCTGCTGCT	TACATGAGG	ACAGCTGTCT	CGAGTCTCTG	CGGCTGAGCT	CGGCTGAGCT	3840
CTCTGCTGCT	TACATGAGG	ACAGCTGTCT	CGAGTCTCTG	CGGCTGAGCT	CGGCTGAGCT	3900
CTCTGCTGCT	TACATGAGG	ACAGCTGTCT	CGAGTCTCTG	CGGCTGAGCT	CGGCTGAGCT	3960
CTCTGCTGCT	TACATGAGG	ACAGCTGTCT	CGAGTCTCTG	CGGCTGAGCT	CGGCTGAGCT	4020
CTCTGCTGCT	TACATGAGG	ACAGCTGTCT	CGAGTCTCTG	CGGCTGAGCT	CGGCTGAGCT	4080
CTCTGCTGCT	TACATGAGG	ACAGCTGTCT	CGAGTCTCTG	CGGCTGAGCT	CGGCTGAGCT	4140
CTCTGCTGCT	TACATGAGG	ACAGCTGTCT	CGAGTCTCTG	CGGCTGAGCT	CGGCTGAGCT	4200
CTCTGCTGCT	TACATGAGG	ACAGCTGTCT	CGAGTCTCTG	CGGCTGAGCT	CGGCTGAGCT	4260
CTCTGCTGCT	TACATGAGG	ACAGCTGTCT	CGAGTCTCTG	CGGCTGAGCT	CGGCTGAGCT	4320
CTCTGCTGCT	TACATGAGG	ACAGCTGTCT	CGAGTCTCTG	CGGCTGAGCT	CGGCTGAGCT	4380
CTCTGCTGCT	TACATGAGG	ACAGCTGTCT	CGAGTCTCTG	CGGCTGAGCT	CGGCTGAGCT	4440
CTCTGCTGCT	TACATGAGG	ACAGCTGTCT	CGAGTCTCTG	CGGCTGAGCT	CGGCTGAGCT	4500
CTCTGCTGCT	TACATGAGG	ACAGCTGTCT	CGAGTCTCTG	CGGCTGAGCT	CGGCTGAGCT	4560
CTCTGCTGCT	TACATGAGG	ACAGCTGTCT	CGAGTCTCTG	CGGCTGAGCT	CGGCTGAGCT	4620
CTCTGCTGCT	TACATGAGG	ACAGCTGTCT	CGAGTCTCTG	CGGCTGAGCT	CGGCTGAGCT	4680
CTCTGCTGCT	TACATGAGG	ACAGCTGTCT	CGAGTCTCTG	CGGCTGAGCT	CGGCTGAGCT	4740
CTCTGCTGCT	TACATGAGG	ACAGCTGTCT	CGAGTCTCTG	CGGCTGAGCT	CGGCTGAGCT	4800

CTTTGAATGAG TCAAAATGCA AGAAGAGGCA TTTTAAAGAG AAGGAGGCA TGAAGGCAAT 4800  
 CACAGAGATC TAAATGAGGT GGCTTCTCTC AGTCAAGGCT AACTTGCAGC AGTTTGTGGA 4810  
 CAAATTTCTT CAAATTTCTT TGGCTTCTCTC GACAGGCTG CCAATGCAAG TCAAGTACTT 4820  
 CTTTGAATGAG TCAAAATGCA AGAAGAGGCA TTTTAAAGAG AAGGAGGCA TGAAGGCAAT 5040  
 CATCTGAAAG ACGAAGAGCT TCCAGAGGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT 5100  
 CTTTATCTTT GAGCTGCTATG TCCAGAGGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT 5160  
 GAGCTTCTAT GATGCTGCTA GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT 5220  
 CAAATTTCTT TAAATGAGGT AATTTCTCTC CTAAGAGAGT AATTTCTCTC CTAAGAGAGT 5280  
 GGTGAGAGCT TAAATGAGGT AATTTCTCTC CTAAGAGAGT AATTTCTCTC CTAAGAGAGT 5340  
 TTTTGAATGAG TCAAAATGCA AGAAGAGGCA TTTTAAAGAG AAGGAGGCA TGAAGGCAAT 5400  
 CACAGAGATC TAAATGAGGT GGCTTCTCTC AGTCAAGGCT AACTTGCAGC AGTTTGTGGA 5460  
 GATGAGAGCT GGTGAGAGCT TCCAGAGGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT 5520  
 OCTTGAATCT ACAAATCTCA GTGCTGCTCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT 5580  
 CCGTCAAGGG AGGAGGCGCA GTGCTGCTCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT 5640  
 CCGAGGCGGG AATGGGCTCA GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT 5700  
 TGAGCAATAC CCGGCGGCTC GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT 5760  
 AGAAGGAGCA TCGGCTGCTC ACTTCTGAGT CTTGAGAGCT TTTGAGAGCT TTTGAGAGCT 5820  
 GGTGAGAGCT TCGGCTGCTC ACTTCTGAGT CTTGAGAGCT TTTGAGAGCT TTTGAGAGCT 5880  
 CTAGGTTTGG GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT 5940  
 TATGCTGCTC TGTCCAGCAC GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT 6000  
 ACCTCAGCGG CTTCCCGAAG GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT 6060  
 AGCTCAAAGG TCAAGTGAGA CTTAGGTTCA GTGCTGCTCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT 6120  
 TTCTGGTCTG TCAGACAGGC TGCCTAGAG CCGGAGGAG TCGGAGGAG CCGGAGGAG 6180  
 TTCCAAGAGC ACCCCAGCCC TTTTGTAAA TCTTGTTCAT TGTAAATCAA ATACAGCGTC 6240  
 TTTTCACTC CG

Name: 255

Len: 7334

Check:

616

CTTTGAATGAG TCAAAATGCA AGAAGAGGCA TTTTAAAGAG AAGGAGGCA TGAAGGCAAT 60  
 CCGTCAAGGG AGGAGGCGCA GTGCTGCTCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT 120  
 CCGAGGCGGG AATGGGCTCA GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT 180  
 TGAGCAATAC CCGGCGGCTC GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT 240  
 AGAAGGAGCA TCGGCTGCTC ACTTCTGAGT CTTGAGAGCT TTTGAGAGCT TTTGAGAGCT 300  
 GGTGAGAGCT TCGGCTGCTC ACTTCTGAGT CTTGAGAGCT TTTGAGAGCT TTTGAGAGCT 360  
 CTAGGTTTGG GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT 420  
 TATGCTGCTC TGTCCAGCAC GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT 480  
 ACCTCAGCGG CTTCCCGAAG GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT 540  
 AGCTCAAAGG TCAAGTGAGA CTTAGGTTCA GTGCTGCTCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT 600  
 TTCTGGTCTG TCAGACAGGC TGCCTAGAG CCGGAGGAG TCGGAGGAG CCGGAGGAG 660  
 TTCCAAGAGC ACCCCAGCCC TTTTGTAAA TCTTGTTCAT TGTAAATCAA ATACAGCGTC 720  
 CTTTGAATGAG TCAAAATGCA AGAAGAGGCA TTTTAAAGAG AAGGAGGCA TGAAGGCAAT 780  
 CCGTCAAGGG AGGAGGCGCA GTGCTGCTCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT 840  
 CCGAGGCGGG AATGGGCTCA GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT 900  
 TGAGCAATAC CCGGCGGCTC GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT 960  
 AGAAGGAGCA TCGGCTGCTC ACTTCTGAGT CTTGAGAGCT TTTGAGAGCT TTTGAGAGCT 1020  
 GGTGAGAGCT TCGGCTGCTC ACTTCTGAGT CTTGAGAGCT TTTGAGAGCT TTTGAGAGCT 1080  
 CTAGGTTTGG GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT 1140  
 TATGCTGCTC TGTCCAGCAC GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT 1200  
 ACCTCAGCGG CTTCCCGAAG GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT 1260  
 AGCTCAAAGG TCAAGTGAGA CTTAGGTTCA GTGCTGCTCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT 1320  
 TTCTGGTCTG TCAGACAGGC TGCCTAGAG CCGGAGGAG TCGGAGGAG CCGGAGGAG 1380  
 TTCCAAGAGC ACCCCAGCCC TTTTGTAAA TCTTGTTCAT TGTAAATCAA ATACAGCGTC 1440  
 CTTTGAATGAG TCAAAATGCA AGAAGAGGCA TTTTAAAGAG AAGGAGGCA TGAAGGCAAT 1500  
 CCGTCAAGGG AGGAGGCGCA GTGCTGCTCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT 1560  
 CCGAGGCGGG AATGGGCTCA GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT 1620  
 TGAGCAATAC CCGGCGGCTC GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT 1680  
 AGAAGGAGCA TCGGCTGCTC ACTTCTGAGT CTTGAGAGCT TTTGAGAGCT TTTGAGAGCT 1740  
 GGTGAGAGCT TCGGCTGCTC ACTTCTGAGT CTTGAGAGCT TTTGAGAGCT TTTGAGAGCT 1800  
 CTAGGTTTGG GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT 1860  
 TATGCTGCTC TGTCCAGCAC GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT 1920  
 ACCTCAGCGG CTTCCCGAAG GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT 1980  
 AGCTCAAAGG TCAAGTGAGA CTTAGGTTCA GTGCTGCTCT GGTGAGAGCT GGTGAGAGCT 2040  
 TTCTGGTCTG TCAGACAGGC TGCCTAGAG CCGGAGGAG TCGGAGGAG CCGGAGGAG 2100  
 TTCCAAGAGC ACCCCAGCCC TTTTGTAAA TCTTGTTCAT TGTAAATCAA ATACAGCGTC 2160  
 CCGACATGAT AAATCCCGGG CTTCCGACAT GATAAATCCC AGGCTGTTTA CATGACCTAA 2220

STAATGCTA GTTGTGA TA TAAAAATST TAACTSTGGG TATTGAGA SA GAGAGAGATT 2340  
TTCACTAAGG ACAGTGGCTAG GTTACCTCT CGAAGTCTGT TTTACAGTGGT TTTTAGCTTG 2340  
TGCDATGGA TGACAAATCT ATACAGAAAC CTGGGTATAG CCTAAAGAAA ATGTGAATRA 2400  
CGTTTTTTTT CATTCCAGCT TTGGTGCAGG TCGATTGGGA GGRAGTAGGG CAGGGCCCTT 2460  
ATCTGGAAAG AAGTTTGGAA ACCCTGGGGA GAAATTAGTT AAAAAAGAGT GGAATCTTGA 2520  
TGAGTTGGCT AAATTTGAGA ACAATTTTTA TCAAGAGCAC COTGATTTGG CTAGGGGCAC 2580  
AGCACTGAGT AAATTCATGT GCTTCATCA GGCTGTAACT CSATCGTGGG TTCTAGTAAA 2640  
TGAAATTTCTG ATAGGTSTTT TCAAAATAAC TCAATTTTGG TAGAGTTACA TGTCTGACT 2700  
TCATAATTTG GAAAGGCTG TTTCACTTTT GBAATATAGG TGGCTTTGGG ATTTTTACTT 2760  
AAATTAGGTT GAGTATAACA AAAAAATTTT TTTTCATAAT AGGCTGTTCA TAGGTGGGTC 2820  
ACATTAAAAAT GAAGGCTACT TTAAGTAGTT ACTAAATTAT GAAGTTAGGG GCTTATCAAT 2880  
TAGGTATTTA CTAAGGCTGG TGTGATGAAT TTAGACTGTA TATTGTTTGG AGCAAGAGGT 2940  
GGAAACATAC AGAAGAAGCA AAGAAATTAT AGTTAGAGGT CACAACTGGC CGAAGCCACT 3000  
TCTAAATTTT TATGAASCCA ATTTCCCTGG TAAGTGCTAC TTTTCAGTTC TACCTACCGG 3060  
GTTTTTTTGT TCCACCTACC GCTCTTTTTT CTTGGCATCA CTAATTTTTA CTAATATCT 3120  
GTTACTAATT ATAGCAAATG TATGAGATGT TATTGCAAGA CAGAATTTCA CTGAACCCAC 3180  
TGCTATTCAA GGTCAAGGAT GGTCAAGTGG TCTAAGTGGG TGGATATGG TTGGAGTGGC 3240  
ATAGACTGGA TGTGGGAAAA CATTCTCTGT AAGTTTGGGA GAACTCTTGA GTTGATCTGA 3300  
TATATGCAAG AAAATGTAAT GGTAAATTTA AAACGAGTAT TTTAATGTGA TTTCTGTTTG 3360  
TCCCCACTTT CACCTAAAT AGTATTTGCT TCTGCTCATT GTCCACATCA ATCATCAGCC 3420  
ATTCTAGAG AGAGGCGATG GGTCTATTGT AAGTATATAT TTTACTTTTA TTAGAAGCAT 3480  
AATGTGTAGA TTTTAGACTA CATAGCTAAA GATGTAATCA TTTGTGGTGG TTTTATATAG 3540  
AGGTTAGCTC ATCTATTCA GCTGGAGCTG TTTTGGGTAT TGGACAACAC CTGAAAGCTG 3600  
GATCTGCTAG TATAATAAGT TAGCAGTTTA AAAGTAGTAC CAGGTTTGTG CTGAAAGCTG 3660  
TTTTCTTTTT CTTAGTGTG TGGTGTGGC ACCAAGCTGG GAAGTGGGCT AACAGGTGCA 3720  
GCAATAGCT GGTGAATATT GTAGAGCATG TGGCTTGAAG TCTACTTGTG TCTACGGTGG 3780  
TGCTCTAAG GGAACCAAAA TADGTGATTT GGAGAGAGGT ATGTAATGAA AAGGTTTTTA 3840  
TTTTGCTATT GTGCTAAATA TCTAGGTAT TGTAAGTACA CTTACGTATT TAATTAAAGG 3900  
TGTGGAAATC TGTATTGCAA CACCTGGAAG ACTGATTGAC ITTTTAGAGT GTGGAAAAAC 3960  
CAATCTGAGA AGAACAACCT ACCTTGCTCT TGATGAAGCA GATAGAATGC TTGATATGG 4020  
TTTTGAACCC CAAATAAGGA AGATTGTGGA TCAATAAGA GTAAGTGTCC TTTGAAATAT 4080  
GTGATCAAAC TGAATTGTGT TTTACTCTTA AGAGTCTGAT ACTAATTTTT CCCCCAAAA 4140  
TCCATTAGCC TGATAGGCAA ACTCTAATGT GGAGTGGGAC TTGGCCAAAA GAAGTAAGAC 4200  
AGCTTGCTGA AGATTTCCTG AAAGACTATA TTTATATAAA CATTGGTSCA CTTGAAGTGA 4260  
GTGCAAAACA CAACATTCTT CAGATTGTGG ATGTGTGTCA TGACGTAGAA AAGGATGAAA 4320  
AGTAAGTTTT ATTAAGCTG TTATATTTG TTTCTAACAA CTTTGCTGTA AAATTGAGGA 4380  
TCATTGTTTT GTGAGTTGTT TTAGGTTATT TCAGTTGGTG TGATTTTCAAT TAGTTAGCCT 4440  
ACTAATCTG AAAATTTCTT GAATCTTCAA ATAATGGCCG TACCATTTA TAGCTTTCCA 4500  
TATGAAGAA TGAATTGATG TGTGCTGGT TGACTTAAGG ACCAAGGGTC GAAGTGTCTG 4560  
ATAAGTGGAT TAGCAGGCGT CTCTCTCTT TTTGACCTTT CAGGCTATGT AAATTGAAGT 4620  
CAATGTTTTG CTGACCATAA ATGTGTGGCC CTAGCAATGG TCTTTTAAAA CTCAGGATTT 4680  
TCTTTCTCT CTCTATTAT TAGACTTATT GCTCTAATGG AAGAGATCAT GAGTGAGAAG 4740  
GAGATAAAA CCATTGTTTT TGTGAAAACT AAAAGAAGAT GTGATGAGCT TACCAGAAAA 4800  
ATGAGGAGAG ATGGGTATGT GTGAGCTGCT CTTGAAGCA GATTGATTAA AACAGCTTAG 4860  
GAAGGGAACA CTGGATCAC GAGCACTGGA TTTTITTCAT ATCTGATAGT GAATTTAACT 4920  
TTTTCAATTT TGGGAAAT AAAGAGATCT GTGACAAAA GTGCTCAAGC ACTGAGTCT 4980  
GAGGTTTTCA ATGTGAGTTT AATAACACAA CTTGTCTTTT AACTTAGGTG GCTGCTCATG 5040  
GSTATGCTG GTGACAAGAG TCAACAAGAG CGTGACTGGG TTCTAAATGG TAAATATTTT 5100  
AAATGAAGTA TTTTTTCCCT TACTTAAGC TAGCTAGAAT TCAAACTAG AAAAGCTCTT 5160  
ATTCTGATG CTACAGATGT GGTCTCCAGA GGGCTAGGTT AGTACAACT CGCATTCAT 5220  
GTTTGGTTTT CAGAGAAGAT TCCATTTAAG TTTTAAAG AAAGTTTATT GCTTTCTTTA 5280  
AAGTCAATTT ITTCTAAGTT TTTTTCACA TAAAGGTGCT GTTTTGTGG CAAGGCTAG 5340  
GATGACAAAT CCGAGGACTC GAGGGGATG GAGGACTAGT GATCGGCTGG CTGCTTCCAG 5400  
TGATTAGAG AGGTGAAAA GTGAAGTGT GCCASTAAT TCAAAAGGG AGAATATAT 5460  
AAGTGTGCT CATAAACTGT ITTCTCCGAG GGAATAATG GAAGTTATCT CACAGTTTAC 5520  
GCTGCTGTA TTTCTCTCTT CCGATGCTTT GCATGACTGC CATGGTACAG CCTTGTTTCA 5580  
AAATGTTGCT TGTGATCTGT GGTCTTTGA GTTTCAAGTGA GTTTGTGAA ATGTGGAAGA 5640  
AGTAGTTTCA AACTTCAATG TTTCAAGAAA TTTTGTGTTA AATTTGAAAT GGAGAGAGCA 5700  
GTTTTAAAAA STACTAAGCT TTTTACAAAT TGGTGAGTTA CTGGCACATG AGATCTAGAG 5760  
TAGGACAAAT TTCTACACAC TATGAGTAAG TGGGAAAAAG AAGTGTGTTG AAATTTCTCT 5820  
TCTCACTTAC ACAGTAGTGT TATGTTGAG ACCTGCCAGA GAGAGACACA TTCTGAAGTG 5880  
AAATCTGGCT TCTTGGAAAG GTTTGCTAG ACGAGACACA GTGCATAAAA ACAATTTTGT 5940  
GGGACAGGT ATGTTTTCTT GAGGCTGCGG TTSTAAGGTC TTGGCAAGAC AAGCAGTGTG 6000

GGGAGAAATTT	TGAACCTTCTG	ATGAATATCTT	AAATTAAGAG	ACCTTATACA	TTTTTTTCTT	6120
TGAAGCTCCT	CAAAATGAGG	ACATGAAGAG	BTGCTGTGA	AACTTTAAGT	G-CCCTACTG	6121
CGCAAAAGCA	TTGASATGTC	ACTTGATGAT	CTGTAAAGGA	ACTTGTGAT	TGGGAATGT	6122
GCTTATTTAA	CACACATTCG	TTTTGACAGG	BTCTGTACT	GGGTGGGG	TATGAATTA	6123
TACAGATGAG	ATGTGCTTTT	TTTTTCTTTT	TTCAACCTCA	ATGATATTC	TACAGGAAAT	6124
GGATAACCAT	TTTAACTGTA	TTTTTTTSCA	GGCGTACCT	TCTTGGGAAT	ACAATTGTCT	6125
AACTTTTTAT	TTTTGCTTG	GCTGTTGTGG	TGTGCAAAAC	TCCGTACAT	GATATTTTGC	6126
CACACTTCAA	TACITTACAG	ATGTGGAAGA	TGTGAAATTT	GTGATTAAT	ATGATACCT	6127
TAACTCTTAA	GATGATTATA	TTGATGGAAT	TGTGAAACT	GCTCTGAGTA	CCAAACAGG	6128
CACAGCATAC	ATTTTCTTTA	CACTAATAAA	CAFAAAGCAA	GTGAGGATC	TTATCTCTGT	6129
GTTTTCTGAA	GTTAATCAAG	CAATTAATCC	CAAGTTGCTT	CAATTTGTGG	AAGACAGAGG	6130
TTGAGSTAA	GATGATGAT	AGCAAAATGTT	GSTAGTTACG	GTGATACCT	ATACAAATCC	6131
ATTTAAATGG	TATTGAGGG	TGAGTAAAC	CTTGAAGTGA	AACTTAAGC	TGAAAAATTG	6132
TAAAAACATT	TCACGCTAC	CATGAATAGA	TCTGTTTCTT	CTGTCCACAA	TGATTGTGT	6133
CATAGACATA	ATTGATCAAT	TTGCAATTGT	TTTCTTGACA	GGTCTTCCA	GGGGTAGAGG	6134
AGGCATGAAG	GATGACCGTC	GGGACAGATA	CTCTGCGGGC	AAAAGGGGTG	GATTTAATAC	6135
CTTTAGAGAC	AGGGAAAATT	ATGACAGAGG	TTACTCTAGC	CTGCTTAAAA	GAGATTTTGG	6136
GGGAAAAACT	CAGAATGCTG	TTTACAGTGC	TGCAAAATTAC	ACCAATGSSA	GTTTTGGAAG	6137
TAATTTTGTG	TCTGCTGGTA	TACAGACAG	TTTTAGGACT	GGTAATCCAA	CAGGGACTTA	6138
CCAGAATGGT	TATGATAGCA	CTCAGCAATA	CGGAAGTAAT	GTTCCAAATA	TGCACAATGG	6139
TATGAACCAA	CAGGCATATG	CATATCCTGC	TACTGACGCT	GCACCTATGA	TTGGTTATCC	6140
AATGCCAACA	GSATATTTCC	AATAAGACTT	TAGAAGTATA	TGTAATGTC	TGTTTTTCAT	6141
AATTGCTCTT	TATATTGTT	GTTATCTGAC	AAGATAGTTA	TTTAAGAAAC	ATGGGAATTG	6142
CAGAAATGAC	TSCAGTGCAG	CAGTAATTAT	GGTGCACCTT	TTGCTATTT	AAGTTGGATA	6143
TTTTCTCTACA	TTCTGAAAC	AATTTTTAGG	TTTTTTTTTGT	ACTAGAAAA	GCAGGCAGTG	6144
TTTTTACAAA	AGTAAATGTA	CAGTGATTGG	AAATACAATA	AATGAAGGCA	ATGCATGGCC	6145
TTCCAATAAA	AAATATTTGA	AGACTGAATT	AAGTGGAAAT	TGTACTTTAT	TTATATAATG	6146
TGATGTAATA	CTTTGCTTAA	GATGGTCTGG	TTTTTTTTTTT	GTTTTTGTTT	GGTTTTTTTTT	6147
TTGATGAAA	ACAAATGACT	GTTCCTTTT	ATTTAATTGG	GGAGGCAGGG	GGAAATCAGAA	6148
GGGCTTCTT	TATAATGAGC	TATTCATATT	GCAGGAGTCA	GAATGAATTG	ATACAGGTGA	6149
ATTTTTAGTT	ACAGGCTAAA	TTGCATAAAA	GCTT			6150

Name: 256

Len: 903

Check:

215E

CGGCGGGGGC	GACAGGACCG	AGGGGCCCTTA	GTTGGTGGGC	AAGTCGGGGA	TCCAGAAAG	60
AGAAGCGTGA	CCCGGAAGCG	GAAACGGGTG	TCCGTCCCAG	CTCCGGCCTG	CCAGTGAGCT	120
TCTACCATCA	TGGACCTATT	GTTCCGGGCG	CGGAAGACGC	CAGAGGAGCT	ACTGCGGCAG	130
AACCAGAGGG	CCCTGAACCG	TGCCATGCGG	GAGCTGGACC	GCGAGCGACA	GAAACTAGAG	240
AACCAGGAGA	AGAAATCAT	TGCAGACATT	AAGAAGATGG	CCAAGCAAGG	CCAGATGGAT	300
GCTGTTCCGA	TCATGGCAAA	AGACTTGGTG	CGCACCCGGC	GTTATGTGCG	CAAGTTTGT	360
TTGATGCGGG	CCAACATCCA	GGCTGTGTCC	CTCAAGATCC	AGACACTCAA	GTCCAACAAC	420
TGGATGGCAC	AAGCCATGAA	GGGTGTCACC	AAGGCCATGG	GCACCATGAA	CAGACAGCTG	480
AAGTTGCCCC	AGATCCAGAA	GATCATGATG	GAGTTTGAGC	GGCAGGCAGA	GATCATGGAT	540
ATGAAGGAGG	AGATGATGAA	TGATGCCATT	GATGATGCCA	TGGGTGATGA	GGAAGATGAA	600
GAGGAGAGTG	ATGCTGTGGT	GTCCAGGTT	CTGGATGAGC	TGGGACTTAG	CCTAACAGAT	660
GAGCTGTGGA	ACCTCCCTTC	AACCTGGGGC	TGCTTAGTG	TGGCTGCTGG	TGGGAAAAAA	720
GCAGAGGTCG	CAGCTCAGC	CCTAGCTGAT	GCTGATGCA	ACCTGGAGGA	AAGGCTTAAG	780
AACCTGCGGA	GGGACTGAGT	GCCCTGCCA	CTCCGAGATA	ACCACTGGAT	GCCAGGATC	840
TTTTACCACA	ACCCCTCTGT	AATAAAAGAG	ATTTGACACT	AAAAAATAAA	AAAAAATAAA	903

AAA

Name: 257

Len: 1360

Check:

BF4

CTGCAACGGT	CGTTGCAGAG	ATTGCGGGCG	GCTGAGACGC	CGCTGCTTG	GCACCTAGGA	60
GGGCGGGGGA	GGCTGACAC	CGCGGGGGCG	GGCATGAGT	CGGAGACCGA	ACCCGAGGCC	120
GTGAGCTTCC	TGCTGAAGAG	CCCAAGCAG	CGCCACCGCG	ACTTGAAGCT	GATGGCGGAC	180
GGGGCTGGA	GTGTGGGCCA	CCTCAAGGCC	CACCTGAGCC	GGGTGATCC	CGAGCGTCCG	240
GGTCCAGAGG	ATCCAGGTT	AATTTATTCT	GGGAAGCTGT	TGTTGATCA	CCAATGTCTC	300
AGGGACTTGC	TTCCAAAGCA	GGAAAAACCG	CATGTTTTGC	ATCTGCTGTG	CAATGTGAAG	360
AGTCTTCCAA	AAATGCCAGA	AATCAACGGC	AAGGTGGCTG	AATCCACAGA	GGAGCCTGCT	420
GGTTCTAATC	GGGACAGTA	TCCTGAGGAT	TCCTCAAGTG	ATGGTTTAAG	GGAAAGGGAA	480
GTCTCTGGA	ACCTTTCTTC	CCCTGATGG	GAAACATCT	CAAGGCTGSA	AGCTGCCAG	540
TAGGCTATCC	AAGGCTGGG	TCCTGCTTTC	TCGGTTACA	CACCTATGG	GTGGCTTCAG	600
CTTCTCTGCT	TCCAGCAGAT	ATATGCACGA	CAGTACTACA	TGCAATATTT	AGCAGCCACT	660
GCTGATGAG	GGGCTTTTGT	TCCACCAAGA	AGTGCACAG	AGATACCTGT	GGTCTCTGCA	720
GCTGCTCCAG	GGCTATTCA	CAACCAAGTT	CCAGCTGAAA	ACCAGCTTGC	CAATCAGAAT	780
GCTGCTCTC	AAGTGGTTGT	TAATCTGGA	GCCAATCAAA	ATTTGCGGAT	GAATGCACAA	840

GGTGGGCTTA	TTGTGAAAGA	AGATGATGAA	ATAAATGAG	ATTGGTTTAA	TTGAGCTAT	300
TCAGCACTTA	CATTTTCTGT	TTTTCTCACT	ATCCTCTACT	TCTACTCCTC	CTGAGCAGA	360
TTCTCTATGG	TCATGGGGGG	CACCGTTGTT	ATGTACCTGC	ATCACCTTGG	GTGGTTTCCA	1020
TTTAGACCTA	GGCCGGTTCA	GAACTTCCCA	AAATGATGGC	CTCCTCTTGA	CSTTGTAAT	1080
CAGGACCTCA	ACAATAACTT	ACAGGAAGGC	ACTGATCCTG	AAACTGAAGA	CCCCAACCAC	1140
CTCCCTCCAG	ACAGGATGT	ACTAGATGSC	GAGCAGACCA	GGCCCTCCTT	TATGAGCAGA	1200
GCATGGCTTG	TCTTGAAGAC	TTTCTTTGCC	TCTCTTCTTC	CAGAGGCTCC	CCGAGCCATC	1260
GCATACTGAT	GTGTTTTGTG	CTGTAGCTGT	TGGAGGCTTT	GACAGGATTC	GACTGGATCA	1320
CCTGATCTCA	GCTAGATTGC	CTCTCCTGGA	CATGGTAATG	ATGATTTTTT	AAAAAACAAT	1380
GTGATGATG	ATATGCTTTT	GTGAGCAAGC	AAAAGCAGAA	ACGTGAAGCT	GTGATACAAA	1440
TTGCTGAACA	AAAAATGCCC	AAGGCTTCTC	ATGTGTTTAT	TCTGAAGAGC	TTTAATATAT	1500
ACTCTATGTA	GTGTAATAAG	CACCTGACGT	AGAAGGCTTT	AGGTGTTGTA	TGCTATATGCT	1560
TGAGGAACCT	TTCCAAATGT	GTGTGTCTGC	ATGTGTGTTT	GTACATAGAA	GTCTATAGAT	1620
CAGAGTGGT	TCTGCTGGTA	AGATTTGATT	CCTGTTGSA	TGTTTAAAT	ACACTAAGTG	1680
TACTACTTTA	TATAATCAAT	GAAATTGCTA	GACATGTTTT	AGCAGGACTT	TTCTAGGAAA	1740
GACTTATGTA	TAATTGCTTT	TTAAAATGCA	GTGCTTTACT	TTAAACTAAG	GGAACTTTTG	1800
CGGAGGTGAA	AACCTTTGCT	GGGTTTTCTG	TTCAATAAAG	TTTTACTATG	AATGACCCTG	1860

Name: 155

Len: 5350

Check:

TTTATTGAAC	ATTTATTCTG	TTCAAAACAT	TOCCAAAAGC	AACAGAAGAT	ACAAATAAAT	60
CTCTGCCCCAT	GAAAAGGTGT	GGGGGGCATT	AGAAGGCGTT	CTCTTCGGTG	TATGAAGTA	120
ATGAGAGAAG	AAAAAGTAGT	TTGAAGCTAT	GGAGTAAGGG	ACTTTTASTA	TOCCAGGCTC	180
AAAAAGTTGG	GACTTGAACA	GTACGGGGGT	GCTGCTGAAA	ACGTTTGAGG	GAGGTAATGA	240
CATGATCGAA	GCTATACTTG	AGAAAGGTGA	ATCTGATAAA	GTATGAGTGA	AAAAGAGACT	300
GAAGGTCTAG	AAATTAGATT	GAGGCTAATG	ACAAAATCCA	CATAAATAGG	AGGACTTTGAA	360
CGAAGGGGCA	CTTAGAAGAG	GACAGGAGAT	AGTAAAAGGC	ATTCAATGAT	GAGAGCACAC	420
ACTACAGGGG	AGCATGAGGG	AGGTTGGAAA	AGATAATGAA	AGGATTACTG	AGCTTCACTG	480
ACCATGTGTT	TGAAATGAGC	AGGAATCTTG	TAGTGATCCT	AATCCTGCTT	TTTCTGGAGC	540
ATTTACAGGC	CTAGGAACAT	ACAAGGGGGG	CATCTCCCTG	GAATGTAAAT	TGACTAAGAG	600
GAATTCAATA	ATGGTCAAAAT	GAATGCAGAA	TTTTAGAGTC	TTGCTTAGTA	TTCTCACCAC	660
ATTTCTGTTA	GTCTACTCAT	ACTCTTTTTT	TCTTACTGCT	GACACTAGAT	GGAAAAACTC	720
TTAATTAATA	GTAATTCACA	AAATGTGCTC	GTTTTCAGTC	ATTCCTGTTT	CACCTCCAGCC	780
TGTTGTGTTG	TTTTTTTGAA	ATAATAATTT	AAAGTAATTT	TCCTTTTGCA	GGATGGCATA	840
GTCAATCCAA	CAATAAGAAA	AGATTTGAAA	ACTGGACCGA	AATTCTACTG	CTGTCCAATT	900
GAAGGCTGCC	CCAGAGGGCC	TGAGAGACCG	TTTTCTCAGT	TTTCTCTCGT	AAAAACAGCAC	960
TTTATGAAAA	TGCATGCTGA	GAAGAAGCAC	AAATGTAGTA	AGTGCAGCAA	TTCGTACGGT	1020
ACAGAATGGG	ACCTGAAAAG	ACATGCAGAG	GACTGTGGCA	AGACCTTCCG	GTGCACATGC	1080
GGCTGTCCCT	ACGCCAGTAG	AACAGCACTG	CAGTCTCACA	TCTACCGAAC	TGGGCACGAG	1140
ATACCTGCAG	AACACAGGGA	CCCACCTAGT	AAGAAAAGGA	AAATGGAAAA	CTGTGCACAA	1200
AACCAGAAGT	TATCCAAACA	GACCATTGAA	TCATTGAACA	ACCAACCAAT	CCCTAGACCA	1260
GACACTCAAG	AACTAGAAGC	TTCAGAAATA	AAGCTAGAAC	CATCTTTTGA	AGACTCTTGT	1320
GGCTCTAACA	CTGACAAGCA	GACTCTTACA	ACACCACCGA	GATATCCTCA	GAAGTTGCTT	1380
TTACCAAAAG	CCAAAGTGGC	TTTGSTTAAA	CTACCCGTGA	TGCAGTTTTT	TGTCATGCTT	1440
GTCTTTGTGT	CTACAGCCCA	CTCCTCAGCC	CAGCCTGTGG	TGTTAGGTGT	TGATCAGGGC	1500
TCTGCCACAG	GSGGTGTGCA	CTTAATGCCC	TTGTCAAGTAG	GAACCCCTGAT	CCTCGGGCTA	1560
GATTACAGAG	CTTGCTCTCT	TAAGGAGAGC	CTACCTCTTT	TCAAAATTGC	TAATCCTATT	1620
GCTGGTGAGC	CAATAGTAGC	TGGTGTTCAA	GTGAACCTTG	GTAAAAGTCC	ATCTAATCCT	1680
TTACAAGAAC	TAGGGAACAC	GTGTCAAAAAG	AATAGCATT	CTTCAATCAA	CGTGCAGACA	1740
GATCTGTCTT	ATGCTCTACA	AAACTTTATA	CCTTCTGCAC	AGTGGGCCAC	TGCTGATTCC	1800
TCTGTGTCTG	CTTGTCTCTA	AACTGATTIG	TCGTTTGTAT	CTCAAGTCTC	TCTTCCCAT	1860
AGTGTTCACA	CTCAGACATT	TTTGCCACAG	TCTAAGGTAA	CTTCACTCTAT	AGCTGCTCAG	1920
ACTGATGCAT	TTATGACAC	CTGTTTCCAG	TCAGCTGGGG	TCTCCAGAGA	AACTCAAAACC	1980
ASTGGATAG	AAAGTCCAA	GGATGACCAT	GTATGATGG	ACCAAGCTGG	AATGTGCTGA	2040
GACATTTTTT	AGAGTCTTCA	TTCACTCATAT	AATGTTGCTA	CAGSTAACAT	TATAAGCAAC	2100
AGTTTASTAG	CAGACACAGT	AACCTCATAGT	TTGTTACCTC	AGAATGAGCC	TAAGACTTTA	2160
AATCAAGATA	TTGASAAATC	TGCACCAATT	ATAAATTTCA	GTGCACAGAA	TAGTATGCTT	2220
CCTTCACAGA	ACATGACAGA	TAATCAGACC	CAAAACATAG	ATTTATTAAG	TGATTTGGAA	2280
AATATCTTGT	CAAGTAATCT	GGCTGGCCAG	ACATTGGATC	ATGCTASTCT	TTTGTCTGAC	2340
ACAAATCCTG	GACCTGACAC	CCAGCTCCCA	TCTGGCCAG	CCGAGAACTC	CGGAATGAT	2400
TTTGATATCG	AAGACTTCTT	TTGGGCTCTA	AATATCCAGA	CTCAAACTGA	AGAGASTGAA	2460
CTTAGACCA	TGACCAACGA	GGCACTCTTG	GAGTCACTGG	ACATAGAGAT	TCAAAACGGAC	2520
TTCTTACTCG	CAGATACCTC	TGCTCAGTCT	TATGGGTGTA	GGGAAAATTC	TAACCTCTTA	2580
GGCTTTGAGA	TGTTTGACAC	ACAGACACAG	ACAGACTTAA	ACTTTTTCTT	AGACAGTAGC	2640
CCTCATCTGC	CTCTGGGAAG	TATTGTGAAA	CACCTCCAGCT	TTTCCGTGAG	TACTGATTCA	2700

TCTGACACAG	AGACCCCAAC	TGARGGAGT	TCTACTGCTA	AAATATATAC	TCTCTAGAA	228
AGCAAAAGTTC	AGTTBRACAG	TACAGAAACA	CAGACCATGA	GTTCTGGGTT	TGAAACCCCTG	232
GGGAGCTTGT	TCTTCACAG	CAAGGAAACT	CAGACAGCAA	TGGATGACTT	TCTCTGGGCT	236
GATCTGGCT	GGAAACATAT	GGAGTCTCAG	TTGAGCTCTG	TAGAAACCCA	GACTTCTGCG	240
GAACACACAA	CAGTCTCCAA	CTTCTAAAAC	TAACCGTGGG	GTCATGCTGT	GAAATGGCAT	244
CTACCATTTT	CTCTGGAATTA	AAACTACGGA	CTGGGGACAA	CAGTATTAAT	TGATTTGAAT	248
GTGGCTGATG	ATGCACTTGC	TTAGCTTCTT	TGTGTTTCTT	TGGCTTTTGT	ACTTGTAAGC	252
AGAAATTTGT	CTATAAATGT	GAGTGTATTA	TAAAGTTTGA	GATGTGATGC	TAAATGTCTT	256
TTCTTTTCT	TACATTTGCT	TTTTACACAG	TAATCTTTTC	ATGTTAAAAA	AAAAATGTAT	260
TTCATATCTA	TAAAACTAT	ATAGCCATTT	AGCTGAAGCC	CAGCTTACCA	GTTTCAAGGG	264
TACAACTTTC	TCAAAATCTC	AAAAATTTT	AGTCAAGGTG	TAATATACTT	AAACTGCACT	268
TAAATATCT	TTGGCACTGC	TTGTTAGAAA	TTCTGATTC	CTGTTACTAA	TCACTAAAGA	272
AAACCGATGC	TGCCACCGTA	GGATTTAAGC	AGTAGTGCTT	CCATGCTCTT	AAGACTCCTG	276
CTGCTGGAC	CTTCGTCAGC	TTTGACACCT	CTTTTCTGAT	TTAAAGACAC	CAAGGAAAAAC	280
TACAACTGTC	TTTAGCTTTG	AAGCAGTTTT	CATGTAATCA	TTGCCACCTC	TTCTCTACAT	284
GAACACTAT	TGATACACAGC	ATACAAGTGT	ATAGCACTTT	ACACACAAGA	GGTTTATTGA	288
TGTAAATTA	TGCGCTAGGG	AAGCAGCAGC	GGGCCAGGTG	TGGTGGCTTA	CCCTGTAAAT	292
CCCACTACTT	TGGGAGGCTA	AAGCAGGAGC	ATCACTTGG	CCCAAGGTT	CAACACCAGC	296
TTGGGCAACA	TAAAGAGACC	GTGCTCTGG	AATTTTTTTT	TTTTTTAATT	AGCCAGGCAC	300
AGTGGCATGC	GCTGTGATC	CCAGCTACTT	GGAAGGCTGA	GGTGAGAGGA	TCACTCGAGG	304
AGATGGGGGC	TGCCATGAGC	CATGGTCTTG	GCACTGTACT	CCAACCTGGG	TACAGGGGCA	308
ASACCTATC	TCAAAAAAAA	AAAAAAAAGT	CGCCAGCAAC	AAGCACGTAG	TGTAGTGTTC	312
CTGCTAAATG	AGCATAGGTT	ATCCAAACCT	TGGGAACAGG	GAGTTATGGA	AAAGTGCCTA	316
TGACTTCATC	TTGGGGTGTG	TCCTATGAAG	ATCCTTTCTG	GTCTCCACAG	TAGGCCAGAG	320
TTGGGGGGCTC	TGGAGCTGTT	TCCCCAAGTG	CATCCACRAG	CTGGATCTGA	GTTTTGTGAC	324
TCTAAATTA	AAACAAGAAA	AAAGTGGGGA	AAAGGCATCC	CCCATTAGGT	TTCAATACTT	328
TGCACTTCTA	CTAAGCTTGA	TAGGGCAGGA	GTGCAATCTA	CAATTATTTT	AAAGTGAATT	332
TCTTCTCAT	CACCATCTTT	TATCTTTTCT	TTGAATAAGA	AAAAGTATCT	AGCAAGGATA	336
TTACTTTGTC	CTTGAGGCTA	GCAATTATAG	GATAGATTCA	TCTAAAAAT	GGTATTCTGC	340
ATTTTGGTTT	TTTTTCTTAA	GTGAATAATA	CCAGTCTTCA	AAGAAAAACA	GGTGAAGACC	344
TATTGCTTCA	ATAATCAAGA	ATGCTTTGTG	TGTTTTGAGG	TAGGAGCATG	ATCAAGTATG	348
CTTTGGGGAT	TTTCTGTATT	TAGGAGATCC	TGGATTCTTA	ATTGTTGGCT	AAAGTCCAGT	352
CAAGTAGGAA	TCAGTGCAGC	CTGTAAGTTC	TCCACATTGA	CACACACACA	CACACACACA	356
CACACACACA	CACACGACAT	GCTCCTTTCT	GTGGCACATG	CCTGTATTAC	TGAAAGCTAA	360
ATCCTCAAAA	CCTAGTAAGG	GGACCAATGA	TTCATTAAAG	TAAATTGATG	GTTTGTCTAC	364
TAATTCCTAT	CCCATACATT	TGACACAAAA	GAAGTGTGTT	TAATGGATAA	ATAACATATC	368
CCGGGCAGAT	GAGCTCAACC	TAGTAGGTAA	GAGTTTGGTT	TGGTCACAGT	TGCCTATGAG	372
TGTGGGTTTC	AAAAGAAACA	TAAAGCCTTA	ACTTAGAATT	TCATTATGTT	TTAGAATCAT	376
CAGTGGCTTA	ATATTCAAGC	ATCTATTTAA	GTCTTAATAA	AGGAGAAATG	CATGTTTATG	380
GCTTTTTTGT	AAATATAAAT	GCAGTGATCT	ATGGCTTAAA	AAATTTGTTT	CTGTGACAAAT	384
GTTTSTAAAT	CTAGCCAATA	GAGTCATTTA	CAGAAGAAAA	ATGAGCATGT	AATAATACAA	388
GAAGTGTTC	CCCTCAAAA	CCTGAACCTG	AATTATTTGT	AAAACTGAA	ATTTAATGAT	392
TAAAGAGAA	CCAGAAATGT	ACCCTTTTTT	GTGAATTCTT	GAACCTACTC	ATAAATATGA	396
CTTATGTAT	TGCCTTAAGT	TTTCACTCAT	TGTCTTTTGA	AAGCCATATG	ATAAATGAT	400
TTTATTTAAT						5350

Name: 259 Len: 3497 Check: 2330

CTGTGGGATC	AGAGGGCAGC	CCTATTACAA	CCAGAAAACT	ACAAATATAA	CAGCGAGGAT	60
GGATGAACAG	GCTCTATTAG	GGCTAAATCC	AAATGCTGAT	TGAGACTTTA	GACAAAGGGC	120
CCTGGCTAT	TTTGAACAGT	TAAAAATTTT	CCAGATGCT	TGGCAGGCTG	GTGCAGAAAGC	180
TCTAGCACA	AGGACATACA	GTGATGATCA	TGTGAAGTTT	TTCTGCTTTC	AAGTACTGGA	240
ACATTAAGTT	AAATACAAAT	ACTCAGAACT	AACTACTGTT	CAACAACAGC	TAATTAGGGA	300
GAGGCTATA	TGATGGCTGC	AAGCTCAGAT	GCTGAATCTC	CAACACAGAG	AGACCTTTAT	360
ACGAATATA	GCTGGCACA	TCTTGGCTTT	GCTTTTGTG	ACAGAGTATC	TCATTAAGTG	420
CCCTAAATTT	TTTTTTGACA	TTCTCTCAAT	AGTGGACCTA	AATCCAGGGG	GASTAGATCT	480
CTATTTGCA	ATCTCTATGC	CTATTGATTC	AGATTTGCTG	GATGCTGATG	TGGTGCATAC	540
ATCAGAGGAG	GCTGGTAGGA	ATACTCTCAT	AAAAGATACC	ATGAGGGAAC	AGTGCATTCC	600
AAATCTGGTG	GAATATGCT	ACCAAAATAT	ACAAAATTTT	CAGTTTACTA	ATTCTGAAGT	660
GAGCTCTCAG	TGCTTTGAA	TAGTTGGGGC	TTATGCTCTT	TGGATAGACT	TATCCCTTAT	720
AGCTAATGAT	AGGTTTATAA	ATATGCTGCT	AGGTCATATG	TCAATAGAA	TTCTACGGGA	780
AGAGGCTAT	GACTTTTAT	TTGAAGTTGT	AAATAAAGGA	ATGGACCTCT	TTGATAAAAT	840
GAAGCTAGTG	GAATTTTTGT	GTCAAGTATT	ACAGTCTGCT	GGTTTTTTCA	GCATTGACCA	900
GGAAAGAGAT	GTTGACTTCC	TGGCCAGATT	TTCTAAGTTG	GTAAATGGAA	TGGGACAGTC	960
ATTGATAGTT	AGTTGGAATA	AATTAATTAA	GAATGGGAT	ATTAAGAATG	CTCAAGAGGC	1020



ACTACAAAGCT	ATTGAAACAAA	AAGTGGGCACT	GATGTTGCGAG	CTACTAATTTT	ATGAGGATGAA	1081
TGATATTTTCT	TCTAATATTA	TTGSAATTTTG	TTACGATTAT	CTTCATATTTT	TGAAACAGCT	1140
TACAGTGGTTC	TGGGATCAGC	AAAAAGCTAA	TGTAGAGGCA	ATCATGTTGG	CGGTTATGAA	1210
AAAAATTGACT	TACGATGAAG	AATATAACTT	TGAAAATGAG	GGTGAAGATG	AAGGCAATGTT	1240
TGTAGAAATAT	AGAAAACAAC	TGAAGTTACT	GTTGGACAGG	CTTGCTCAAG	TTTCAGCAGA	1320
GTTACTACTG	GCTCTGTTT	GCAGAGTTT	TAGTTCTACA	CTGCAGAAAT	GGCAGACTAC	1350
ACGGTTTATG	GAATTTGAAG	TAGCAATAAG	ATTGCTGTAT	ATGTTGGCAG	AAGCTCTTCC	1440
AGTATCTCAT	GCTCTCACT	TCTCAGGTGA	TGTTTCAAAA	GCTAGTGGTT	TGCAGGATAT	1510
GATCTGAAGT	CTGTTAAGAT	CAGGAGTCAG	TGCTTATCAG	CATACATCTG	TGACATTGGA	1540
GTTCTTCGAA	ACTGTTTCTA	GATATGAAAA	GTTTTCACAA	GTTGAACTCT	AGCAGATTCC	1610
ATGTTACTTA	ATGGCTTTCT	TAGATCAGAG	AGGCTCTGGG	CATTCCAGTG	CAAAAAGTTCC	1640
GAGCAGGAGG	GCTTACCTGT	TTTCTAGATT	TGTCAAAATCT	CTCAATAAGC	AAATGAATCC	1740
TTTCATTGAG	GATATTTTGA	ATAGAATACA	AGATTTATTA	GAGCTTTTCT	CAGCTGAGAA	1800
TGGCCACCAAG	TGCTTACTGA	GCAGGATGA	TCAACTTTTT	ATTTATGAGA	CAGCTGGAGT	1860
GCTGATTGTT	AATAGTGAAT	ATCCGGCAGA	AAGGAAAACAA	GCTTAAATGA	GGAATCTGTT	1920
GACTCCACTA	ATGGAGAAGT	TTAAAAATCT	GTTAGAAAAG	TTGATGCTGG	CACAAGATGA	1980
AGAAAAGGCAA	GCTCTCTAG	CAGACTGTCT	TAACCATGCT	GTTGGATTGG	CAAGTCGAAC	2040
CAGTAAAGCT	TTCACTAACA	AACAGACTCT	GAACAATGTT	GCTGTTCCG	AAGTTTATTT	2110
GGACTGTTTA	CAGCAATCT	TGCCAGGCTT	CAGTTGTCCC	TTACAAAAGG	ATATCTTCAG	2160
AAGTGGAGTC	CGTACTTTCC	TTGATCGAAT	GATTATTTGC	CTGGAGGAAG	AAGTTCTTCC	2220
GTTTCATTCCA	TCTGCTTCAG	AACATATGCT	CAAAGATTGT	GAAGCAAAAG	ATCTCCAGGA	2280
GTTTCATTCC	CTTATCAACC	AGATTACGGC	CAAATTCAAG	ATACAGGTAT	CCCCGTTTTT	2340
ACAACAGATG	TTGATGCCCC	TGCTTCATGC	AATTTTTGAA	GTGCTGCTCC	GGCCAGCAGA	2400
AGAAAATGAC	CAGTCTGCTG	CTTTAGAGAA	GCAGATGTTG	CGGAGGAGTT	ACTTTGCTTT	2460
CCTGCAAAACA	GTGACAGGCA	GTGGGATGAG	CGAAGTTATA	GCAAATCAAG	GTGCAGAGAA	2520
TGTAGAAAGA	GTGTTGTTTA	CTGTTATCCA	AGGAGCAGTT	GAATATCCAG	ATCCAATTTG	2580
ACAGAAAACA	TGTTTTATCA	TGCTCTCAAA	GTTGGTAGAA	CTCTGGGGAG	GTAAAGATGG	2640
ACCACTGGGA	TTTCTGATT	TGTTTTATAA	GCACATTGTC	CCCGCATGTT	TGCTAGCACC	2700
TTTTAAACAA	ACCTTTGACC	TGGCAGATGC	ACAAAACGTA	TTGGCTTTAT	CTGAGTGTTG	2760
AGTGACACTG	AAAACAATTC	ATCTCAAAAG	GGGCCAGAA	TGTGTTTCACT	ATCTTCAACA	2820
AGAATACCTG	CCCTCCTTGC	AAGTAGCTCC	AGAAATAATT	CAGGAGTTT	GTCAAGCGCT	2880
TCAGCAGCCT	GATGCTAAAG	TTTTTAAAAA	TTACTTAAAG	GTGTTCTTCC	AGAGAGCAAA	2940
GCCCTGAGGA	CTGGATTTC	CTGTGCTTAC	TTGATGATCA	TGAATTCCAG	TTAATTTATA	3000
AAGAGGCGAT	TTTTGTGTGC	CATTACACT	GGTCTTTTTC	ACATTGTTTT	GAGCTTATTG	3060
CAGTATATGT	TTTGGGATTT	TTCTGTAAAA	TGGGTGTAAT	TTTCCTAATA	CAGGTATGTA	3120
ACAACAAAAG	AAGTTGCTTG	CATGCCGGTC	CAAATTGTTC	TGTATAAAGA	TGCTCTTAAA	3180
AGACACAAGA	GTTATCTTAG	AACCTTAATT	CTTTTTTATT	TGAAATTTTA	AGTCAAGTCC	3240
TTTATAAAGA	CCATACAGT	GGAAAACAGT	GTACTTTTTA	AAAAATTGCT	GAATATAAAA	3300
TCTTTGAAAA	TTTTCTTTAT	GTGTGAAGAC	ACAAAGTATG	GGGGAAGACA	GCAATCAAAA	3360
CTAAGTTTTT	GTAGATAGCC	ATTTCAATTC	TTTAAACTGT	TTCAACGCCA	ATATGTATTG	3420
TACAAAAGAG	AATGTTTTTA	GGCTCCAGTG	TTTACTTTTT	TTTTATATAT	ATATATAAAA	3480
ATAAACTTTA	CTAGTTG					3497

Name: 26      Len: 620      Check: 9F5

AATTCGGCAT	3AG8888888	AGAGCCATCT	TCTTCAATCG	GATCGGTGGA	GTGCAGCAAG	60
ACACTATCCT	83003AG3GG	TNTCACTTCA	GGATCCCTTG	GTTCCAGTAC	CCCATTTATCT	120
ATGACATTCC	GGCCAGACCT	CGAAAAATCT	CTCCCCCTAC	AGGCTCCAAA	GACCTACAGA	180
TGTTGAATAT	CTCCCTGCGA	GTGTTGTTCT	GAOCCCAATGC	TCAGGAAGCTT	CTAGCATGTT	240
AOCAGCGCCT	AGGCTGAGAC	TACGAGGAAC	GAATGTTGCC	GTCCATTGTC	AACGAGGTGC	300
TCAAGAGTGT	GTTG888888	TTCAATGCTT	CACAGCTGAT	CAOCCAGCGG	GCACAGGTAT	360
CCCTGTTGAT	CCGCGG8888	CTGACAGAGA	GGGCCAAGGA	CTTCAGCCTC	ATCTTGGATG	420
ATGTGGCCAT	CACAGAAGTT	AGCTTTTACC	GAGAGTACAC	AGCTGCTGTA	GAAGCCAAAT	480
AAGTGGGCCA	NCAGGAGGCG	AGCGGAAAT	TCTTGSTAGA	AAAANCAAA	AGGAGAGGCG	540
GCAGAAATG	TCAGGCGAG	GTAGGCGAG	TGCAAGATGC	TTGAGAACAT	GAGAGAGAGC	600
TGGCTACATA	ACTG888888					620

Name: 260      Len: 5238      Check: 16B5

GAATTCGGCA	CGAGGCTCTT	CTGTCCCGGA	GCTACCCAGG	GCTCGCCGAT	GCTGTAGGG	60
GCTCTCTGGC	ACTGCTGTTT	CTCTCTGAGT	ACAGCTTCAC	CTATGTGCTT	ATCTGCGCG	120
CTCAGCTGCT	GGAAGTCTCT	AGCAGACCCA	CGCCTTTTAT	CATTGGGGTG	AACGCGGCTT	180
TCCAGGCAGA	GACCCAGGAG	CTGCTCGATG	TGATTGTTGC	TGATCTGAT	GGAGGCAAGG	240
TCACCATTC	TGAGTGTGTT	CACATTCCAC	CCTTGCCAGA	GCCACTGCAG	AGTCAGAGCT	300
ACAGTGTGCT	GAGCATGGTG	CTGGACCGGG	AGCTGGAGTT	GGCTGACCTC	GCTTCTCTCT	360
CGCCCAAGAC	ATCCACCTCC	TCCCTGAAGA	TGCAGGACAA	GGAGCTGCGC	GCGCTCTTCC	420
TGCGGCTGTT	CGCTCAGCTG	CTGCAGGGCT	ATCGCTGGTG	CCTGCACGTC	GTGCGCATCC	480

AGTCTGAGAG	TTCTATGAGC	TTGATGAGAG	TAGGCTTGGT	GGGCAAGCT	GAGCTGGTAG	540
AGGAGGATTT	GGTATGGAAG	GTGCTGGAGG	TCATGGGCTT	TGCTGGGCTT	GTGTGAGAGC	500
GTGGGGTGGC	ATAAGGGGCT	ACGGAGCTGT	TGGATGAGCT	GGTGGGCGAC	GAGGTGGGCA	460
GGATGCGGGG	GGATGAGAAC	CACCGGCGAG	GTGTGCTGGG	TCAGGTGCGA	GAAGTGGGAG	420
AGCAGCTCTA	CAAGAAAGAG	AAAGGCTAGC	CAGCGGTGGC	GATGCGACAG	GTACAGAGGC	380
CGGCTGAGAG	CAGCGAGCTG	CGAGGCTGGC	CGCGAGGCTT	CGCGCGGCTG	GATGAGGCGA	340
CGGTGCGAGT	GATGCTGGAG	CAGGCTGGAG	CGAAGATGCA	GGGTGGAGCG	CGAGCTGTGA	300
AGGCGAGAGT	GAGGAGTACC	GTGCTGCGAG	GGCGCGGCTT	GAGTGGCTAT	GTGAGGCGGT	260
GGAGTGGGCT	GCATGTGAAC	AGCGGCGGGC	GGTGGGAGGT	TGTGGGTAA	TGCTGTGCT	220
AGGTGTTTGA	GGGAAATG	CTTGAAGGCA	AGAGGCTGCT	CGAGGCTGT	TTGAGGCGTC	180
TGAAGGGGGG	AGTTGGCGCG	GGTGGGCTGG	CGAGGAGGCT	CGAGGCTGAT	GTGGAGGAGA	140
AGGCTGGGGT	CGTGGAGCAC	CAGCAGTTTG	AGTTGTGCTG	CGGTATGATG	AACTGCTGGC	100
TGCGAGGAGT	CAGTTCTCTG	GACGAGCATG	GCATTGCGGC	GGCTGTGCTG	CGTCTGTGCA	60
CAGGCTTTTG	CGGGAAGCTG	AGCGCGGGGG	TGAGCGAGTT	TGCGATACAG	TGTGTGCGAG	20
AGCAGGTGGT	GTGGAGGAGC	CGACAGTTCT	GGGAGGCGAT	GTCTATAGG	GATGTGCGAG	10
CTCAGAGTGG	GGCGCTGCTAC	CTGGAGCGCA	CGGAGGAGCT	GGCGCGCGCG	CAGGAGGTTG	0
GGGAGGCGAG	TTGCGAGGAG	GACGAGCGCT	CTGCGCTAGA	CGTGGCTTCT	GAGCAGCGGG	1500
GGTGTGGGG	AGCTGTGAGT	CGTGAAGAGC	AGGAGGAGCT	GGTGAAGAG	GAGGAGGAGC	1360
CGGTGTGAG	CGAGGCGATC	CAGTATGCGA	ACCGCATGAG	CGAGGCTGCT	CTGCGCGTGG	1220
AGAGGAGGAA	GAGCGCGCTA	CTTGGGGAGC	GTGCGGGGCT	GGGCGAGCTG	GAGAGCGGCA	1080
GCAAGAGGCT	GGTCAAGAAC	AGCATGGCTG	GCAGTGTGGC	CGAGAGCTAT	GACACGGAGA	940
GGGGCTTGGG	GGATGCGAGG	ACCTGCGAGC	TAGCTGGGGC	TGTGGTGGCG	TTGATCAAGC	800
GCTTTGTGGA	CAAGGTCTGC	ACGGAGAGTG	GGGTCAAGAG	CGACCAAGCT	AAGGGGCTGC	660
ATGTGATGGT	GCGAGAGATT	GTCCAGATGC	ACATCGAGAG	CGTGGAGGCG	GTGCGAGCGG	520
AGAGGCGGAG	GCTGCGCGCG	ATCCAGAGAG	CGAAGCTGCT	CGGCGCGCGC	CTGCTGCGCG	380
GTGAGGAGTG	TGTGCTGGAG	GGGCTGCGCG	TCTAGCTGCT	CGGCGATGGG	CGTGGAGAGG	240
GGGCGGGGGG	CAGTGGTGGG	GGAGCAGCAT	TGCTGCGAGC	TGAAGGCGCG	GTCTTCTGCA	100
CGAGGAGGAG	GGTCACTCTC	ACGGGGATGC	CGAGGAGGCG	CGTGGTGGG	GAGCAGGTGG	2160
TGGTGGCGTG	CTTGGCGGTG	GCTGCGCTGA	CGAAGAGAGG	GGGCGATGAG	GTCCAGAGCG	1920
CTGTGGAGCA	GCTGCTGCGG	GACGGGCTCC	AGCTGCGCTC	CTGCGCATTC	CAGCTGCTGA	1780
AAATGGGCTT	TGAGGAGGAG	GTGGGGTCTG	ACAGCGCGGA	GCTCTTGGCT	AAGCAGCTGC	1640
ATAAGCTGGG	GTAGCGCGCG	GACATCAGGG	CGACCTTTGC	GTTCAAGCTG	GGCTCTGCGC	1500
ACAGAGCTGG	CGGGCGAGCG	CGAGTCAGCA	AGGACAAAGG	CGCTTGGCTC	AGAAGCGCTG	1360
CGCGGAAAGT	GGTCAAGAAC	GCCAAGAGAG	CGATCGGGCG	GCAGCATGTC	ACTCGCAAGA	1220
AGTACAAAGC	CGCGAGGCTG	GAGCAGCGGG	CGCAGCGCGC	CGCTGAGGAG	CAGGAGGAGC	1080
AGATCTCAGT	GTGGGAGGAG	CTGGAGCGCA	CGACGCTGAG	CGGCTGCTCA	CGCTGGAAGC	940
CGTGGAGGCG	CATGAGCGAT	AGCAGCGCTG	TGGAAGGGGC	TTGCTGTGCG	GACTACAGCG	800
GGTCTGGCTC	GGGAGCGGCT	AGCAGCGGCG	TGAGCGGGGC	CAAGTCTGAG	CGCTTCCGCA	660
TTTCTGGGCT	CAAGCGGATG	TATGCGCATC	GGGCGAGCTA	CGGAGGGCTG	CTGATCGTGC	520
GGCAGAGTGT	CGAGGACAAC	GGCTGCGAGC	GGGTGTGGCG	CTGCTAGCGC	CAGAACCGCT	380
TTGCGGTGGT	CTGCTGGGCG	AGCGGGCGGT	CGAAGGGGCT	GCTGCTGGCG	TCTGGAGGCG	240
TGCTGGGCAA	AGGTGTGGTG	GGCTCTCTCA	AGGCGCGAGG	CGCAGCTTCT	CGAGGCGAGT	100
CGCAGGCGGA	CTGAGTAGCG	CTGGAGGAGG	AGAAGTACCT	CGAGGCTGTG	GTGAGCTGCA	360
TGCGCGGCTA	CGCGGAGCGG	TGCGGAGCGA	AGAGGCTTAG	CGGCTTCTCT	TCAGCGGAGA	3120
TGCGGAGTCA	CGGTAAGTGG	GGCAGTGTCC	GGAGGAGTGG	AGCGAGGAGT	GGGCTTGGCA	2780
CGGATGTGGG	CTGCGGCTCA	GCTGGCAGAG	ACCGGCTGGC	CGCAGCGGAG	GGCAAGGGGG	2440
GGGCTGCGGA	CGCGGGGCTC	CTGCGTGGCG	AGCGAGGAGC	CGTCTATATC	CTTGGGGAGA	2100
AAAGCGAGCT	CAAGGGTGTG	CGGTGAGAGC	CGCTGCGAGC	GTGGGAGCTG	GTGCGGCTTG	1760
AGGTATTGCA	GGCAGGCGAG	GTGAAGGCTA	GCTTCAAGAA	GCTGCTGAAA	GCATGTGTGC	1620
CAGGCTGGCG	CGCTGCTGAG	CGCAGGCGAG	CGTCTTCTCT	GGGCTGAGTG	GAGGAGTCAG	1480
AGTGGCTGAT	CGAGATGAGC	AGGCTGCTGC	AGGTGTGCTG	GCTGCTGCTG	GAGCTCTGCG	1340
ATTGAGGCTC	CGTGTGCTG	GTGGGCGCTG	AGGATGGCTG	GGATATGAGC	AGGAGGTTGG	1200
TATCTTGGT	GATGTGCTC	TGAGAGGCTC	TCTAGCGGAG	GTTGGAGGGC	TTTGGGCTGG	1060
TGCTGGAGAA	GGAGTGGCTG	TGCTTGGGCG	ATGGTGGAG	CGAGGCTGGA	GCTGAGAGCG	920
TGCGCGGCGA	GAGCAGGCGG	TTGAGAGCGG	TCTTCTGCA	GTTCTGGAG	TGCGTACAGC	780
AGGTGAGCTA	GAGTGGCTC	ATGGAGTTTG	AGTTGAGGCA	GTTCTAGCTC	AAGTTCTCTG	640
GTTAGGAGCA	TGCTGCGCGC	CGTTTGGGGA	GCTTCTCTCT	CGACTGTGAG	TATGAGCGCA	500
TGAGGCTGGG	CGTCTCTGAT	CGGAGAGAGG	GGGAGGCTAG	GGGCGAGGCT	CGGTGCGAGG	360
CTGTGTGGGA	GTATGTGGAG	CGGCTGAGCA	AGAGGAGGCG	GCTGCTGAGC	AATTACATGT	220
ATGGCGCGGA	GAGCGGAGAG	GTGCTGCGGG	CGTACAGGAA	GCTGCTGAGC	CTGAAGGTGT	80
GGGAGCTGTA	CAGTGAAGAG	AGGCTGGCGG	AGGCTGCTCT	TATGAGTGGG	AACTGGGCGA	140
GGGGCGCGCT	GAAGCGCGAG	AGGAAGAGAG	GTGCTGATGA	GGGCTGCGCA	GAGCAGCGCG	400
GGGTGGTGTG	GCTCTGTTAC	GACAGCTGCG	CGCGGGGCGCA	GCTTACGCGC	ATCTACGCGC	4200



Name: 001	Len: 6450	Check: 910	
CGGCGCTGAGG	ACCCCGCGCGC	TGTGGCGCGCT	CGCGCTGCGG
TCTGCGCGCGC	AGCGCGCGCGC	ACCATGCGCGT	CCATTCTCAG
CGCGCGCGCGT	AGGACATCGA	CATCCAGGCG	AACTCGGCGT
GGAAACTACT	TTGCTTTGCA	CTTTTTCATG	GGAGGAGAGA
GAAGGTTTAC	TCTTTTGGAGA	GAACATGGAT	CTGAACCTTC
TTTCTCTACG	TCACTCTCTG	CCCCCAGCAG	CCCGTGAAGA
ATCGCGCAAG	ACTCTCTGCG	GCTGGTGAAG	TACAAAGACG
GAGCGCGACA	AGCTCGGCGT	GCTCTACAGC	CTGGAGTTCA
GTGGCTATTA	CCATCTACTG	CCAGGCATCG	GAGGAGTTCC
AGCGCGCAAG	GCGCTCTGCT	ACAGTCCGAG	ACCGTCCACT
CAGTTCTCTC	TGCGCTCTCT	CAAGATTGAC	TTCTCGGAAT
TTTGAGCTGG	ACCGGGGCGT	GTTTCCAGTA	GTCTCCAGG
GTGGTGGAA	TGACTGGGCA	CGCCACGCTG	CTCTTGCTTG
GGCAGGTTCT	CTGTGAAGCC	TTTAAAGCAG	AAGCAAATTG
TGCGAGGAGA	TCTATGGCAT	TGAGAACAAG	AACAACCAGG
GAGAACAGCG	ACAACAGCAA	CGAGTGTGTG	GTGTGCCTGT
ATCTCTGCGCT	GCGCGCACTT	GTGCCTCTGT	ACCTCCTGCG
GCCAACAAC	GCGCCATCTG	CGGCTGCGT	TTCCGGGCGC
CGGAAGAAGC	CAGGAGCCCT	GTCCCCCGTG	TCTTTCAGCC
GAGCATGATG	AGCACTCTTG	TCCCTTTAA	AAATCAAAGC
AGCAAGAAAC	CTAAAAGGGA	AACAACCTCT	GACAGCGTCC
TGCTGTCTCG	AGGCGCTCAA	CGGCCTCCGG	GCTGTCTCCC
CTTTATGAAG	AAATCAGCTA	TTCAGGCATC	TCGGAACGGC
CTCGCGGCTA	TGAGCCACAT	CCTGGACAGC	AGCCGCGCAG
GCGCGCTGACA	GCACCTTAAG	GTCCCGCTCT	TCCCCCATCC
CTCTCGGAG	AGTGAAGCG	CCCTCCCCCA	CTGGGTGGCG
AGCAGCTTCC	CTGAGAGTTT	CATAACAGAA	GAGGTTGATG
GGAGCCGAG	CAGCTTCCAT	CTGCAATGTC	CTGCAAGACA
CGAGCGGAC	CTGCTGACAT	CTACCTGCGA	GCGCTGCGGC
ATAGAGGAGT	AAGCGCGTAC	GTGACCTTCC	AAGCGCGCTT
CTTGAGAGAGA	GGAGCGCTCC	CCTGCTCTCT	GCGGGGGGTT
CTTGGCATC	CGCATCTTCC	CAGGGGGGCT	GGATTCCGAA
CTTGGCATCT	CGCTCGAGAA	GTGGGCTCTT	GCGGGGCTCT
TCTTATCTG	GACTAGGCGG	CGGTCAGGC	TCTTCTGCTT
AGTCTAGGCT	CAGCTAGGGA	GACACAGACA	GCGCAGGTGC
CGGAGAGGAG	GAGCTTAGGG	SATGAGGGCA	GCAACCTGGA
GCGTGAAGCT	CGGAGGGGA	GAGGCTTGGG	CCTGGGCTTG
AGTTGCGATC	GGTCTGCGAG	CAGACAGCTT	AGGACGCTCA
CTGTCTATGC	TTTAAAGATT	CATGCGGAAA	GAATCGCGCC
TGAGCTCTTC	CGAAGCTCAG	TCCCTCTCTC	TTGAGGCGAG
TCTGCGGAG	GCGAGAGTAT	CTTGCTCTCT	CTCTCTAGGG
CTCTGCGCG	CTCTCTCTCT	CCCTTGTGAG	GATGGCGACG
GCGTGGGAC	AGATCTCTCT	GTGGGCTGCG	CTGCGCTTGG
AGCTTCTCT	CGGAGTCTAG	GAACCTTCTG	GAACACCAGC
CTGAGGTTGG	CATCCTCCAT	CGCCCGGCAA	GAGGTGCGCT

AGTCTCTTAC	AAAAGGAGG	TCTGTGAGG	AGTGTGTGG	CAGCTATAAG	CCGCTACTT	2760
TGGGAGACCG	AGGGATAGA	TACTTGAAG	CAGGAATTC	AAGATCAGTG	TAGAAAACAT	2810
AGACCCCTCT	TTTAAAAAA	ATAAAAAAT	GGTGTGGGG	TGGTAGCTTG	TGCTGTGGGT	2860
CCTAGCTACT	CAAGGGTGGT	GAGGTGGAG	GATTGCCGGA	GCTGGGGAGG	TCAAGGCCCCA	2940
CTACAGCTTG	AGACGCTGTC	TCAATAAAAA	AAAATACACA	CACACCTACT	CACCCACTCC	3000
AGTCTGAGAC	CCTGTCTCAA	GAAAAAATAA	AATACACACA	TACACATACA	CACACACAGA	3060
CAACACATAA	CACACACACA	CACACGGGG	AGAGAGAGAA	GGCAGCTTA	GAGTGCCAC	3120
CAAAATATAG	GTAGACGGAT	GGGGAGCCCT	CTGGCTTCCC	AGAGGGTCTT	GGTACACAA	3180
CTAGCTATAG	CTCTGGTCTG	CTGAGGGCCA	TGGAGCTTGG	TGGGAGATTT	CTGGCCGGGG	3240
GTACAGCTTG	TAGAGGGCCC	TTTCTCTTT	GGTGGACTTG	AGCCGGCTTA	GGGAGAACTT	3300
CGCTTCTTTT	GACTGGGCTC	TGCAITCCCA	TGAACCTCTG	TCTTCTTGAG	CCGAGCGAGT	3360
CTCTCTTTTG	ACCCCTGTCC	TGAGCCATTA	TACCCCTAGA	TTGAAACAGT	CAGCACCTTT	3420
CAGACGGCCC	CGGCTGTGGC	ATCGGTGGAA	GGTGCCATGC	GAATGTCAAG	ATTGAGGTCA	3480
AGCTTCCGGA	GCTGGGGAGT	GCAGGTGTGA	TCTAGAACAG	GGCTCACAGC	CTCGGAAACC	3540
TGGTCTCGCC	GGGGCCCCCG	AAGAAAATAG	ACGCCCTTCA	CCGGAGAGTG	GGGCTGGGG	3600
CCTGTCTGCT	GGGAGCCATG	TGTCAGGGCT	GGTGGCTGGG	TGTCAGGCAG	CCCTGAGGCC	3660
ATGCTTCCCC	CTTCCAGGGC	TCTGCACCCAG	CACCATTTGC	CAAGCCCCAG	GGACGCCAGA	3720
CCCATCCGGG	GACAGCGGCC	GGCGGCTCTG	TGCAAGGCCA	AGTCTGGCCA	TTGGGGCTCT	3780
GTGGGAGGCT	CTCTCTTTTG	CCTTGCAGTA	GCCATCCGGG	GGCTACTCTG	AGCACGGGCT	3840
TGTTCTCAGC	CAGGGCTCGT	CCCGACCCCT	GCACCTCTGG	TTGACCGAGT	TCCACCCCTAA	3900
CCGAGCCGTA	AGAACCTTTG	CAGGACAGTG	GCTGGCCACA	TCCAGGAAA	CCGGAACCAG	3960
GGGAGGGCA	GGAGCCCCAG	AGGGCATCCA	CTGGGGTGCC	GTGTCCGGCT	CTGACTCGGG	4020
GCTGCAGATC	TGCTGTGGGT	GTCCGGGGAT	CTGGGATCGT	CTGTCCCAAG	AGGGACACAG	4080
CGTATTGGGC	ACAGTTAGGG	AGTCCCGGGG	CCCTTGGTGT	GCTCACATCT	GAGTGAATGC	4140
TGTTGGGGCC	ACAGGCGGGC	GGAGTGGGGG	TGCTGGATGG	CCGAGCTCCCT	CTGGGGCTCC	4200
AGATCGGTAG	GAGCGGGTGG	CGTGGGACCA	GGCATCCGAG	TGTGACCTTC	CTCCCTCTGC	4260
TGGACCTTGC	AGGACGGCCC	ACCTCCATGG	AGACGGCCCA	CGGCTCTGGC	ACCACCCAGC	4320
CTAGCTGGGC	TCCACTTGGT	GGCCCCAGCC	CCGATCCAG	CGCCGCCGAG	CTGACCCAC	4380
TGTAGAGGCC	TGGCCGAGCT	GGCAGCATGG	AGCCCTCGGC	TCCCCAGACT	TTGCCGAGGG	4440
GCTGCTCCGG	ACCCCGTTGT	GAGCCGGCCT	CCGTCTGCA	TGCCCCCTGT	GGCCACCAGG	4500
CTCCGAGGGG	CTGTGGTGAC	TCTTGATCAA	AGAGCACAGT	GAAGTGTCCC	TTCTGAGTCT	4560
CCCTTTTCTA	CAGTTGATAT	ATTTGTAAT	GGTACAAGAT	GAAGGACAGC	AGCTTTCCAT	4620
CCCTAGTTCA	GAGCCCCCGT	TCCCCAGGGT	CCTGTGGGCT	GAGCGGCTGG	GGCTGGGGCT	4680
GGCCACGTGT	GGCTCCGCT	GGCTCTGCCT	GCTCCTGCAA	CAGTGCGGTC	CCTGCCCGGA	4740
GAAGTCAGGA	GGCTGCAGA	AGAGAACTGA	TTGGTGGTCG	AAGCACCATC	TTACAGATG	4800
TTGAGGGGCA	GTGGGGGGCT	CCAGGCACGG	TCAATGAAGG	AAACAGTGCC	TGTCCACCCA	4860
CGCTGCGTGT	CAGTGTGGCG	GGCTGGGTGT	CGCTGCTTTT	TGTCTCTGTC	CGTGTTTGCG	4920
CGGCTCAGT	GGCTCCCTG	GTGGGTCTGC	GCTGGGGCCC	TCAGTGTCTG	GGGCTTTGGG	4980
GTGCATGGGC	CGCGCCCTGG	GCAGCTAGAG	TGTCTCAGCC	CGGTGTGGG	CCTGGCCGAG	5040
GGGGGGAGGC	ACAGCTGCTT	CCAGCAGCCA	GCATTGAGTG	GCCTTGTGAC	CAAGCTCCAC	5100
ACCTGCTCTT	GGTGTGGCT	TTGGTGACAT	CACAAGGCCC	CTCCAGGTGC	AGGGGCTTCT	5160
CTTTGGGAGG	CCCTGCCCAG	GGAGGACCTG	GTGGCTCTCT	CATTCTCTTT	TGCCATTGGA	5220
ATGTCCCTTT	GCAGTTCTCT	TCTCTTTTTT	TTTTTTTTTG	AGATGGAGTT	TCACTCTTGC	5280
TGCCCCAGGT	GGAGTGCAGT	GGCTCAATCT	CGGCTCACTG	CAACCTCCGC	CTCCCGGGTT	5340
CRAAGTATCG	TCTGCTCTTA	GGCTCCTGAG	TAGCTGGGGA	TTACAGGTGC	CTACCAGCAT	5400
GCTCGGCTAA	TTTTTTTGTA	TTTTTAGTAG	AGAAGGGATT	TACCATGTT	GGCCGGGCTG	5460
GTCTCAAACT	CCTAAGGTCA	TCCACCTGCC	TGGGCTCCCT	AGAGTGTCTA	GATTACAGGC	5520
GTGAGCCCTCC	CGGCCCCGGC	CCCTTGCACT	TCTCTCTGAT	TTGGTTTGT	CTGTCTCAGG	5580
CTTCTGTGGC	AGGACTGGCC	CAAGGAGGAG	GAAGCCAGCA	GCACACCTGG	GGAAATGGGGT	5640
CTCGGCGGGG	AGGCTTGGCC	TCTGGGCGAC	CTGCTCTCTG	TTTGTTTGTT	TGTTGTCTTG	5700
TTTTTTTAAA	GTAAACCTTC	CTGCGCGGCA	GATGGCAAAG	GGAGTGGCTG	GGCTGGTGA	5760
CTAGGGCTTG	GATCCACCCC	TGGGAGGCCC	TGGGCGAGGC	AGGTGTCTGC	TGCTCACTTG	5820
CTCTGTGAGG	GCTGCTCTGC	AGCTGGGCTT	GGGACAGGT	CGGCTGTGGG	GCAGCTCACT	5880
ACCTTCCCTG	AGGCTCACGG	TGGTCCCGAG	CATGAGCTCT	GGCTCTGGG	CGAGACCCAG	5940
CAGTGGACAG	CAGGCTCTTC	ACACCTAGCT	CCCTGCACAC	CCAGGCCAGC	CACCCCTGCC	6000
CTCTGTGAC	AGGCAAGCAG	ATGGCTTCAC	ACGTACACAC	ACACAAATGC	ACGCCCACTT	6060
ACACATGCTC	ACGCAACAGT	TCACACATGC	ACACTCACGC	TCACACATGC	TGTCAAGCAT	6120
ACACACAGGC	ACAACTGCTT	GCACATGTTT	CCATGCTATG	GTGTGCACTC	GGACCGAGCA	6180
CTTCCAGAGC	AGCTCTACCC	CAGTCCAAAG	ACCTCTCTCT	CCCATGCAAC	CTCTCCCCAA	6240
CAACACACAC	AGCCCTCTGC	ACCGCCCGCC	CCCTGGCCCG	ACCAAGGCCC	CAGGCTCTGG	6300
CTATGAGTCC	TGGTGGCAGA	GCTTTGGGTG	AAGTTGGGGC	CGCAGAGTGG	CCCGCTGGGA	6360
CTCCCATGTG	CTGGGCTCTG	ATGTGCTCAG	ATGGGCTCAT	CGTTGGTTCC	TTTTTACTGT	6420
ATATTTATAG	TAATAAAATC	ATGCAGCAAT				6480

Name: 101	Len: 111	Check: 680	
GTSTGCTG	CTTTCTGTCA	GGCTCTCTGC	CTCTGCTGCT
TCTTCTCTG	CACCTGAGGG	TAGGACCTG	GGGGGGGGGG
CGCTCTTTG	CGGGGGGGGG	GGGGGGGGGG	GGGGGGGGGG
AAGATGAGCA	CGGGGGGGGG	AGACATATGT	AGAGTGTGTC
AAAGCGCTTT	ATCATCTTTG	TGTATGTACT	GGCAGTATTA
TTAGTTCAAT	GGCTGAAACA	CAGTGGAAAA	GAATACTGTG
GCTTTTACAC	CAATTTATTT	TCCAGATATG	CTTTCAAGGG
GTTTAACTGG	TTACAAATAT	TGGCACTGCA	ATACGATATT
GCTTTTCAAT	GGTTGGAGGT	TGTTCTTTTT	ACAGGATGCG
ACTTGGCTGG	TGAGCTCACT	ACTGAGGCTG	CCATTAGATA
TTGGCAGATT	GTGGCAGGGG	TTGTTTTTGT	GIGAGCTGCA
CTGTTGTGGT	TGAGAGAGCA	GATAGTCCAT	GGGGGAGCAC
GGCTCAAGGT	TCAATGCTGC	GGGGCATCAC	CAAAATGAGG
GCAGAAATG	TTGCTGTGTA	TCAGCTCTGT	AACCCAGCAG
GAAAGCGCTG	ATGCCAGGGA	TGACCAGGCA	GAAGAGGAGG
GATGACGCTG	GTGTGGAGGA	TGCGGCAGAT	GCTAATAACG
TGGAATGCTT	TAGAAATGGA	CGGAGCTGCT	GAAGAGCTTA
CTTGATGGAT	CACCTAGTTT	TCTGGAAACAT	GTCTTCTGGG
TTCAATCTGG	TTTTTGCATT	TTGCCCTTAC	CATATTGGTC
GGATTTGAAG	AACACGTCCA	AGCATCTCAT	TTTGAAGGCC
TATATACTTT	TAGCAATAAC	ACTGATAATT	TGTCATGGCT
CATAGATCTC	GTGCTTACT	GGGAGTCTGC	TATATTGTTG
GTGGTAGAAA	TTGGAGTATT	CCCTCTCATT	TGTGGTTGGT
GAAATGTTTT	ATGCTACTCT	GAAAGATCGA	GAAGTGAAGT
ACCATGTTTT	TGCATTGGCT	AGTGGGAATG	GTATATGTCT
CTACTACTGA	GAGAGGTACT	TGACCTGGST	GTCTGTGGT
CCAGATTTCA	ATCCAGTACA	GGAAATGATC	CATTTGCCAA
TTTATTTTGT	CAGTGATTGT	CTTTGGCTCC	ATTGTCTTCC
CGTATAATTA	AGAGTGTGCT	GCCTAATTTT	CTTCCATACA
GCTCCAGTGA	GTGAACGTGC	CCTCGAGCTG	CTTCTGCTTC
CTCGAACAGG	GACACACGAG	GCAGTGGCTG	AAGGGGCTGG
GGCGGATACT	TGCTGGATCT	TCATTCTTAT	TTATTGGGAG
AGTGCAAATC	AACAAGTTAA	CAATAATCAG	CATGCTCGAA
GTGGGAGAAG	GGCTTTCATG	AGCCCAACCA	GGCATACTCC
TTTCAGGCTT	ACCGCCGACC	TTTAAATTTT	CCACTCAGGA
ATGTGTATRA	CATTACTGAT	TGCCAGCCTC	ATCTGCCTTA
CGTTGGTTAA	TGTGTTTTTG	GACGGGGACT	GCCAAAATCC
TGTGGTCTCT	ATGTTTTGCT	GCTAACCATTA	AGGGCTGTGA
GGTCAGGGAC	GCAGASTGAT	CTTCCAGAAG	GTTAAAGAGT
ACTTTGATAG	TTGGGCTGCT	GTTTGGCTGA	GTTTCCCTC
GAGCTGGTCA	TTGTGGCTCC	CCTGAGGGTT	CCCTTGGATC
TGGCAGGACT	GGGCACTTGG	AGTCTTSCAT	GCCAAAATCA
GGTCTCTGAT	GGTGGTTGAA	AACTGTAAAT	GAACAGGTTT
ATTGAGCTTC	ACTATATTGT	TGCTAAACTG	GCAGCTCCCG
TCCTTGTGIG	TACCTTATGT	CATAGCTTCT	GGTGTGTTTC
GAAATGAAAA	ACTTASTTCA	TGCGCGGATT	TATCCATTTT
ATGGCAATTT	TGCTCTTCCA	AGTCCGCGAG	TTTAAAGCGCC
GACAAATACC	TTGTGGGTCA	ACGACTGGTG	AACTACGAAC
TCATCTTCAG	CACCTTCAAA	GTCAATCCAA	GAATAAAGTA
TTCTCTTTTA	CATGTCTTTT	TTTGTGGACT	TCTCTCTTTG
CTTACGCTTG	TTTTTAAGTT	AAATGTATTT	GACTTGTGTT
GGTGTAAAGT	TCTTGTGTTT	TCCTTGGATC	TTCTGACATT
TATGTGTAAA	TACAAATTTT	TTTATAGCTT	AAAGCTTTGG
TACATCTTTA	AAACAAATGT	ATATTAAATTT	ATTAAATCTA
CTGCTGTGAT	CTGACAGGGA	AACTGGCCAC	AGAGCAGTAG
GTACGCTTTT	GTGGAAGGCA	GTTTCAIGATG	TCTTAGCAGC
ATTCTTTTCT	TCTTGGCTAT	TCAGACCTTA	CCAAGAACGT
CAGCAGTGA	GTGTGTGTGG	TAAGAAAACA	TGAACCTTTAT
PAGAAATTTAT	TTTGTATAAC	ACCAAGGCTG	TTGTACATTT
ATTTGTCTGT	TTTTTAAATA	TTGTATAGTA	TCTTGTGCTA
TTTTGTATAAT	TTAATATTCC	TAGTGTGATC	AGCATTGGGA
CTCTATACTT	AGAGAAAAAA	AGTCCAAATG	AAGATTTTCA
			TGAGTCAGCC

60  
12  
140  
240  
300  
360  
420  
480  
540  
600  
660  
720  
780  
840  
900  
960  
1020  
1080  
1140  
1200  
1260  
1320  
1380  
1440  
1500  
1560  
1620  
1680  
1740  
1800  
1860  
1920  
1980  
2040  
2100  
2160  
2220  
2280  
2340  
2400  
2460  
2520  
2580  
2640  
2700  
2760  
2820  
2880  
2940  
3000  
3060  
3120  
3180  
3240  
3300  
3360  
3420  
3480  
3540  
3600  
3660  
3720

CCCTCAGCCT	AGACCAAT	CCCTCTCTTT	CCACACACAA	CTATCTCTTT	ATTTTCTTA	3384
GCATGTCCT	AAATTCCTGC	AAGTTCATAA	ATCTTTTACA	GTGACATCAC	CAACTGTAAT	3384
GCATCTTACT	GAATTTAGGA	CTTCTGAGAT	CTTGTGTAAG	TATAGATGTG	TTTGTGCTCT	3384
TAGATTGACA	GCATTAGAGA	AGACTGGTTA	GAACATCTGG	TCTCCTTGGT	TAGTGGCTCT	3384
TTGGCTGAGG	ACTAGGTGTG	CATTTCTCCT	AGCTTTTCAT	CAGGAAATCT	CAAAATTTCT	4020
AAAGCTTTTT	TTTTACAGAA	TAAAACTTCA	AATAAAACCA	ATTCTATTAT	TGTCTAGAGG	4080
GAACTTTTGG	TGAGCTGGCT	TTTTAACATA	GGATGTATT	TCGTGCAAAA	CATTTCTGAA	4140
AATCTCAGAG	AACTGAACTT	TTACAAACTT	TCTTTTCCCT	CATAACCAAA	GCTTCACTTT	4200
AGAACTTTAG	AAAAATAGAA	TGCTTGGGTA	TATGATCTAA	ATGTTTAAAT	CTAAAGCTAT	4260
ATCTTAAGGG	TAGTCTTTCT	TTTTGAAGGA	TAATTTAGAA	GTTCTCATAG	AAAGCTGATA	4320
ACATAGGTCT	TCAGAACTA	TAAAGGAATT	TTCATATAGT	ATTAAATCTC	ATAACTATAA	4380
ATCTCAGAA	TTTTTAACAT	ATGCAAGTCA	CCCAACATA	AGCTACCAAA	ATAAGAGCA	4440
ATGTCTTCTG	GCTGTTTTAT	ACTTCAACAA	TTTTTTCCCT	AAGTGGTAA	CAATTACTCT	4500
AAAAATATTT	TTTTAAACA	TCGGTATCGG	GAGCTGCGGT	GGCTCCGGCT	GCTTGTCTCT	4560
GCACACAAGT	AGGCGAGGCT	ATGCGTTTGA	GGCAACCTA	GGCAAAATTT	G	4611

Name: 263

Len: 3074 Check:

F6A

CCGCTCTCTG	CTGGGGGGGA	GGCCATGGCG	GAACCTTCCC	AGGCCCGGAG	CCGGGCCCTG	60
GCTGCGCAGC	CCCGCTCTCT	TCACTCCCTA	GGCCCTGCCC	CAACTCCTAG	TCTGTGCTCT	120
AGCCCGGCTT	CAGCCCTGAT	TCCGACTCCC	ACCCCGGCTC	CAGCCCTCTG	CCCAGCTGCA	180
GGCCCGGCTG	GCAGCAGAGG	GACTGGGGGG	CCCGGGGTAG	GAACTGGGGG	GGCCCGGAGC	240
GGGGGGGATC	CGGCTCGGCT	TGGCTGAGGC	CAGCAGCAGC	GCGCCAGTCA	GAGGAAGGCG	300
CAAGTCCGGG	GGCTGCCCCG	CGCCCAAGAG	CTTGAGAAGC	TAGGGGTCTT	CTCGGCTTCT	360
AAGGCAATG	GAACCTGTAA	GTGTAATGGC	TGGAAAAACC	CCAAGCCCTG	CAGTGCACCT	420
CGCATAGATC	TGCAGCAGGC	AGCTGCCAAC	CTGAGTGAGC	TGTGCCGCTG	TTGTGAGCAT	480
CCCTTGGCTG	ACCACGTATC	CCACTTGGAG	AATGTGTCTG	AGGATGAGAT	AAACCGACTG	540
CTGGGGATGG	TGCTGGATGT	GGAGAATCTC	TTCATGTCTG	TTCACTAGGA	AGAGGACACA	600
GACACCAAGC	AGGTCTATTT	CTACCTCTTC	AAGCTACTGC	GGAAATGCTT	CCTGCGATG	660
ACCCCGGCTG	TGGTGGAGGG	GTCCCTGGGG	AGCCCTCCAT	TTGAGAAACC	TAATATTGAG	720
CAGGGTGTGG	TGAACCTTGT	GCACTACAAG	TTTGTCTACC	TGGCTCCCTG	GGAGCGGCTG	780
ACGATGTTGG	AGCTCTCAAA	GATGTTCTTG	CTCTGCCTTA	ACTACTGGGA	GCTTGAGACA	840
CCTGCCAGT	TTCGGCAGAG	GTCTCAGGCT	GAGGACGTGG	CTACCTACAA	GGTCAATTAC	900
ACCAGATGGC	TCTGTTACTG	CCACGTGCCC	CAGAGCTGTG	ATAGCCTCCC	CCGCTACGAA	960
ACCACTCATG	TCTTTGGGCG	AAGCCTTCTC	CGGTCCATTT	TCACCGTTAC	CCGCGGCGAG	1020
CTGCTGGAAA	AGTTCCGAGT	GGAGAAGGAC	AAATTGGTGC	CCGAGAAGAG	GACCTCTATC	1080
CTCACTCACT	TCCCCAAATT	CCTGTCCATG	CTGGAGGAGG	AGATCTATGG	GGCAAACTCT	1140
CCAATCTGGG	AGTCAGGCTT	CACCATGCCA	CCCTCAGAGG	GGACACAGCT	GGTTCCCCCG	1200
CCAGCTTCAG	TCAGTGCAGC	GGTTGTTCCC	AGCACCCCCA	TCTTCAGCCC	CAGCATGGGT	1260
GGGGGAGCA	ACAGCTCCCT	GAGTCTGGAT	TCTGCAGGGG	CCGAGCCTAT	GCCAGGCGAG	1320
AAGAGGAGGC	TCCCAGAGAA	CCTGACCCTG	GAGGATGCCA	AGCGGCTCCG	TGTGATGGGT	1380
GACATCCCCA	TGGAGCTGGT	CAATGAGGTC	ATGCTGACCA	TCACTGACCC	TGCTGCCATG	1440
CTGGGGGCTG	AGACGAGCCT	GCTTTCCGGC	AATGCGGCCC	GGGATGAGAC	AGCCCGGCTT	1500
GAGGAGGGGC	GGGGCATCAT	CGAGTTCCAT	GTCATCGGCA	ACTCACTGAC	GGCCAGGGCT	1560
AACCGGGGGG	TGTTGCTGTG	GCTCTGTGGG	CTGCAGAATG	TCTTTTCCCA	CCAGCTGGCG	1620
CGCATGGCTA	AGGAGTATAT	CGCCCGCCTC	GTCTTTGACC	CGAAGCAGAA	GACTCTGGCC	1680
TTGATCAAA	ATGGGCGGGT	CATCGGTGGT	ATCTGCTTCC	GCATGTTTCC	CACCCAGGGC	1740
TTCACTGAGA	TTGTCTTCTG	TGCTGTCAAC	TCTGAATGAG	AGGTCAAGGG	TTATGGGACC	1800
CACCTCATGA	ACCACCTGAA	GGAGTATCAC	ATCAAGCACA	ACATTCTCTA	CTTCTCTACC	1860
TAGGCTCAGC	AGTACGCCAT	CGGCTACTTC	AAAAAGCAGG	GTTTCTCCAA	GGACATCAAG	1920
GTGCCCCAGA	GCCGCTACCT	GGGCTACATC	AAGGACTACG	AGGGAGCCTC	GCTGATGGAG	1980
TGTGAGCTGA	ATCCCTGCTAT	CCCTACACAG	GAGGTGTCCC	ACATCATCAA	GAAGCAGAAA	2040
CAGATCATTA	AGAACTTCTG	TGAGCGCAAA	CAGGCCCCAG	TCCGCAAGGT	CTACCCGGGG	2100
CTTACCTGCT	TCAAGGAGGG	CTTGAGGCA	ATCCCTGTGG	AGAGCTGTCC	TGGCATTTGA	2160
GACACAGGCT	GGAACTCATT	GGGGAAGGAG	AAGGGGAAGG	AGCTGAAAGG	CCCTGACCTG	2220
CTCTACAGAA	CTCTCAAAAA	CTTGTGCTGG	CAAACTCAAGT	CTCAGCCCTG	TGCTTGGGCT	2280
TTCTAGGAGC	CTGTGAAGAA	GTGGAAGGCT	CCTGACTACT	ACGAGGTCTT	CCGCTTCCCT	2340
ATTGACCTGA	AGACCTATGAC	TGAGCGGCTG	CGAAGCCGCT	ACTACGTGAC	CCGGAAGGCT	2400
TTTGTGGGCT	ACCTCAGGCG	GCTCATCGCT	AACTGTCTGG	AGTACAACCT	CCCGGACCTG	2460
GACTATGGCT	GCTGTGGGAG	GGCCCTGGAG	AAGTTCTTCT	ACTTCAAGCT	CAAGGAGGGA	2520
GGCTCTCATG	ACAACTAGGC	CCATCTTTGG	GGCGCAGGCT	TGACTTGGAA	TGTCTCCACC	2580
TTGGATTTTG	ATCTGATCTT	TAGGGGGTCT	CTTGGGCTCA	TGGAGCGGAC	TCAGCTTGA	2640
ATACTTCAGC	CAAAGGCTCT	CTGGAAGGCT	TCTGTGAGCT	CTTTCTGGAT	CTTCAAGGAC	2700
CCCAAGGCT	GCAGCTCTGT	CTCAGGCTTC	ACTGTGTGTG	AGAAGTCTCT	TGGGTTGGGG	2760
CCAGGCTCT	CTAGATAGC	TGGTGGGCTG	GGATGAACCT	TGCTCAGGCT	TGGTGGGCTC	2820



AGTTT	TTTGA	TAGATAACTG	TTCTGGAGG	TGATAGAACT	AGTCATGGAG	TTTGATGAGA	3480
CATCTCTTGA	AAAGSACTGA	ACTGTTGACT	TCTGGTTAGA	AGTCTTTTGG	GCAGTACAT		3540
AAAATAATGA	GCAGTGGAGAA	ATCAGGAGAA	ATTATGACTC	CTGTTGGGCT	TTCTGGACTA		3600
GCATTGTATG	TTTTTGGGTT	GCAGAAAAST	TTTAACACCA	CCTCTTAGAA	TATAAAAAAT		3660
TTCCAGTTGT	CATGGAGGTC	CACAGATTCA	TTACCATGGG	TTTATATGTC	CAAAGCAACA		3720
ACAGAGGACT	TAAGTTCAAT	TTGTGATACT	GTATGGATGT	TACCCCATCC	TATTCAGTTG		3780
TCATTCCATC	CAAAACCATG	IGTAGGTTTC	CACATGGAAA	GGAGAAAGCA	TCCATTCCAC		3840
CTAAGATATG	AATAGTGATA	ATAAGCTAAA	AGTGGGCAGA	TTTTCAATGG	AGCAAGAGCA		3900
GAATATATGG	GGCAAAAGAT	BTITCTGAT	TGGTTTTGCT	CTTTTAGAAT	GCAGTGGGGA		3960
GAGTTTATGT	AGATTTTCAA	AACTTTCTCC	CTCTTAAAGG	CATCATAATG	CTCTGGTTTT		4020
TGATAACAA	TGACATAAAG	GGAGGTTGAC	TTAAATGGG	AATTTCTCCT	TCCAAAAATG		4080
CTACACTCTT	CTATCCATC	CTACAGCTTC	TTTATGAAAT	GAGAGGCCCT	CCTGCTAGAA		4140
TATGAATGC	AGAAGACCTC	ATGACTTTCA	GCTGATTTTT	CAAAGATAAA	GTGAAGTGT		4200
CAGCTTCATA	GAAATTCATG	CGAGTGTGAC	TGAACGTGTG	TGCATACACA	CTCGTGACAC		4260
TTGGACTCAT	TTGGGCAGTT	TTAAAAGCTT	CACACTAAAT	CCAAAAGCCTC	CTCCTTTGGG		4320
TGSTATGTAG	TGTTTTGTAA	AATCAATTTT	TGGCTTCTGA	GTCTCCTGG	TCATATCTCT		4380
AGCAATGTTT	TTCTTGAAAT	TCTGAAATG	ATTCACATAT	GTGTGTACAT	TTAATTCACT		4440
TAGATATCT	GTAAACTTGG	ATGGTATTTA	TTCTAAATGG	GGAAAAAAT	TTTATATGGA		4500
AAATCTATG	TAATTTATAA	TGGTTTTGTT	TTATATATTA	TATTTTCATA	TCTCTAGGGC		4560
TCATCTATCC	TCATCTTTTT	GTATACCATA	CTTAGCAAAA	AGAAATACTA	ATACTTGAAT		4620
AAAACTCTTA	GGAAACCAAC	GTGATACATG	TGATATATAG	CTTCTAGAAA	TGCTCTAAA		4680
AACTCTTGAA	TGTCTCATCC	ATCCCAAGCA	TTATTGTGCT	GTGTCAATTAT	GTCCAGAATG		4740
ATTTGTCTTG	GATGCTTATG	AGCATTTGTT	TTTCACAACT	AAGGTTGAAA	GACCTGACAT		4800
CTCACAATA	GGGTTCTGG	AATTCCTCTT	TCCTCCTTTA	TCTGTTTTTA	TTGTTTGTTT		4860
CATTTTTAAT	TGCAACAGTC	TATGTTGTG	AACTTTTGT	TTGAAGGGCA	AATGTGAGAT		4920
AAAGAGAAAG	CAATGTGATG	GAAAGACTGG	ATGAATTTAC	CTATGGCTAT	GTAAATTTAT		4980
TTRATGGACT	GATAAGATGT	TTCAAGTCTC	ATGCTTGGAT	CTTTATTTAT	TGGTGAATCTA		5040
GGATCTGCTC	AGCTCTTTAG	CACATGAAGA	AAATCAGGTA	CAAAGGACAT	TTGCATGTTT		5100
GGAAAGAGAT	GCTCTAAGCC	CCGTGCAGCC	AACACAAATT	AACCTGACTG	TAGAAAACCC		5160
AATTCAGCT	GCTGGAAGAA	ATGGTTTAGA	AAGGCAAACC	AGATACCTTT	TATTCTGCCC		5220
TAGGAATAC	AGTGTGTATC	AGTGCTAAAA	CTCTTCAGTG	GCAGTCACTG	TGGTTCTTTT		5280
AACTGGGGAT	TTCTTTTCAG	TGTTTCATTT	GGTACCAAAA	CAGAACATTT	ACCTTACATT		5340
TCAGATACTC	TGTTTTCTCA	GCATTGTTCA	GATACTTTCC	TTTACCGCTC	TTACGTACCC		5400
CTTTTGGCAT	TGAGTAATTC	TATAAATGTT	TCTATCCTTG	GTTTTTAAAC	CAAGTTATTC		5460
ATACTCTTAA	AATATCTACC	AAATCTCATT	GTATTTTCAC	ATATTTTGAG	CATCAAGATA		5520
CTGGTCATTT	TAAAAAATCC	TTCAAGTAAAT	AGCACAGTTT	ATTTTCTTAA	TGACATTTTT		5580
AGGTTTTCTT	CATTGATCAA	CCAGGTTTGG	GTTACACAAA	TCAATTGTGG	GGGAAAAATC		5640
AAATAAAACA	ATTGCTTATT	ATATTTTCCA	AAGGACTGAG	CATTTATCTT	TTATTCACGA		5700
AGATATCATA	TGAGGATGAT	AATGATCTTT	AACAGATTTT	TTAGAGATAG	AATTTATAAA		5760
GAGGCTGATA	CTAAGAATAC	TACAATCAAA	ATTGAAGCTA	GAGAATGTAA	AAATAGAAAG		5820
TAAATAGTTC	TAAGAATATT	CTGGCATAAA	TTATTTTTAT	TTAGCCAATA	AAATAGCCTC		5880
CAAAATGTATA	TCTCAGACAC	CATAGAGCTG	CTAACAATGA	GAATCAAGGA	AGATGCTTGC		5940
ACTTAGATTT	CGTTTGTGTT	ATTTTCAGTAG	TTCTGGATGT	CCTTTGTAA	AATTGCAAAA		6000
TGGAAAAATG	TCTCGACAGA	AATGTCAATC	TGGTGATTCT	GTGAAGTGA	AAATGTTTAC		6060
TTTTAAAAAT	AAAGTTGTAA	ACAAGTTACT	CATATAAGTT	GGTATTACAG	TAGCAAAAC		6120
AGAAARCCAT	GTGATCCATC	CTGTATTTTG	ATTGATGCTT	TAATAAAGGG	TTTGCACAGC		6180
TGTG							6184

Name: 365

Len: 4359 Check: 2395

GAGGTGGGGA	CTCACAATTC	CTGATGGGCT	TGTTTCTGCA	GGCTGGCGGG	AACACATGGA	60
ACGAGGTGGG	AGTTTGAAT	TTGATTTTCT	AGATAGAGAT	GATGAACGGG	GTTACCGAAG	120
GTTTGGTCT	GGCAGTGGGA	GCATAGATGA	TGACAGGGAT	AGCTTGGGCG	AATGTTGCTT	180
AGAGGATGCT	GAAGAAAGAA	TGGGTACATT	TGACTCATCT	GGAGCATTC	TTCTCTTAAA	240
AAAGGTAGAG	AAAGAGGCTA	TTCCAGAGGA	GTAGGAGATG	GACTTCCGGC	CTGTGGACGA	300
AGGGGAGGAG	TGCTCTGACT	CTGAGGTAG	CCATAATGAA	GAGGCCAAAG	AACCCGATAA	360
GACAAATAAG	AAAGAAGGAG	AGAAAACAGA	TAGAGTAGGA	GTGAAAGCTA	GTGAGGAAAC	420
TCCCCAGAGC	TCATCATCAT	CTGTAGAGCC	AGTACTCTCT	TCAAGCCATC	AGTCTCAGGA	480
AGCATCAGAG	TTTGAGAGGA	AAATAGGAAC	AAAAACTGAG	CAAAAGGAAA	AAGCTGAAGA	540
GGAGACTGGG	ATGGAAAAAT	GTCTAGCAAC	CAAGTGGGCT	AGCAGAGGGG	ATGAAATGCT	600
TGCTGATGTC	CAGCAGGCTC	TCTGGCAGAT	TGCTTCAGAT	ACAGGCTCTC	CTCTTCTCAT	660
ACTTTCAGCT	CTGTTTTCCA	ATCTTAGTCT	TACTCTGGG	CCAGTTGAAA	CACCAAGTTG	720
AGGTGCTCT	GTATGGGGCA	GTGTTTCCAC	AGAACTGAT	GATGAAGAA	GTCTCAAGCA	780
TTTGGAGCAG	CAAGCTGAGA	AAATGTTGG	TTATCTCTAA	GACAGTGAC	TAGATGATGA	840
AAGATTGGCA	TCAAAACTGC	AAGAGCACAG	AGCTAAAGGA	GTGTGATTC	CATTGATGCA	900



CGAGGCAATG	CGAGGCAATG	ATTACAAAGA	TCCTCAAGA	GAAATTCAG	CTCCTTCAG	345
TAAACAAGAG	ATGGCAGAA	GGTTTCAGG	GGGCTATTT	ACTATGTCT	TATTGGTGAA	1010
GAAATCTTNT	GATGAAAGCT	TCCAACTCT	TGGGATATC	ATGAAAAAT	GAGGAAAGGT	1087
TCTTTTCT	CCAGGTCCAG	CTCGCTCTC	TCATATGGGA	GAGCTGGACC	AGGAAAGACT	1144
GAGGAGGAG	TAAGAACTCA	CAGCCTTATA	CCAGATGCA	CACTGCACT	ACCAGCAGTT	1233
TTTAATACAA	CAACAATATG	CACAGCTTTT	GGCCCAACAG	CAGAAAGCAG	CACTGTCTTC	1260
CGAGGAGGAG	CAGCAGTTGG	CACTTCTTCT	TAAACAGTTT	CAGACCTTCA	AGATGAGAA	1320
ATCTTATAG	AACATCATTC	CTCAGTAA	TAGGTCTGTG	TCCGTGCCAG	ATACTGGCTC	1380
TATCTTGGAG	CTTCAGCCAA	CAGCTTCACA	GCTACABT	TGGGAAGGTG	GTAGTCTATG	144
GGATTTCTCT	CTGACACCA	CAGACCCAGG	CTCTCCCTTG	GAACAGCTTC	AGCAGCTAGA	1520
GAAGGCCAAA	GCTGCAAAAG	TAGAGCAAGA	GAGAAAGAG	GCAGAAATCA	GGGCAAAACG	1580
GGAAGAGGAA	GAGGCAAAAG	GGCAGGAAGA	ACTCCGAAGA	CAACAGGAGG	AAATTCCTTG	1620
GCGACAGCAG	GAAAGAGAAA	GGAAAAGGCG	AGAGGAAGAA	GAACCTTCCCT	GAAGGAAACA	1680
GGAAGAGGCT	CTGCTGCGCC	AGCGGGAGCA	AGAAATTGCA	TTAAGGCTAC	AGCGAGAAGA	1740
GGAAGAAAGA	CAGCAGCAAG	AAGAAGCTCT	TAGAAGACTG	GAAGAGAGGA	GAAGAGAAGA	1800
GGAAGAAAGG	CGGAAGCAGG	AAGAATTGTT	ACGCAACAG	GAAGAGGAGG	CTGCAAAATG	1860
GGGCTGGGAA	GAAAGAGAA	CCGAGCTCTG	ATTAGAGGAG	AACCGGCTGC	GGATGGAAGA	1920
GGAGGCACTC	AGCTTCCGG	ATGAGCAAGA	AGAAAGGAA	AGAAAGGAGC	TGGAGGTCCA	1980
CGGCGAGAG	GAGTTAATGC	GCCAGAGGCA	GCAGCAGCAA	GAGGCTCTCC	GGAGGTTGCA	2040
CGAGCAGTCC	AATACAACAG	CATGTCAGTC	CCAGGCCCAG	CTGTCTGTGG	CTGAAATCCA	2100
AAAAGTAGAG	GAAAGACGAG	AACGGCAGCT	TCGAGAAGAG	CAAAGGCGCC	AGCAGAGGGA	2160
GTGATGAAA	GCTTTTCAGC	AGCAGCAGCA	ACAGCAACAG	CAGAAACTCT	CAGGTTGGGG	2220
GAATGTCAGC	AAAGCTTCAG	GTACACGAA	ATCTCTTCTG	GAGATCCAGC	AGGAAGAGGC	2340
CAGGCAAAATG	CAAGAGCAGC	AGCAGCAGCA	GCAGCAACAC	CAGCAACCAA	ACAGAGCTCG	2400
TAAACAATAG	CATTCCAAAC	TGCACACCCAG	CATTGGGAAT	TCTGTTTGCG	GCTCTATAAA	2460
TACTGCTCT	CCTAACCACT	GGGCATCTGA	CCTAGTCAGT	AGTATTTGGA	GTAATGCTGA	2520
CCTAAAAAC	TCCAAATGG	GATTCTGGGA	TGATGCACTG	AAAGAGGTGG	GACCTAGGAA	2580
TTCACAAAT	AAAAATAAAA	ACAACGCCAG	TCTCAGTAAA	TCTGTAGGTG	TGTCTAACCG	2640
GCAGAATAAG	AAAGTAGAAG	AAGAAGAAAA	GTTGCTGAAG	CTCTTTTCAG	GAGTAAATAA	2700
AGCCCAAGAT	GGATTTACGC	AGTGGTGTGA	ACAGATGCTT	CATGCCCTTA	ATACGGCAAA	2760
TAACTTGGAT	GTTCCACAT	TTGTTCTCTT	CCTGAAAGAA	GTAGAATCTC	CTTATGAGGT	2820
CCATGATTAT	ATCAGGGCCT	ATTTAGGAGA	TACTTCTGAG	GCCAAGGAGT	TTGCCAAGCA	2880
GTTCCTTGAG	CGCCGTGCCA	AACAGAAAGC	CAACCAGCAG	CGTCAGCAGC	AGCAGCTGCC	2940
ACAGCAGCAG	CAGCAGCAGC	CGCCACAGCA	GCCGCCACAG	CAGCCACAAC	AGCAGGACTC	3000
TGTGTGGGGG	ATGAACCACA	GTACACTCCA	TTCACTATTT	CAGACCAATC	AAAGCAACAA	3060
CCAACAATCC	AATTTTGAGG	CTGTGCAGAG	TGGCAAGAAG	AAGAAAAAGC	AGAAGATGGT	3120
CCGAGCAGAT	CCCAGTTTAT	TAGGATTTTC	AGTCAATGCA	TCATCGGAGC	CACTCAACAT	3180
GGGTGAAATC	GAGACGTTGG	ATGACTACTG	AGCACCTGCC	AGTGGACTGG	CCATCCCTCT	3240
CTGTCTGTGC	GACTATGGAG	TCTCCACCTT	TGGACACAAC	ACTTACTCAC	CATTTACTCT	3300
TTATCACTCT	GCAACAAATC	ACAGAACCGA	TCATCTCAGG	CTTTTCTTTC	TGGCCCTTTG	3360
TGTCCAGAT	TCTTTAATCC	ATTTTGTG	GTGAACATCT	CAGACTATAG	ATAAGTGGAC	3420
TGGACCTCT	GTCTTGGGGG	TGGCAGTTGG	GATTACTCCC	CAACAAGGCT	GATTTTAGGC	3480
AGCATGTGTT	CACCTGTCTG	TGATTTTATC	TACTGTCTCC	CAGAAAGTGT	GTGGGATCG	3540
GCCATTAGCA	GCTTGTCTTC	TCTGTCTACT	TCTTTCTTTC	TATTTTGTG	TCTCTCTTTC	3600
TTTTTCCCCC	CATCAGGGCA	AATGGTCTAA	CTGGTGCAAT	CATGAAGAGA	GTTAATGGTT	3660
PACAGCAAT	GGCAATAAAC	AAAACACCCC	ATGGACTGTG	ACTCGAGTAT	CCAACAGGCA	3720
GTCAAGGCTC	TCCCTGTCTG	AAAGTTGCAT	TGCCACTGCT	AACTTTGGGA	TGCAATCAGA	3780
GAGGCTCTGA	GTGGGTTTGA	GATGAGGTTG	GTGGGTTTGG	ATGTTACACA	CTCCTCACT	3840
GTCTTTTCTG	AGTGTCTCTT	CTCTGAAAGG	ATTTATGTTT	TTCTTCTTCA	GATAGTGACT	3900
TCTGAGCAAG	CTGATCTCCC	CTGGCATGCT	CCAACCTGAT	TGACAAAGG	AGCTCTATG	3960
GCTGAGGAGA	GAGATATTC	TTAATTTTTC	TTCTTTACAA	AACTGATTT	TCCCATATAA	4020
TATTTTACT	TGAGAGGACT	AGGACCATTT	TGTTTTGGGC	CTTCTGTCTG	AAAATTTGTC	4080
TGTTTTAAAG	GGCAGCTAGA	ATCTTTACCA	TATGATGAA	TTTGTATAAT	TTTATTTTTG	4140
GATAGGATA	AACTTTTGTCT	TCTGATAAAA	GCCTGGAATT	TCATCTGTCT	CTCAGAGCAT	4200
TGCTGTGTGT	PCTTGTCTGA	GGCCGGAATA	GTTTTTGTGT	AAAGATTCTG	GGATGGCAAG	4260
TTGTTTGCT	TTTTTGAAAA	GAGAACATAC	AGAACTGTCT	CATCTTTAAG	ACCTTCATCC	4320
ATGGAATCTA	CTATACAGGA	GGATGCACTG	GGCTGAGGCG	GATGGGCGAA	AATGGGAGCA	4380
GGAGGCTCTG	CCTGCTCTCT	GCTCATGGCC	TCTTAAACCC	TTAACTTTCA	AGTAGAAATG	4440
TACTCAAGCC	CTATTTATAA	ACAAATACTT	TCTCTGCTCT	CACCAAAACC	CTACAGAAC	4500
TCACTGGA	TTTCCACTCA	CCTGCTGTG	GATCATTTGG	GCAGCTGTCT	CTGTGAGAGA	4560
GCTGCTGTGG	TCTGGGCAGC	CCCTGGAATA	GCACCTTTGG	TGCTGTCTAT	TGTTGCTGTA	4620
AGAAGGCTGG	AGTTGCTCTG	AGAGCAGTTT	GGTTTTGGAG	TATTATATTT	GGCTTCTATT	4680

TTTATTATTT	TBBATCAGUA	NTSTGCTAT	CTTTTCTTCT	CTGCTGCTCT	TCTAAACATG	4710
TCTAATAAAT	ATACAGAGAC	TGCTACAAAA	TTGTATATAG	CTTTTGGATC	AAATAGCATG	4800
A3GGGAGAGG	AAACCATTA	AAGTTGGGGC	TCCTACTCTC	CTTTGCTTTG	TAAATTCAAA	4850
A3TTTGGGGT	GGSTAAGAGG	GATAGTTAAA	ATGTTTACAA	AACTTTAGGC	TCCCTCGGAA	4900
CTTTTGGCCG	TGTGGAGGAA	AATAAAAAAG	AACTTAAAT			4950

Name: 265      Len: 5676      Check: 1D2F

GSATGCTTGA	GGGCACTGGT	GCGACTTTCA	GGTGAGGTCT	TAGCAGATGA	AAGGGGCTGG	60
CTGTGGCDOG	CGCCAGTAGT	GCTTCTGCTC	CCGCACTGCG	CGTGAGCCAG	GTGTGCAADC	120
GGATTTG3GG	CGAGGGTCTC	GCTGGCTACC	TCGCACTGCG	AGAGCCGGAA	GCCCGCTGAC	180
CGGACTACAG	CTCCAGAAAG	AGCTTTCTGG	AGGCGGAGAA	CGGGAAGCGG	CTGGGCGCAT	240
CTTGAATCT	GATCTCTCAT	CCCGGAGGCT	TTGCTCTCTG	CGGGGCGGCT	GCTGCTGCTC	300
CGGGAGGCGA	GTCTGCTAAA	AGGGGAGGAC	GTTGAGGAAG	CGGGGCGCTG	CGGGAGAGAG	360
AGCTGGG3AG	AGCATGGGCA	GGGTGCGGAG	GCGGCTCTGG	CTCTCTCTAC	TCAGCATCTT	420
CTTAG3GCTT	TCCAGCGCCG	CCCCCTGCCC	GAGGGGCTGG	GCTGACGGCT	CTGGTACCCG	480
GAGTCGGGCG	GGGGGSCAGG	GGCGCGCCCC	TGCAGAGTGG	GGACCCCACT	GGGCTGTGCC	540
ATGCTGACCG	GASACCAACG	AGGCGGGAGA	CAGAGCGCGG	CGAAGAGCCA	TTGAGTGGTC	600
ACCCAGATTG	CGCGGCGGCG	GCGGCTCTGG	GAAGCTTGCC	ACCCGCTAGG	AGGGAAGATG	660
AAGGAGATTT	GCA3GATCTG	TGCCCGAGAG	CTGTGTGGAA	ACCAGCGGCG	CTGGATCTTC	720
CACAGGGGCT	CCAGGCTCAA	TCTCCAGGTT	CTGCTTTCTG	ACGTCTTGGG	CAAGGATGTC	780
CCCCGGGATG	GCAAGGCCGA	GTTGCTTCTG	AGCAAGTGTG	CTTTCATGCT	TGATCGAATC	840
TATCGATTCT	ACACAGTTAT	TGCCCGGATT	GAAGCGCTTT	CTATTGAGCG	CTTGCAAAAAG	900
CTGCTACTGG	AGAAGSATCG	CCTCAAGTTC	TGCATTGCCA	GTATGTATCG	GAAGAATAAC	960
GATGACTCTG	GCGCGGAGAT	CAAGGCGGGG	AATGGGACGG	TTGACATGTC	CGTCTTACCC	1020
GATGGGAGAT	ACTCTGCACT	GCTCCAGGAG	GACTTCGCTT	ATTCAGGGTT	TGAGTGGTGG	1080
GTGGAGAATG	AGGATCAGAT	CCAGGAGCCA	CACAGCTGCC	ATGGTTACAG	AGGCCCTGGA	1140
AACCGACCCA	GGAGATGCCG	TGGTTGTGCG	GCTTTGCGGG	TTGCTGATTCT	TGACTATGAA	1200
GGCATTTGTA	AGTATCTCTG	AAAGGTGGCC	AGAAGTATCT	CGTGCGGGCC	TTCTAGCAGG	1260
TGGTGGACCA	GCAATTGCACT	TGAAGAACCA	GCGTTGTCTG	AGGTTGGGCG	ACCCGACTTA	1320
GCAAGCACAA	AGGTACCCCG	AGATGGAGAA	AGCATGGAGG	AAGAGAGGCG	TGGTTCTCTT	1380
GTGGAACTCT	TGGATGCAAG	CGTCCAGGCT	AGCCCTCCAC	AACAGAAA3A	TGAGGAGACT	1440
GAGAGAAAGT	CAAAGGAACT	TGGAAAGTGT	GACTGTTGTT	CAGATGATCA	GGCTCCGCGAG	1500
CATGGGTGTA	ATCACAAAGCT	GGAAATTAGCT	CTTAGCATGA	TAAAGGTCTT	TGATTATAAG	1560
CCCATCCAGA	GCCCCCGAGG	GAGCAGGCTT	CCGATTCCAG	TGAAATCCAG	CCTACCTGGA	1620
GCCAAGCCTG	GCCCTAGCAT	GACAGATGGA	GTTAGTTCCG	GTTTCCTTAA	CAGGTCTTTG	1680
AAAACCCCTTT	ACAAGACACC	TGTGAGTTAT	CCCTTGGAGC	TTTCAGACCT	GCAGGAGCTG	1740
TGGGATGATC	TCTGTGAAGA	TTATTTGCCG	CTCCGGTCTC	AGCCCATGAC	TGAAGAGTTG	1800
CTGAAACAAC	AAAAGCTGAA	TTACATGAG	ACCACATAAA	CTCAGCACTC	TGTATCTGAT	1860
TCCCACTTGG	CAGAACTCCA	GGAAAAAATC	CAGCAAACAG	AGGCCACCAA	CAAGATTCTT	1920
CAAGAGAAAC	TTAATGAAAT	GAGCTATGAA	CTAAAGTGTG	CTCAGGACTC	GTCTCAAAAAG	1980
CAAGATGGTA	CAATTCAGAA	CCTCAAGGAA	ACTCTGAAAA	GCAGGGAAAG	TGAGACTGAG	2040
GAGTTGTACC	AGGTAATTGA	AGGTCAAAAT	GACACAATGG	CAAAGCTTCG	AGAAATGCTG	2100
CACCAAAAGCC	AGCTTGGACA	ACTTCACAGC	TCAGAGGGTA	CTTCTCCAGC	TCAGCAACAG	2160
GTAGCTCTGC	TTGATCTTCA	GAGTGCCTTA	TTCTGCAGCC	AACTTGAAAT	ACAGAAGCTC	2220
CAGAGGGTGG	TACGACAGAA	AGAGCGGCAA	CTGGCTGATG	CCAAACAATG	TGTGCAATTT	2280
GTAGAGGCTG	CAGCACACGA	GAGTGAACAG	CAGAAAGAGG	CTTCTTGGAA	ACATAACGAG	2340
GAATTGGGAA	AAGCCTTGCA	GCAGCTACAA	GAGAATTGCG	AGAATAAGAG	CCAACAGCTT	2400
CGTGCCCTGG	AGGCTGAAAA	ATACAATGAG	ATTGGAACCC	AGGAACAAAA	CATCCAGCAC	2460
CTAAACCCATA	GTCTGAGTCA	CAAGGAGCAG	TTGCTTCAGG	AATTTGCGGA	GCTCTACAG	2520
TATCGAGATA	ACTCAGACAA	AACCTTTGAA	GCAAATGAAA	TGTTGCTTGA	GAAACTTCCG	2580
CAGCGAATAC	ATGATAAAGC	TGTTGCTCTG	GAGCGGGCTA	TAGATGAAAA	ATTCTCTGCT	2640
CTAGAAAGAGA	AAGAAAAAGA	ACTGGGCTAG	CTTGGCTCTT	CTGTGAGAGA	GCGAGATCAT	2700
GACTTAGAGA	GACTGGCGGA	TGTCTCTCTC	TCCAATGAAG	CTACTATCCA	AAGTATGGAG	2760
AGTCTCTTGA	GGGCCCCAAG	CCTGGAAAGT	GAACAGTTAT	CTACTACCTG	TCAAAAACCTC	2820
CAGTGGCTGA	AAGAAAGAAAT	GGAAACCAAA	TTTAGCCGTT	GGCAGAAGGA	ACAAAGAGAT	2880
ATCATTCAGC	ACTTACAGAC	GTCTCTTCAT	GATAGGAACA	AAGAAGTGG	GGATCTTAGT	2940
GCAACACTGC	TCTGCAAACT	TGGACCAAGG	CAGACTGAGA	TAGCAGAGGA	GCTGTGCCAG	3000
CGTCTACAGC	GAAAGGAAAA	GATGCTGCAG	GACCTTCTAA	GTGATCGAAA	TAAACAAATG	3060
CTGGAACATG	AAATGGAGAT	TCAAAGGCTG	CTTCAGTCTG	TGAGCACCAG	GGAGCAGGAA	3120
AGCCAAAGCTG	CTGCAGAGAA	GTTGCTGCAA	GCTTAAATGG	AAAGAAATTC	AGAATTACAG	3180
GCCCTGCGGC	AATATTTAGG	AGGGAAGAGC	TCCCTGATGT	CCCAAGCACC	CATCTCTAAC	3240
CAACAAGCTG	AAGTTACCCC	CAGTGGCCCT	CTTGGAANAAC	AGACTGATCA	AGGTTCAATG	3300
CAGATACCTT	CCAGAGATGA	TAGCACTTCA	TTGACTGCCA	AAGAGGATGT	CAGCATACCC	3360
AGATCCACAT	TAGGAGACTT	GGACACAGTT	GCAGGGCTGG	AAAAAGAACT	GAGTAATGCC	3420



AAAGAGGAGC	TTAACTCAT	GGTAAAAAA	GAAAGAGAAA	ATGAGATGGA	ACCTTCTGCT	3420
CTACAGTCCA	TGATGCTGT	GCAGGAAGAA	GAGCTGCAGG	TGCAGGCTTC	TGATATGGAG	3540
TCTCTGACCA	GGACATACA	GATTAAAGAA	GATCTCATAA	AGGACCTGNA	AATGCAACTG	3600
GTTGATCCTG	AAGACATAAC	AGCTATGGAA	CGCTTGACCC	AGGAAGTCTT	ACTTCTTCGG	3660
GAAAAAGTTG	CTTCAGTAGA	ATCCCAGGGT	CAAGAAATTT	CAGGAAACCG	AAGACAAACG	3720
TTGCTGCTGA	TGCTAGAAGG	ACTAGTAGAT	GAACGGAGTC	GGCTCAATGA	GGCCTTACAA	3780
GCAGAGAGAC	AGCTCTATAG	CAGTCTGCTG	AAGTTCCATG	CCCATCCAGA	GAGCTCTGAG	3840
AGAGADTGAA	CTCTGCTAGT	GGAACTGGAA	GGGCTTCAGG	TGTTACGCAG	TGGGCTAGAA	3900
GAATTTCTTG	GAAGAAGCTT	GGAGCGCTTA	AACAGGCTGG	AGACCTTGCT	CGCCATTGGA	3960
GCTGCAGCTG	CAGGGBATGA	CACCGAAGAT	ACAAGCACTG	AGTTCAATGA	CAGTATTGAG	4020
GAGGAGGCTG	CACACDATAG	TCACCTAGCA	CTATAGCTTC	AGAAGCATTT	TACTTTGAAA	4080
GACGATGGAT	ATATTCCCTT	TGGGCTTTTT	GTAAGTGAAA	CGCACACACG	AAGACAGGGA	4140
GTCTATGAA	GGCTGCTGGG	GGAGGTGGCA	GGGCGGAGGA	CCTGCTTGCG	AAGAAACTCC	4200
AAGAAGATTG	GAATGCTTCC	AAAGCAAGAA	TCTTTCTCAG	TGAAATCTCA	TTATACAAAG	4260
AGAACCTTAT	GCAACTTGAC	AAACCACTGA	GGTCATGGTG	ACTCAGTGAT	CAGCAGATGG	4320
TACTTCAACA	GCAATCCCTT	GTCAAACCTC	AGAAGTTGAG	GCTGAAACAT	TGCTTCCACG	4380
CACCATCAGT	GAAGATGTAA	CTAGCATGTT	ACAAGAGTGA	ATAATCTGGA	CTTCAGAGAT	4440
TAAGTCAACA	ATAGTGAATC	CACAAGCACT	CACCGGAACT	CGTATAATCT	CTCCACTTTG	4500
TCCATGCCAT	TTAGCAATCT	CATCTCCTAA	ATGCACTGTG	CCTATGATTC	TTAAGGAGAA	4560
AGTGAATCAT	TGGTAGATAT	CCTGCACAAG	CAGCTGGACT	TTCCAGTAAT	AGCTTTCTTG	4620
GGGCTATTAG	GAATAATTAA	CAAGAAATGA	GGCTTTCTGG	GTCTGCCTGT	ATGTCTTCTG	4680
DATAAGACAA	AGAAGAGACA	TCGAATCAAC	CAATAAGAAG	AGCCCAAATA	AGCATCCTCA	4740
AATCTTTTGG	GATTTGGCAC	TTGGGGACAT	GAGTAGTTGT	CTGGGATACG	TCATATTCTC	4800
AACAGTTTCT	TTGTAAGTAG	AGGATCACCT	TCTTATAATA	GGATCACCTT	CTTGTTGCTA	4860
TAGCTGTAAC	CGACCTTCCC	TTCTCCCTTG	AGTGCTTGCA	TGAGCTCCAC	TTTTCTTTT	4920
GCTTGAACAG	CTCTCTCTGA	GTCTCTCTTA	CGATGCTTGG	TGACTTTAAT	TATATACATC	4980
TCTGTCCCTC	CAGACAGATC	CCTCTGCTCT	CACCTCTCTGA	TTTCATTGAG	GATCTTGCTG	5040
GAGAGAGAGG	GACCTGCAGG	ATGAACAAAT	GTCTACTCTA	AGACAGCTAG	ATTGGGAGGT	5100
TGGCTGCTCA	CTGATGGTTA	TAATGACTGT	GGGACAGGAT	TAACTTCAGA	ATAAATGAAC	5160
AGGAGACACA	GATATGAAGA	AAGTTTCTGA	TTGATATGGT	CTGAAGTACT	CCTGGTATTG	5220
CAAGTCATTT	GCTCTAATTC	TCAATTGTAG	GCAAACCTGAT	TTGTAAATTT	GCTTCTTCAG	5280
CCTTCTTTCC	TGTAGCCTAG	CATGGAGAAT	CTGACCAGAC	CCCATTTTGA	GAAGGTCAGC	5340
CTACACTGGA	ATGAACCTTT	TACATTAGGG	CATTTGTATT	TCCCTCACAA	TACTTGCCAC	5400
ATTACTTGGC	ATAGGAGAGA	TGCTTAGTGT	AATTATAAGT	TAACAAGCCT	TTGGATCAGG	5460
GCTTGACTCA	TGATAGACAA	AGTATATGCC	TGCTGGATGG	AAGAATCTCT	TGGGCGAGCA	5520
CCATTTTCTC	TTCCATCACC	TTTTCTTGAA	AATATATCTT	CAGCTTTGGG	TAGGAGGAAT	5580
CTTGGTGTAT	GAAATCATTG	CAAATTTACT	TCATCTTTTC	TGGAGTTTGA	AGTTGTGACT	5640
CTCCTGCTAC	CAATTAATAA	AAGCTTACTT	TGCCAT			5676

Name: 267

Len: 2483 Check: C86

TGGAGTTTGA	CTATTCTGAG	GACAAGAGTA	GTTGGGACAA	CCAGCAGGAA	AACCCCTCTC	60
CTACCAAAAA	GATAGGCAAA	AAGCCAGTTG	CCAAAATGCC	CCTGAGGAGG	CCAAAGATGA	120
AAAAGACACC	CGAGAAACTT	GACAACACTC	CTGCCCTCAC	TCCCAGATCC	CCTGCTGAAC	180
CCAATGACAT	CCCCATTGCT	AAAGGTACTT	ACACCTTTGA	TATTGACAA	TGGGATGACC	240
CCAATTTTAA	CCCTTTTTCT	TCCACCTCAA	AAATGCAGGA	GTCTCCCAAA	CTGCCCCAAC	300
AATCATACAA	CTTTGACCCA	GACACCTGTG	ATGAGTCCGT	TGACCCCTTT	AAGACATCTT	360
CTAAGACCCC	CAGCTCACTT	TCTAAATCCC	CAGCCTCCTT	TGAGATCCCA	GCCAGTGCTA	420
TGGAAAGCCAA	TGGAGTGGAC	GGGGATGGGC	TAAACAAGCC	CGCCAAGAA	AAGAAGAGCC	480
CCCTAAAGAC	TGACACATTT	AGGGTGAAAA	AGTGCCTAAA	ACGGTCTCCT	CTCTCTGATC	540
CACCTTCCCA	GGACCCACCC	CCAGCTGCTA	CACCGAGAAC	ACCAACAGTG	ATCTCTGCCT	600
TGGTCCACGC	TACAGATGAG	GAAAAGCTGG	CGGTCAACCA	CCAGAAGTGG	ACGTGCATGA	660
CAGTGGACCT	AGAGGCTGAC	AAACAGGACT	AACCGCAGCC	CTGGGACCTG	TCCACCTTTG	720
TAAACGAGAC	CAAAATTCAGT	TCACCCACTG	AGGAGTTGGA	TTACAAGAAC	TCCTATGAAA	780
TTGAATATAT	GGAGAAATTT	GGCTCTCTCT	TACCTTAGGA	CGACGATGCC	CCGAAGAAAG	840
AGGCTTTGTA	CTTTATGTTT	GACACTTCTC	AGGAGAGCCC	TGTCAAGTCA	TCTCCCGTCC	900
GCATGTCAGA	GTCCCCGAGG	CCGTGTTTCA	GGTCAAGTTT	TGAAGAGACT	GAAGCCCTTG	960
TGAACACTGC	TGGGAAAAAC	CAGCATCCTG	TCCCAAGAGG	ACTGCCCCCT	AACCAAGAGT	1020
CACACTTGCA	GGTCCAGAG	AAATCCTCCC	AGAAAGAGCT	GGAGGCTATG	GGTTTGGGCA	1080
CCCTTTGAGA	AGGATTTGAA	ATTACAGCTC	CCGAGGGCTC	CTTTGCTCTT	GCTGAAGGCC	1140
TCTTCAGCAG	GCTAGCTCAC	CCCGTCTCTC	TCTGTGCTGC	ACTTGAATAT	CTGGAGCCCC	1200
ACTTAGTACA	AAAGAAACCC	CCACTATTGG	CTCAGAAACT	CCAGAGAGAG	GCTGTTTACC	1260
CAACAGAGCT	CTCCATCTCC	AAAACAGCCT	TGACTCCCG	CATCGGACCC	GCTGAGGTGG	1320
AGAAACCTGC	AGGCTTTCTG	TTCCAGCAGC	CCGACCTGGA	CTCTGCCCTC	CAGATCGCCA	1380
GAGCAGAGAT	CATAACCAAG	GAGAGAGAGG	TCTCAGAAAT	GAAAGATAAA	TATGAAGAAA	1440

ATGAGTATGAA	ATGATGAGAA	ATGAGTAAAA	TATGAGTAAA	ATATGAGTAA	ATATGAGTAA	1580
AGATGATAGA	AGATGATAGA	AGATGATAGA	AGATGATAGA	AGATGATAGA	AGATGATAGA	1580
TTCTGAGAGG	TTCTGAGAGG	TTCTGAGAGG	TTCTGAGAGG	TTCTGAGAGG	TTCTGAGAGG	1620
TCTTCAGAGG	TCTTCAGAGG	TCTTCAGAGG	TCTTCAGAGG	TCTTCAGAGG	TCTTCAGAGG	1680
TGTTGAGAGG	TGTTGAGAGG	TGTTGAGAGG	TGTTGAGAGG	TGTTGAGAGG	TGTTGAGAGG	1740
AGGCGCTGAA	AGGCGCTGAA	AGGCGCTGAA	AGGCGCTGAA	AGGCGCTGAA	AGGCGCTGAA	1800
TTGAGAGGAA	TTGAGAGGAA	TTGAGAGGAA	TTGAGAGGAA	TTGAGAGGAA	TTGAGAGGAA	1860
TGAGAGTGA	TGAGAGTGA	TGAGAGTGA	TGAGAGTGA	TGAGAGTGA	TGAGAGTGA	1920
CGAGAGTGA	CGAGAGTGA	CGAGAGTGA	CGAGAGTGA	CGAGAGTGA	CGAGAGTGA	1980
TTGAGAGTGA	TTGAGAGTGA	TTGAGAGTGA	TTGAGAGTGA	TTGAGAGTGA	TTGAGAGTGA	2040
GAGAGTGA	GAGAGTGA	GAGAGTGA	GAGAGTGA	GAGAGTGA	GAGAGTGA	2100
ATTTGAGTGA	ATTTGAGTGA	ATTTGAGTGA	ATTTGAGTGA	ATTTGAGTGA	ATTTGAGTGA	2160
CCTAGTGA	CCTAGTGA	CCTAGTGA	CCTAGTGA	CCTAGTGA	CCTAGTGA	2220
CTCTAATGAA	CTCTAATGAA	CTCTAATGAA	CTCTAATGAA	CTCTAATGAA	CTCTAATGAA	2280
GAGAGTGA	GAGAGTGA	GAGAGTGA	GAGAGTGA	GAGAGTGA	GAGAGTGA	2340
AGTGTAAAT	AGTGTAAAT	AGTGTAAAT	AGTGTAAAT	AGTGTAAAT	AGTGTAAAT	2400
AAATAAAT	AAATAAAT	AAATAAAT	AAATAAAT	AAATAAAT	AAATAAAT	2460
AAAAAAAT	AAAAAAAT	AAAAAAAT	AAAAAAAT	AAAAAAAT	AAAAAAAT	2480

Name: 268 Len: 4143 Check: 130F

GGCTGATGAT	GAGTGGTGGC	CAATGCAGAT	ACTAATTAAG	TGCTGATGAT	AAATTTGTGAG	60
ACAGATGTTT	GAGCGTTTGT	GTATCCATGT	GATTCAGAGG	CTGAGAGCTG	TGCTGCTCA	120
TCTCTATTTG	GAGCCAGGAA	TGGAAGATGG	GTCAGATGAT	ATGATAGCTT	CAGTAGAAGA	180
TATTTGTTGT	TGTTTCATGT	TCACTCGCTT	TGTGAGAGCT	CTGTTATTAA	TTATGGAACA	240
TGCTGTAAAT	CTCTCAGGTA	AACATCTTAC	AGAGTATTTT	GCCTTCCTTT	AGGATTTTGC	300
AAAAATGGGT	GAAGAAGAGA	GCCAAATTTT	GCTTTGATTT	CAAGCTATAT	CTACAATGGT	360
ACATTTTATC	ATGGGAACAA	AAGGACCTGA	AAATCTCTAA	CTTGAAGTGT	TATCAGAGGA	420
AGAAGGGGAA	GAAGAAGAGG	AGGAAGAAGA	TATCTCTCTT	CTGAGAGGAA	AAAAATACAG	480
GCCAGCTGGC	CTTGAAGAGA	TGATAGCTTT	AGTTGCTCTT	TTGTTTGAAT	AGTCTCGATC	540
AGAAGGGGAT	TTGACATTAT	CACAGACTGA	CATGGCAGCA	TTACAGGAGG	GAAAGGGGAT	600
TCCCTTTCTG	TTTCAACATA	TTCGTGATGG	CATCAATATA	AGACAAACTT	GTAATCTGAT	660
TTTCAGGCTG	TGTCGATACA	ATAATCGACT	TGCAGAACAT	ATTGATCTTA	TGCTTTTTCAC	720
ATCAATAGCA	AAGTTGACTC	CTGAGGCAGC	CAATCCTTTC	TTTAAGTTGT	TGACTATGCT	780
AATGGAGTTT	GCTGGTGGAC	CTCCAGGAAT	GCCTCCCTTT	GCATCTTATA	TTCTGCAGAG	840
GATATGGGAG	GTGATTGAAT	ACAATCCTTC	TCAGTGTCTA	GATTGGTTTG	CAGTGCAGAC	900
ACCCCGAAT	AACTGGGCAC	ACAGCTGGGT	CTTACAGAAT	ATGSAAGACT	GGGTGAGCGG	960
GTTTCTTTTG	GCTCACAATT	ATCCTAGAGT	GAGGACTTCT	GCAGCTTATC	TTCTGGTGTG	1020
CCTTATACCA	AGCAATTCAT	TCCGTCAGAT	GTTCCGGTCA	ACAAGGTCTT	TGCACATCCC	1080
AACCCGTGAC	CTTCCACTCA	GTCCAGACAC	AACAGTAGTC	CTACATCAGG	TCTACAACGT	1140
GCTGCTTGGT	TTGCTCTCAA	GAGCCAAACT	TTATGTTGAT	GCTGCTGTTC	ATGGCACTAC	1200
AAAGCTAGTG	CCCTATTTTA	GCTTTATGAC	TTACTGTTTA	ATTTCCAAAA	CTGAGAAGCT	1260
GATGTTTTTG	ACATATTTCA	TGBATTTGTG	GAACTTTTTC	CAGCTTAAAC	TTTCTGAGCC	1320
AGCAATAGCT	ACAAATCACA	ATAAACAGGC	TTTCTTTTGA	TTTTGTTTGA	ATGCTGTGTC	1380
TGAGTGTCCA	GAGAATATCC	GCCTTATTGT	TCAGAACCCA	GTGTTAATCA	AGAATATTGC	1440
CTTCAATTAC	ATCCTTGGTG	ACCATGATGA	TCAGGATGTC	GTGTTTTTTA	ACCGTGGGAT	1500
GCTGCTGAGG	TACTATGGCA	TTCTGAGGCT	CTGCTGTGAG	CAGTCTCTTG	CATTACACAG	1560
ACAGCTGGGT	TCTCACCAGA	ACATCCAGTG	GGCCTTTTAA	AATCTTACAC	CACATGCCAG	1620
CCAATAGCTT	GGAGCAGTAG	AAGAAGTGT	TAACTGATG	CAGCTGTTTA	TAGCTCAGAG	1680
GCCAGATATG	AGAGAAGAGG	AATTAGAAGA	TATTAAACAG	TTCAAGAAAA	CAACCATAGG	1740
TTGTTACTTA	CTTGCTTAG	ATGGCCGCTC	CTGCTGGACT	ACTTTAATTA	GTGCTTTTCA	1800
AATCTATTAT	GAATCTGATG	AACACAGACT	TCTTGTGTTA	TTTAATGAGG	GATTGATTCT	1860
AATGACAGAG	TTTTTCAACA	CTTTGCACAT	GATGATGATC	GAAGCTACAG	CTTGCCATCT	1920
GACTGAGAGT	TTAGTAGAAT	TTCTGTCAAT	ATTTCTTTCT	TTTTTGAAGT	CTACAGGCCC	1980
TTATCTTTAG	AAAAAAGATG	TGAAACAGGC	ATTAATGAGG	TTTTAGGAGC	GAATTGAATT	2040
TGCTTATAAA	TTGTTAACTC	TTCTTAATTC	CTATAGTCTT	TCAGAACTTA	GAAATGCTTG	2100
TATAGATGCT	CTCAAGGAAT	TTGATCTTTT	GAGTCTCTAT	GATTTTCTTC	ATACTCTGGT	2160
TGCTTTTCTA	CAGACAAAGC	ATTGTAATTA	CCATCAGAGT	AATATACCAA	TGCTCTTTGG	2220
ACCTTATTTG	CTTGTCTGAG	AAAAATATCA	GATAATAGGA	GGGAAAGGCA	ATATTGGGCT	2280
TGCTGCTGCT	AACTCAATA	TGCTCTCTTT	GCTTCAATTC	GTGGAAGGCA	CTAAGGGGCA	2340
AGATGAGGTT	TATGATCTGA	TGCTCTTAGA	CTACTTCTTT	TTTATCATTC	AGTTTCATCA	2400
TCTATTATGC	TGATTTGCAA	TCAACTGTGA	AAAATTTACT	GAAACATTAG	TTAAGCTGAG	2460
TGCTCTAGTT	CTTATGAAAG	TTTGGCACT	TCATCTTGCA	CTGTTCTTCA	AACTTTGGAC	2520
TGAGCTATGC	GAGACTCAGT	CTGCTATGTC	AAAAAACTGC	ATCAAGCTTT	TGCTGTGAAGA	2580
TCTGTTTTTC	GCAGAAATATA	TAAATGTAT	CCTAATGGAT	GAAAGAACTT	TTTTAAACAA	2640

TAACATTCTC	TACACCTTCA	TGACACATTT	TTTTTAAAG	TTTCAAATC	AACTTTTTC	1720
TGAAGCRAAC	TGTGCAATT	TGATCAGCAC	TTTTATTATA	AACTTGATAA	CCCACTATCA	1760
GAACCTACAG	TCTGATTTCT	CCAAACGAGT	TGAATTTTCT	AAAGAAAGTC	CTTCTTTAAA	1820
TGGGACCTC	AGGGCACTCG	CTTTGCTCCT	GTCATACAC	ACTCTTAAAT	AGTTAAATCC	1880
AGCTCTAAT	CCAACTCTGC	AAGAGCTTTT	AAGCAAATGC	AGGACTTGT	TGCAACAGAG	1940
AAACTCACTC	CAAGAGCAAG	AAGCCAAAGA	AAGAAAAACT	AAAGATGATC	AAGGAGCAAC	2000
TCCCATTTAA	AGGGGGGTG	TTAGCACTGA	TGAGGAGCAC	ACTGTAGACA	CTGTGATCAG	2060
TGACATGAAA	ACAGAAACCA	GGGAGGTCTT	BACCCCAACG	AGCAATTTCT	ACATGAGAC	2120
CAGACCTCTC	TCAATTATG	ATCTAGGAAC	TGACCAAGAT	CTTCTTTTCC	CTGAAATAG	2180
TTCTGTAAAA	GAATACCGAA	TGGAATTTCT	ATCTTCTGTT	TCAGAAAGACA	TGTCAATAT	2240
CAGGTCAACG	CATGCAGAAC	AACAGTCCAA	CAATGCTAGA	TATGACBATT	GTAAAGAAAT	2300
TAAAGACCTC	CACTGTTTCA	AGGATTTCTAC	CTTAGCTGAG	GAAGAATCTC	AGTTCTCTTC	2360
TACTTCTATC	TCTGCACTTC	TGTCTGACTT	AGCTGACTTG	AGAAGCTGTG	ATGGCCAAAGC	2420
TTTGGCCTCC	CAGGACCTTG	AGGTTGCTTT	ATCTCTCACT	TGTGGCCATT	CCAGAGGACT	2480
CTTTAGTCTAT	ATGCAGCAAC	ATGACATTTT	AGATACTCTG	TGTAGGACCA	TTGPACTAC	2540
AACTCATCTC	GTCACAAGGA	TATCTGGCAA	AGGAAACCAA	GCTGCTTCTT	GACATTAAGT	2600
GTAGCATCTC	TACTTTTTAAG	TCCCTCACCC	CCAAACCCCA	TGCTGTTTTT	ATAAGTTTTG	2660
CTTATTTCTT	TTTGTGCTTC	AGTTTGTCTC	GTCTCTCTG	CTTGAATGTC	AAGATAGATT	2720
TATAGGCTTA	ATTCTTGGTC	AGGCAGAACT	TCAGATGAAA	AAAACTTTGA	TCTTCAGTAT	2780
ACTTCTTAAA	GGGCAATCAG	ATAATGGATA	TGTTTTATGT	AATTAAGACT	TCACTTTAGT	2840
GGCTTTCTAT	TAATATGGCT	GTCTGGGAAG	AACAGGGTTG	CTTAGCCCTG	TACAAATGTA	2900
TTTTAACTTA	CAGCATTTTT	ACTGTGTATG	ATATGGTCTC	CTCTGTGCCA	GTTTTGTACC	2960
TTATAGAGGC	AGATTGCCCTC	CGATCGCTGT	GGTTCTTATT	ATCAAAATTA	AGTTTACTTG	3020
TATACGGGAC	AACCACRAGA	AATTTGATTC	TGTAAAGAAT	CTCTTTTASC	TGTGGGCTGG	3080
CAGTATATTA	ATGGTGCTTT	ATTTAACAGA	ATACCTGTGG	AGGAAATAAA	GCACACTTGA	3140

TGT  
 Name: 269 Len: 1605 Check: 1799  
 AATGCCGAGA GGATGGAGAG CATCCTGCAG GCACCTGGAGG ATATTCAGCT GGATCTGGAG 60  
 GCACTGAACA TCAAGGCAGG CAAAGCCTTT CTGCTCTCTCA AGGCGCAAGT CATCCAGATG 120  
 CSAAGACCTCT TCTTGGAGCG CAGAGACCTC ATCATCCAGC ATATCCAGG CTTCTGGGTC 180  
 AAAGCATTTC TCAACACCCC CAGAATTTCA ATTTTGTATCA ACCGACGTGA TGAAGACATT 240  
 TTCCGCTACT TGACCAATCT GCAGGTACAG GATCTCAGAC ATATCTCCAT GGGGTACAAA 300  
 ATGAAGCTGT ACTTCCAGAC TAACCCCTAC TTCACAAACA TGGTGATTGT CAAGGAGTTT 360  
 CAGCGCAACC GCTCAGGCCG GCTGCTGTCT CACTCAACCC CAATCCGCTG GCACCGGGGC 420  
 CAGGAACCCC AGGCCCCGTC TCACGGGAAC CAGGATGCGA GCCACAGCTT TTTCACTGG 480  
 TTCTCAAAAC ATAGCCTCCC AGAGGCTGAC AGGATGCTG AGATTATCAA GAATGATCTG 540  
 TGGSTTAACC CTCTACGCTA CTACCTGAGA GAAAGGGGCT CCAGGATAAA GAGAAAGAAG 600  
 CAAGAAATGA AGAAAGCTAA AACCAGGGGC AGATGTGAGG TGGTGATCAT GGAAGACGCC 660  
 CCTGACTATT ATGCAGTGA AGACATTTTC AGGAGATCT CAGACATTGA TGAGACAATT 720  
 CATGACATGA AGATCTCTGA CTTTATGGAG ACCACCGACT ACTTCGAGAC CACTGACAAT 780  
 GAGATACTG ACATCAATGA GAACATCTGC GACAGCGAGA ATCTTGACCA CAATGAGGTC 840  
 CCAACCAACG AGACCACTGA TAACAACGAG AGTGCTGATG ACCACGAAAC CACTGATGAC 900  
 AATGAGAGTG CAGATGACAA CAACGAGAACT CTTGAAGACA ATAACAAGAA CACTGATGAC 960  
 AATGAGAGTG ACCCTAACAA CAACGAGAACT ACTTACGGCA ACAACTTCTT CAAAGGTGGC 1020  
 TTCTGGGGCA GGCATGGCAA CAACCGAGAC AGCAGCGACA GTGACAATGA AGCAGATGAG 1080  
 CCACTGATG ATGAAGATAA TGATGGCAAC GAAGGTGACA ATGAGGGCAG TGATGATGAT 1140  
 GGCATTAAG GTGACAATGA AGGCAGCGAT GATGACGACA GAGACATTGA GTACTATGAG 1200  
 AAGGTATTTG AAGACTTTGA CAGGGATCAG GCTGACTACG AGGACGTGAT AGAGATCATC 1260  
 TCAGAGGAT CAGTGGGAAG AGAGGGCATT GAGGAGGCA TCCAGCAAGA TGAGGACATC 1320  
 TATGAGGAG GAAACTATGA GGAGGAAGGA AGTGAAGATG TCTGGGAAGA AGGGGAAGAT 1380  
 TTGAGGACT CTACCTAGA GATGTGCTT CAGCTCCCAA AGGTTTGGG CAATGGGGG 1440  
 AAGAGGTTGA AAACCGGATA AGGTTTCTTC CTTTCTGGG ATCACTCTTC TGTATCCCTC 1500  
 AAGCACTATC CCAATTTGCC TCTCTCTAG CTAGGGCTAC GCGGACCCAC ATTGCACTTC 1560  
 TGGGGCTGTA CCACTTTCTT AACGGGTTT TTTT

Name: 27 Len: 421 Check: F84  
 AACGAAAGA ATGGGAATGA CAGTAATAAA CAAGATTTCC CCACTGAGTA TTGCAATGGG 60  
 AATGCAAGAG TCTTATCTTT GAAATTTAGA AAGGAAACAA CTCTGTTTCA AACAGTTAAA 120  
 TATGCAATCT CAAAAAATGA AGGTATTTTC AACTGCTACA TTTACTGAA GCTTATTCAT 180  
 TCTCTTCAAG ATDCCAATGA AGTACACGAT CTGCTTAGCT AAATAAGGTG GCACAGGCGC 240  
 TCACTCTCTG ATATGACAGG ACAGTTTCTC ATAAACTTAG ACTTCTGACC GCAGGCTCTC 300  
 AGTTTCAATT TCTCAGAGT CATCATCTCT ATCTGCGAG AGCAGTCTCT TGGAGCAACC 360  
 TATAAATCA TGCTGTACT TGTGTGCTC AAAGTTGGGG TCCATGACCA CNTCCAGGTG 420

Name: 171 Len: 2488 Check: 1206

GGCGGGAACA	GGCGTTTAGA	GAAGATGGCA	GACGATATTG	ATATTGAAGC	AATGTTTGAG	60
GCTGTTTATA	AGGAGGATGA	GAACAAATGG	AGCAATGGCA	ACGGGCAATG	AGAACTGAGC	120
AAAAAGAGGA	AAAAAGCAA	GAGCAGAAAT	CTAGTCAATG	AACGAAAGAG	AAGCAAAAGT	180
AAGGAAAGGA	AGCGAAATAG	AGACAGAGAA	AGGAAAAAGA	GCAAAAGGCG	TGARAGAAAG	240
CGAAGTAGAA	GCAAGAGAG	CGACGGAGC	CGCTCAAGAA	GTCGAGATTG	AAGATTTTGA	300
GGCGGCTACA	GAAGTCTTA	CTCGGGACCA	AAATTTAACA	GTGCAATCTG	AGGAAAGATT	360
GGTTTGGTTC	ATAGCATCAA	ATTAAGCAGA	CGACGTTCCC	GAAGCAAAAG	TCTATTTCAGA	420
AAAGACAAAG	GGCTGTGAG	AGAACTTATT	GATAATTTAA	CTGCTGAGTA	AAGAGATGCA	480
AGGATAGTCT	TCTGATGCA	GCTGGGGGCA	AGAATTCGAC	CAAGGGATTT	GAAGAGATTT	540
TTCTCTACAG	TAGGAAAGGT	TGGAGATGTG	AGGATGATTT	CTGATAGAAA	TTGAGAGCTT	600
TCTAAAGGAA	TTGCTTATGT	GGAGTTGGTC	GATGTTAGCT	CACTGCTCTT	AGCAATAGGA	660
TTAATGGGCG	AAGGAGTTTT	AGGCTGGCCA	ATCATAGTAC	AGGCATCADA	GGCAGAAAAA	720
AACAGAGCTG	CAGCAATGGC	AAACAATTTA	CAAAAGGGAA	GTGCTGGAGC	TATGAGGCTT	780
TATGTGGGCT	CATTACACTT	CAACATAACT	GAAGATATGC	TTGCTGGGAT	CTTTGAGCCT	840
TTTGGAAAGAA	TTGAAAGTAT	CCAGCTGATG	ATGGACAGTG	AAACTGGTGG	ATCCAAAGGA	900
TATGGATTTA	TTACATTTTC	TGACTCAGAA	TGTGCCAAAA	AGGCTTTTGA	ACAACCTAAT	960
GCATTTGAA	TAGCAGGAAG	ACCAATGAAA	GTTGGTCATG	TTACTGAAAG	TACTGATGCT	1020
TGCAATGCTA	GTTTCAATTTT	GGACAGTGAT	GAACTGGAAA	GGACTGGAAT	TGATTTGGGA	1080
ACAACCTGGT	GTTCTCAGTT	AATGGCAAGA	CTTGACAGAG	GTACAGGTTT	GCAGATTCCG	1140
CCAGCAGGAC	AGCAAGCTCT	ACAGATGAGT	GGCTCTTTGG	CATTTGGTGC	TGTGGCAGAA	1200
TTCTCTTTTG	TTATAGATTT	GCAACAAGA	CTTTCCCAGC	AGACTGAAGC	TTGAGCTTTA	1260
GCTGCAGCTG	CCTCTGTTCA	GCCACTTGCA	ACACAAATGT	TCCAACCTCT	TAACATGTTT	1320
AACCCCTCAA	CAGAAGAAGA	AGTTGGATGG	GATACCGAGA	TTAAGGATGA	TGTGATTGAA	1380
GAATGTAATA	AACATGGAGG	AGTTATTCAT	ATTTATGTTG	ACAAAAATTC	AGCTCAGGGC	1440
AATGTGATG	TGAAGTGCC	ATCAATTGCT	GCAGCTATIG	CTGCTGTCAA	TGCATTGCAT	1500
GGCAGGTGCT	TTGCTGGTAA	AATGATAACA	GCAGCATATG	TACCTCTTCC	AACCTTACCAC	1560
AACCTGTTTC	CTGATTCTAT	GACAGCAACA	CAGCTACTGG	TTCCAAGTAG	ACGATGAAGG	1620
AAGATATAGT	CCCTTATGTA	TATAGCTTTT	TTTCTTTCTT	GAGAAATCAT	CTTGAGTTAT	1680
CTTTTATTTA	GATAAAAAATA	AAGAGGCAAG	GATCTACTGT	CATTTGTATG	CAATTTCTCTG	1740
TTACCTTGAA	AAAATAAAAA	TGTTAACAGG	AATGCAAGTG	GCTCATTCTC	CCTAAATAGT	1800
AAATCCCACT	GTATACAAAA	CTGTTCTCTT	GTTCTGCCTT	TTAAATGTT	CATGTAGAAA	1860
ATTAATGAAC	TATAGGAATA	GCTCTAGGAG	AACAAATGTG	CTTTCTGTAA	AAAGCCAGAC	1920
CAGGGATGTA	ATGTTTTTAA	TGTTTCAGAA	GCCTAAGTTT	TTACACAGTG	GTTACATTTT	1980
ACATTTCACT	AATGTTGATA	TTTGGCTGAT	GGTTAGCAG	TTTCTGAAAT	ACACATTTAG	2040
TGTATGGAAA	TACAAGACAG	CTAAAGGGCT	GTTTGGTTAG	CATCTCATCT	TGCATTCTGA	2100
TCAATTGGCA	AGAAAGGGAG	ATTTCAAAAT	TATATTTCTT	GATGGTATCT	TTTCAATTAA	2160
TGTATCTGTA	AAAGTTTCTT	TGTAAATACT	ATGTGTTCTG	GTGTGTCTTA	AAATCCCAA	2220
CAAAATGATC	CCTGCAATTC	CTGAAGATGT	TAAACGTGA	GAGTCTGGTA	GGCAAGCAG	2280
TCTGAGAAAG	AAATAGGAAA	TGCAGAAATA	GTTTTTGTCT	GGTTGCATAT	AATCTTTGCT	2340
CTTTTAAAGC	TCTGTGAGCT	CTGAAATATA	TTTTTGGGTT	ACTTCAGTGT	GTTTGACAAG	2400
ACAGCTTGAT	ATTTCTATCA	AACAAATGAC	TTTCATATTG	CAACAATCTT	TGTAAGAAAC	2460
ACTCAATAAA	AATCTCTTTA	AAAAGGCG				2488

Name: 271 Len: 1769 Check: 15BD

GGTTTCACCC	ATTAGCATTA	CTTACGTAGA	TAATTCCTTTA	TGCTAGTTA	TTATACATAT	60
TAATTTTAA	GGTATACATT	TAAATTACAC	AATTGTTTCT	TGTGTTTGT	ATCCCAAGAT	120
GTGTTGTGTT	TTTTAAAGA	TGCATAATAG	CTGAATGTAT	GCATGACTTT	GAAGAAATTT	180
AAATGGTGA	TTTTTTTCA	CCTCTTGTAC	ATTTTAAAC	CAGGCAAAAT	CTATTTGCCA	240
AGCAGGTGAT	CACATAATAAG	AAAAGCAGTT	TTTCTTTTAA	TTGCAATTTT	TGTTTATCTG	300
CCATAGAAAT	CCCTTATACT	GTGGCTTGGT	ATTATTCAG	ATTAGCTATT	TGGCTGGTAT	360
TACATCTTTT	TAAAGGCTA	TTATAAGATG	GTTAGCCTAT	AAGGCAATGT	TGCTCTCTCT	420
CTAATATTGG	CTTCATAAAG	GGTTTCTACT	GTAATTTCCG	CATATTACTG	TGTTTGTGTT	480
TTCTTTTSTG	GATATATAG	CAAAATGAGC	TTGGGTGATT	TTTATGGAGA	CAATAATTAG	540
ACAATACTGT	ATAATTAGTT	TTACTTAATA	GATTATCATC	TTGTGAGAG	AGATGTTTAA	600
AGSTGGTAAA	TCACCTCATA	TTACAAAACA	GTTTTTCACT	TAATATGTTA	ACATTGGGTG	660
CAATAATTTA	GTAGCATTAG	CTTTAGTTAC	AAATATAACT	GGATCTTTCT	GTTGACAACT	720
TAGCTTGTAT	GAGTTATGCT	TAAAGCTTCT	AAATCTGATG	TTTCTGTGAC	CTGCCACACT	780
ATGTTAGAAT	GGTCTCTTCA	AACATATCTT	CCTGCAACTT	CTCAAACTGT	ACTAAATTGA	840
TATTTCTTGA	AGTCTAACTC	TGTGCTAACA	GATCTCCATT	TTAAATAGAA	TAGGTTTTTA	900
ATTTTGTGATA	AGTGTCTGAA	TTTTAAAGAG	AGTTTTTTGG	GGCCACCAAA	TATTTTGGAT	960
CATGCAAGAG	ATATATATTG	TACTGTAGTA	ATTTTGTATT	TACATTTGTA	TGATGTGACA	1020
TAATAATGCT	GAATGTTAAT	CAGTCTTGA	CTATGTTAAT	AAAGTTGTTT	AACATAAAAA	1080
AAAAAAGAAA	AGCCAGGCTT	CCTTCAGATC	AATCCATCTA	TGCAAAATTTA	TGGGGAAAAA	1140

TTGTTTTTTTA	AATTAAATTT	CCATATACCCA	AGGCGTAAAA	TTGATGATG	TGACCCGAG	1251
TGTTCTCTTT	ACCTCTTGGC	CCACCAAAAC	AGGGATAGAG	ATAGATGGTG	GGCTGGAACA	1252
CTTTTAACT	CTTTATTTCC	CAAAAGACCT	TGCTTTGAG	TGTGTTGGCC	AGCTCTCTAG	1311
TTTATTTTA	CTATCTTTGG	CCAGGCTCTC	CTACCTAAGG	CTCTGCTCTT	AACTCTAGGG	1312
GGAGGAGTG	TTAGATCAGA	CCAGAGCTTT	CTCATCTCAC	CTCATCTACA	TCGGGGGAGG	1441
GGAGGCTCAG	GGGGGGGAA	CCAGGCTCTC	CTCATCTTTG	CCAGGCTCTG	CCGGGGGAGG	1511
GGGCTTACCT	TTCAAGAAAC	CTGAGCTCTC	AACTCTCTCT	GGCTCTCTCT	TTCTCTACAC	1512
CTCTCTTACT	CTCTTTTCTC	CTCTCTCTCT	GAAGGGCTTT	GTGAAGGAAA	TATTAGATTA	1601
CACTCTCTTA	TTTCAAGAG	CTCTCTCTCT	GGGGGGGAC	AGCTAGGCTT	GGGGGGGCTT	1611
GAGGAACTT	CTAGGATTTG	CTAGGATTTG	GGGAAAAACA	AAAAAGAAAT	AGAGAAAGAG	1741
AGAGCTGGTA	CTAAAAAAA	AAAAAAA				1742
Name: 172 Len: 5841 Check: 3F4						
GTCCAGAGTG	GTAGTAAAGG	AGGAGATGG	CGGGGTGCG	GGGGTCTCTG	TGCTGCTGCT	60
GCAGGCTGGTG	CTGCTGCTGC	GGTGAGCGTG	AGACCCGCAC	CCCCGAGGAG	CTGACCATCC	120
TTGGAGAAAC	ACAGGAGGAG	GAGGATGAGA	TTCTTCCAAG	GAAAGACTAT	GAGAGTTTGG	130
ATTATGATCG	CTGATCAAT	GACCTTTAC	TGGAGTTTT	GGAGACCATG	GATAATAAGA	240
AAGGTGGAAG	ATATGAGGCG	GTGAAGTGA	TGGTGGTGT	TGCCATTGGA	CTCTGCATG	330
GGCTGCTGGG	TTCTTTTCTG	GACTTTTCTG	TGCACTTTCT	CACTCAAACT	AACTTGGAG	340
TGGTACAGAC	ATGGGTGGAG	GAGTGGCAGC	AGAAAGGCTG	CTCTGCTCTG	CTCTCTCTG	420
AACTCTCTGG	TTTTAACTCT	ACCTTTTCT	TCCTGGCAAG	CTCTCTTGT	CTCATGAGC	430
CGGTGGGCG	AGGTTCCTGG	ATACCTGGAG	TCAAATGCTA	CTGAATGGC	GTAAAGGTGG	540
CAGGAATCGT	CTCTCTCTGG	ACCTGCTCT	GCAAGGTCT	TGGAGTGGTG	TTCAAGTGTG	600
CTGGAGGCT	CTCTCTGGGG	AAGGAAGGCG	CCATGATCCA	CAGTGGTCTG	GTGGTGGGG	660
CTGGCTCTCC	TCAGTTTTCAG	AGCATCTCT	TACGGAAGAT	CCAGTTTAA	TTCCCTTAT	720
TCCGAGGCGA	CAAGAGCAAG	AGAGACTTTG	TATCAGCAGG	AGGGCTGCT	GAGTTGCTG	730
TAGCTTTTGG	GGGGCTCAAT	GGGGGTACCT	TGTTTCTGCT	AGAGAGGCT	TGCTCTCTCT	840
GGAACTAAAG	CTCTCACTGG	AAAGTCTCT	TTTCTCTCT	GTCTCTCACT	TTCACTCTCA	900
ACTTCTTCTG	TTCTGGGATT	CAGTTTGGAA	GCTGGGGTCT	CTTCCAGCTC	CTGGGATTGG	960
TGAACCTTTG	CTAGTTTAA	TGCTCTGACT	CTGATAAAAA	ATGCTCTCT	TGGACAGCTA	1020
TGGATTGGG	TTTCTCTGTC	GTGATGGGG	TCATTGGGG	CTCTCTGGGA	GCCACATTCA	1030
ACTGCTGAA	CAAGAGGCTT	GCAAAGTACC	GTATGGGAAA	CGTGCACCCG	AACTCAAGC	1140
TCCTCAGAGT	CTTAGAGAGC	CTCTTGTGT	CTCTGGTAA	CACCTGGGTG	GTGTTTGTGG	1200
CTCTGATGGT	GTAGGAGAA	TGCGACAGA	TGCTCTCTTC	GAGTCAAATC	GGTAATGACT	1260
CATTCCAGCT	CCAGGTACAG	GAAGATGTGA	ATTCAAGTAT	CAAGCAATTT	TTTTGTCCCA	1320
ATGATACCTA	CAATGACATG	GCCACACTCT	TCTTCAACCC	CAGGAGTCT	GCCATCTCTC	1380
AGCTCTTCCA	CCAGGATGGT	ACTTCTAGCT	CCGTCACTCT	GGCTTGTCT	TTGTTCTCT	1440
ATTTCTTGCT	TGCTCTTGG	ACTTACGGCA	TTTCTGTTCC	AAGTGGCTTT	TTTGTGCTTT	1500
CTCTGCTGTG	TCAGGCTGCT	TTTGGAGCTT	TAGTTGCCAA	TGCTCTAAA	AGCTACATTG	1560
GATTGGGCGA	CATCTATTCT	GGGACCTTCT	CTCTGATTGG	TGCAGCTGCT	TTCTTGGGG	1620
GGGTGCTCCG	CATGACCATC	AGCTCTCAGG	TCATCTGTAT	CGAGTCCACC	AATGAGATCA	1680
CTTACGGGCT	CTCTCATCTG	GTCACACTGA	TGGTGGCCAA	ATGGACAGGG	GACTTTTTCA	1740
ATAAGGGCAT	TTATGATATC	CACGTGGGCC	TGCGAGGCTG	GGGCTTCTG	GAAATGGGAG	1800
CAGAGGTTGA	AATGGACAA	CTGAGAGCCA	GCGACATCAT	GGGAGCTAAC	CTGACCTAGG	1860
TCTATCTGCA	CACCTGCTAT	CAGTCTCTGG	TGAGCATCT	GCGACCTACG	GTCCACCATG	1920
CTTCTCTGGT	CTCTCAGAG	AACCGGGTA	ACGAGAAGGA	GTTCATGAG	GGCAACCAAG	1980
TCTCTAGCAA	CTCATCAAG	TTCAAGAAAT	CCAGCATCT	CACCTGGGCT	GGGAGGAGG	2040
GCAAAAGGAG	CTAGTCTATG	AAGTCTTACC	CATCCAGGCA	GCTAGGGAAC	ATGTGTGATG	2100
AGCAATATGC	CTCTGAGGAG	CCAGCTGAGA	AGGAGGACCT	CTTGCAGGAG	ATGCTGGAAA	2160
GGAGATACAC	TTCTTAACCC	AACCTATACC	CTGACCACTC	CTTAAGTGA	GACTGGACTA	2220
TGGAGGAGCG	CTTCTGCTCT	CTGAGCTTCT	AAGGCTGAT	CTCTGCTCT	CAGCTTGTCA	2280
CTCTCTTCTG	CTGAGGAGTT	TGTTACTCTG	AAAGCTACTG	CTGAGCTGAG	CTGCTGCTCT	2340
TCTCTATCTG	CTGAGGCTCT	GAGGACTACC	CTGAGCTTCT	CTGAGCTTCT	GAGCTGCTCT	2400
TCATCTCTCT	CTGAGGCTCT	ATGATCTGAG	ATGCTTCTCT	ATGATCTGAG	CTCTGCTCT	2460
TGCTCTCTCT	CTGAGGCTCT	AACTCTCTCT	CTGAGCTTCT	CTGAGCTTCT	CTGAGCTTCT	2520
AACTCTCTCT	CTGAGGCTCT	CTGAGGCTCT	CTGAGCTTCT	CTGAGCTTCT	CTGAGCTTCT	2580</

GATTCGAGTTS A TACATAGA T TCAATGACT AGGTTTAGGA ATTGGGTAAT GAGAAAAATTG 3120  
 TCAATATTTC ASAGAGTCTT TCCCTTATTT TGGACTCTTA ACACGGTATC CTGGCTAGTT 3180  
 TGTTTTAAGG GAAATANTCT GTTCTGTGCT GTGASTAGAG GCTTGTGCTT TGCCTTGTGG 3240  
 TTTGACTTTC CTGAAACCA CCGCTCACCA GAAACATAAA GGATTAATAA TACACTAATA 3300  
 ACCCTTGGAT GGTAAATCTG ATAATAGGAT CAGATTTAAG TCTACCTTAA TCTTAAACAT 3360  
 TGGAGCTTTC TCTTATCTG CAGATTATTC CCAGTCTCCG AGTAACATCT TTCTACCTAG 3420  
 ATCTTITTTT ATTTCTTTAA GTTTTATCTT CCGTCTTCTT GATGAAGCAG GCGAGCTCA 3480  
 GAGATCTTTC GCAATACCTA TTAAGATTAG CTGAAAGCAG GCGACTCTTC TATAAAGCAG 3540  
 CTTTACTTAA GTTTTGGGAA TGCTATCATT TTTTTCCTAA AGTAAAGG AAGCACTTCT 3600  
 GAGCTAGTGA CCAATGAAAG STATGCTA TGATAAGCA GATGGCTAT TTSAGGAAGA 3660  
 GGTCTCTCTT CTTTACAAA CAGCTCTCTC TCCCTTGCAC TAGCTCTTCC AAGCTTACAT 3720  
 ACAGAGCTTC TTGAGGAGGG CTTCTCTGTC CCGAGGGAGG GTGCTTGGGG AAGATGCTTC 3780  
 CTGCGAGCAC GTTCTGAAG GTTTCACATG AAGCATGGGA AGCGCAGCCT GTCTTCACT 3840  
 GAGCTCATTC TTCTCCAGGC TGGGCGCGCC CTTCTGACTA GGCACCCAAA GTGAGCATCT 3900  
 GCGCATTTGG CATTTCATGCT TATCTTCCCG CACCTTCTAC ATGGTATCAG TCCAGCAGG 3960  
 CATCCCTGGG GCAAGCTGTC TTTGGCTCAA GATGGCCTTC ATTTACCTTT AGTTTTTTTT 4020  
 AAAACCTGTC AGCTTGCCTA CCGGCTCTGG CACCTGGCCC TGGCAGCACA SCTCTCAGGC 4080  
 CCAAGCTCTG GCAAGCTCTT TGGCTCAAGTC TGGCTTTCTA GCTGGCTGA CACTCAGTCC 4140  
 TGGCTCTGCT GGTCCAGATC TTGCTCTCAG CACACTCTAG GGAATAATT CACTCCAGAG 4200  
 ATGGGGCTGC TTCAAGGTCT TTTCTAGCTG ATTGTGGCCC CTCCATTTTC CCAATTTTCT 4260  
 TATCTCCCTG AAAAAAATTG CTTTACTTTC TAAATGTTTC TGCTTCCAG AATGCACCTG 4320  
 ACTTATGAAA TGGGATAAT ACTCCAGGA AATAGCGCAG GACATCACAA GGACCAAAAA 4380  
 GGCAATTCTT ATTAAATGT TACTATTTGG CCAGCTGCTG CTGTGTTTTA TGGCAGTGTT 4440  
 CAGAGCTTGA TCAGTTTATT TCTTCTTTT ATTAAGAAGG AAGCCAATTG TCCAAGTCAG 4500  
 GAGAATGGTG TGATCACCTG TCACAGACAC TTTGTCCCTT CTCCCGCTTC GAGGGCTGGA TCAGCAGCTG 4560  
 CTGGCAGAGC TACGCGCTTG CAGGAGGACC CCGGCTCTCT GAGGGCTGGA TCCCTCTGCT ACATCTGTT 4620  
 CTTGCTCTGA GGTGCGCCG GTGAATGTTA TTGGAATTCA TCGAGTTAGC CCAGAGATAG ACAGTAGAAT 4680  
 GTGTTTAAAG CACAGATAT TTTGTCTCCA AACTGACTGG ACGGCTGCCA AGGAGGCTCC AAACCCAGGC 4740  
 GCAATACTCT CCTCTCCCTA TTTCTTTTCT CCTCTCTCTG CATCTGCGCT TTCCAGATAA 4800  
 CCAATGCAAA GGCACGTGGT CCACTCATGA CAAATCAACT GTGACCTCTG CTCTTCCAT 4860  
 GCGCAAAAGC ASCAATTCT CCTTTTCAGC ATCTCACTCA TTAGCAGCTC CATCACCCAG 4920  
 TTCTGTCCAT TAGAAACCAG GCAGATCTGT GGTATGGGAG CCTACGGGTG GTAAGAAGTG 5040  
 TGATCAGTGG CCTCAGTAAA AGCTTGGTGT TCCATGGCCC CTAGGCGAGG TGATCAGGGA 5100  
 GTGTTTGTG TTTTATCTCC AGCTTGGTGT TGGGACCTTG TGCTGAGGGA TGATTTGCTC 5160  
 GTGGGGCCAA TGGGCCCCCG GCGCTGGCTT TGGGACCTTG ACTTTCAGGA CCGAGTCCAC 5220  
 CTGACCTTGA TTAACCTAAC AGTTCCAGC GAATTATGCA CTGACATGAC CCTGGGTGAC AGGAAAGCCT 5280  
 TGTATGGCAT TTGTGATGCA GAATTATGCA CTGACATGAC CCTGGGTGAC AGGAAAGCCT 5340  
 TTCGAGAGGC CCAAGGTGGC CTCGCCAGCC CTGCACTATT GATGTGAGT ATTGCACCTC 5400  
 AGCTCTGCGG ACCTTGGCCA TTGCGGAGT CCGAGCTTCT TTTTCTCTGT TTGCACTGTT 5460  
 TGTTTGTATG ATGTAGCTA ATTCCACTGT GTATATAAAT TGTATTTTTT TTAATTTGTA 5520  
 AAATGCTATT TTTATTTGAA CTTTGGGAAC TTGGGAGTTC TCATTGTAAC CCAACATCT 5580  
 GAGAATAAAA TGTCTTCTGT C

Name: 273

Len: 5047 Check: 2510

CCGTTGCTGT CCGCTTGTCT GTGCGGGGGG CTGTGCTCTG AGGAAGGCGG GGGCGAGCGG 60  
 GAGCAGAAGA AGSAGGGAGG GAGGCGAGCG CTGCGGCGAC CACCGCGAGG ATGTCTTAGC 120  
 AAGGCAAGAA GAGCATCCCG CGGATCACGA GTGACGCTCT CCTTATCAAG GGAGGCAGAA 180  
 TCGTCAATGA TGATCAGTCC TTTTATGCTG ATATTTACAT GGAAGATGGC TTAATAAAAC 240  
 AAATTGGAGA CAATCTGATT GTTCTGAGAG GAGTGAAGAC CATTGAAGCT AATGGGAAGA 300  
 TGGTGATCCC TGGAGGCATC GATGTCTATA CTCACTTCCA GATGCCATAT AAGGGAATGA 360  
 CCACAGTAGA TGAATTCTTC CAAGGGACAA AGCGGGCCTT AGCAGGTGGC ACCACCATGA 420  
 TCATTGACCA TGTGTGCTCT GAGGCTGAGT CAGGCTGAT CAGGCTGAT TGAAGCTAT 480  
 GAGAGTGGGC TGATGGGAAG AGTTGCTGTG ACTATGCTCT GATGTGGAJ ATTACCTACT 540  
 GGAATGACAG CTTCAGGAG GAAATGACGA ACCTCATCAA GGACAAAGGG GTTAACTTCT 600  
 TCATGCTTAT TATGGCTTAT AAGSATTGT ATCAGTATC TAACATAGAG CTCTATGAGA 660  
 TTTTCACTG TGTGGGAGAG CTGGGGGGCA TTGCTCAAGT TCATGCTGAG AATGGGGATA 720  
 TCATTGCTCA GAGGAAACCC CTGATGTTGG AAATGGGGAT AACTGGCTCA GAAGGGCATG 780  
 TACTGAGCAG GCGAGAAGAG TTGGAGGCTG AGGCTGTGTT CCGTGGCATC ACCATTGCCA 840  
 GCGAAAGCAA TGGGCTCTC TACGTCACAA AGGTCTATG CAGGATGTA CAGGATGTA 900  
 TCTCAGAGC GAGGAAAAAA GGAATGTAG TCTTTGTGTA GCGCATCACT GCGAGCTTCT 960  
 GCATAGATGG AAGGCTATT TGGAGTAAAG ACTGGGCGCA GCGGCTTGA TTTGTGACAT 1020  
 CCGCATCTCT GAGGCTGAG CCAACTACTC CCGACTACAT CCACTCTTCT CTGGGAGGCG 1080  
 GGGATGTGCA GTTATGTTGG AGTGTCTACT GCACCTTCAG CACTGCTCAG AAGGCAATTG 1140  
 GGAAGGACAA CTTTACAGGC ATCTCTGAGG GCACCAATG TGTGGAGGAG CGGATGTCTG 1200



TCATCTAGAA	CAAGGCTGTC	GCATCAAGAA	AAATTCAGAA	AAACCAATTC	CTGCTGTCGA	1260
CAAGCACAAGA	CGCTGTAAAG	ATTTCAAGC	TGTATCCCG	CAAGGGAAAG	ATATCTGTGG	1320
GTCTTGACAG	CGACCTGTC	ATTTGGGATC	CAGATGCTGT	GAAATATGTC	TCTGCAAGA	1380
ACATACAGTC	TGTCGTAGAG	TAAACATAT	TTGAAGGJAT	GGATCTGCGC	GGGCTTCTTC	1440
TGGTTTGTAT	CTGCCAAGG	AAJATCATGC	TGGAAAGATG	CAACTTGCAC	GTJAGCCAGG	1500
GGCTTGCTTC	TTTCATACCC	TGCAGCCGCT	TCTCCGACTA	TGTCTACAA	CGCATTAAG	1560
CATCGAGGAA	GATGGCAGAC	CTGCATGCTG	TCCCAAGGCG	CATCTACAT	GGGCTGTGT	1620
TTGATCTGAC	TATCATCCGC	AAATGTGGA	CTCCGCGAG	CTCTGCTTG	GGCTTCTCTA	1680
CTCTGCTGAA	GCATCTGTG	AGAAATCTTC	ATCACTCGGG	ATTTAGCTG	TGAGGCAAGC	1740
AACTGATGAA	GGGCTTCCG	TCAGCCAGCA	AGGCGATCT	GGGCGCTTA	GGGCGGCTT	1800
CTAATATGAC	ATCTCTGAGT	TAAAGCAAGC	TTCTTCAAG	AGAGGGGAG	AAGCAAGGAG	1860
AGATCTGTTC	GAGGCTAAAA	TGGTACATTC	ATATTTAAGA	AGGAAAGGCA	ATCTAAACGG	1920
CTCTGATCTA	AAGAACTAAT	AAGCCTCAAG	CTTTATGTTT	CTCCAATGTT	AGGCTGGCTT	1980
GGCTAGCTTT	ACCAATATTG	CTTTGTTTTT	IGTTTATGCA	TAGCCTTGAT	TTGTTTGACT	2040
GGGCTGCGCC	CATTTACATG	CATGCAATCA	GACAGGCTAC	TAAGGTAAAA	GAGTCTGCTC	2100
TATCATAGTG	TTGAGAGCGT	GTGTAGTGTG	GCATCTTATG	ACAAGGGGAC	AGACAAGCTG	2160
GGAGCTCAGG	GAAATGAACA	AAAGGGACGG	AGGTTATTTG	GGGTGAGTGG	GTGGTGGGAG	2220
GGTGGAGCAA	GGTGGAGGGT	GCAGAGGGGC	TGCGGTAGGG	CATGTAGGAG	GGAGGTGGGT	2280
GGGTGAGGTC	AGTGGAGGGG	GTGTTGTATA	TTGTGTTGAT	GACGTAGCTT	ATTTCCATGG	2340
AAGATAGGCG	CTGTGGGAGC	TGTCACATCA	CCACAGCTCC	CTAGGGTCTG	CCGAGAAGGC	2400
AGGCACTGTT	TGGGTTCTGT	TCTTTGTGAC	GTCCCTTACA	AGTAAATTTT	GTTTCTTTGA	2460
ACGTTTATTA	AAATGGCAAG	AACCAACCAT	TTCTTCCAGC	TGCTTGATTT	TGCCAGTGTT	2520
TGCTCAGGCG	TCTTTCTTAG	TGTTGCTTTC	AAATCCTTCT	CTTTCTCTGG	TTGGGAAGGC	2580
CAGGCTAGGGA	CAGAGCAAAAT	GACACTTCTC	TTCTCTTTCG	CTTCCCTGCG	TCTTTGCTGC	2640
TCTTAAAGAG	CAGCAGCTGA	GACATAGCA	CAGGCGGACG	TGGTGAGGCG	AACCAAGCTC	2700
TAAAGAGCTT	TCTTTCTAAA	CAGGCGGAGG	TCACCTCTCA	CTCTCTGTTC	TTTGCAGGCT	2760
GAGAGAGCTG	GCATGCTTCT	GGCATCCCAA	GTGAGGATTT	TAGCTCAGAT	GAGGCGAGAT	2820
GAAGGGGCTC	TCTTACAGGC	AGTTTGTGTT	TGATCTCTTC	GATCCTGGCA	CATCCATGAT	2880
AAATAGGAGT	TTTTGAAAGT	TGTTTTTATT	AGGTGTTCCG	TAATTTTTCAC	CGTAATAGGT	2940
CATCTCAGCT	TATATGAAAG	TCAAGTGGGG	AACTGGGAAA	GCCAAAGTCA	GTCTTGAGCA	3000
GAGGGAGCAC	ATTTTGTGGA	CCTGGTTCCA	CTTTTCCATT	CCAAACCACC	TGTTTTCCCTC	3060
TCCATTAGCA	GAAACTCTGG	GGGAACCTTG	TGTCTCAGTC	CTAGAATCTC	CCCAAGTGAG	3120
TGGAAGTGAC	ATGATGCAGT	CTTCTCTCAT	GGGCACCTGA	AAGAAATTAG	TGTGGGTGCT	3180
TGATCTTACC	TTGTCTGTCA	GAGTTGAATA	TCTCTTTCCG	TATCATGCTG	CTTCTGAAAA	3240
TTGAGTTTTG	GAGCAAGTCC	TGTGAGCAAG	ATAAGAATCT	ATAGAACCAG	GATGCTCATT	3300
TTGGAAGGAA	ATATGTTCAA	CCTGGGATCA	GACTTCCATG	CTCTGGGGAA	TCCAAGTGGT	3360
AGCACCTGTA	ACCTGTGTGA	CTAAGTGCTT	TGAAGAGAAG	AGCAGGCTTC	AGACACCTTT	3420
TAATTGCTTA	GGAGAAACCA	TTCTCTCTGA	CTGCAGGTTT	GAATAAGTTG	AAGACCAGAG	3480
AAAAGTACAC	ACTGGGCTAC	AAAGGAATTT	GGAGATAGCC	AAGGAACAGG	ATTTCCCTCA	3540
GCAAGCTACC	TTCTGTTCAA	ATCATGAAAA	AAGACTATTT	CCCTTAGAG	TAGGGAAGCT	3600
TGCTATTTTA	AAGCTCTTGT	AGTCTTTTTT	TTTTAAGGGA	GATGTAGTRA	AAGGGAAGAT	3660
GTAGCTCTTA	GTTTACACTT	CAAAGATGTC	GGGCTCTTTT	AGAGAACTAA	GAATAACAGT	3720
TTTATGTGCA	GAGAGAGTTT	GGCAGATCTG	AGCATATATC	CTCATTGACT	AGGCTGTTAC	3780
TTTGGGATAG	GTTCAGTAC	CAGCCAGAGC	CAGCAGATAG	AGGAAAAGAC	ACACATAAAC	3840
TGGCTTCTGA	GGGTGCACTT	CTGCACCTTC	TGCTCTGCTG	TTACTCAGCC	CTTGAAGTCT	3900
ACTCATCTCT	GCACAACCTC	TCTGTGCCAT	GAAGATAAGT	CTTCCATGCG	CAAATCGGTC	3960
ATCCGCACTG	CCCTTGGGAC	TTCCGAGGTG	AAACATTCCA	CCAGAACCTT	TGATTCTGCA	4020
CAAGATTTTC	TTGCTCTGGG	AACCAAGGCC	AAATGGGCTT	GGGAGGAACA	ACATGAGCTC	4080
AGGAAGGCTC	TCTTTCTTCA	CTTACCATTA	CTAATCTCTC	AAGCATAGAA	ATCCCTGGGA	4140
ATGCGAGAAA	TAACTCCGAC	TATTTTAAAA	TTTATATTTA	GATTTGTTTT	GTTCCTATAAG	4200
ACACATCAAA	CAGGCTTATA	CAAAAGTTTT	AGGAAAGGAA	AACTATGCTG	AGTCCCGGCG	4260
CTCTTGGAAT	TCACTGGGAG	CTCATGCAAG	TGTAGGAAGG	CAGGCTGGAT	CGTCTATCTG	4320
ACTCCAAAGG	TCTCTTTTGC	TATCTTATCC	CTTGGGCTGG	CCCGCAACTC	TGAGGATGCC	4380
CTGCTCATCC	CCGCAACCTC	CTCATATTTG	CTCTGAAGCC	AGATGGCAAT	CCATCCCGGT	4440
CTCTCTGTAG	GGCTAGGGGC	TTGGGTAGTG	GAAAGGGTGT	TTGGGAAATT	GTTAAATCAG	4500
CTACCGGTAG	TAGAGCTATT	TCTTGTACTT	CTAATTTTTC	TAGAAGTGGG	AGGATTGTAG	4560
CTATCTTGAA	AAATGGGTTT	CTTCAAAATC	CTTCAGCTTC	CTCTTTCAAG	ACTGTCTATA	4620
CTGAGAGCTT	TATGTTTCCA	CAAAAGGCTG	ACACTTAAAG	CTGGATTTTC	ACTCATCCCT	4680
GAGAAAGGCT	TTCCAGTAGG	GTGGGCAATT	CCCAACTTCC	TTGCCACAA	CTTCCAGGCG	4740
TTTCTTCCCT	GGAAAACTCC	AGCTTAGTTC	CCAGATACAC	TCAAGGGCTG	CCCTGGGCGG	4800
CCAATATTTA	TCTTAAGTTC	CTTCTTTGAA	AACTGCTGTC	TGGGTGTTCA	GTCTGTGTTC	4860
TGGTGGGTAT	GGACAGACAG	TATCTCTCTG	TGATCTCTCT	TAGCTGTGAG	GCAGCTCTGG	4920
AAGCTGAAGA	GCTGTTTGGT	TTGAAACCTG	AACAAACTG	TGTTTTGAGT	TTAGCTGACA	4980

TTAAAGAAAA AAGTTCATCA GGTGACT TT AATSTAAACG TGGTATPAA TATAACTATG 5046  
 AATTAC 5047

Name: 274 Len: 1031 Check: 18CE

GACAGAGATG	GCACAGGGGT	GSTACCACTA	AGT3CTCCTC	CGTTCAGGTC	AACCCAGTGC	60
CCGCTT30GG	CCCCAGGCTG	AGTTCCAGGG	CCAAAGGOCAG	CACT33CT3C	GGCTCC3GTT	120
CCGCTT30GG	CTCCA3CCTC	ATCCTCAGAC	CCT3CGGOCAG	CA3C33CT3C	AACTGCGGCT	180
CCT33CTAGG	CCCCCGGCTC	AGGSCAAGGT	CCAGCGCAGA	CCCTAGC3CT	CGTTCTGCTT	240
GGTCTT3TTC	TTCTAG3GCT	CTTCCCC3GC	GGCCCGGTGG	TCAGCTT3CA	CCCACTCATT	300
TTCTCTTCTA	TTCTAG3GCT	CTAGGAGAGA	CGTAC3SAGS	GTCTT3CCTG	AGTTATCGGG	360
AACCTT3TGG	AACTT3TGGG	CAAACACTCA	GT3GAG3TCA	CCCACTT3CT	TTCACTGCCG	420
CACAAATAGT	CAGAA3ATGA	AGTGGCTGTT	GACATGGAAT	TTCTAAGAA	TAT3TATGAA	480
CTGATAAAA	AACTTTCTGC	AAATGAGCTC	ATCCTG3GCT	GGTACGCTAC	GGGTCATGAC	540
ATCAGAGAGC	ACTCT3GCT	GATCCATGAG	TACTACAGCC	GAGAGGOCOC	CAACCCCATC	600
CACCTCACTG	TGGACACAAG	TCTCCAGAAC	GGCCGCATGA	GCATCAAAAG	CTACGTCAGC	660
ATTTTAATGG	GAGTCCCTGG	GAGGACCATG	GGAT3TATGT	TCAGGCTCTT	GACAGTGAAA	720
TACGGCTACT	ACGACACTGA	ACGCATCGGA	GT3SACCTGA	TCATGAAGAC	CTGCTTTAGC	780
CCCAACAGAG	TGATTGGACT	CTCAAGTGAC	TTGCAGCAAG	TAGGAGGGGC	ATCAGCTCGC	840
ATCCAG3ATG	CCCT3AGTAC	AGT3TT3CAA	TAT3CAGAGG	AT3TACTGTC	TG3AA3GGTG	900
TCAGCTGACA	ATAC3TGGG	CCGCTTCTCT	AT3AGCCTGG	TTAAOCCAGT	ACCGAAAATA	960
GTTCOC3ATG	ACTTTGAGAC	CATGCTCAAC	AGCAACATCA	AT3AOCCTTT	GATGGTGACC	1020
TACCTGGCCA	ACCTCACACA	GTCACAGATT	GCACTCAATG	AAAAACTTGT	AAACCTGTGA	1080
ATGGAGCCCC	AGCA3TACAC	TTGCTGGTCT	AGGTATTAAC	CCCAAGGACT	AGAAGTGAA	1140
GAGAAATGGG	TTTTTTGTGG	TCTTGAGTCA	CACTGAGATA	GTCAGTTGTG	TGTGACTCTA	1200
ATAAAC33AG	CCTACCTTTT	GTAAAAAAA	A			1231

Name: 275 Len: 8363 Check: 1FA2

GC3AT3GGG	CC3CA3CCCG	CGGTCACTGG	TCACCGGTGG	CTCTCAG3AA	CAGCAG3CA	60
ACCTCT3GTC	CCCTG3CTGG	CTCCCGG3CG	CCTAG3TGCC	TGG3ACTTTA	ATTAAAGGGC	120
CTCTCT3GTC	CCG33GCTGG	AGCACCGGCC	CCCGGCTTC	TGCG3CCTCA	AAATGAGTAG	180
CTCCCACTCT	CCGGCGGGGG	AGAGCGCAGC	AGGCGCGGCT	CCG3CGGGCG	GGGTGACAC	240
GGGG3AOGCC	GAGAT3CCGG	CCACCGAGAA	GGACCTGGCG	GAGGACGGGC	CGTGGAAGAA	300
GATCCAGCAG	AACACTTTCA	CGCGCTGGTG	CAAC3AGCAC	CT3AAGT3CG	TGAGCAAGGG	360
CATCG3CAAC	CTG3CAGCGG	ACCTGAGCGA	CGGGCTGCGG	CTTATCG3C	TGTTGGAGGT	420
GCTCAGOCAG	AAGAAGATGC	ACCGCAAGCA	CAACCAGCGG	CCCACTTTCC	GCCAAATGCA	480
3CTTGAGAAC	GTGTC3GTGG	CGCTCGAGTT	CCTGGACCGC	GAGAGCATCA	AACTGGTGTC	540
TATG3ATAGC	AAGGOCATGG	TGGACGGGAA	CCTGAAGCTG	ATCCTGG3CC	TCATCTGGAC	600
CCTGATCCTG	CACTACTCCA	TCTCCATGCC	CATGTGGGAC	GAGGAGGAGG	ATGAGGAGGC	660
CAAG3AGCAG	ACCCCAAGC	AGAGGCTCCT	GGGTGGATC	CAGAACAAGC	TGCCCGAGCT	720
3CCCATTAOC	AACTTCAGCC	GGGACTG3CA	GAGCGGCCGG	GCTCTGG3CG	CCCTGGTG3A	780
CAGCTGTGCC	CCGGG3CTGT	GTCTGACTG	GGACTCTTGG	GAGGCCAGCA	AGCCCGTTAC	840
CAATGC3GGA	GAGGOCATGC	AGCAGGCGGA	TGACTGGCTG	GGCATCC3CC	AGGTGATCAC	900
CCCGGAGGAG	ATTGT3GACC	CCAACGTGGA	CGAGCACTCT	GTCATGACCT	ACCTGTCCCA	960
GTTC3CCCAAG	GC3AAGCTGA	AGCCAGGGGG	TCCCTTGCCG	CCCAAACT3A	ACCCGAAGAA	1020
AGCCCGTGGC	TACG33CCAG	GCATCGAGCC	CACAG3CAAC	AT3TGAAGA	AGCGG3CA3A	1080
GTTCACCTGT	GAGACCAGAA	GTGCTGGCCA	GG3AGAGGTG	CTG3TGTAC3	TGGAGGACCC	1140
33CCG3ACAC	CAGGAG3AGG	CAAAAGTGAC	CC3CAATAAC	GACAAGAAGC	GCACTTCTC	1200
33TCT33TAC	GTCC3CGAGG	TGACGGGGAC	TCATAAGGTT	ACTGTGCTCT	TTGCTGG3CA	1260
33ACAT33CC	AAGAG3CCCT	TGAGGT3TA	CCTG3ATAAG	TCACAG33TG	ACGCCAGCAA	1320
AGT3ACAGOC	CAAG3TCCCG	33CTGGAGOC	CAGTGGCAAC	ATCG3CAACA	AGACCACCTA	1380
CTTT3AGATC	TTTAT33CAG	GAGCTGG3AC	GGG3GAGTGC	3AG3TTGTGA	TCCAGGACCC	1440
CAT333ACAG	AAG333ACGG	TAGAG3CTCA	GCT3GAGGCC	CG33G33ACA	GCACATACCG	1500
CTG3AG3TAC	CAGT33ACCA	T3GAGGG3GT	CCACACCGTG	CAGCTCACCT	TGCGCG33GT	1560
3333AT33CT	C3AG3T33CT	AGACT3T3CA	TGTT33GCCAA	GCT3T3TACC	C3AGT33CTG	1620
CTGG3T33TT	33CC33G33CC	TCCAGCC3AA	GGGT3TGCGG	GT3AAG3AGA	CAGCTGACCT	1680
CAAG3T3TAC	ATAAG333GG	AGAAGGACCT	GGGG3AT3GC	GTCAC3CTGA	AGGGCC33AA	1740
33GAG333AG	TGCT3T3AAG	AGAAGGACCT	GGGG3AT3GC	GT3TAT33CT	T3GAGTATTA	1800
CCCAT33GTC	CCT333ACCT	ATATCGT3AC	CATCA3GTGG	GGT33T33CA	ACATCGGGCG	1860
CAGT33CTTC	AAAGT3AAGG	TGG3CAC3CGA	GTCT33GCAAT	CAG3AG3TAC	GGG3CT33GG	1920
CTCT3333TG	GAG33333GG	T33TTG33CAA	GTCAG3CAGAC	TTT3T333TG	AGG3TAT33G	1980
33AC33AGTG	GGC33333TG	CCTTCT33GGT	GGAA3333CCA	T333AG33TA	AGATCGAATG	2040
T3AG3AT3AAG	33G333333CT	CCTGTGATGT	33GCTACTTG	CC33CA33GAGG	CT3333AGTA	2100
T3CT33T3TAC	3T33T3T3CA	AGAGCGAAGA	CATCCGCTC	AG33CTTTCA	TG33T333AT	2160
C3GT3A33GTC	CCCAAG3ACT	TCCAC3CAGA	CAGGGTGAAG	GCAC3T33GC	CTG3ATTTGA	2220
3AAG3AC33GT	GT333333TCA	ACAAG3CAGC	AGAGTT3ACA	GT33AT33CA	AGCAG33TGG	2280



CAAGGCGCTA TTTCGGGTTCG AATTTCAGGA GATTGAGGCG TGGCTGTGTG AGGCTTTGGT 2340  
CAAGGAGTAA GGAATGGA CTTAAGTGT CTTATATTTT CCGAGGAAGG CGGTGAGGA 2400  
CAGAGGATAG GTGTCTTGGG GAGGNTAG CATTCCTAA AGCTCTTTA AGGTGATGT 2460  
GGGAGCTGG AGGCACTTA ACAAGSTCAA AATAAGCGT CCGAGGAG GCGAGGAGG 2520  
GCTCAAGGCT CAGGAGCTTA TCTACTTCAC TGTGACTGC GCGAGGCTG GCGAGGAGG 2580  
CGTACGCTAG GGTATGAAGT GTGCTCTGG AGTGTAGGC CCGGCTGAG CTGACATGGA 2640  
CTTCGATATG ATGCTAATG ACAATGACAC CTTTACGGTC AAGTACAGC CCGGCTGAG 2700  
TGGTACGTAG ACCATTATGG TCTCTTTTTC TAAAGGAGC ACGCTGATTA GCGCTGAG 2760  
AGTCAAGGTG GAGCTTTCTG ATGAGGCTAG TAAAGTGAAG GCGGCTGAG CTGCTGAG 2820  
TGGTACTGCT GTGAGGCTT GCAAGGCTAG CCAATTGACA GTTATGAGT AAGCTGCTG 2880  
CAAAGGCTAG CTGAGGCTG AGTTCAGG ACTGAGGAG GGGGATGAG TGGGATGAT 2940  
GGAGATGATG GAGGCTAGT ACAACAGCTA CAGAGTGAAG TATAGGCTG TCGAGTAGG 3000  
TCCAGTAGG GTCAATGTCA CTTATGGAGG GATGCTGATC CTTAAGAGG CTTTCTGAGT 3060  
GGCAGTATCT CCAAGGCTGG ACCTCAGCAA GATCAAGGTG TCTGGCTG GAGAGAAGGT 3120  
GGAGCTGCT AAAGAGGAG AGTTCAGAGT CAAATCAAAG GGTGCTGCTG GTCAAGGCA 3180  
AGTGGCTGCT AAGATTGTGG GCGCTCTGGG TCGAGGCTG CCGTGAAGG TGGAGCTAGG 3240  
CGTGGGCTG GAGGCTGCT TGGTGGCTG CCGCTGCTG GAGGAGGCT CTTATGAGGT 3300  
GGAGGCTGCT TATGAGGCTG TGGCTGCTG TGGCTGCTG TGGGAGGCT CTTATGAGGT 3360  
CGGAGCTGCT CTTAGGAGG TGAAGGCTG TGGCTGCTG TGGGAGGCT CTTATGAGGT 3420  
CTGCTGCTG GCTTCACTA TCGACACCAA GTGCTTGGAC AATGAGGATG GAGGCTGCT 3480  
GGTGGAGGCT CCGTGTGAG GCGAGCTGCA GTGCTTGGAC AATGAGGATG GAGGCTGCT 3540  
CGTGTCTGCT GTGCTGAG AGGCTGCTG CTAACATC CAGGCTGCT TCGCTGAGCT 3600  
CCAGTCTGCT GTGCTGAG AGGCTGCTG CTAACATC CAGGCTGCT TCGCTGAGCT 3660  
CAAGTCTGCT GTGCTGAG AGGCTGCTG CTAACATC CAGGCTGCT TCGCTGAGCT 3720  
GGAGTCTGCT GTGCTGAG AGGCTGCTG CTAACATC CAGGCTGCT TCGCTGAGCT 3780  
TGGAGTCTG GTGCTGAG AGGCTGCTG CTAACATC CAGGCTGCT TCGCTGAGCT 3840  
CGTGTCTGCT GTGCTGAG AGGCTGCTG CTAACATC CAGGCTGCT TCGCTGAGCT 3900  
CGGAGTCTG GTGCTGAG AGGCTGCTG CTAACATC CAGGCTGCT TCGCTGAGCT 3960  
CGGAGTCTG GTGCTGAG AGGCTGCTG CTAACATC CAGGCTGCT TCGCTGAGCT 4020  
CGGAGTCTG GTGCTGAG AGGCTGCTG CTAACATC CAGGCTGCT TCGCTGAGCT 4080  
CGGAGTCTG GTGCTGAG AGGCTGCTG CTAACATC CAGGCTGCT TCGCTGAGCT 4140  
CGGAGTCTG GTGCTGAG AGGCTGCTG CTAACATC CAGGCTGCT TCGCTGAGCT 4200  
CGGAGTCTG GTGCTGAG AGGCTGCTG CTAACATC CAGGCTGCT TCGCTGAGCT 4260  
CGGAGTCTG GTGCTGAG AGGCTGCTG CTAACATC CAGGCTGCT TCGCTGAGCT 4320  
CGGAGTCTG GTGCTGAG AGGCTGCTG CTAACATC CAGGCTGCT TCGCTGAGCT 4380  
CGGAGTCTG GTGCTGAG AGGCTGCTG CTAACATC CAGGCTGCT TCGCTGAGCT 4440  
CGGAGTCTG GTGCTGAG AGGCTGCTG CTAACATC CAGGCTGCT TCGCTGAGCT 4500  
CGGAGTCTG GTGCTGAG AGGCTGCTG CTAACATC CAGGCTGCT TCGCTGAGCT 4560  
CGGAGTCTG GTGCTGAG AGGCTGCTG CTAACATC CAGGCTGCT TCGCTGAGCT 4620  
CGGAGTCTG GTGCTGAG AGGCTGCTG CTAACATC CAGGCTGCT TCGCTGAGCT 4680  
CGGAGTCTG GTGCTGAG AGGCTGCTG CTAACATC CAGGCTGCT TCGCTGAGCT 4740  
CGGAGTCTG GTGCTGAG AGGCTGCTG CTAACATC CAGGCTGCT TCGCTGAGCT 4800  
CGGAGTCTG GTGCTGAG AGGCTGCTG CTAACATC CAGGCTGCT TCGCTGAGCT 4860  
CGGAGTCTG GTGCTGAG AGGCTGCTG CTAACATC CAGGCTGCT TCGCTGAGCT 4920  
CGGAGTCTG GTGCTGAG AGGCTGCTG CTAACATC CAGGCTGCT TCGCTGAGCT 4980  
CGGAGTCTG GTGCTGAG AGGCTGCTG CTAACATC CAGGCTGCT TCGCTGAGCT 5040  
CGGAGTCTG GTGCTGAG AGGCTGCTG CTAACATC CAGGCTGCT TCGCTGAGCT 5100  
CGGAGTCTG GTGCTGAG AGGCTGCTG CTAACATC CAGGCTGCT TCGCTGAGCT 5160  
CGGAGTCTG GTGCTGAG AGGCTGCTG CTAACATC CAGGCTGCT TCGCTGAGCT 5220  
CGGAGTCTG GTGCTGAG AGGCTGCTG CTAACATC CAGGCTGCT TCGCTGAGCT 5280  
CGGAGTCTG GTGCTGAG AGGCTGCTG CTAACATC CAGGCTGCT TCGCTGAGCT 5340  
CGGAGTCTG GTGCTGAG AGGCTGCTG CTAACATC CAGGCTGCT TCGCTGAGCT 5400  
CGGAGTCTG GTGCTGAG AGGCTGCTG CTAACATC CAGGCTGCT TCGCTGAGCT 5460  
CGGAGTCTG GTGCTGAG AGGCTGCTG CTAACATC CAGGCTGCT TCGCTGAGCT 5520  
CGGAGTCTG GTGCTGAG AGGCTGCTG CTAACATC CAGGCTGCT TCGCTGAGCT 5580  
CGGAGTCTG GTGCTGAG AGGCTGCTG CTAACATC CAGGCTGCT TCGCTGAGCT 5640  
CGGAGTCTG GTGCTGAG AGGCTGCTG CTAACATC CAGGCTGCT TCGCTGAGCT 5700  
CGGAGTCTG GTGCTGAG AGGCTGCTG CTAACATC CAGGCTGCT TCGCTGAGCT 5760  
CGGAGTCTG GTGCTGAG AGGCTGCTG CTAACATC CAGGCTGCT TCGCTGAGCT 5820  
CGGAGTCTG GTGCTGAG AGGCTGCTG CTAACATC CAGGCTGCT TCGCTGAGCT 5880  
CGGAGTCTG GTGCTGAG AGGCTGCTG CTAACATC CAGGCTGCT TCGCTGAGCT 5940  
CGGAGTCTG GTGCTGAG AGGCTGCTG CTAACATC CAGGCTGCT TCGCTGAGCT 6000  
CGGAGTCTG GTGCTGAG AGGCTGCTG CTAACATC CAGGCTGCT TCGCTGAGCT 6060

AAATTTGGG	TTGGTGGG	ATATCCCAT	AGCATCTCA	GAGACGAT	TTATTTGGT	6120
GACATTTACT	TTGGTGGG	CTTCGGGCG	AGAGAGTCC	TTTTTGGTGA	AGGAGGCTGG	6120
TAATTTTAC	TTGGGGAAT	CATTGGTGG	TAAGGAGAG	GGGAGGAGC	TTGTGAGGT	6240
GAAAGAAAT	GGTCAGTAC	TGGGAGGAG	GGGATGAGC	GTGAGTATCA	GGAGTGGGA	6300
AATTTGGGAT	GGTGGTGG	TTGGGTTGT	TTGTGAGG	CTTCAGGAG	GGTGGATTT	6360
TTAGGCTGCA	GGTGGTGG	TTGATAGCG	GGATGAGG	TAAGTGGG	TTAGTGGT	6420
CATTAGGAG	GGGAGGAG	TGGACATCA	GGAGAGGAG	CTGGAGGAG	GGAGTGGAG	6480
GGTGGGAT	GGGAGGAG	AGGAGGAG	CTAGATCAT	AACATTAAT	TTGGGAGCA	6540
GGTGGGAT	GGGAGGAG	TTGTGTGAA	GGTGGAGG	GAGGAGGAG	TTAGGAGAG	6600
CATTAGGAT	AGGAGGAG	CTGTTCAGT	GGGAGGAG	GGTGGGAT	GGTGGGAT	6660
CTTGGAGAT	CTTGGAGAT	GCATCCAGG	TATGAGGAG	GAGTGGAG	GGGAGGAG	6720
CAAGAGGAT	GGGAGGAG	TGGTGGAG	GGGAGGAG	AGGAGGAG	AGGAGGAG	6780
TTGGGAGG	ATGGGAGG	ACAGGAGG	GGTGGAGG	AGGAGGAG	AGGAGGAG	6840
GAGGAGG	CAGTGGAG	TGGGAGG	AGGAGGAG	GGGAGGAG	AGGAGGAG	6900
TTGGGAGG	GGGAGGAG	GAGGAGG	TGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	6960
CTTGGAGG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	7020
CTTGGAGG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	7080
TTGGGAGG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	7140
TTGGGAGG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	7200
TTGGGAGG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	7260
TTGGGAGG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	7320
TTGGGAGG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	7380
TTGGGAGG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	7440
TTGGGAGG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	7500
TTGGGAGG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	7560
TTGGGAGG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	7620
TTGGGAGG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	7680
TTGGGAGG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	7740
TTGGGAGG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	7800
TTGGGAGG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	7860
TTGGGAGG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	7920
TTGGGAGG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	7980
TTGGGAGG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	8040
TTGGGAGG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	8100
TTGGGAGG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	8160
TTGGGAGG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	8220
TTGGGAGG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	8280
TTGGGAGG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	8340
TTGGGAGG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	8368

Name: 276

Len: 4803 Check:

FF4

TTGGGAGG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	60
TTGGGAGG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	120
TTGGGAGG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	180
TTGGGAGG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	240
TTGGGAGG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	300
TTGGGAGG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	360
TTGGGAGG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	420
TTGGGAGG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	480
TTGGGAGG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	540
TTGGGAGG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	600
TTGGGAGG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	660
TTGGGAGG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	720
TTGGGAGG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	780
TTGGGAGG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	840
TTGGGAGG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	900
TTGGGAGG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	960
TTGGGAGG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	1020
TTGGGAGG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	1080
TTGGGAGG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	1140
TTGGGAGG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	1200
TTGGGAGG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	1260
TTGGGAGG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	1320
TTGGGAGG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	GGGAGGAG	1380

CATGTTCTCT GTCCAGGGGCTG GCATTACCTG GCGTATGATT GCGACTGGAG GACTGACGGG 1440  
 AGGTTGAGAG ATAAITCAAG TGACTTGTCC AATGTGGCTG TCATTGATGG AACAGGGGTG 1500  
 TTGTTAATAG TCTTCCCGCA GACTGTGGTT CCGCCTCCCA TGTGCACCTA CCACTGCTG 1560  
 TTCCACATCC CTGTGAATCA AGTCACATTG TTAGCACAGC CTCAAAAGAG TAATGACCTT 1620  
 GCGTTCTAG ATGCAAGTAA CCAGATTCTT GTTTATAAAT GTGGTGATTG TCCAAGTGCT 1680  
 GACCTACAG TGAAGCTGGG AGCTGTGGGT GGAAGTGGAT TTAAAGTTTG CTTAGAACT 1740  
 CCTCATTTTG AAAAGAGATA CAAAATCCAG TTTGAGAATA ATGAAGATCA AGATGTAAC 1800  
 CCGTTGAAG TAGGCTTTCT CACTTGGATT GAAGAAGACG TCTTCTGGG TGTAGGAC 1860  
 AGTGAATTGA GCTCCGGGTC TGTCAATCAC CATTTGACTG CAGCTTCTTG TGTAGTGGAT 1920  
 GAAGAGCAIG GACAGCTCAA TGTCAAGTTCA TCTGCAGCGG TGGATGGGGT CATAATCAGT 1980  
 CTATGTTGCA ATTCCAAGAC CAAGTCAGTA GTATTACAGC TGGCTGATGG CCAGATATTT 2040  
 AAGTACCTTT GGGAGTCACC TTCTCTGGGT ATTAAGCCAT GGAAGAACTC TGTGGGATTT 2100  
 CCTGTGGGT TTCTTATCC ATGCAACCCAG ACCGAATTGG CCATGATTGG AGAAGAGGAA 2160  
 TGTGTCTCTG GTCTGACTGA CAGGTGTCCG TTTTTCATCA ATGACATTGA GGTGTGGTCA 2220  
 AATATCACCT CATTTGCACT ATATGATGAG TTTTATTGT TGACAACCCA TCCCATAC 2280  
 TGCCAGTGTG TTTGCTGAG GGATGCTTCA TTTAAACAT TACAGGCCGG COTBAGCAG 2340  
 AATCATGTGT CCATGCGGGA AGTCTGTCCG AAAGTGGAGA GGGGTTCAG GATGTCACT 2400  
 GTGTGGGGC AGACACAAA CTTGTATTA CAGATGCCAA GGGGAACTT AGAGTTGTT 2460  
 CATCATCGAG CCTGGTTTT AGCTCAGATT CGGAAGTGGT TGGACAACTT TATGTTTAAA 2520  
 GAGGCACTTG AATGCATGAG AAAGCTGAGA ATCAATCTCA ATCCGATTTA TGATCATAAC 2580  
 CCTAAGGTGT TTCTTGGAAA TGTGGAAACC TTCATTAAAC AGATAGATTG TGTGAATCAT 2640  
 ATTAAGTGT TTTTACAGA ATTGAAGAA GAAGATGTCA CGAAGACCAT GTACCTGCA 2700  
 CCACTTACCA GCAGTGTCTA CCTGTCCAGG GATCCTGACG GGAATAAAAT AGACCTGTG 2760  
 TGCGATGCTA TGAGAGCAGT CATGGAGAGC ATAAATCCTC ATAAATACTG CCTATCCATA 2820  
 CTTACATCTC ATGTAAGAA GACAACCCCA GAAGTGGAAA TTGTACTGCA AAAAGTACAC 2880  
 GAGCTTCAAG GAAATGCTCC CTCTGATCCT GATGCTGTGA GTGCTGAAGA GCGCTTGAAA 2940  
 TATTTGCTGC ATCTGGTAGA TGTTAATGAA TTATATGATC ATTCTCTTG CACTATGAC 3000  
 TTTGATTTGG TCCTCATGGT AGCTGAGAA GTCACAGAAG TCACAGAAGG GGTTTACTAT AGACAAATAC 3060  
 TTTCTTAATA CACTTAAGAA AATGGAAACT AATTATCAGC GTGGACCTGA GTACTTCCCA 3120  
 TTGAAAGGAT ATGAAAAGC CATTGGCCAC CTCAGCAAAAT GTGGACCTGA GTACTTCCCA 3180  
 GAATGCTTAA ACTTGATAAA AGATAAAAAC TTGTATAACG AAGCTCTGAA GTATATTCA 3240  
 CCAAGCTCAC AACAGTACCA GGATATCAGC ATTGCTTATG GGGAGCACCT GATGCAGGAG 3300  
 CACATGTATG AGCCAGCGGG GCTCATGTTT GCCCSTTGGG GTGCCACGA GAAAGCTCTC 3360  
 TCAGCCTTTT TCACATGTGG CAAGTGGAG CAAGCCTCT GTGTGGCAGC CCAGCTTAA 3420  
 TTTACCAAAG ACCAGCTGGT GGGCCTCGGG AGAAGCTCTG CAGGAAAGCT GGTGAGCAG 3480  
 AGGAAGCACA TTGATGCGGC CATGGTTTTG GAAGAGTGTG CCCAGGATTA TGAAGAAGCT 3540  
 GTGCTCTTGC TGTAGAAGG AGCTGCCTGG GAAGAAGCTT TGAGGCTGGT ATACAAATAT 3600  
 AACAGACTGG ATATTATAGA AACCAACGTA AAGCCTTCCA TTTTAGAAGC CCAGAAAAAT 3660  
 TATATGGCAT TTCTGGACTC TCAGACAGCC ACATTGATC GCCACAAGAA ACGTTTATTG 3720  
 GTAGTTGAG AGCTCAAGGA GCAAGCCAG CAGGCAGGTC TGGATGATGA GGTACCCAC 3780  
 GGGCAAGAGT CAGACCTCT CTCTGAAACT AGCAGTGTG TGAGTGGCAG TGAGATGAGT 3840  
 GGCATAACT CCAATAGTAA CTCCAGGATA TCAGCGAGAT CATCCAAGAA TCBCGGA 3900  
 GCGAGCGGA AGAAGCACAG CCTCAAAGAA GGCASTCCGC TGGAGGACCT GCGCCTCTG 3960  
 TAGGCACTGA GTGAAGTGGT GCAGAACACT GAAAACCTGA AAGATGAAGT ATACCATATT 4020  
 TTAAGGTAC TCTTTCTCT TGASTTTGAT GAACAAGGAA GGAATTACA GAGGCTTT 4080  
 GAAATACCG TGCAGTTGAT GGAAGGTCA CTTCAGAAA TTTGGACTCT TACTTACCAG 4140  
 CAGAATTGAG CTACCCCGGT TCTAGGTCCG AATTCTACTG CAAATAGTAT CATGGCATCT 4200  
 TATCAGTAAC AGAAGACTTC GGTTCCTGTT CTTGATGCTG AGCTTTTTAT ACCACCAAAG 4260  
 ATCAACAGAA GAAGCTAGTG GAAGCTGAGC CTGCTAGACT GAGTGACTTC AGTTAGGAGG 4320  
 GATCGGACAG AGAAGACCAT TTCCACTCAT TCCTGTGTG CTACCAACCC TTGCTCTTTG 4380  
 AGGCTGGGT ATTGAGAACT GGAAGAGTA AAATGATAAC TTACCTTAGC ATTGCCAAGA 4440  
 ACTTAGCAG ACACCAAGCA ATTCTATTTA TTTTATGTTG TGTATACATG TTGATCATTA 4500  
 GCAAGACAT AAGCTTAAAC CATTATGGCA CCATTTTGTG AGAATGATTG TTCTTTCACT 4560  
 TGGGTGTTT GAGAGCATAA TTATGGTAA CTAGSATTG ATGTTTCATG ATTTCTACCT 4620  
 CTAAGTGTG AAGACAAGTA AAACAATGT TCTAAATGT CTTATTTGT TGGCGGAGAA 4680  
 GATTACAAT GCTATTAGTG CTACATTTG TCAATGTAA TCAATTAAT AGCTTCTTGT 4740  
 CATTTTAAAT TAAAGCAGAA TAAAAAGTAT CTTTGAAT TAAAAAAAC AAAAAAGCTA 4800  
 AAA 4860

Name: 277 Len: 3548 Check: 1972  
 TGGCGGAAGC AGGGGGACAG CAAGGGGACG TCAGGCGGGG ACCATGGGCG ACGGCGGGCTC 60  
 GGAAGGGGGT GAGGCGCGCA TCGTCAAGAT GGAGGTGGAC TACAGCGCCA CCGTGGATCA 120  
 GCGCTAAGC GAGTGTGCGA AGCTAGCCAA GGAAGGAAGA CTTCAAGAAG TCATTGAAAC 180  
 CCTTCTCTCT CTGGAAAAGC AGACTGTGAC TGCTTCCGAT ATGGTATCGA CATCCCGTAT 240

TTTAGTTTCA TTAGTGAAGA TGTGCTATCA GTCTAAAGCA TGGGATTTAC TTAATGAAAA 300  
 TATTATGTTT TTCTCAAAAA GGGGGAGTCA GTTAAACAAA GCTGTTGCCA AAATGSTTCA 340  
 ACAGTGGTGT ACCTATGTTG AGGAAATCA AGACCTTCT ATCAAACTTC GATTAACTGA 420  
 TACTTTAACA ATGGTTACCG AAGGCAAGAT TTATGTTGAA ATTGAGGCTG CCGGACTGAC 480  
 TAAACATTA GCAACTATAA AAGAAACAAA TGGTGTATGT AAAGAGGCGAG CCTCCATTTT 540  
 ACAGGAGTTA CAGGTGGAAA CCTACGGGTC AATGGAAAAA AAAGAGGCGAG TGGAAITTTAT 600  
 TTTGGAGCAA ATGAGGCTCT GCTAGCTGT GAAGGATTAC ATTGAAACAC AAATCATCAG 660  
 CAAGAAAAAT AACATCRAAT TTTCCAGGA AGAAAAATCA GAGAAATTA AATTGAAGTA 720  
 CTATAATTTA ATGATTCAGC TGGATCAACA TGAGGATCC TATTTGTCTA TTTGTAAGCA 780  
 CTATAGAGCA ATATATGATA CTGCTGTAT ACAGGCGAGAA AGTGAAAAAT GGCAGCAGGC 840  
 TCTGAAGAGT GTGCTACTCT ATGTTATCTT GCTGCTTTT GACAATGAA AGTCAGATTT 900  
 GGTTCACCGA ATAACTGGTG ACAAGAASTT AGAAGAAATT CCAAAATACA AGGATCTTTT 960  
 AAAGCTTTTT ACCACAATGG AGTTGATGCG TTGGTCCACA CTTGTTGAGG ACTATGGAAT 1020  
 GGAATTAAGA AAAGGTTCCC TTGAGAGTCC TGCAACGGAT GTTTTTGGTT CTACAGAGGA 1080  
 AGTTGAAAAA AGGTGGAAAG ACTTGAAGAA CAGAGTTGTT GAACATAATA TTAGAATAAT 1140  
 GGTCAGATAT TATACTCGGA TAACAATGAA AAGGATGGCA CAGCTCTGAG ATCTATCTGT 1200  
 TGATGAGTCC GAAGCCTTTT TCTCAAATCT AGTAGTTAAC AAGACCATCT TTGCTAAAGT 1260  
 AGACAGATTA GCAGGAATTA TCAACTTCCA GAGACCCAG GATCCAAATA ATTTATTTAA 1320  
 TGACTGGTCT CAGAACTGA ACTCATTAA GTCTCTGGTT AACAAACTA CGCATCTCAT 1380  
 AGCCAAAGAG GAGATGATAC ATAATCTACA ATAAGGTCT TAGTGCTTTA GAAAAAGTT 1440  
 AAAATTGGAA CTCATTAAAA AAAGACTGTT ATAATGGTGT ATATGTTGGG GTTTTTTTTC 1500  
 TAAGCTTCTT TGTCTTAAAT TTTAAATAG TGAATATGTT TGAGACTCCC TTTGACCTTT 1560  
 CAGTCCCA AGTTCATTGT TAACTTTGCA TTTGCAATTG GTGCAAAAT ACAGATTCTT 1620  
 GTGCTGTGAA TACACAAAAA GTTGTGTCT AACTTACCCA GATATGTTTT TCTATCTTT 1680  
 GAAACCTTTT TAGCTACTGT TTGTTTTCAT TCAACTAACA AACATAATCC AATAATAAAA 1740  
 GCAGTATATA CATATTCTCT TTCTACAGTT ACCTCTGATT TAAAGTTATC AGTCATTTAG 1800  
 TGATTTGGCA AGTGTTTTTT AAATAAAACA AATCTCATTT GATAGAGTTG TGATTTGTGA 1860  
 TAGAATAGAA AAGCAACATA GAGCATACAA GAACATTTGG GATAGAGTTG TGATTTGTGA 1920  
 AGAATTTGTA CTTTGATATT GTGGCGGAAA GTCTAGACTG AGTGTGTATG CTGGTAACT 1980  
 GTAGACTTTT TTTTTTTTTT TTGAGTCCGG CTGGTTCCAA TCACAGTAGC TTGATTGCTT 2040  
 TCAGCCCTCA TCTCTCACT TGATCAGTTG TTCAACAGAA TCAGCTGACA TAATTGACAC 2100  
 AGTTTATTGG GTGTTAAGTC CGCTCTATAG GGATAGTGAC TACTTTTTTT TTTTTTTTTT 2160  
 TTTTGTCTCT TCTTCTCTC CCCTTTCTTT ATATGGGTTT AAATTTAACA TAAAGTTGTT 2220  
 TTTATAAGGC TTATTTGTGG CTTTAACTTG TAAGTCTGAT TACATCATTA TTGTTCCAAA 2280  
 TTCATTATCT CTGTAGGAAC TTTTAGTTCC ATTATATGAA CACTGGATAA CCTAATTTTT 2340  
 TTTAATGCTT TAAAAAATG GCAAAAAGAG GCTTGCTGTC AAAGAAACAC CTGAGATGAA 2400  
 TATTAATAA TTTTCACGGA ATTAATAAGTA TGATTTATTT CAGAGAAAAA AGAAAAAACA 2460  
 TTGGTGTGAA CGAATTTTGC AAGTTTAATT TGATTTATTT GTGTGAGGTC TACTTTAAAA 2520  
 ATGTTAGAAG GTTATTTAAA ATGATACTTA AATAAAGAAA GTGTGAGGTC TACTTTAAAA 2580  
 AAATTCAAAT GAAGAGAAAA AGAAAAACAG CATTCTAGAA ATGGCATTTG TCTTAATTA 2640  
 TTTTCCACTT AATGGAAGAT TATCAATTGT CCTATTTTAT GATCCCAGGA CTGAAGACAG 2700  
 TTGTTGGATA TCTGTCAAT TTATCTGTG AGTCATTGTG AATAATGACA TACAGTACTG 2760  
 AAGTAATCTG ATTTTATCT TTGGAATTC AATGCAATTG TCACACTAAT AACATCAACA 2820  
 TCTGCTATCA CTTATCTTTT TAAACTAAC CAAAAAAGGC TGGGATTACA GGCATGAGCC 2880  
 ACTGCACCCA ACTGCTTTT CTTCTTTCT TAACACACAC TAGGCTCTTT GTGTATTATG 2940  
 ATTCAGTGT ATTTGTAAC GTGTCCAGT GACCAAAATT CACTGCACTC GATCAGCTGT 3000  
 TCATCCATTT CTGTGTTTTT CTTGTCAAA ATTAATCCAG CAAATATATG AGGTATTTAC 3060  
 CAATTTATTT TCTTAGTATT ACAAATAAT TCATTAGCAT AAAGTACAAT AGTGAAATAT 3120  
 TTEAGTTGTT CCGAAGCTCA ATTAATCTG TTTTACATT CAGACCTAAA GCTGGCAATC 3180  
 AGSAGAAGAA GCACCTTGTT TTAATGTGG ASAAGATAAC ACTTBAATCC ATTTCAATTG 3240  
 CATTAGTGTA ITAACAGCA GCAGAGGTCA TGAGCCATT TTCAAAATGA ATACCTTTTA 3300  
 TTTCCATATA ATTTTITTT TTTAGAGTT AATAGCTGTT TCTATGATTA TCTCAATTT 3360  
 CCATATGTTA CTTAATCTGA AAAACATCT TAAATTCAA ACAGTTCTAT TTTCTCTCTT 3420  
 GTAAGTGTTA AATGTCATAA AAGTACATAT TTTAATTTGT TTTGAGTCT TGGATATAGC 3480  
 ACCAATAAAA ACACTAATTT GTGGSTATT AAGAAAACCT GGAGATATA CTCATACCTT 3540  
 AAAAGATC

Name: 278

Len: 4022 Check: 2A0

GTACGTGGGC GTCTGCTGTC GCGCGCGGTC GCGCGCGGTC GCGCGCGGTC GCGCGCGGTC 50  
 GCGCGCGGTC GCGCGCGGTC GCGCGCGGTC GCGCGCGGTC GCGCGCGGTC GCGCGCGGTC 100  
 GCGCGCGGTC GCGCGCGGTC GCGCGCGGTC GCGCGCGGTC GCGCGCGGTC GCGCGCGGTC 150  
 GCGCGCGGTC GCGCGCGGTC GCGCGCGGTC GCGCGCGGTC GCGCGCGGTC GCGCGCGGTC 200  
 GCGCGCGGTC GCGCGCGGTC GCGCGCGGTC GCGCGCGGTC GCGCGCGGTC GCGCGCGGTC 250  
 GCGCGCGGTC GCGCGCGGTC GCGCGCGGTC GCGCGCGGTC GCGCGCGGTC GCGCGCGGTC 300  
 GCGCGCGGTC GCGCGCGGTC GCGCGCGGTC GCGCGCGGTC GCGCGCGGTC GCGCGCGGTC 350

CG CGAGGAG	GAGATGGAGG	ATGACACGAG	TTGGGCGTCC	GAGGCAAGCT	TTGAGTTGAC	440
TGTGGAGGGC	TTGAGCAGAG	TGAGTSGAGT	GGTCCTTAGC	CCTTCGGTGT	TTGTGGGAAA	440
TTGGGATGG	AAGATTATGG	TGATGCACG	CTTTTATCA	GACAGACCAC	ACCAAAAAAG	440
CCTAGGATTC	TTTCTCCAGT	GCAATGCTGA	ATCTGATTC	ACGTGATGGT	CTTCCCATGC	440
ACAAGCAGTG	CTGAAGATAA	TAAATTACAG	AGATGATGAA	AAGTCGTTCA	GTCTGTGTAT	440
TAGTCATTTG	TTCTTCCATA	AAGAAAATGA	TTGGGGATTT	TCCAATTTTA	TGGCTGGGAG	440
TGAAGTGACG	GATCCTGAGA	AAGGATTTAT	AGAATGATGAC	AAAGTTACCT	TTGAAGTCTT	440
TGTACAGGCG	GATCCTCCCG	ATGGAGTTGC	GTGCGATTCA	AAAGAAGCA	CAGGCTACGT	440
CGCTTTAAAG	AATCAGGGAG	CGACTTCTTA	CATGAACAGC	CTGCTACAGA	CGTTATTTTT	440
CACGAATCAG	CTACGAAAGG	CTGTGTACAT	GATGCAACCG	GAGGGGGATG	ATTGCTCTAA	440
AAGCGTCCCT	TTAGCATTAC	AAAGAGTGT	CTAGTAATTA	CAGCATAGTG	ATAAACCTGT	1020
AGGAACAAAA	AAGTTAACAA	AGTCATTTGG	GTGGGAAACT	TTAGATAGCT	TCATGCAACA	1080
TGATGTTGAG	GAGCTTTGTC	GAGTGTGCT	CGATAATGTG	GAAAAATAAG	TGAAAGGCAC	1140
CTGTGTAGAG	GGCACCATAC	CCAAATTATT	CGCGGGCAAA	ATGCTGTCTT	ATATCCAGTG	1200
TAAAGAAGTA	GACTATCGGT	CTGATAGAAG	AGAAGATTAT	TATGATATCC	AAGTAAGTAT	1260
CAAGGAAAG	AAAAATATAT	TTGAATCATT	TGTGGATTAT	GTGGCAGTAG	AACAGCTCGA	1320
TGGGACAAAT	AAATACGACG	CTGGGGAACA	TGGCTTACAG	GAAGCAGAGA	AAGGTGTGAA	1380
ATTCTTAACA	TTCCACCAAG	TGTTACATCT	ATACTGATG	AGATTTATGT	ATGACCTCTA	1440
GACGACCAAA	AATATCAAGA	TCAATGATAG	GTTTGAATTC	CCAGAGCAGT	TACCACTTGA	1500
TGAATTTTTG	CAAAAAACAG	ATCCTAAGGA	CCCTGCAAAAT	TATATTCTTC	ATGCAGTCCT	1560
GCTTCATAGT	GGAGATAATC	ATGGTGGACA	TTATGTGCTT	TATCTAAATC	CCAAAGGGGA	1620
TGSCAAATGG	TGTAAATTTG	ATGACGACGT	GGTGTCAAGG	TGTACTAAAG	AGGAAGCAAT	1680
TGAGCACAAT	TATGGGGGTC	ACGATGACGA	CCTGTCTGTT	CGACACTGCA	CTAATGCTTA	1740
CATGTTAGTC	TACATCAGGG	AATCAAAACT	GAGTGAAGTT	TTACAGGCGG	TCACCGACCA	1800
TGATATTCTT	CAGCAGTTGG	TGGAGCGATT	ACAAGAAGAG	AAAAGGATCG	AGGCTCAGAA	1860
CTGGAAGGAG	CGGAGGAAG	CCCATCTCTA	TATGCAATGT	CAGATAGTGG	CAGAGGACCA	1920
GTTTTGTGGC	CACCAAGGGA	ATGACATGTA	CGATGAAGAA	AAAGTGAAAT	ACACTGTGTT	1980
CATTAATTTG	AAGAATCCTT	CGCTTGCTGA	GTTTGTTCAG	AGCCTCTCTC	AGACCATGGG	2040
ATTTCCACAA	GATCAAAATC	GATTGTGGCC	CATGCAAGCA	AGGAGTAATG	GAACAAAACG	2100
ACCAGCAATG	TTAGATAATG	AAGCCGACGG	CAATAAAACA	ATGATTGAGC	TCAGTGATAA	2160
TGAAAACCTT	TGGACAATAT	TCTTGAAAC	AGTTGATCCC	GAGCTGGCTG	CTAGTGAGGC	2220
GACCTTACCC	AAGTTTGATA	AAGATCATGA	TGTAATGTTA	TTTTTGAAAG	TGTATGATCC	2280
CAAAACGCGG	AGCTTGAAAT	ACTGTGGGCA	TATCTACACA	CCAATATCCT	GTAAATACCG	2340
TGACTTGCTC	CCAGTTATGT	GTGACAGAGC	AGGATTTATT	CAAGATACTA	GCCTTATCCT	2400
CTATGAGGAA	GTTAAACCGA	ATTTAACAGA	GAGAATTCAG	GACTATGACG	TGTCTCTTGA	2460
TAAAGCCCTT	GATGAACCTA	TGGATGGTGA	CATCATAGTA	TTTCAGAAAG	ATGACCCTGA	2520
AAATGATAAC	AGTGAATTAC	CCACCGCAAA	GGAGTATTTT	CGAGATCTCT	ACCACCGCGT	2580
TGATGTGATT	TTCTGTGATA	AAACAATCCC	TAATGATCCT	GGATTTGTGG	TTACGTTATC	2640
AAATAGAATG	AATTATTTTC	AGGTTGCAAA	GACAGTTGCA	CAGAGGCTCA	ACACAGATCC	2700
AATGTTGCTG	CAGTTTTTCA	AGTCTCAAGG	TTATAGGGAT	GGCCAGGTA	ATCCTCTTAG	2760
ACATAATTAT	GAAGGTACTT	TAAGAGATCT	TCTACAGTTC	TTCAAGCCTA	GACAACTTAA	2820
GAACTTTTAC	TATCAGCAGC	TTAAGATGAA	AATCAGAGAC	TTTGAGAAC	GGCGAAGTTT	2880
TAAATGTATA	TGGTTAAACA	GCCAATTTAG	GGAAGAGSAA	ATAACACTAT	ATCCAGACAA	2940
GCATGGGTGT	GTCCGGGACC	TGTTAGAAGA	ATGTAAAAAG	GCCGTGGAGC	TTGGGGAGAA	3000
AGCATCAGGG	AAACTTAGGC	TGCTAGAAAT	TGTAAGCTAC	AAATCATTTG	GTGTTTCATCA	3060
AGAGATGAA	CTATTAGAAT	GTTTATCTCC	TGCAACGAGC	CGGACGTTTC	GAATAGAGGA	3120
AATCCCTTTG	GACCAGGTGG	ACATAGACAA	AGAGAATGAG	ATGCTTGTCA	CAGTGGCSCA	3180
TTTCCACAAA	GAGGTCTTCG	GAAGCTTGGG	AATCCCTTTT	TTGCTGAGGA	TACACCAGGG	3240
CTAGCATTTT	CGAGAAGTGA	TGAAGCGAAT	CGAGAGCTTG	CTGGACATCC	AGGAGAAAGGA	3300
GTCTGAGAA	TTTAAATTTG	CAATTGTAAT	GAGGGGCTGA	CACGAGTACA	TAAATGAAGA	3360
CGAGATGAA	GTAAATTTGA	AAGACTTTGA	GCCACAGCTC	GGTAATATGT	CTCATCCTCG	3420
GGCTTGGCTA	GGGCTCGACC	ACTTCAACAA	AGCCGCAAG	AGGAGTCGCT	ACACTTACCT	3480
TGAAAAGGCG	ATTAAAAATC	ATAACTGATT	TCCAAGCTGG	TGTGTTCAAG	GCGAGGAGCG	3540
TGTGTGGGTG	GGCTTTTAA	AGCCTAGAAC	TTTGGTGGAC	GTGGCCTCTA	GGGGAAGTCT	3600
TCAGCAAGAG	GATTCGCTGC	TGGTGTAAAT	TTTATTTTAT	TGAGGCTGTT	CAGTTTGGCT	3660
TCTCTGTATC	TATTGACTGC	CTTTTTTGG	CAAAATGAAG	ATGTTTTTAT	AAAGCTTGGG	3720
TGCAATGAG	AGTTATTTTA	TGGTAACCA	AGTCAAGGGC	AACTGTCAAG	GCAATGGGGG	3780
AGAAGAGGTT	AGTGGATGGG	GGGTCCCTGG	CTCAAGGCTC	CTGGGCTGTC	CCTAGTGGGC	3840
ACGAGTGGCT	CGGTGCTCTT	CTGGGGCTCC	CGTGCACACG	CCCTGCAAGC	AGCAAGTCTT	3900
GTGTTTAGGC	TGCTCTGACC	TATTTCTCTC	AGTTATACCT	TCAATGACCT	TTTGTGCTAT	3960
TGTTAAAGCA	AAACAGAGAA	ACTCACAACC	TAATAAATAG	CGCTCTTCC	TTCAAAAAAA	4020

AA

Name: 279

Len: 3403 Check:

705

4 22

CAGGCTGTGAG	CCGAGGOTAG	GTGAGCTGTG	GGAGGAAAG	AGGAGGAAAT	TAGGGGCGGCG	60
GTGTCTGTCTC	TGGTGGAGGTT	TGGAACGGGT	GAAGTTCATC	TTGAGGCTCT	TAGGGGCGGCG	120
CGGCTAGGTTA	GGCTTGGCTT	CTGAGGGGGT	TGGGCTGCTC	GCTGGCCTGC	TAGGGGCGGCG	180
AGGCTTGGGAA	CAGGGGGCTTC	GGGCTAGGCT	CTCTTGGGCT	AGGGAATTTT	GCTGTGAAGT	240
CCCTTCGGGA	AACGGAGGAA	AAAAAGAGTT	GGGGAGGGCT	GTCTGCATAT	AAGGGTTCTT	300
GATACATATT	TGGGAGACTT	CAAGATTTCA	GAAGAGGGGT	GAAGAGAGAG	ATTGCAACTT	360
TGATTCAGAC	CTGTAGGGCT	GATAGACTGA	TTAAACATCA	GAAGGTBACC	TGCTGAGAAA	420
AGTGGTAJAA	ATACTGGGAA	AAACCTGCTC	TTCTGCTTTA	AGTGGAGAGC	AATGTACAAA	480
GTAAAAAGCT	CTTATTCCTA	TGAAGGCTCT	TGGGATTTCA	TCAATTTTTC	ATCTTGGAT	540
GATGAAGGAG	ATACTCAAAA	CATAGATTTA	TGGTTTGAAG	AGAGGGGCAA	TTTGGAGAAT	600
AAGTTACTGG	GGAGGAGTGG	AAGTGGAGGG	TTTTTTGAGG	GGAAAACTTC	TTTGGAGAAAG	660
GCTAATCTTC	AGCAAGCTAT	TGTCACACCT	TTGAAACCAAG	TTGACAACAC	TTACTACAAA	720
GAGGTCAGAA	AGGAAAAATCT	TGTGGAAACAA	TCCATTCCGT	CAAAATGCTTG	TTCTTCCCTG	780
GAAGTTGAGG	CAGCCATATC	AAGAAAAACT	CCAGCCCCAGC	CTCAGAGAGAG	ATCTCTTAGG	840
CTTTCTGCTC	AGAGGGATTT	GGAAACAGAAA	GAAGAGCATC	ATGTAAAAAT	GAAAGGCCAAG	900
AGATGTGGCA	CTCTTGTAAT	CATCGATGAA	ATTCTACCCCT	CTAAGAAAAAT	GAAAGTTTCT	960
AACAACAAAA	AGAGGCCAGA	GGAGGAAGGC	AGTGTCTCATC	AAGATACTGC	TGAAAACAAT	1020
GCATCTTCCC	CAGAGAAAGC	CAAGGGTAGA	CATACTTGTG	CTTGTATGCT	ACCTGCAAAAG	1080
CAGAAGTTTC	TAAAAAGTAC	TGAGGAGCAA	GAGCTGGAGA	AGAGTATGAA	AATGCAGCAA	1140
GAGGTGGTGG	AGATGCGGAA	AAAGAATGAA	GAATTCAAGA	AAGTTGCTCT	GGCTGGAATA	1200
GGGCAAGCTG	TGAAGAAATC	AGTGAGCCAG	GTACCCAAAT	CAGTTGACTT	CCACTTCCGC	1260
ACAGATGAGC	GAATCAAAAC	ACATCTTAAG	AACCAGGAGG	AATATAAGGA	AGTGAACTTT	1320
ACATCTGAAC	TACGAAAGCA	TCCTTCATCT	CCTGCCCGAG	TGACTAAGGG	ATGTACCATT	1380
GTAAAGCCTT	TCAACCTGTC	CCAAGGAAAG	AAAAGAACAT	TTGATGAAGC	AGTTTCTACA	1440
TATGTGCCCT	TGGCAGAGCA	AGTTGAAGAC	TTCCATAAAC	GAATCCCTAA	CAGATATCAT	1500
TTGAGGAGCA	AGAGGGATGA	TATTAACCTG	TTACCCCTCCA	AATCTTCTCT	GACCAAGATT	1560
TGCAGAGACC	CACAGACTCC	TGTACTGCAA	ACCAAAACACC	GTGCACGGGC	TGTGACCTGC	1620
AAAAGTACAG	CAGAGCTGGA	GGCTGAGGAG	CTGAGAAAT	TGCAACAATA	CAAAATTCAAA	1680
GCAGCTGAAC	TTGATCCGAG	AATACTTGAA	GGTGGGCCCA	TCTTGCCCCA	GAAACCACCT	1740
GTGAAAACAC	CCAGCTGAGC	TATTGGCTTT	GATTTGGAAA	TTGAGAAAAG	AATCCAGGAG	1800
CGAGATCAAC	AGAGGAAAGC	AGAGGATGAA	CACCTTTGAAT	TTGATTCAGG	ACCTTGCCCT	1860
ACTAAGATTT	TGGAAGATGT	TGTGGGTGTT	CCTGAAAAGA	AGGTACTTCC	AATCACCGTC	1920
CCCAAGTCAC	CAGCCTTTGC	ATTGAAGAAC	AGAATTGCAA	TGCCCCACCA	AGAAGATGAG	1980
GAAGAGGAGC	AACGGGTAGT	GATAAAAGCT	CAACCTGTGC	CACATTATGG	GGTGCCTTTT	2040
AAGCCCCAAA	TCCAGAGAGC	AAGAAGTGTG	GAATATATGC	CTTTCTCGTT	TGATTCTCGA	2100
GACAAAGAAC	GTCACTTACA	GAAGGAGAAG	AAAAATAAAG	AACTGCAGAA	AGGGGAGGTG	2160
CCCAAGTTCA	AGGCACTTCC	CTTGCCCTCAT	TTTGACACCA	TAAACCTGCC	AGAGAAGAAG	2220
GTAAAGGATG	TGACCTCAGT	TGAATCTTTC	TGCTTGGAGA	CTGACAGAAAG	AGGTGCTCTG	2280
GTGACAGAA	CTTGGAGCA	CCAGCTGGAA	GAAGAAGTGA	GACAGCAGAA	AGAAGCAGCT	2340
CTTCAAGG	CTCTTCCAAA	CACCTTCATC	TCTCAGGAGC	CCTTTGTTCG	CAAGAAAGAG	2400
AAGAAATCAG	TTGCTGAGGG	CCTTTCTGGT	TCTCTAGTTC	AGGAACCTTT	TCAGCTGGCT	2460
ACTGAGAGAA	AGGCAAAAGA	GGGCGAGGAG	CTGGAGAGAA	GAATGGCTGA	GGTAGAAGCC	2520
CAGAAAGCCC	AGCAATTGGA	GGAGGCCAGA	CTACAGGAGG	AAGAGCAGAA	AAAAGAGGAG	2580
CTGGCCAGGC	TACGGAGAGA	ACTGGTGCAT	AAGGCCAAATC	CAATACGCAA	GTACCAGGGT	2640
CTGGAGATAA	AGTCAAGTGA	CCAGCCTCTG	ACTGTGCCTG	TATCTCCCAA	ATTCTCCACT	2700
CGATTCACAT	GCTAAACTCA	GCTGTGAGCT	CGGATACCGG	CCCGGCAATG	GGACCTGCTC	2760
TTAACCITCAA	ACCTAGGACC	GTCTTGCTTT	GTGATTGGGC	ATGGAGAGAA	CCCATTTCTC	2820
CAGACTTTTA	CTCAACCGTG	CCTGAGAAAG	CATACTTGAC	AACTGTGGAC	TCCAGTTTTC	2880
TTGAGAAITG	TTTTCTTACA	TTACTAAGGC	TAATAATGAG	ATGTAACCTA	TGAATGTCTC	2940
GATTAGACTC	TATGTAGTTA	CTTCTTTTAA	ACCATCAGCC	GCTCTTTTAT	ATGGGTCTTC	3000
ACTCTGACTA	GAATTTAGTC	TCTGTGTGAG	CACAGTGTAA	TCTCTATTGC	TATTGGCCCT	3060
TAGACTCTCT	AGCTCTCTCC	CACCTTTTTT	AAAAATTTTA	ACCAGAAATAT	AAAGATAGTT	3120
AAATCTTAAG	ATAGAGATTA	AGTCATGGTT	TAAATGAGGA	ACAATCAGTA	AATCAGATTG	3180
TGTCTCTCTC	TCTGTATATC	GTGAATTTAT	AGTTAAGGAT	CCCTTTGCTG	TGAGGGTAGA	3240
AAACCTCACC	AAGTGCACCA	GTGAGGAAGA	AGACTGCGTG	GATTCATGGG	GAGGCTCACA	3300
GCAGGTCAGC	AGCAGGGCTCT	GGGTGGGGCT	GGGTTAAGG	CACAGTTCTT	TCTTACTTGG	3360
TGCTGATAAC	AACAGGGAAC	CTTGCACTGT	GCATTTTAAAG	ACT		3420

Name: 28	Len: 426	Check: 1220				
TTGATTTGTG	GGGATGCAAA	GGAGGAGGTA	ATGGAACAAA	AGGAGGAGCA	AGGTTAGATA	60
ATGAGGCTGA	AGAAATAAAA	CAATGATTGA	GCTCAGTGAT	AATGAAAAAC	CTTGGACAAAT	120
ATTCTCTGAA	AGAGTTGATC	CGAGGCTGGC	TCTTAGTGA	GGAGCTTAC	CGAAGTTTGA	180
TAAAGATCAT	GATGTAATGT	TATTTTTGAA	GATSTATGAT	CCCAAAACGC	GGACTTTTGA	240
TTACTGTGGG	CATATCTACA	CACCAATATC	CTGTAAAATA	CTGACTTGC	TCCAGTTAT	300



TGGTAAATTA TACGATTTA TCCAGATAC TAGCCTTTAT CTTCTATGA TAAATTAATA  
 CCGAATTTAA CAGAGAGAAT TCCAGGACTA TGACGTGTCT CTTTGATAAA GTTCTTGAT  
 GAACTA

361  
 400  
 426

Name: 190

Len: 6428 Check: 1EC4

GCTAGTGGAA	GTTACTGCGG	CGCCACCGAG	TCCGGACCGG	AGACTTTGGG	GCTAACTAG	60
TGAATGGTAG	TGTCTAGAAA	GGGTATGTCC	CTTCAAGAGA	GAGGTGCCAA	TGTCCAAACG	120
GCTAATTAAC	AATCCAGGGG	GGTCACTGCG	ACGTTCCACG	AGGAACACTG	CTGGGGGCCA	180
ATCAAAAGAC	CACTCAATAG	GAGGAAGAA	CTGCAGTTCA	TGATCTGCTG	TGATAGTTCC	240
AATAAAGAG	GATCTAGACA	GAGGCAATA	TTGAGAAAGA	CAAAAAACGG	GGCAAGTGCC	300
TAAGAAAAC	AATTGTGAG	GAGTGAAGCG	CAGTGCTAGT	CCAGACTACA	ACAGGACCAA	360
TTCTCTAGC	TCTGCAAAAA	AAACAAAAGC	ACTTCAGCAT	ACTGAATCTC	CTCAGAAAA	420
AAATAAGCCA	CATAGTAAGT	CAAGAAGAG	ACATTTAGAC	CAGGAGCAAC	AACTGAAATC	480
TGCAAAATCA	CCATCAACAA	GCAAGGCTCA	TACCAGGAAG	AGTGGGGCCA	CTGGCGTTTC	540
ACGGAGTCAG	AAAAGAAAAA	GGACAGAGAG	TTCTTGTGTA	AAGAGTGGCT	CCGGGTCTGA	600
ATCAACTGGT	GCAGAAGAGA	GATCTGCGAA	ACCTACCAAG	CTGGCTTCAA	AATCAGCCAC	660
CTCAGCCAAA	GCTGGGTGTA	GCACCATCAC	TGATTCTTCT	TCTGCTGCTC	CTACTTCTCT	720
CTGCTCTTCT	GCTGTAGCCT	CGGCTCTCTC	CAGTGTACCA	CCAGGTGCCA	GAGTGAACA	780
AGAAAAATAT	CAGAACAGG	CCAGGCTTC	CCGTTCAAG	TCCAGTCCCA	GGCCAGAAAG	840
AAGTAGCAGG	GAAGAAGAAC	AGASTAAAC	TGGTGGCTCT	TCAAAATTTG	ATTGGGCTGC	900
TGCTTTTCAGC	CCTAAAGTTA	GCCTTCCTAA	AAACAAACTG	TCTCTTCCAG	GCTCTTCTAA	960
GTCAAGAGCA	TCAAAACCTG	GACCTTCTGG	ATTACAGGCC	AAATTAGCAA	GTTTAAGAAA	1020
ATCTACGAAG	AAACGCAGTG	AGTCTCCACC	TGCTGAGCTC	CCAGTTTGA	GGCGGAGCAC	1080
AAGGCAAAAG	ACCACGGGCT	CCTGTGCTAG	TACCAGTCGG	CGAGGCTCTG	GCCTGGGCAA	1140
AAGAGGAGCA	GCTGAAGCTC	GTCGACAGGA	GAAATGGCA	GACCTGAAA	GCAACCAGGA	1200
GGCAGTAAAT	TCTTCAGCTG	CTCGACAGGA	TGAAGCTCCC	CAAGGAGCTG	CAGGGCTCTT	1260
TGGCATTAAC	ACCTCTGGGG	AGAGTGAATC	AGATGATTC	AGATGATTC	GTTTGCAAGC	1320
TTTGTAGAG	GCAAGGGGTC	TTGCGGCTCA	CCTATTGGT	CCTCTTGGTC	CTCGATGTC	1380
ACAGCTTTTC	CATAGAACAA	TTGGAAGTGG	AGCTAGTTCT	AAGGCCAGC	AGCTACTACA	1440
AGGATTGCAA	GCCAGTGATG	AAAGTCAACA	GCTTCAGGCA	GTTATTGAGA	TGTGTAGTT	1500
ACTGGTCATG	GGAAATGAGG	AGACACTGGG	AGGGTTTCTC	GTCAGAGTGT	TTGTTCCAGC	1560
TTTGATTACG	TTACTTCAGA	TGGAGCACAA	TTTTGATATT	ATGAACCATG	CTTGTCCAGC	1620
CTTAACATAC	ATGATGGAAG	CACTTCCTCG	ATCTTCTGCT	GTTGTAGTAG	ATGCTATTCC	1680
TGTCTTTTTA	GAAAAAGCTG	AAGTTATTCA	GTGTATTGAT	GTGGCAGAGC	AGGCTTTGAC	1740
TGCCCTGGAG	ATGTTGTAC	GGAGACATAG	TAAAGCCATT	CTACAGGCGG	GTGGTTTGGC	1800
AGACTGCTTG	CTGTACCTAG	AATTCTTCAG	CATAAATGCC	CAAAGAAATG	CATTAGCAAT	1860
TGCAGCTAAT	TGCTGCCAGA	GTATCACGCC	AGATGAATTT	CATTTTGTGG	CAGATTCACT	1920
CCCATTTGCTA	ACCCAAAGGC	TAACACATCA	GGATAAAAAG	TCAGTAGAAA	GCACTTGCCT	1980
TTGTTTTGCA	CGCTAGTGG	ACAACCTTCA	GCATGAGGAG	AATTTACTCC	AGCAGGTTGC	2040
TTGCAAGAT	CTGCTTACAA	ATGTTCAACA	GCTGTTGGTA	GTGACTCCAC	CCATTTTAAAG	2100
TTGCGGATG	TTTATAATGG	TGTTTCGCAT	GTTTTCTCTG	ATGTGTTCCA	ACTGTCACAC	2160
TTAGCTGTT	CAACTTATGA	AACAAAACAT	TGCAGAAACG	CTTCACTTTC	TCCTGTGTGG	2220
TGCTCCAAAT	GSAAGTTGTC	AGGAACAGAT	TGATCTTGT	CCAGGAAGCC	CTCAAGAGTT	2280
GTATGAAGTG	ACATCTCTGA	TTTGTGAAT	TATGCCATGT	TTACCAAAAG	AAGGCAATTT	2340
TGCAGTTGAT	ACCATGTTGA	AGAAGGGAAA	TGCACAGAAC	ACAGATGGTG	CGATATGGCA	2400
GTGGGCTGAT	GATCGGGGCT	TCTGGCATCC	ATATAACAGG	ATTGACAGCC	GGATCATTGA	2460
GCAAAATCAAT	GAGGACACGG	GAACAGCACG	TGCCATTTCAG	AGAAAACCTA	ACCCGTTAGC	2520
CAATAGTAAC	ACTAGTGGAT	ATTGAGAGTC	AAAGAAGGAT	GATGCTCGAG	CACAGCTTAT	2580
GAAAGAGGAT	CCGGAAGTGG	CTAAGTCTTT	TATTAAGACA	TTATTTGGTG	TTCTTTATGA	2640
AGTGTATAGT	TCTTCAGCAG	GACCTGGGGT	CAGACATAAG	TGCTTTAGAG	CAATTCTTAG	2700
GATAATTTAT	TTTGGGGATG	CTGAACTTCT	GAAGGATGTT	CTGAAAAATC	ATGCTGTTTT	2760
AAGTACATTT	GCTTCCATGC	TGTCAAGCCA	AGACCTGAAG	ATAGTAGTGG	GAGCACTTCA	2820
GATGGCAGAA	ATTTTAATGC	AGAAGTTACC	TGATATTTT	AGTGTTTACT	TCAGAAAGAG	2880
AGGTGTAATG	CATCAAGTAA	AACACTTAGC	AGAATCAGAG	TCTTTGTTGA	CAAGTCCACC	2940
AAAGGCATGT	ACGAATGGAT	CGGATCCAT	GGGATCCACA	ACTTCAGTCA	GCAGTGGGAC	3000
AGCTACAGCT	GCCACTCATG	CTGCAGCTGA	CTTGGGATCA	CCAGCTTGC	AGCAGGCGAG	3060
GGATGATTCT	TTAGATCTCA	GCCCTCAAGG	TGATTTAAGT	GATGTTCTAA	AGAGAAAAAG	3120
ACTGCCAAAA	CGAGGGCCAA	GAAGGCCAAA	GTACTCACCT	CCAAGAGATG	ATGACAAAGT	3180
AGACAATCAA	GCTAAAAGCC	CCACCACTAC	TCAGTCACTT	AAATCTTCTT	TCCTGGCAAG	3240
CTTGAATCCA	AAAACATGGG	GAAGGTTAAG	TACACAGTCC	AACAGCAACA	ACATTGAGCC	3300
AGCAGGGAAT	GCGGGAGGTA	GTGGGCTTGC	CAGGGCTGCC	TCAAAGGATA	CCATCTCCAA	3360
TAATAGAGAA	AAAATTAAG	GTTGGATTAA	GGAGCAGGCA	CATAAATTTG	TAGAAAGTTA	3420
TTTCAGTTCT	GAGAATATGG	ATGGAAGCAA	CCCTGCATTG	AATGTCTTTC	AGAGACTTTG	3480
TGCTGCAACC	GAACAACCTCA	ACCTCCAGGT	GGATGGTGGG	GCTGAGTGCC	TTGTAGAAAT	3540

TTGTAGCATA	GTCTCAGAGT	CAGATGTTTC	ATCATTTTAA	ATCCAAACATA	GTGATTTTGT	3607
GAAACAGATG	TTGCTTTTATT	TGACATCTAA	AAGTGAAAAG	GATGCTGTGA	GCAGAGAGAT	3660
CAGATTAAAG	CGATTTCTTC	ATGTATTTTT	TTCTTCTCCA	TTCTCTGGAG	AAGAGGCCAT	3720
TGGAAGAGTG	GAACCAAGTG	GTAATGCACC	TTTGTGGCA	TTAGTTCCCA	AGATGAACAA	3780
CTGCTCAGTG	CAGATGGAAC	AATTTCCAGT	CAAAATACAT	GATTTCCCTA	GTGAAATGG	3840
GACAGGAGGC	AGCTTTTCTC	TCAACAGAGG	ATCACAGGCT	TTAAAATTTT	TCAACACACA	3900
TCAATTAAAA	TGCCAGTTAC	AAAGGCATCC	AGACTGTGCA	AATGTGAAGC	AGTGGAGGG	3960
TGACCTGTGC	AAGATTGACC	CTCTGGCTTT	GGTACAAAGC	ATCGAGAGAT	ACCTTGTAGT	4020
TAGAGGSTAT	GGAAGAGTAA	GAGAAGATGA	TGAAGACAGC	GATGACGATG	GATCAGATGA	4080
GGAAATAGAT	GATCTCTGTG	CTGCTCAGTT	CTTAAATTCA	GGAAATGTAA	GACACAGGCT	4140
GCACTTTTAT	ATTGGAGAAC	ATTTGCTGCC	GTATAACATG	ACTGTGTATC	AGGCAGTACG	4200
GCASTTTTAT	ATACAGGCTG	AAGATGAAAG	AGAAATCCACA	GATGATGAGA	GCAATCCTCT	4260
AGGCAGAGCT	GGTATTTTGA	CAAAGACTCA	TACAATATGG	TATAAACCTG	TGAGAGAGGA	4320
TGAAGAAAGT	AATAAAGATT	GTGTTGGTGG	TAAAAGAGGA	AGAGCCCAAA	CAGCTCCAAAC	4380
GAAAACCTTC	CTAGAAATG	CAAAAAGCA	TGATGAGTTA	TGGCAAGATG	GATGTGGCC	4440
ATCAGTATCA	AATCCTTTAG	AAGTTTACCT	CATTCCACACA	CCACCTGAAA	ATATAACATT	4500
TGAAGACCCG	TCATTAGATG	TGATCCTTCT	TTTAAGAGTT	TTACATGCTA	TCAGTCGATA	4560
CTGGTATTAC	TTGTATGATA	ATGCAATGTG	CAAGGAAATT	ATTCCAACTA	GTGAATTTAT	4620
TAACAGTAAG	TAAACAGCAA	AAGCAAATAG	GCAACTTCAA	GATCCTTTAG	TAATCATGAC	4680
AGGAAACATC	CCAACATGGC	TTACTGAGCT	AGGAAAAAOC	TGGCCATTTT	TCTTTCCTTT	4740
TGATACCCGG	CAATGCTTTT	TTTATGTAAC	TGCATTTGAT	CGGGACCGAG	CAATGCAAAAG	4800
ATTACTTGAT	ADCAACCCAG	AAATCAACCA	GTCTGATTCT	CAAGATAGCA	GAATTGCAOC	4860
TAGATTGGAT	AGAAAAAAAC	GTACTGTGAA	CCGAGAGGGAG	CTGCTGAAAC	AGGCGGAGTC	4920
TGTGATGCAG	GACCTCGGCA	GCTCACGGGC	CATGTTAGAA	ATCCAGTATG	AAAATGAGGT	4980
TGTTACAGGT	CTTGGGCCCT	CACTGGAGTT	TTATGCGCTT	GTATCTCAGG	AACTACAGAG	5040
AGCTGACTTG	GGTCTTTTGA	GAGSTGAAGA	AGTAACCTCT	AGCAATCCAA	AAAGGAGCCA	5100
AGAAGGGACC	AAGTATATTC	AAAACCTCCA	GGGCTCTTTT	CGCTTTCCTT	TTGTTAGGAC	5160
AGCAAAAGCA	GCTCATATCG	CAAAGGTTAA	GATGAAGTTT	CGCTTCTTAG	GAATAATTAAT	5220
GGCAAGGCT	ATCATGGATT	TCAGATTGGT	GGACCTTCCC	CTTGGCTTAC	CTTTTTATAA	5280
ATGGATGCTA	CGGCAAGAAA	CTTCACTGAC	ATCACACGAT	TTGTTTGACA	TCGACCCAGT	5340
TGTAGCCAGA	TCAGTTTATC	ACCTAGAAGA	CATTGTGAGA	CAGAAGAAAA	GACTTGAACA	5400
AGATAAATCC	CAGACCAAAG	AGAGTCTACA	GTATGCATTA	GAAACCTTGA	CTATGAATGG	5460
CTGCTCAGTT	GAAGATCTAG	GACTGGATTT	CACTCTGCCA	GGGTTTTCCA	ATATCGAACT	5520
GAAGAAAGGA	GGGAAGGATA	TACCAGTCAC	TATCCACAAT	TTAGAGGAGT	ATCTAAGACT	5580
GGTTATATTG	TGGCAGCTAA	ATGAAGGCGT	TTCTAGGCCA	TTTGATTCTG	TCAGAGATTG	5640
ATTTGAATCA	GTCTTCCCAC	TCAGTCATCT	TCAGTACTTC	TACCCGGAGG	AACTGGATCA	5700
GCTCCTTTGT	GGCAGTAAAG	CAGACACTTG	GGATGCAAAAG	ACACTGATGG	AATGCTGTAG	5760
GCTGATCAT	GTTTATACTC	ATGACAGTCG	GGCTGTGAAG	TTTTTGTTTG	AGATTCTCAG	5820
TGTTTTGAT	AATGAGCAGC	AGAGGTTATT	TCTCCAGTTT	GTGACTGGTA	GCCCAAGATT	5880
CTGTTTGA	GGATTCCGGA	GTTTGAATCC	ACCTTTGACA	ATTGTCCGAA	AGACGTTTGA	5940
TCAACAGAA	AACCCAGATG	ACTTCTTGCC	CTCTGTAATG	ACTTGTGTGA	ACTATCTTAA	6000
TTTCCCGGAC	TATTCAAGCA	TTGAGATAAT	GGGTGAAAAA	CTGTTGATAG	CAGCAAGAGA	6060
AGGGCAGCAG	TGTTTCCATC	TTTCTGATT	ATAGCAAGAA	ATGCAGTGTG	TGCTGTATTAC	6120
AGCAAAAGAA	ACAAATCATG	ATTTCTTTTT	TAATGTTATC	ACCTGAGTCA	AGGAAACATG	6180
TTACGCCCTTC	TGTTGTAGG	AAAAACGGCT	TCAGATTAT	AAAGAGACAT	TTGTTGATA	6240
TTCAATTAATG	GCCCCATGGA	CTTAAAGTGA	TCAGGCCCTA	AAACGTTGTT	GTGATGAGGT	6300
TTCTTTAGCA	AGTTCTTGTT	TAAATTATCA	TTTATTTGAT	GAGTGAAGTT	TTTAACATGC	6360
TTTGCTGTGT	GAAATTTAAA	AAAGGGATGT	TTTTCCAGGC	TGGAACAATA	AATGTGGCTG	6420
TGCAGTTT						6423

Name: 231

Len: 1266 Check: 1000

GCGGGTGGGA	GGGCTCCTAG	TGCGCCAGGT	TGTGGGAAGT	GAGGCTGGCG	GTGGCGACAA	60
CGAGGAGGA	GGGGCBBGAC	GGTGGAGCAC	GGACCGGCTG	AGCGTCATGG	AGGGCTCAGG	120
GAGCAGCGG	GGCCACAAAC	CACAGCATCC	CGGAGACCA	CGCATCCGGG	ACGGGCACTT	180
CGTGGTGCTG	AAACGTGAAG	ATGTGTTTAA	AGCAGTACAA	GTCCAGCAGA	GAAAAAAAGT	240
AACTTTGGAA	AAACAGTGGT	TCTACCTGGA	TAACGTCTTT	GGCCATAGTT	ATGGAAGTGC	300
ATTGGAAGTG	ACCAGTGGAG	GAAGTCTACA	GCCCAAGAAAG	AAGAGGGAAAG	AGCCTACTGC	360
AGAGACTAAA	GAAGCBBGCA	CTGATAATCG	AAATATAGTT	GATGATGGGA	AATCTCAGAA	420
ACTTACTCAA	GATGACATAA	AAGCTTTGAA	GGACAAAGGGC	ATTAAAGGAG	AGGAAATAGT	480
PCAGCAGITA	ATIGAAAATA	GTACAACATT	CCGAGACAAAG	ACAGAATTTG	CCCAAGATAA	540
ATATATTAAA	AAGAAGAAAA	AAAAATATGA	AGCCATCATT	ACTGTTGTGA	AGCCATCCAC	600
CGTATTCTT	TCAATTATGT	ATTATGCAAG	AGAACCTGGA	AAAATTAACC	ACATGAGATA	660
CGATACACTA	GCCCAGATGT	TGACGTTGGG	AAATATCCGT	GCTGGCAACA	AAATGATTGT	720
GATGGAAACG	TGTGCAAGGT	TGGTGCTGGG	TGCAATGATG	GAACGAATGG	GAGGTTTTTG	780



CTCCATTATT	AGTTATACG	CTGGAGGAGG	ACTGTTTCGG	GCAGCAACAG	TATGTTTTCG	340
ATTTTCGAAA	TCTTTTCTCA	CTGTTTCTTA	TGAATTCCCT	CTCAACAAAG	TGACAGTCT	300
TCTACATGGA	ACATTTTDTG	CTAAGATGTT	ATCTTCAGAG	CCAAAAGACA	GTGTTTTCGT	360
TGAAGAAAGT	AATGGCAGAC	TGGAGGAAAA	ACAGGCTTCT	GGGCAAGAGA	ATGAAGACAG	1840
CATGBCAGAG	GCTTCAGAGA	GCAACCACTC	AGAAGACCAG	GGAAACAAATG	GAAACAATTT	1080
CTCAAGATCC	AGAACATAAG	GGGCTTAAAG	AGAGAGGAAG	CAAAAAAGAT	TATATTTTCAG	1140
GGAAAAACAG	AGGTAGACAA	GGAAGGAGCA	GTGGAAAAGA	CTTTTGGGGC	TGCGTTTTCG	1200
CTTGAATTGA	AAGGAAACGC	TGATGTTTCT	ATTTGTTAGC	TTGTTTCTTT	GCATCCCAT	1260
TCTCTT						1260

Name: 282 Len: 3942 Check: E05

AGGAATTTCG	GTGAGCTGAG	CTCGGGGGGC	GGGGGGGGCG	GGGAGCGGGC	GCGCGGGGGG	40
CCTCAGCATG	GAGGACGGCT	TCTCCAGCTA	CAGCAGCCTG	TACGACAGCT	CCTCGCTGCT	120
CCAGTTCTGC	AACGATGACA	CGCTTTCTGC	TGCAAGTAGC	ATGGAGGTGA	CAGACCGCAT	180
TGCTTCACTG	GAGCAGAGAG	TCCAGATGCA	AGAAGACGAC	ATCCAGCTGC	TCAATCAGC	240
TCTAGCTGAT	GTGTTTCGGC	GGCTGAACAT	TACTGAGGAA	CAGCAGGCGG	TGCTTAACAG	300
GAAAGGACCT	ACCAAAGCAA	GACCACTGAT	GCAGACCCTG	CCTTTTAGAT	CCACGGTCAA	360
CAATGSCACT	GTGTTACCAA	AGATACCTAC	TGGCTCTCTA	CCATCCCTCT	CGGGGTTGAG	420
GAAAGATAAT	CTTGTGCTAG	CAACCAAAAG	TACATCAAG	AGGACCACT	CTTCTGAACG	480
AGTGTCTCCT	GGGGGTGAAA	GGGAAAGCAA	TGGGATTCC	AGAGGAAACG	GGAATCGCAC	540
AGGCTCCACC	AGCAGCTCTT	CGAGTGGCAA	AAAAGAACAG	TGAAAGCAAA	CCCAAGGAGT	600
CTGTATTGAG	TGCAGAAAGAA	GGCTATGTAA	AATTGTTTCT	TGTTGGACGC	CCTGTTACCA	660
ACATGCC	CAAGATCAA	GTGGATTCTT	ACAGCTTGGA	AGCAAAAGTA	GAACTTCCAA	720
CAGAGACT	CAAGCTGGAA	TGGGTCTATG	GGTACAGGGG	TGAGACTGCG	CGTAACAACG	780
ACTTTCCT	TCCGACGGGA	GAGACCGTCT	ACTTCATCGC	ATCCGTGGTG	GTGTTATACA	840
GTGAGGGA	CGAAGTGCAG	AGGCATTACG	CTGGCCACAA	CGATGACGTG	AAGTGCCTAG	900
CAGTTTCATC	TGATCGGATC	ACGATAGCAA	CAGGACAAGT	TGCGGGCACA	TGCAAGGATG	960
GAAAACAATT	CGCCCCACAT	GTGCGCATCT	GGGATTCTGT	GACATTGAAT	ACTCTCCACG	1020
TCATTGGAAT	AGGTTTTTTT	GACCGAGCACT	TACCTGTAT	TGCATTCTCA	AAATCTAATG	1080
GAGGAACCAA	TCTCTGTGCT	GTGGATGAT	CCACAGACCA	TGTGCTCTCT	GTATGGGACT	1140
GGCAGAAAC	AAAAACTA	GCAGATGTGA	AGTGCTCTAA	TGAAGCTGTG	TTTGCTGCGG	1200
ATTTCT	CACGGACACC	AACATCATAG	TTACTTGTGG	AGAAATCACT	TCTCTACTTT	1260
TGGACACT	AAGGAAGCTC	CCATTAATAA	GAAGCAAGGA	TTATTGAGA	ACAAGAAAG	1320
CCAAAGTTGT	CCTCTGTGTG	ACTTTCTCTG	AAAACGGTGA	CACCATTACT	GGAGATTCAA	1380
GTGGCAACAT	CTTAGTATGG	GGAAAAGGTA	CAATCGAAT	AAGCTATGCA	GTTCCAGGGG	1440
CCCATGAGGG	TGGCATTTCT	CCACTTTGTA	TGTTAAGAGA	TGGCACACTG	GTGTCGGGAG	1500
GTGGGAAAGA	CGGAAAGCTC	ATTTCTTGGA	CGGGAAACTA	TCAAAAACCT	CGTAAACCG	1560
AGATTCCAGA	ACAGTTTGGT	CCAATACGGA	CAGTGGCCGA	GGGSAAGGC	GATGTGATCT	1620
TGATTGGCAC	AACGCGAAC	TTTGTCTCTG	AGGGCACTCT	GTCAGGGGAC	TTACACCCCA	1680
TTACTCAGGG	TCACACTGAT	GAGCTCTGGG	GACTGGCCAT	CCATGCCTCA	AAACCTCAGT	1740
TCTTGACCTG	TGGGCATGAC	AAGCATGCGA	CTCTCTGGGA	CGCTGTGGGT	CACCGTCCCG	1800
TCTGGGACAA	AATAATAGAG	GATCCAGCTC	AGTCTTCTGG	TTTTCATCCT	TCAGGGTCTG	1860
TGCTTGCACT	CGGAACACTC	ACTGGGAGGT	GTTTGTGTGT	TGACACAGAA	ACAAAAGACT	1920
TGCTGACCGT	TCACACAGAT	GGAAACGAAC	AGCTCTCTGT	AATGCGATAC	TCACCAGATG	1980
GGAATTTCTT	AGCCATAGGC	TCACATGACA	ACTGCATCTA	TATATATGCG	GTTAGTGACA	2040
ACGGGAGGAA	GTACACGCGA	GTGGGCAAGT	GCTCGGGTCA	TTCCAGCTTC	ATTACTCAGC	2100
TGSACTGGCT	TGTAAACTCA	CAGTTCTCTG	TGTCAAAATC	CGGAGACTAC	GAAATCCTCT	2160
ACTGGGTTCG	CTCTGCTGCT	AAGCAAGTCT	TAAGTGTGGA	AACTACAAGA	GACATTGAAT	2220
GGGCTACCTA	TACCTGCACT	TGGGGATTCC	ATGTTTTTGG	AGTGTGGGCA	GAAGGCTCTG	2280
ACGGAACCGA	CATCAATGCC	GTCTGTGGGG	CCCATGAGAA	GAAACTCCTG	TCAACAGGGG	2340
ACGACTTTGG	CAAGGTGCAC	CTCTTCTCAT	ACCCCTGCTC	GCASTTCAGG	GCTCCAAAGC	2400
ACATCTACGG	TGGGCACAGC	AGCCATGCTA	CCAATGTGCA	TTCTCTCTGT	GAGACACCTC	2460
ACCTGATCTC	CACGGGGGGG	AAAGACACAA	GCATCATGCA	GTGGCGGCTC	ATTTAGTACC	2520
CACCGAGAGC	TGTGGGAGC	AGCATGGGCA	AGGAAGACAC	AGACTCGCAT	TACCTTGTCT	2580
CACCTGTGAT	TCTGTTTTGT	TAAAAAATT	CTTACAAACC	TCAAGAAAC	TGTGGGCTCT	2640
GCGGGCTACC	TTAGCTTAGC	GTSTCAGGGG	GCGCCACAGC	GGAATCAGCG	GTTCCGTCTT	2700
CACCTTTGTT	GTACAAATATA	TGACACAGTG	CACATTGAAT	ACCAACAAGG	TTGCAAGGTT	2760
TACATTATAG	CAACATCAAC	AGAAGTAACT	GGGTATATTC	TTAGTAACTT	TTCTATGCAA	2820
CTCTTCAAAA	ATGGGTGACA	GGATGGTCTT	TAAAAACATT	GTATATTATC	TTCACTGTCT	2880
TCACCTTTTA	GGTTGTGTAAG	TTCAATATTT	GTGATGATAA	TGAGGTACTG	AACCACGATG	2940
GCTGTTGAGG	AATTGGTCTT	AAAAGGACAG	ATCACTTCAG	AAGAGTGAAT	AACTGATTTG	3000
CACAGCTGAA	TCAGGAGACA	CAAGATGAG	ACTGTGTTTG	GTTACATTTT	CCAAAGTTTC	3060
ATTGCACTCT	CCTTGGGGGA	GGCTGTGAGA	GAGGGCTTGT	ATCCCTCTTG	TGCTAAGGAG	3120
ACTCTACTCC	TAAGTACTTT	CAATATTTCA	GCAGGGTACA	CAGGCGTTTC	CAAGTTTCAG	3180

TCACACATCTC	CTGCGTAACG	AGATGCGGCT	AGCCTCTTCA	CACCCACCTC	GCTTGCATCT	3240
CCCATCTCTT	CTGACATCTC	CCTGATTCTC	GGTGAGACAT	TTTGCCACCT	TCTTCTGTAT	3300
ATTACTTCTG	ATGAGATGAT	ATTCTACTCT	TATAGGATTC	TAGCAATTCA	TAATAAATAT	3360
GTAAGATCTG	GCTTTACTGT	CTTATGCTTA	TGGACATTGT	ATATTTSTAT	TTTATGACCA	3420
ASTAGACCAA	GTGAGAAAGA	TCTCTCTCTA	GCGCACCTAT	AACCTGCAGA	GAGAAGTCTC	3480
GAAAGGCTCT	ACCAAGGTAC	CAAGGGCAGC	TGCTTTTCTT	GTCTTTTGTG	CATGGGCGAC	3540
CCATTACATC	ATGAGATAAG	ATTGAGTTCT	GATGCGTTAA	ACGGAGGTGG	CAGAAAATTG	3600
TCAAGAACTC	CTTATCTATT	TCGATTCTCT	ACAGATTGTA	AATTTATTCT	TTACATTGGG	3660
GAATCTATCT	CTAATTTTCT	AATAGAAAGG	TAATAAACAG	ACTTTAAAGC	AAATATTAAG	3720
ATTTTATCTC	ATTCAAGGCA	AGTAAATGAA	TGGAATTATC	TCAGCTCTAT	GGCACTGGTT	3780
GTTTATCTCT	ACTGATGAAG	TGCACCTTTC	AAAAACATTT	TTGATGCTAT	CACCAAGCTA	3840
CTGCAGAGCT	GCAGGGCACA	GTAACACCCA	TGTATTATTG	AAGATGATCT	GTTTTCTATG	3900
TATCCTTCTC	AAATATATTC	TATAATGGAA	TAAAAAATCC	TGGAAAGTGG	GGGTTTCTCT	3960

AA  
 Name: 213      Len: 1637      Check: 82D

ATGATCTGAT	TTTATGACCA	GCAAGTGCCT	TACATGGTCA	CCAATAGTCA	GCGTGGGAGA	60
AATTGTAAAG	AGAAACCAAC	AAATGTCTAG	AAAAGAAAAT	TCATTAACAG	AGATCTGGCT	120
CATCTATTAC	AAGAATCTCT	TCAAGATCTA	AGTCAATTAC	AGGAAACATG	GCTTCTAGAA	180
GCTCAGCTAC	CTGACAATGA	TGAGCAGTTT	GTACCAGACT	ATCAGGCTGA	AAGTTTGGCT	240
TTTCATCTGC	TGCCACTGAA	AATCAAGAAA	GAACCCACAC	GTCCATCTCT	AGAAATCAGC	300
TCTGCTCTCA	GTCAAGAACA	GCCCTTTTAA	TTGAGCTATG	GAGAAAAGTC	CCTGTACAAT	360
TCAGTCTCTT	ATGATCAGAA	CCCACAAGTG	GGAATGAGGC	CCTCCAACCC	CCCCACACCA	420
CCAGCAGGCG	CAGTGTCCCC	ACTGCATCAT	GCATCTCCAA	ACTCAACTCA	TACACCGAAA	480
CCGACCTGGG	CCCTTCCCAGC	TCACCTCCCT	CCATCGCAGT	CCATACCAGA	TAGCAGCTAC	540
CCCATCTGAC	ACAGATTTGG	CCGCCAGCTT	TCTGAACCTT	GTAACCTCTT	TCTCCTTTTG	600
CCGACCTGCT	CAAGGGGAAGG	ACGTCTCTAT	TACCAAGGCC	AGATCTCTGA	GCCAAACATC	660
CCCTTCCGAC	TACAAGGCTT	TACCAAGGCC	TACCAAGGCC	CAGTGTATGA	ACACACACCC	720
ATGGTTGGCA	GTGCGGCCAG	CCAAAGCTTT	CCCTCTCTCT	TGATGATTAA	ACAGGAACCC	780
AGAGATTTTG	CATATGACTC	AGAAGTGGCT	AGCTGCCACT	CCATTTATAT	GAGGCAAGAA	840
GGCTTCTTGG	CTCATCCCAG	CAGAACAGAA	GGCTCTATGT	TTGAAAAGGG	CCCCAGGCAG	900
TTTTATCTAT	ACACCTGTGT	TCTCCAGAAA	AAATTCGATG	GAGACATCAA	ACAAGAGCCA	960
GGAAATCTAT	GGGAAGGACC	CACATACCAA	CGGCGAGGAT	CACTTCAGCT	CTGGCAGTTT	1020
TTGGTAGCTC	TTCTGGATGA	CCCTTCAAAT	TCTCATTTTA	TTGCCTGGAC	TGGTCGAGGC	1080
ATGGAATTTA	AACTGATTGA	GCCTGAAGAG	GTGCCCCGAC	GTTGGGGCAT	TCAGAAAAAC	1140
AGGCCACCTA	TGAACATATG	TAAACTTAGC	CGTTCACTCC	GCTATTACTA	TGAGAAAGGA	1200
ATTATCTAAA	AGGTGGCTGG	AGAGAGATAT	GTCTACAAGT	TTGTGTGTGA	TCCAGAAGCC	1260
CTTTTCTCCA	TGGCCTTTCC	AGATAATCAG	CGTCCACTGC	TGAAGACAGA	CATGGAACGT	1320
CACATCTAAG	AGGAGGACAC	AGTGCCTCTT	TCTCACTTTG	ATGAGAGCAT	GGCCTACATG	1380
CCGGAAGGGG	GCTGCTGCAA	CCCCACCCCC	TACAACGAAG	GCTACGTGTA	TTAACACAAG	1440
TGACAGTCAA	GCAGGGCGTT	TTTTGCGCTT	TTCTTTTTTT	CTGCAAGATA	CAGAGAAATT	1500
CTGAATCTTT	GTTTTATTTT	TGTTGTTGAT	ATTTATTTTT	AAATAATAAT	ACACAAAAAG	1560
GGGCTTTTCC	TGTTGCATTA	TTCTATGCTC	TGCCATGGAC	TGTGCACTTT	ATTTGAGGGT	1620
GGGTGGGAGT	AATCTAAACA	TTTATTCTGT	GTAACAGGAA	GCTAATGGGT	GAATGGGCAG	1680
AGGGATT						1637

Name: 134      Len: 3747      Check: 1213

GGGGCTCTCT	GGGGGCGGGG	GGTCCCTTCT	GTGGGGCCGC	GGCTCCCGGC	CGGCGGCCCC	60
GGGGCTCTCT	TTGCTTTTGT	GTCCCGCGGG	CGGCGGCGGC	CGGCGGCGAC	TCTCAGCCCT	120
GGGGCTCTCT	GGGGGCGGGG	CGGCTCCCGG	CGGCGGCCCC	GCAGCCCGCG	CGGGCATTGT	180
GTGGAATCTG	GGGGGCGGCA	GGGCGGCGGG	GGGGGCTGCT	GAGCGGCCCC	GGGGGCTCTC	240
GGGGCTCTCT	GGGGGCGGCG	GGGCGGCGGG	GGGGGCGGCG	TGGCGGCGGG	GGGGGCGGCG	300
GGGGCTCTCT	GGGGGCGGCG	GGGGGCGGCG	GGGGGCGGCG	GGGGGCGGCG	GGGGGCGGCG	360
GGGGCTCTCT	GGGGGCGGCG	GGGGGCGGCG	GGGGGCGGCG	GGGGGCGGCG	GGGGGCGGCG	420
GGGGCTCTCT	GGGGGCGGCG	GGGGGCGGCG	GGGGGCGGCG	GGGGGCGGCG	GGGGGCGGCG	480
GGGGCTCTCT	GGGGGCGGCG	GGGGGCGGCG	GGGGGCGGCG	GGGGGCGGCG	GGGGGCGGCG	540
GGGGCTCTCT	GGGGGCGGCG	GGGGGCGGCG	GGGGGCGGCG	GGGGGCGGCG	GGGGGCGGCG	600
GGGGCTCTCT	GGGGGCGGCG	GGGGGCGGCG	GGGGGCGGCG	GGGGGCGGCG	GGGGGCGGCG	660
GGGGCTCTCT	GGGGGCGGCG	GGGGGCGGCG	GGGGGCGGCG	GGGGGCGGCG	GGGGGCGGCG	720
GGGGCTCTCT	GGGGGCGGCG	GGGGGCGGCG	GGGGGCGGCG	GGGGGCGGCG	GGGGGCGGCG	780
GGGGCTCTCT	GGGGGCGGCG	GGGGGCGGCG	GGGGGCGGCG	GGGGGCGGCG	GGGGGCGGCG	840
GGGGCTCTCT	GGGGGCGGCG	GGGGGCGGCG	GGGGGCGGCG	GGGGGCGGCG	GGGGGCGGCG	900
GGGGCTCTCT	GGGGGCGGCG	GGGGGCGGCG	GGGGGCGGCG	GGGGGCGGCG	GGGGGCGGCG	960
GGGGCTCTCT	GGGGGCGGCG	GGGGGCGGCG	GGGGGCGGCG	GGGGGCGGCG	GGGGGCGGCG	1020
GGGGCTCTCT	GGGGGCGGCG	GGGGGCGGCG	GGGGGCGGCG	GGGGGCGGCG	GGGGGCGGCG	1080

AAAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	1140
AAAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	1200
AAAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	1260
AAAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	1320
AAAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	1380
AAAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	1440
AAAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	1500
AAAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	1560
AAAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	1620
AAAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	1680
AAAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	1740
AAAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	1800
AAAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	1860
AAAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	1920
AAAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	1980
AAAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	2040
AAAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	2100
AAAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	2160
AAAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	2220
AAAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	2280
AAAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	2340
AAAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	2400
AAAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	2460
AAAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	2520
AAAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	2580
AAAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	2640
AAAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	2700
AAAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	2760
AAAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	2820
AAAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	2880
AAAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	2940
AAAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	3000
AAAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	3060
AAAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	3120
AAAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	3180
AAAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	3240
AAAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	3300
AAAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	3360
AAAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	3420
AAAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	3480
AAAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	3540
AAAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	3600
AAAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	3660
AAAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	3720
AAAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	3780
AAAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	3797

Name: 285      Len: 2886      Check: 12AD

AGAGGAGAGA	AAATTGAAAA	AGAGGAGAGA	GAGAAGTCTA	AGAGGAGAGA	TAAGACGTTT	60
AGAGGAGAGA	TGAGGAGAGA	AGAGGAGAGA	AATCAAAAGT	CTACAGTTTC	GTCAAGAAGG	120
AGAGGAGAGA	CTTTTGAATG	TGTGCTGGAG	GAAGGAAAGC	GACCCCTTAC	AATGACTGTG	180
AGAGGAGAGA	TTTACCTAGG	TGAGGAGAGA	GAAGGAAAGG	GAGCAACTTA	TCCTTCAGAA	240
AGAGGAGAGA	AAGATTCTAC	CACTTTTGGC	AAAAGAGAGG	ACCCGTGTAA	TAAGTGAAT	300
AGAGGAGAGA	TCTCAAAATC	CTGTGGAAGA	ACAAAGCCCA	GGCTCTTTCT	CTCTCTGCG	360
AGAGGAGAGA	ACACAAATGG	AATCAACTTG	TGTTTACAGT	TCTCTCCCTA	GAAATTAACG	420
AGAGGAGAGA	TAAGATCTCT	TAAGATCTCT	GGTACACCA	AGACCCCTTG	GCTTTCAGAC	480
AGAGGAGAGA	TCATGATCTC	CCAGATCTTA	CACGATGGAT	GATGCTTGGA	AGTATAATGG	540
AGAGGAGAGA	GAACTCCAAA	CAATGTGGTC	AGCACCCCTG	CAACAGCCCC	CAACAGAGAG	600
AGAGGAGAGA	CAACTCTCTT	CAAGCTTATC	TAGCCAGAAA	GAGGTAAGAG	CAACAGAGAG	660
AGAGGAGAGA	AGGCTGCTCT	CTCCTAGATC	CCCTTCTCTA	TCTCTTTTCC	AGGACAGAGG	720
AGAGGAGAGA	AAAGCTACAT	TGTCTTCCAC	ATCTGCTCTT	GATTTAATGT	CTGAATCTGG	780
AGAGGAGAGA	ATCTCTCTAC	AAAGGAGAA	CTCAAGATCC	CAGGATCAGT	TCAGTATAT	840
AGAGGAGAGA	ATAAGCTAGA	CGCCTGGGAA	GAGTCTTGAC	TTTGGGTTTA	CAATAAAATG	900
AGAGGAGAGA	GGATATCTCT	TAGCATCAGT	TGAAGCAGGT	AGCCCAAGAG	AATTTTCTCA	960

ATTACAACTA	CATGATGAAA	TTATTGCTAT	TAACAACACG	AACTTTTAT	ATAAGGATTC	1000
AAAAGAGTGG	GAGGAAGCCA	TGGTAAGGC	TCAAGAACT	GGACACCTAG	TGATGGATGT	1080
GAGGCGGTAT	GAAAAGGCTG	GTTACCTGA	AACAAAGTGG	ATTGATGCAA	CTTCTGGAAT	1140
TTACAACTCA	AAAAAATCTT	CAAACTCTATC	TGTAACAACCT	GATTTCTCCG	AAAGCCTTCA	1200
GATTTCTAAT	ATTGAATCCA	AAGAAATCAA	TGGAATTCAT	GATGAAAGCA	ATGCTTTTGA	1260
ATCAAAAGCA	TCTGAATCCA	TTCTTTTGAA	AAACTTAAAA	AGGCGATCAC	AATTTTTTGA	1320
ACAGGSAAGC	TCTGATTGGG	TGGTTCCTGA	TCTTCCAGTT	CCAACCATCA	GTGCCCCGAG	1380
TCCTTGGGTG	TGGGATCAAG	AGGAGGAGGG	GAAGCGGCGG	SAGAGGTGCG	AGAAAGAGCA	1440
GGATCTGCTA	CTGCAGGAAA	AATATCAAGG	TGAGCAGGAG	AAACTGAGGG	AAGAGTGGCA	1500
AAAGGCAAAA	CAGGAGGCTAG	AGAGAGAGAA	TTCCAAGTAC	TTGGATGAGG	AACTGATGCT	1560
CTTAAGCTCA	AACAGCATGT	CTCTGACCCAC	ACGCGGAGCC	TCTCTTGCCA	CCTGGGAAGC	1620
TACTTGGAGT	GAAAGGTCCA	AGTCTTCAGA	CAGAGAAGGA	ACCCGAGCAG	GAGAGAGGGA	1680
GAGGAGACAG	CCACAAGAGG	AAGTTGTTCA	TGAGGACCAA	GGAAAGAGG	CGCAGGATCA	1740
GCTGTTTATT	SAGAGAGAGA	GGAAATGGGA	GCAACAGCTT	CAGGAAGAGC	AAGAGCAAAA	1800
GCCTTTCAG	GCTGAGGCTG	AGGAGCAGAA	GGCTCTGCG	GAGGAGCAGA	AGCGCCAGGC	1860
AGAGATAGAG	CGGGAACAT	CAGTCAGAAT	ATACCAGTAC	AGGAGGCCCTG	TTGATTCCTA	1920
TGATATACCA	AAGACAGAAG	AAGCATCTTC	AGGTTTTCTT	CCTGGTGACA	GGAAATAAATC	1980
CAGATCTACT	ACTGAACTGG	ATGATTACTC	CACAAATAAA	AATGGAAACA	ATAAATATTT	2040
AGACTAAATT	GGGAACACGA	CCTCTTCACA	GAGGAGATCC	AAGAAAGAAC	AAGTACCATC	2100
AGGAGCAGAA	TTGGAGAGGC	AACAAATCCT	TCAGGAAATG	AGGAAGAGAA	CACCCCTTCA	2160
CAATGACAAAC	AGCTGGATCC	GACAGGCGAG	TGGCAGTGTG	AACAAAGAGC	CTGTTAGTCT	2220
TCTTGGGATC	ATGAGAAGAG	GCGAATCTTT	AGATAACCTG	GACTCCCGCC	GATCCAATTG	2280
TTGGAGACAG	CCTCCTTGCC	TCAATCAGCC	CACAGGATTC	TATGCTTTCT	CCTCTGTGCA	2340
AGACTTTAGT	CGCCCAACAC	CTCAGCTGGT	GTCACATCA	AACCGTGGCT	ACATGCGGAA	2400
CCCTCTCTCC	AGCGTGCCCC	CACCTTCAGC	TGGCTCCGTG	AAGACCTCCA	CCACAGGTGT	2460
GGCAGCCACA	CAGTCCCCCA	CCCGGAGAAG	CCATTCCCTT	TCAGCTTCAC	AGTCAGGCTC	2520
TGAGCTGGCT	AACAGGTGAG	TCAGTGGGAA	GCGCATATGC	TCCTACTGCA	ATAACATTCT	2580
GGGCAAGGGA	GCCGCCATGA	TCATCGAGTC	CCTGGGTCTT	TGTTATCATT	TGCATTGTTT	2640
TAAGTGTGTT	GCCTGTGAGT	GTGACCTCGG	AGGCTCTTCC	TCAGGAGCTG	AAGTCAGGAT	2700
CAGAAACCCAC	CAACTGTACT	GCAACGACTG	CTATCTCAGA	TTCAAATCTG	GACGGCCAAC	2760
CGCCATGTGA	TGTAAGCCTC	CATACGAAAG	CACTGTTGCA	GATAGAAGAA	GAGGTGGTTG	2820
CTGCTCATGT	AGATCTATAA	ATATGTGTTG	TATGCTTTTT	TTGCTTTTTT	TTTTAAAAAA	2880
AGAATAACTT	TTTTTGCCCT	TTTAGATTAC	ATAGAAGCAT	TGTAGTCTTG	GTAGAACCAG	2940
TATTTTGGTT	GTTTTTTTAT	AAGGTAATTG	TGTGTGGGGA	AAAGTGCAGT	ATTTACCTGT	3000
TGAATTCAGC	ATCTTGAGAG	CACAAGGGAA	AAAATAAGAA	CCTACGAATA	TTTTTGAGGC	3060
AGATAATGAT	CTAGTTTGAC	TTTCTAGTTA	GTGGTGTGTT	GAAGAGGGTA	TTTTATTGTT	3120
TTTTAAAAAA	AGGTTCTTAA	ACATTATTTG	AAATAGTTAA	TATAAATACA	TAATTGCATT	3180
TGCTCTGTTT	ATTGTAATGT	ATTCTAAATT	AATGCAGAAC	CATATGGAAA	ATTTCAATTAA	3240
AATCTATCCC	CAAATGTGCT	TTCTGTATCC	TTCTTTCTAC	CTATTATTCT	GATTTTTTAA	3300
AATGCAGTTA	ATGTACCATT	TATTTGCTTG	ATGAAGGGAG	CTCTATTTCT	TTTACCAGAA	3360
ATGTTGCTAA	GTAATTCCTA	ATAGAAAGCT	GCTTATTTTC	ATTAATGAAA	AATAACCATG	3420
TTTTGTATAC	TAGAAGTCTT	CTTCAGAAAC	TGCTGAGCCT	TTCTGTTCAA	TTGCATTTGT	3480
AAATAAACTT	GCTGATGCAT	TTAACGAGTG	GGTGGTCTTT	TTCTTAGGTT	TATGTGTCTG	3540
ACCTCAGGCC	TTTTAGCCAT	ATTTTCAGTAT	GTGGCCTTTT	TTGATGTTAT	GTTTTATCCA	3600
GTAGCTTTAC	TAAGGTATAA	TTGATGTAAT	AAACTGCATA	TATTTAAAGT	GTATACTTTG	3660
ATAAATTTTG	ACATGGGTGA	TACCTTCGAA	ACTATGCCAC	AGTCTGGATG	TGTTTACTGA	3720
AACATTTTAA	TAAGGAAGTT	TATTTTTGAT	AAATTTATGT	TTTTGGATAC	AATATATTTG	3780
TATGTTGAGA	GTGATGAATT	GTTGATCAT	TTGAATAAAA	TCTTTTACTA	ACCCCATGAT	3840
AAAAGGAGAA	GACAACAGTG	AGCTTAGAAT	ATCTATAAAG	CAAAAA		3896

Name: 236

Len: 3198

Check:

40E

APCTTGAATA	TCCAGGTGGA	GGACATTCGG	ATTGAGGCTA	TCTCTCCAGC	CTACCGCAAG	60
TCTACCTCAG	TGATGGAAGG	CTACGTGGAG	GTGAGGAGG	GCAAGACCTG	GAGGCAGATC	120
TGTGCAAGGC	ACTGGACGGC	CAAGAATTCC	CGGCTGGTCT	GCAGCATGTT	TGGCTTCCCT	180
GCGGAGAGGA	CATACAATAC	CAAAGTGTAC	AAAATGTTTG	CCTCACGGAG	GAGGCAGCGC	240
TACTGGGCAT	TCTCCATGGA	CTGCACCGGC	ACAGAGGCCG	ACATCTCCAG	CTGCAAGCTG	300
GGCCGCCAGG	TGTCATGGA	CCCCATGAAG	AATGTCACTT	GCGAGAAATG	GCAGCGGGCC	360
GTGGTGAGTT	GTGTGCTCTG	GCAGGTCTTC	AGCCCTGATG	GACCTCTGAG	ATTCCGGAAA	420
GCATACAAGC	CAGAGCAACG	CCTGCTGGGA	CTGAGAGGCG	GTGCTACAT	CGGGGAGGGC	480
CGCGTGGAGG	TGCTCAAAAA	TGGAGAGTGG	GGGACCGTCT	GCGAGGACAA	GTGGGACCTG	540
GTGTGGGCCA	GTGTGGCTCT	CAGAGAGCTG	GGCTTTGGGA	GTGCCAAAGA	GGCAGTCACT	600
GGCTCCCGAC	TGGGGCAAGG	GATCGGAACC	ATCCACCTCA	ACGAGATCCA	GTGCACAGGC	660
AATGAGAAGT	CCATTATAGA	CTGCAAGTTC	AATGCCGAGT	CTCAGGCTCT	CAACCAAGAG	720
GAGGATGCTG	GTGTGAGATG	CAACACCCCT	GCCATGGGCT	TGCAGAAAG	GCTGGGCTCT	780



ATCTGACAGA	ATTGAGADCT	TTTTCTACT	TSATGASATA	TCACAGTCA	ACCTGACCT	1320
GCCGTGABAT	GTAAAAAGA	TSCTCATGT	GCAGGATTT	ACTGCTTTT	GGGATAAGGT	1340
ATCAGAGACC	CTACTCTAC	AAGGCCCTTC	CTTACTGTG	AGACCTGGCG	AATTGTTAAT	1440
TCTGGTGGGG	CCCTGGGGAG	CAGGGAAGTC	ATCACTGTTA	AGTGGCGTGC	TGGGGGAAT	1540
GGCCCCAAGT	CACGGGCTGG	TTAGCGTGCA	TGGAAGAATT	GCCTATGTGT	CTTAGCAGCC	1560
CTGGGTCTTC	TGGGGAATTC	TSAGGAGTAA	TATTTTATTT	GGGAAGAAAT	ATGAARAGGA	1620
ACGATATGAA	AAAGTCATAA	AGGCTTGTGC	TCTGAAAAAG	GATTTACAGC	TGTTGGAGGA	1630
TGCTATCTG	ACTGTGACAG	GASATGGGG	AACCAAGCT	AGTGGAGGGC	AGAAAGCAGC	1740
GTAAAGCTT	GCAAGAGGAG	TCTATCAAGA	TGCTGACAT	TATCTCTGG	ACGATCTCT	1840
CAGTGCAGTA	GATGCGGAAG	TTAGTAGACA	CTTGTTCGAA	CTGTGTATTT	GTCAAAATTT	1860
GTATGAGAAG	ATCACAATTT	TAGTACTCA	TCAGTTGCAG	TACCTCAAG	CTGCAAGTCA	1920
GATTCTGATA	TTGAAGGATG	GTAAATGGT	GCAGAAAGGG	ACTTACACTG	AGTTCTTAAA	1930
ATCTGGTATA	GATTTTGGCT	CCCTTTTAAA	GAAGGATAAT	GAGGAAAGTG	AACAACTTC	2040
AGTTCCAGGA	ACTCCACAC	TAAGGAATCG	TACCTTCTCA	GAGTCTTCGG	TTTGGTCTCA	2100
ACAATCTTCT	AGACCTCTCT	TGAAAGATGG	TGCTCTGGAG	AGCCAAGATA	CAGAGAATGT	2160
CCCAGTTACA	CTATCAGAGG	AGAACTGTTG	TGAAGGAAAA	GTTGGTTTTT	AGCCCTATAA	2220
GAATTACTTC	AGAGCTGGTG	CTCACTGGAT	TGTCTTCATT	TTCCTTATTC	TCCTAAACAC	2230
TGCAGCTGAG	GTTCCTTATG	TGCTTCAAGA	TTGGTGGCTT	TCATACTGG	CACACAAGCA	2340
AAGTATGCTA	AATCTCACTG	TAAATGGAGG	AGGAAATGTA	ACCGAGAAGC	TAGATCTTAA	2400
CTGGTACTTA	GGAAATTTAT	CAGGTTTAAC	TGTAGCTACC	GTTCTTTTTG	GCATAGCAAG	2460
ATCTCTATTG	GTATTCTACG	TGCTTGTTAA	CTCTTCACAA	ACTTTGCACA	ACAAAATGTT	2520
TGAGTCAATT	CTGAAAGCTC	CGGTATTATT	CTTTGATAGA	AATCCAATAG	GAAGAATTTT	2530
AAATCGTTTC	TGCAAGACAC	TTGGACACTT	GGATGATTTG	CTGCCGCTGA	CGTTTTTTAGA	2640
TTTCATCCAG	ACATTCTAC	AAGTGGTTGG	TGTGCTCTCT	GTGGCTGTGG	CGGTGATTCC	2700
TTGGATCGCA	ATACCTTTGG	TTCCCTTGG	AATCATTTTC	ATTTTTCTTC	GGCGATAATT	2760
TTTGGAAAGC	TCAGAGATG	TGAAGCGCT	GGAATCTACA	ACTCGGAGTC	CAGTGTTTTT	2820
CGACTGTGCA	TCTCTCTCTC	AGGCTCTCTG	GACCATCCGG	GCATACAGAG	CAGAAGAGAG	2880
GTGTGAGGAA	CTGTTTGATG	CACACCGAGG	TTTACATTCA	GAGGCTTGGT	TCTTGTTTTT	2940
GACAACTGCT	CGCTGGTCTG	CGCTCCGTCT	GGATGCCATC	TGTGCCATGT	TTCTCATCAT	3000
CGTTSCCTTT	GGGTCCCTGA	TTCTGGCAAA	AACTCTGGAT	GCCGGGCAGG	TTGGTTTTGGC	3060
ACTGTCTTAT	GCCCTCACGC	TCATGGGGAT	GTTTCAGTGG	TGTGTTTCGAC	AAAGTGCTGA	3120
AGTTGAGAAT	ATGATGATCT	CAGTAGAAAG	GGTCATTGAA	TACACAGACC	TTGAAAAAGA	3180
AGCACCTTGG	GAATATCAGA	AACGCCCCACC	ACCAGCTGG	CCCCATGAAG	GAGTGATAAT	3240
CTTTGACAAT	GTGAACCTCA	TGTACAGTCC	AGGTGGGCTT	CTGGTACTGA	AGCATCTGAC	3300
AGCATCTCATT	AAATCACAG	AAAAGGTTGG	CATTGTGGGA	AGAACCAGG	CTGGAAAAAG	3360
TTCCCTCATC	TCAGCCTTTT	TTAGATTGTC	AGAACCCGAA	GGTAAAAATTT	GGATTGATAA	3420
GATCTTGACA	ACTGPAATTG	GACTTCACGA	TTTAAGGAAG	AAAATGTCAA	TCATACCTCA	3480
GGAACTGTGT	TTGTTCACTG	GAACAATGAG	GAAAAACCTG	GATCCCTTTA	AGGAGCACAC	3540
GGATGAGGAA	CTGTGGAATG	CCTTACAAGA	GGTACAACTT	AAAGAAACCA	TTGAAGATCT	3600
TGCTGGTAAA	ATGGATACTG	AATTAGCAGA	ATCAGGATCC	AATTTTAGTG	TTGGACAAAG	3660
ACAACCTGGT	TGCTTTGCCA	GGGCAATTCT	CAGGAAAAAT	CAGATATTGA	TTATTGATGA	3720
AGCGACGGCA	AATGTGGATC	CAAGAACTGA	TGAGTTAATA	CAAAAAAATA	TCCGGGAGAA	3780
ATTTGCCCAT	TGCACTGGTC	TAACCATGTC	ACACAGATTG	AACACCATTA	TTGACAGCGA	3840
CAAGATAATG	GTTTTAGATT	CAGGAAGACT	GAAAGAATAT	GATGAGCGGT	ATGTTTTGCT	3900
GCAAAAATAA	GAGAGCTTAT	TTTACAAGAT	GGTSCAACAA	CTGGGCAAGG	CAGAAGCCGC	3960
TGCTCTCACT	GAACACAGCA	AACAGGTATA	CTTCAAAAGA	AATTATCCAC	ATATTGGTCA	4020
CACTGACCAT	ATGCTTACAA	ACAATTCCAA	TGACAGCCOC	TGACCTTAA	CTATTTTCCA	4080
GACAGCACTG	TGAATCCAAC	CAAAATGTCA	AGTCCGTTCC	GAAGGCAITT	TCCACTAGTT	4140
TTTGGACTAT	GTAAACCAAC	TTGTAATTTT	TTTTACTTTG	GCAACAAATA	TTTATACATA	4200
CAAGATGCTA	GTTCATTTGA	ATATTTCTCC				4260

Name: 398

Len: 4337

Check:

EBC

GGCTGTGACA	CTAATACTTA	ACATGGTGGT	TGTGTCTCTT	TATGCTTGAC	TCAATCASTT	42
GAATGCCAAA	AGTAAGTTCT	TGCTTGATTT	ACCTGCCAAG	ACCTGAGTTC	AGGCGCTCAG	120
GCTGCTGAGG	TTTTCTTTTG	TGGGAGAAAA	TGCCACGAGA	TGGCGGTTTA	GGATTGCGAG	130
TGCTTTGAAG	GGGCGGCCCC	CGCTCCCGAA	CCCGCGGCGA	CCACCCGGTA	ACAACCCGCC	240
CACATCGGGA	ATAACACACC	GGAGACTTTT	GGGGGGAAAC	TAGGTGATG	GTGCGCGGCG	300
CGGATGGGG	AGCTGAGGAT	TGCTTTTGAG	GTATTTTAA	AAGTTTGGAG	TTGTACAGCA	360
TTGATTTAT	TTGCTGCATT	GTGAAAGGAC	CTCTCCAGCA	ATGATTACTT	CAGAATTACC	420
AGTGTACAG	GATTCACATA	ATGAAACTAC	TGCCCATTC	GATGCTGGCA	GCGAGCTTGA	480
AGAAACAGAG	GTCAAGGAA	AAAGAAAAAG	GGTGCTCTCT	GGCGGGCTCT	CATCTACAAA	540
TAAGAAACCT	CAAAATCTC	CACTGAGAA	GACGAGAATT	GAAGCTGGAA	TTAGAGGAGC	600
AGGCGGTGGA	AGAGCTAATG	GACACCTCA	ACAGAAATGG	GAAGGGGAGC	CTGTCACTAT	660
ATTTGAGGTG	GTGAAACTGG	GGAAAGTGC	AATGCACTCC	GTGGTGGATG	ACTGGATTGA	720



ATCAGATGAGG AAGAGAGAGG ACATCGGAGT TCTGATTTTA ATCAGATTTT TTAGGAGAGT 130  
 TTAGAGATGT CGAGGTACTT TGAGAAATGA GATSTTTTGA AATATGAGAA ATGAGAGAAAT 140  
 CATCAGAGAA ATGAGTGAAG AATTTGATGA GGACAGT3BT GATTATCTTC TTAGCATGCC 150  
 TGGAGTTCAG TGGAAAAAAT TTGGTTCAAA CTCTTTGTGA TTTATTGGAG TCGTGAATCG 160  
 ATAGTGTGAG TATAGCATAA TTTATGATGA GTATATGATG GACACAGTAA TCTCTCTTTT 170  
 GAG3BTGTG TCAGACTCCT AGGTGAGAGC TTTTAS3CAT ACAAAGTACC TGGGTGCCAT 180  
 GAAGTTCATG ACTGCTCTCG TGAATGTTGT CTARACCTC AGTATTCTAT AGGATAATAC 190  
 CTAGAAGAA TATGAAGGCG ASAGAAATRA AATGATTGGG AAGAGAGTCA ATGAAAGGTT 200  
 GGAGTTACTA CTTGAGAAAT GCAAGAGAGCT GCAAGAAAT CAGGATGAAA TCGAAAAATAT 210  
 GATTAATCT ATTTTTAAGG GTATATTTGT TCATAGATAC CGTGAATGTA TTGDTGAGAT 220  
 TATAGTCAAT TGTATTGAAG AAATGGAGT ATGATGAAA ATGTATAATG ATGCTTCTCT 230  
 AATATGAGT TACCTAAAT ATGTTGGCTG GACTCTTCAT GACAGGCAAG GGGAGGTGAG 240  
 GCTCAATGT TTGAAAGCTG TGCAGAGTCT ATATACCAAT AGAGAAATAT TCCCAAAAT 250  
 GBAATATTG ACTAACCGAT TCAAGGATCG CATTGTATCA ATGACACTG ATAAAGAATA 260  
 TGAATGTGCT GTGGAAGCTA TTGATTTGTT TACTCTGATA CTTTAT3AA GTGAAGAAGC 270  
 TCTTTTCAAT GAAGACTGTG AAAATGTTTA CCAGTTGGTG TACTCGGAC ATCGCCCTGT 280  
 TGTGTGGCA GCTGGAGAGT TCCCTCACAA AAAGTATTT AGCAGACATG ACCCACAAGC 290  
 AAGAGAACTA TTAGCAAGA GGA333GAAG AAACAGCCCG AATGAAATG TCATTAGGAT 300  
 GCTGCTTCTT TCTTTCTTG AAAATGAGTT ACATGAACAT GCAGCTTAT TGGTGGACAG 310  
 TTTAT33GAG AGCTCTCAAG AACTGTTGAA AGACTGGGAA TGTATGACAG AGTTGCTATT 320  
 AGAGAAAGCT GTTCAAGGAG AGGAAGCAAT GTCTGATCT CAAGAGAGTG CTCTTATAGA 330  
 GCTAATGGTT TGTACAATTC GTCAAGCTGC TGAGGCACAT CCTCCAGT3G GAAGGGGTAC 340  
 CGGCAAGAGA GTGCTAACTG CCAAGAGAAAG GAAAACCTCA ATTGATGATA GAAACAAAT 350  
 GACTGAACAT TTTATTATTA CACTTCCTAT GTTACTGTCA AAGTATCTG CAGATGCAGA 360  
 GAAGGTAGCA AACTTGCTAC AAATCCCAACA GTATTTT3AT TTAGAAATCT ACAGCACAGG 370  
 TAGAATG3PA AAGCATCTGG ATGCTTTTATT AAAATAGATT AAGTTT3T3 TGGAGAAACA 380  
 GGTAGAAAT CA GATGTTCTAG AAGCTGTGAG TAAACCTAT AGTATCTTAT GCAATGAAGA 390  
 ATATACCATC CAGAACAGAG TTGACATAGC TCGAAGCCAG CTGATTGATG AGTTGTAGA 400  
 TGTATTCAAT CATTCTGTGG AAGACCTATT GCAA3AGGGA GAAGAA3TG ATGATGATGA 410  
 CATTACAAAT GTTCTTTCTA CATTAAAGCG GTTAACTTCT TTTCAGAAAT CACATGATCT 420  
 CACAAAT3G GATCTCTTTG GTAATTGCTA CAGATTATTG AAGACTGGAA TTGAACATGG 430  
 AGCCAT3CCA GAACAGATAG TCGTGCAAGC ACTGAGT3T TCCCATTAT CGATTCTTTG 440  
 GCAGTTGGTG AAAATTACTG ATGGCTCTCC TTCCAAAGAG GATTTGTT3G TATTGAGGAA 450  
 AAC3GTGAAA TCCTTTTTTG CTGTTTGCCA GCAGTGCTCG TCTAATGTTA ATACTCCAGT 460  
 GAAGAAACAG GCTTTCTATG TACTCTGTGA TCTTCTGATG ATTTTCAGCC ACCAATTAAT 470  
 GACAG3T33C AGAGAGGGCC TTCAGCCTTT GGTGTTCAAT CCAGATACTG GACTCCAATC 480  
 TGAACCTCTC AGTTTTGTGA TGGATCACGT TTTTATTGAC CAAGACGAGG AGAACCAGAG 490  
 CATG3AGGGT GATGAAGAAG ATGAAGCTAA TAAATTTGAG GCCTTACATA AAAGAAGGAA 500  
 TCTACTT3CT GCTTTTCAGCA AACTTATCAT TTATGACATT GTTGACATGC AT3CAGCTGC 510  
 AGACATCTTC AAACACTACA TGAAGTATTA CAATGACTAT GGTGATATTA TTAAGGAAAC 520  
 ACTGA3TAA ACCAGGCAGA TTGATAAAAT TCAGTGTGCC AAGACTCTCA TTCTCAGTTT 530  
 GCAACAGTTA TTTAATGAAC TTGTTCAAGA GCAAGTCCC AACCTAGATA GGACATCTGC 540  
 CCAT3TCAGT GGCATTAAAG AACT3GCAGC TCGTTTTGCC CTACATTTG GATTGGACCA 550  
 GATTAAGACA CGAGAAGCAG TTGCCACACT TCACAAGGAT GGCATAGAGT TTGCATTTAA 560  
 ATACAAAAT CAGAAAGGAC AAGAGTATCC AACTCTTAAT CTGGCTTTTC TTGAAGTACT 570  
 AAGTGAATTT TCTTCTAAAC TTCTTCGACA GGACAAAAG ACAGTTCTAT CATACCTAGA 580  
 GAAATTCCTT ACCGAGCAGA TGATGGAAAG GAG3GAGGAT GTATGGCTTC CACTCATCTC 590  
 CTATAGAAAT TCATTAGTCA CTGGGGGTGA AGATGATAGA ATGTCTGTGA ACA3TGGAAG 600  
 TAGCAGCAGC AAAACCTCAT CAGTAAGGAA TAAGAAAGGA CGACCTCCAC TTCATAAAAA 610  
 ACGATAGAA GATGAGAGTC TGGATAACAC ATGGCTAAAC AGGACTGATA CCATGATTCA 620  
 GACTCTTGGC CTTCTGOCAG CAGCACAACT CACATCCACT GTACTGCG3G AGAACAGTCG 630  
 GCTTATG3GA GAGCAGATTC AAGAACCTGA GTCTGAACAT GGTTCTGAAC CAGACTTTTT 640  
 ACACATCT CAGATGACAGA TCTCTTGTT AGGCAG3CG AAGTTAGAAG ACTTAAATCG 650  
 GAAG3ACAGA ACAGGAATGA ACTACATGAA AGTGAAACT GGAGTGAG3C ATGCTGTTCG 660  
 GGGTCTAATG GAG3AAGATG CTGAGCCCAT CTTT3AAGT GTGATGATGT CATCCCGAAG 670  
 CCA3TTAGAA GATATGAATG AAGAAATTTGA GGACACCATG GTTATTGATC TGCCTCCATC 680  
 AAGAAATCGG C3AGAGAGAG CTGAGCTAAG GCCAGACTTC TTTGACTCTG CAGCTATCAT 690  
 AGAAGAT3AT T3AGATTTG GAATGCTAT TGTCTGAAGT CTGAAGAAAA TTTACAAATC 700  
 TGGAACTCTA TTATTTAGAG CTAGAGGCCT ATATACTGTG ATAGCTT3TA TGGGGAAAAA 710  
 CAACTTTGA T3T3ATCTGA TTTGTTTTTT AATCAAATGA TTAAG3TCAA TCCCTTTTTG 720  
 CAGT3ACAGA A3AGGAG

Name: 139 Len: 1090 Check: 02  
 GCTCT33GAG ACTTCCG3CA GGGCGGGGCG GGGTCTTGG CGAAGGCTCT TCGGAAGCGG 60

CGGGGCGGCG	ATGACCGCGG	TACGGGGCGTT	TACCTGCGCG	GACCTTTTCT	GATTAAAGAA	120
CATTAAATGG	GATCCACTTA	CAGAAACTTA	TGGGATTCCCT	TTCTACCTAT	AATACCTCGG	130
CCACTGCGCA	GASTATTTCA	TTCTTGCGAGA	GGCACCTGGT	GGAGAAATTA	TGGGTTATAT	240
TATGGGTAAG	GCAGAAAGGT	CAGTAGCTAG	GGAGAAATGG	CACGGGCGCG	TCACAGCTTT	300
GTCTGTTGGG	CCAGAAATTTG	GACGCCCTTG	TTTGGCTGCT	AAACTTATGG	AGTTACTAGA	360
GGAGATTTCA	GAAGAAAGGG	GTGGATTTTT	TGTGGATCTC	TTTGTAAAGG	TATCTAACCA	420
AGTTGCACTT	AACATGTACA	AGCAGTTGGG	CTACAGTGTG	TATAGGACGG	TCATAGAGTA	480
CTATTCGCG	AGCAACGGGG	AGCCTGATGA	GGACGCTTAT	GATATGACCA	AAGCACTTTT	540
CAGGATACTT	GAGAAAGAAAT	CCATCATACC	ATTACCTCAT	CCTGTGAGCG	CTGAAGACAT	600
TGAATACCGG	TGGGCACTGG	TTCTTAGGCA	GATACCTTAG	ATGCTTTATG	GACCAATATTA	660
TTTTGATTGG	ATGATTCTGG	AGCTCTATTA	GGAGAAAGGT	AATCAATTTA	GGTCTTAAAG	720
ACTTCAAGAA	AATACAGGTT	ATCAATTTAT	TTTAAATCTC	ATTGTTTCCA	GTTAGCAATA	780
TCATACCTAT	TAAAGCTGTT	CATTGTAACA	AAATTCAATC	AAAAAGCGAG	CTAGGTCASA	840
AGGAAACATA	CCACTCTCAT	GGTTCATAGT	ATTCAGTGTG	TGTATGCTAG	GGAAAGAGCT	900
TSCTCCAGTC	TTCTCCTCAG	TTCTGTGCCT	GAGAACCACT	GCTGCATATA	TTTGTTTTTA	960
AATTTTGTAT	TGAAGCTGTT	ATTGAAGCTT	TAAAAGCATA	TATGAATTTT	ATAAATCTAA	1020
GATGTATATAT	ACATTATTGA	CTCTAAAAAA	AAAAAAAGAA	AAAAAAAGAA	AAAAAAAGAA	1080
AAAAAAAGAA						1090

Name: 290      Len: 558      Check: 1348

GAGTGUGGCG	GNGGTGGGCG	CTGCGGACCT	AACTAGCTCC	AGGTTAGGDT	GAGCTTTGNG	60
GGAAAGCGCG	GGACTTGAAA	ATACTGGAAA	TCTGTCCGGA	TCCAAATAT	TTTGCAAGCG	120
AGATGAGTAA	CCAGAGGGCA	TGAAAGGTTG	AGAACATTTG	ACTTCCCTTC	AAACCTTTGGT	180
ATAGATCACT	TCTTTTTCTG	TAGGAAAGGA	AAGGCACCAA	AGAGCACCAAT	GAGTACAAGA	240
AAGCGTCTTG	GTGGAGCAAT	AAATTCTAGA	CAAGCTCAGA	AGCGAACTCG	GGAGCAAGCC	300
TCCACCCCGG	AGATCTCCTT	GSAAGCAGAA	CCCATAGAAC	TCGTGGAPAC	TGCTGGAGAT	360
GAAATTCTGG	AGCTCACTTG	TGAATCTTTA	GAGCCTGTGG	TGTTTGTATC	GACTCACCAAT	420
BACTCTGTGG	TGATTGTTGA	CSAAAGAAGA	AGACCAAGGA	GGAATGCTAG	GAGGCTGCGC	480
CAGGACCATG	CTGACAGCTG	TGTGGTGAGC	AGTGACGATG	AGGAGTTGTC	CAGGGACAGA	540
GACGTATATG	TGACTAGC					558

Name: 290      Len: 2150      Check: 214D

CTCGAGGCGC	GAAGGCGCGG	CTGTCTCTGT	TAGCAGATAC	TTGCACGGTT	TACAGAAATT	60
CGGTCCCTGG	GTCTGTCTAG	GAAACTGGAA	AAAAGGTCAT	AAGCATGAAG	CGCAGTTGAG	120
TTTCCAGCGG	TGGTGTCTGG	CGCCTCTCCA	TGCAGGAGTT	AAGATCCCAG	GATGTAAATA	180
AACAAGGCGT	CTATACCCCT	CAAACCAAAG	AGAAACCAAC	CTTTGGAAGG	TTGAGTATAA	240
ACAAAGCGAC	ATCTGAAAGA	AAAGTCTCGC	TATTTGGCAA	AAGAACTAGT	GGACATGGAT	300
CCCGGAATAG	TCAACTTGGT	ATATTTTCCA	GTTCTGAGAA	AATCAAGGAC	CCGAGACCAC	360
TTAATGACAA	AGCATTTCAT	CAGCAGTGTA	TTGACAACT	CTGTGAGTTT	CTTACAGAAA	420
ATGGTTATGC	ACATAATGTG	TCCATGAAAT	CTCTACAAGC	TCCCTCTCTT	AAAGACTTCC	480
TGAAGATCTT	CACATTTCTT	TATGGCTTCC	TGTGCCCTTC	ATACGAACTT	CCTGACACAA	540
AGTTTGAAAG	AGAGGTTCCA	AGAACTCTTT	AAGACCTTGG	GTATCCTTTT	GCACTATCCA	600
AAAGCTCCAT	GTACACAGTG	GGGGCTCCTC	ATACATGGCC	TCACATTGTG	GCAGCCTTAG	660
TTTGGCTAAT	AGACTGCTAT	AAGATACATA	CTGCCATGAA	AGAAAGCTCA	CCTTTATTTG	720
ATGATGGGCA	GCCTTGCGGA	GAAGAAACTG	AAGATGGAAT	TATGCATAT	AAGTTGTTTT	780
TGGACTACAC	CATAAAATGC	TATGAGAGTT	TTATGAGTGG	TGCCGACAGC	TTTGATGAGA	840
TGAATGCGCA	GTTGCACTCA	AAACTGAAGG	ATTTATTTAA	TGTGGATGCT	TTTAAGCTGG	900
AATCATTAGA	AGCAAAAAC	AGAGCATTGA	ATGAACAGAT	TGCAAGATTG	GAACAAGAAA	960
GAGAAAAAGA	ACCGAATCGT	CTAGAGTCGT	TGAGAAAAC	GAAGGCTTCC	TTACAAGGAG	1020
ATGTTCAAAA	GATCAGGCA	TACATGAGCA	ATTTGGAGTC	TCATTGAGCC	ATTCTTGACC	1080
AGAAATTAAA	TGGTCTCAAT	GAGGAAATTG	CTAGAGTAGA	ACTAGAATGT	GAACAATATA	1140
AACAGGAGAA	CACCTGACTA	CAGAATATCA	TTGACAACCA	GAAGTACTCA	GTTGCAGACA	1200
TTGAGCTAAT	AAATCATGAA	AGAAATGAAT	TGCAGCAGAC	TATTAATPAA	TTAACCAAGG	1260
ACCTGCAAGC	TGAACACAG	AAGTTGTGGA	ATGAGGAGTT	AAAATATGCC	AGAGGCAAGG	1320
AAGCGATTGA	AACACAATTA	GCAGAGTATC	ACAAATTGGC	TAGAAAATTA	AAACTTATTC	1380
CTAAAGGTGC	TGAGAATTCG	AAAGGTTATG	ACTTTGAAAT	TAAGTTTAAAT	CCCGAGGCTG	1440
GTGCCAACTG	CCTTGTCAAA	TACAGGCTCT	AAGTTTATGT	ACCTCTTAAG	GAACCTCTGA	1500
ATGAAACTGA	AGAAGAAATT	AATAAGCCCC	TAAATAAAAA	AATGGGTTTG	GAGGATACTT	1560
TAGACCAATT	GAATGCAATG	ATAACAGAAA	GCAAGAGAGG	TGTGAGACT	CTGAAAGGAG	1620
AAGTTCAAAA	CTTGATGAT	GTTTACCAAC	AAAAAATTAA	GSAAGCAGAG	GAAGAGGATG	1680
AAAAATGTGC	CAGTGAGCTT	GAGTCCTTGG	AGAAACACAA	GCACTGTGTA	GAAAGTACTG	1740
TTAAGCAGGG	GCTCACTGAA	GCTATGAATG	AATTAGATGC	TGTTCAAGCG	GAATACCAAC	1800
TAGTTTCTCA	AACCATGACT	GAAGAAAGAC	GAAAAGTGGG	AAATAACTTG	CAACGTCTCT	1860
TAGAGATGGT	TGCTACACAT	GTGGGCTCTG	TAGAGAAACA	TCTTGAGGAG	CAGATTGCTA	1920
AAGTTGATAG	AGAATATGAA	GAATGCATGT	CAGAAGATCT	CTCGGAAAT	ATTAAAGAGA	1980



TTAGAGATTA GTATGAGAG AAAGCTACTC TAATTAAGTC TTCTGAGAA TTAGATATA 2140  
 ATGTTGATCA GTGATATATA TCCATAGTGA ATAAATTTGT TTCTGAGAA TTAGATATA 2150  
 AAAAAAAAAA AAAAAAAAAA AAAAAAAAAA AAAAAAAAAA AAAAAAAAAA 2160  
 Name: 001 Len: 3800 Check: 2389  
 GTGGAAGCA GAGGCGGCTGG CGGCAGGCGG GGAGCAAGAG GGTGAGGCGG CTGCGCGCGG 40  
 TGCGGAAGCA GACAATGGGC CGGCCTGCA GGGGCCATCT GGGGAGGCGG CGCTGCGCGG 120  
 CAGTTTGTAC GAGGAAGAGG ACGACGACGA GGGGAGGAG GAGGAAGAGG CGCGCGCGGG 180  
 GCGGATGCGG TACGAGATA ACCTTCTTTT CCGTATGAA ATTATCACTA ATGTTTTTCA 240  
 TTCTTTGAA AGTATATAG AGGATAGAGC CTCACATGCA AGTTTATCTG ACTGAGCTGC 300  
 AAGATACCG ATAGGTCCAT ATACTTTTGT TCAGCAACAT CTATGATTTG GCAAGATOC 360  
 TCGAATACCT CTAAAGATT TATTGCCGGA AACAATACCT CCACCTGAGT TCGATGATAT 420  
 GAGATGCGG CAGATTGTTA TTAATATCCT TTCAGAAACA CCAAAAGGA AAAAAAGAA 480  
 AGATATTAAT ACAATTGAG ATGCCGTGAA ATTACTGCAA GAGTGCAGAA AAATTATAGT 540  
 TCTAAGTGA GCTGGGGTGT CTGTTTCATG TGGGAATACCT GACTTCAGST CAAGGGATGG 600  
 TATTATAGCT CGCCTTGCTG TAGACTTCCC AGATCTTCCA GATCCTCAAG CGATGTTTGA 660  
 TATTGAATAT TTCAGAAAG ATCCAAGACC ATTCTTCAAG TTTGCAAAGG AAATATATCC 720  
 TGGCAATTC CAGCCATCTC TCTGTCACAA ATTCATAGCC TTCTCAGATA AGGAAGGAAA 780  
 ACTACTTCCG AACTATACG AGAACATAGA CACGCTGGAA CAGGTTGCGG GAATCCAAAG 840  
 GATAATTCAG TGTCATGCTT CCTTTGCAAC AGCATCTTGC CTGATTTGTA AATACAAAGT 900  
 TGACTGTGAA GCTGTACGAG GAGATATTTT TAATCAGGTA GTTCTCGAT GTCTAGGTG 960  
 CCCAGCTGAT GAACCGCTTG CTATCATGAA ACCAGAGATT GTTTTTTTG GTTAAATTT 1020  
 ACCAGAAGAG TTTCATAGAG CCATGAAGTA TGACAAAGAT GAGTTGAGC TCTCTATTGT 1080  
 TATTGGGTCT TCCCTCAAAG TAAGACCAGT AGCATAATT CCAAGTTCCA TACCCCATGA 1140  
 AGTGGCTGAG ATATTAATTA ATAGAGAACC TTTGCCCTCAT CTGCATTTTG ATGTAGAGCT 1200  
 TCTTGAGAGC TGTGATGTC TAATTAATGA ATTGTGTCAT AGGTTAGGTG GTGAATATGC 1260  
 CAAATTTTGC TGTAACTCTG TAAAGCTTTC AGAAATTAAT GAAACCTC CAGGAACACA 1320  
 AAGAGATTG GCTTATTTGT CAGAGTTGCC AACCACACCT CTTCATGTTT CAGGAGACTC 1380  
 AAGTTCAACA GAAAGAACTT CACCACCAGA TTCTTCAGTG ATTGTACAC TTTTAGACCA 1440  
 AGCAGCTAAG AGTAATGATG ATTTAGATGT GTCTGAATCA AAAGGTTGTA TGGAGAAAA 1500  
 ACCACAGGAA GTACAAACTT CTAGGAATGT TGAAAGTATT GCTGAACAGA TGGAAATOC 1560  
 GGATTTGAAG AATGTTGCTT CTAGTACTGG GGAGAAAAAT GAAAGAACTT CAGTGGCTGG 1620  
 AAGAGTGAGA AAATGCTGGC CTAATAGAGT GGCAAGGAG CAGATTAGTA GCGGCTTGA 1680  
 TGGTAATCAG TATCTGTTTT TGCCACCAAA TCGTTACATT TTCCATGGCG CTGAGGTATA 1740  
 TTCAGACTCT GAAGATGAGC TCTTATCCTC TAGTTCTTGT GGCAGTAACA GTGATAGTGG 1800  
 GACATGCCAG AGTCCAAGTT TAGAAGAACC CATGGAGGAT GAAAGTGAAA TTGAAGAATT 1860  
 CTACAATGGC TTAGAAGATG AGCCTGATGT TCCAGAGAGA GCTGGAGSAG CTGGATTTGG 1920  
 GATGATGGA GATGATCAAG AGGCAATTAA TGAAGCTATA TGTGTGAAC AGGAAGTAAC 1980  
 AGACATGAAC TATCCATCAA ACAATCATA GTGTAATAAT TGTGCAGSTA CAGGAATTGT 2040  
 TCCACCAACA TTAGGAAGTT TAGCATGTCA AAATGAATGT TTAATTGTGA ACTCGATAGA 2100  
 GCAAGGAAGC CAGAAAGGTG TAATATTTAT AGGTTGGTAA AATAGATTGT TTTTCATGGA 2160  
 TAATTTTTAA CTTCATTATT TCTGTACTTG TACAAACTCA AACTTAACCT TTTTTTTTTT 2220  
 AAAAAAAAAA AGTACTAAG TATCTTCAAT CAGCTGTTGG GTCAAGACTA ACTTTCTTTT 2280  
 AAAGGTTGAT TTGTATGATA AATTCATATG TGTATATATA ATTTTTTTG TTTTGTCTAG 2340  
 TGAGTTTCAA CATTTTTAAA GTTTTCAAAA AGCCATCGGA ATGTTAAAT AATGTAAAGG 2400  
 GACAGCTAAT CTAGACCAAA GAATGGTATT TTCACCTTTC TTTGTAACAT TGAATGGTTT 2460  
 GAAATACCTA AAATCTGTTA CGCTAAACTT TTGATTCTTT AACACAATTA TTTTAAACA 2520  
 CTGGCATTTT TCAAAACTGT GGCAGCTAAC TTTTAAAAAT CTCAATGAC ATGCAGTGTG 2580  
 AGTAGAAGGA AGTCAACCAAT ATGTGGGGAG AGCACTCGGT TCTTTTACT TTTAAAAGTA 2640  
 ATACTTGTG CTAGAATTT CAGGATTATT GTATTACGT TCAATGAAG ATGCTTTTTG 2700  
 TACTTCTGT GACATGTAG TAATGTCTAT ATTGGCTCAT AAAACTAACC TGAATAACAA 2760  
 ATAAATGCTT TGAATATTT TCAGTTGCTT TAGAAACATT AGTGGCTGCC TCGATCCCTT 2820  
 TACTTTTAA ATATTTTCCA TTGTTGTTTA AATACCTATC ACTGTGTAG AGCTTGCAAT 2880  
 GATCTTTTCC ACAAATATTA AACTGCCAAA ATGTGAATAT GCAAGGCTT TCTGAATCTA 2940  
 TAATAATGT ACTTCTACTG GGGAGAGTGT AATATTTTGG ACTGCTGTTT TCCATTAATG 3000  
 AAGAGAGCAA CAGGCCCCCTG ATTATACAGT TCCAAAGTAA TAAGATGTTA ACTGCTAGCC 3060  
 AGGAGAGAA TACATGTCTC CCATTGGGAG GATTTGGTGT TAAATACCAA ACTGCTAGCC 3120  
 CTAGTATTAT GGAGATGAAC ATGATGATGT AACTGTAAAT AGCAGAATAG TTAATGAATG 3180  
 AACTAATTC TTATAATTTA TCTTTATTTA AAAGCTTAGC CTGCTTAAA ACTAGAGATC 3240  
 AACTTTCTCA GCTGCAAAAAG CTTCTAGTCT TTCAAGAAGT TCATACCTTA TGAAATTGCA 3300  
 TAGTAAGCAT TTATTTTTC GACCATTTTT GAACATCACT CCAATTAATA TAAAGTATTC 3360  
 CTCTGTGCT TTATATTTA TTACAATAAA AAGGTTTGA AATATAGCTG TTTTATGTC 3420  
 ATAAACACC CAGCTAGGAC CATTACTGCC AGAGAAAAAA ATGCTATTGA ATGGCCATT 3480  
 CCTACTTAT AAGATGTCT AATCTGAATT TATTTGGCTA CACTAAAGAA TGCAGTATAT 3540

TTATTTTAAAT ATTGTTTAAAT TTTTATATTG TACATAGTCT 3660  
 TTTATGTAAT TTTATGTAAT TTTATGTAAT TTTATGTAAT 3721  
 ACTTTTGAAT TACAAAATCA TTTTATTTTA CTTGTACACT GTTTTAAAST CTTATTTAAAT 3780  
 TTTTATTTGA CTTTATTTTGA

Name: 292

Len: 1731 Check: 2078

GGGAGAGGTT	GTGATGGGTT	GACAGGTGCG	TGACAGTGGG	AGCTGCTCTC	GGCAGAGGCA	60
TGATAGGCAA	AGGAGAGGTT	AACAGAGGCG	CGGAGAGGTT	GGCAGAGGCA	GGCAGAGGCA	120
AGTATAGGCA	TTAGGATGAT	GAATAGGTTG	TGATAGGCAA	AGGAGAGGTT	GGCAGAGGCA	180
CATTTTGAAT	AGGAGAGGTT	GGGAGAGGTT	AGGAGAGGTT	GGGAGAGGTT	GGGAGAGGTT	240
TACATGTTTG	GTGATGGGTT	TTTGGGATG	TCTACTGTGT	AGGAGAGGTT	GGGAGAGGTT	300
CATTTGAAAT	GTGATGGGTT	GGGAGAGGTT	TCCATGATTA	CAGTGTGCTC	GGCAGAGGCA	360
GTGATGGGTT	AGGAGAGGTT	GGGAGAGGTT	ATGGCATGCG	AGTATGGGTT	GGCAGAGGCA	420
GGTGTGTTTG	GGCAGAGGTT	GGGAGAGGTT	ACCGTGGAGG	TCCAAGGGCG	GGCAGAGGCA	480
TACCTAATCA	GGCAGAGGTT	GGGAGAGGTT	GAAATCAGCG	ATTACTGCGC	GGCAGAGGCA	540
ATCCAACTCG	ACACAGAGGTT	CATCCAAATA	TGGGTGGGCG	AATGCGAGAG	ATGACTGCTC	600
CAAGAGGAAAT	GGTGGGCTTA	GGACAGAGGTT	ACTATGGAGG	TGCAATGAGA	GGCAGAGGCA	660
ATGTTTGAAT	TGGGCTGCTG	ATGCTTGGGA	TGAACATGGG	TCCAAGGCTG	GGTATGCTTT	720
GGGAGAGGTT	AACAAATGGG	AATTCATATC	CATGCTGCTC	AGCATGCTCT	GGGAGATTTG	780
TAGGTGCTCG	AGGAGAGGTT	GGGAGAGGTT	GAACAGGCTC	CATGCTGCTC	GGGAGATTTG	840
CAAGAGGAAAT	TGGTGGGATA	ATGTATAGTT	TAATGAATGC	AGTATGCTCT	GGGAGATTTG	900
GAAGAGGAAAT	TCCAATGGGCT	CCTGGGCTGAG	ATGGTGGGCT	GGGAGATTTG	GGGAGATTTG	960
AGTATGATCA	CATGAATGGG	TCTTTAGGCT	CAGGAGATAT	GGGAGATTTG	TCCAAGGAAAT	1020
CTGCTAATAA	TATGAGGCTG	AGTATGAAAT	CGGAGAGGCT	AAGGAGATTT	GGGAGATTTG	1080
GGGAGAGGTT	CTTAAATGCT	TTTCAGAGTT	AGGATTTACT	CCCTAGGATG	ACAATGAGCG	1140
TGTGATGAT	TACCAAGGCT	CCTCATGAAA	AACAGAGGTT	GTGAGGCTCT	CACAGAGGCT	1200
CTAGAGGAAAT	AAATTTATTA	TCACAGGTTG	CAGTTAAACA	AAGGAGATTT	AGTATGAGGCT	1260
AACAGAGGTT	TTCAATTTCT	GCTGCTGCTC	CTGTTTGTG	AAGGAGATTT	GTGAGGATTT	1320
GATTGAAACA	ACTGTAGGGA	GTGGGATATT	AGAATTTGCT	TAACTGAAAT	TGCAAAATAT	1380
TATGTGTGTA	TGTATATGTT	TGGGAAAGAG	AATGTACTGT	ATATGTGTAT	GTTATACAGA	1440
CATATACACA	TACATACATT	GACCCAGAGG	ACATTTGATA	ATATTATCAC	ATGACATCTT	1500
AAGTAGAAAT	AAGTAGGGAG	TTTATTTTCA	TCCTTTTTTT	CACGTTTACA	TTTAAATTTT	1560
TACAGGTTGC	TCCTGCGGCT	TCCTGAACT	ATTTTGTGCT	GTGTATATCA	CTGCTTTATA	1620
TAAGTTATTT	TTTAAAGGTT	ACTCAGATGT	TATGTTTGTG	TATATGTCTG	CAATCATGGA	1680
TAGGAATAAA	ATCGCTTATT	TGAGAGGCTT	CAAAAAAATA	AAAAAATAAA	C	1731

Name: 293

Len: 3416 Check: 2559

GGTTTACACG	TACCTCGGCT	TCATCGTGGG	CCACCATGGG	ACTGCGGAGC	TCCAGGCGCT	60
GGGAGAGGTT	GAAGTAGACT	TCTGCTGCTC	ACTGCTTGGG	GAAGGCTTCA	TGGAATGTCT	120
GATGATTGGT	CGGGATCTGG	TAAGACTACT	TCAGAAATGT	GCTAGGATAC	CAGAATTTGA	180
ACTGCTTTTG	AAAGATATTA	TCCATAATCC	TCAGGCGCTG	AGTCTCTCAG	TCACAGGTTT	240
CCTACAGGCT	CTTCAGTCAA	GAACATCCCG	AAAATTCCTA	GCATGTGCTG	TAACCGCGGA	300
CATGGAGACT	AAACTGCTCT	TCATGAGATC	CGGGGTGCGA	TTTGGTCAAC	AAAAGCGATA	360
CCAAGATTGG	TTCCAGGCGG	AGTACCTGTC	AACTCCAGAT	AGTCACTCTC	TGCGCTGTGA	420
CCTCATTCGC	TACATCTGTT	GGGTATGCTA	CCCTTCTAAT	GAAGTACTGA	GTTTATATAT	480
CTTGGGCGGG	TGGGCTATCA	TTGGTTGGGT	CTTGACAAAG	TGCACGTCAA	ATGTGCTGCT	540
CTCCAAATGC	AAGCTGGGTT	TGTTTTATGA	CTGGCTGTTC	TTTATGCTAG	ACAAGGATAG	600
CATTATGAAC	ATAGAAGGAG	CCATCTCTGT	CATGCAACAC	TCCATGAAGC	CCCAAGGAGC	660
CATCACTGCT	ACACTGCTGG	ACTTCATGTT	CGGCATCATT	CCCAACTTCT	ATCCAGGATT	720
GGAGGCGGAC	GTGGGCGGAG	GTGCTTTTTT	CTCCCTCAAC	CACATTGTTG	AGAAAGGCTG	780
TTTGGGCTGT	AAAAAGTATT	GGCTCTACTT	CAGACTGCTG	GGCATATGTC	TTCTTGGCTC	840
TTAGAGGAAAT	TTCTTCTGCT	CCATCTTATT	ACAAAGACAC	CTAGCTGCTG	TGTTTGAACA	900
CCCTAAATTT	GATAAGGAGG	TGGGCTCAAT	GCTGAGAGAG	AAGTTTCTG	AGTTCTGAG	960
CTCAGGCTCT	CCAGCTGCTG	AAGTCAAAAT	TGAGGAGGCA	GTTCATATG	AGATGATATA	1020
CCATATGCTG	GATAAGGAGG	AGAGTTGCTA	TGACAATGCA	GAGGCGAGCT	TCAGTGAAGA	1080
TGAAGAGGAT	CTCAAGAGCA	AAGGAAAGAA	GAGGGAGTTT	CGCTTCCAGC	CTATCAAGGA	1140
GACAGTTGTG	GAGGAGGCTG	TTGATATCAC	CCCTTACCTT	GACAGTTTGG	ATGAGTCTCT	1200
GAGGAGAGAA	GTACTGCTAG	TATAGAGGGG	GAGTGATACG	GAGGCGGAGT	GTGAGGCTAT	1260
GCAGGAAATT	GTGGAGAGAG	TCCTGGAGGA	ASACTTTGAC	TGAGGAGGAG	TGCTCTGCTC	1320
TGCTTCTGCT	CTACAGGAGG	TCTTCAAGGG	CCACTTTGCA	GGGAGGCTCT	TGCTTGAAGA	1380
GATTACTGAG	GAATCTCTGG	AGGAGTCTGT	AGGAAAGGCT	CTGTACCTAA	TATTTAGGAA	1440
CCATATGCTG	ATGAGGAGAG	ACAAAGAGAG	CTTCTCTCTA	CTTCTAGAGC	TTCTTCTGCA	1500
GCTATATCAG	AAGCAGGCTA	AGATTGGGTA	CCACTGCTCT	TACTACCTGA	GGGCGAGCAA	1560
AGCGGCGGCA	GGGAAGATGA	ACCTGTACGA	GTCAATTTGCT	CAGGCTACCC	AGCTGGGCGA	1620

TTTCTTAAAG	TTCTGTATGA	TGATATGAA	GGCTTCCDAB	GAGGAGGAT	TGCTGCTCCT	1680
GTGTAAGCTC	AGGCCCCCCA	TGTATACA JA	GTTPCCAGAT	GAAACCTTGA	GGAGCGGAGA	1740
GCTACTTAA	ATGATGCTGG	CTGTATTA JA	CTCTCCAGAG	CTCCAGGAGC	TGCTCTGCCA	1800
GGTATGATG	GTAATCTTG	TTATGTTTTG	AAAAGACTCA	GTTCTCAACA	TACTCATTCA	1860
GAGCTTAGAG	TGGAGACCT	TTGAGTAGTA	TTGTGCTGG	CAGCTCTTT	TGGCCACAA	1920
TATTCCTCTG	GAGACCATAA	TCCCTATCT	GCAGCACCTC	AAATACAAG	AGCACCCAGA	1980
GGCTTTCTCC	TGCTACTCTG	TTAACTCTG	AAGAGAAAA	CCCAGCGAG	AGATGCTGAA	2040
GATGCTGCTG	AGCTGGCTCT	GTATCTCTGA	CGACCAATTC	ACCACCGACA	TCTGCGGCA	2100
CTCTCTCTG	AAATATGAG	AGCTATCTG	CGAGCACATC	AACTCTCTCT	TGATCAAGAA	2160
GAACAGCTTG	CTTCTGCAAG	GATAGAGCTT	GAGGAGCTCT	AGCAGCAAG	TGCTCCAGCT	2220
GACTCTCTAG	CAGATCTCTG	AGCACTTCTG	CAATCTCTCT	CTCAACCTGA	CCAAACACAA	2280
GCAGAACTTT	TTTAGCCAGA	CGCTAATCT	CCAGGCTCTG	CAGCATCTCT	AAGCTAGCTG	2340
TGACCAAGCT	CAACAAGATGA	AATTCAGTGA	TCTCTCTCTC	CTGGCTGAGG	AATATGAGGA	2400
CTCTTCCAGC	AGGCTCAGCC	AGAGCTGGCG	AAAAGCAGCT	CTGTCCAGCC	CTCGAAGTCT	2460
AAAGAACTCT	ACACAGCCCC	CCAATGCTGA	AGAAGAGCTG	GGCTCCAGCA	GTGCTTCAGA	2520
AGAGCAAGAC	ATGAAACCGA	AGCTTAACCA	CGGGAACCGA	AAAGGCTCT	CTGCAGTGGG	2580
CTCTGACAGT	GACTGAGGCT	CTGCTATCTC	CATCCCACTC	CCGGCTGGAC	TGCTCTCTCT	2640
TTCTTCTCTG	TTGAAAGCTT	AATAAGGCT	GAGGAGATTG	CAGGGGAAAC	ACCTTTGCTG	2700
GATCTCTCTG	CTCTCTCTCT	GGAAGGAGGA	GCTTTCTCTC	CTGGCTGAGT	TTGAGAAGCT	2760
GCTATGCTAG	CTCTCTCTCT	TTCTCTCTCT	CTGGGCTCTC	CAGCTCTCTC	CACTGCTGTT	2820
CCCACTGATA	TTTGGGATCT	GACTGAAGCT	AGAGGCTCTG	TAAATTCAGA	CCATAGTGGA	2880
AGCTCTCTAG	CTCTGCTCTC	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	AGTCTCTCTC	AGAGCCATTT	2940
CAACAGAGAA	GGGAAATGAC	AAAGGGGAG	CTGGCCAGAT	AAGCTAGGAT	GAGAGCAGAG	3000
ACTCACTCTG	TGCTGCTCTC	TTCTGCTCTC	CCCTTCAGCT	CTTGCTTTGT	TCTGAAGGGA	3060
CGTTTATAG	CTCTATCTCA	CATGCTAGTG	TGAAATGCTG	ATCTATGACG	TGGTCAAGGT	3120
GTCTATCTCT	ATCTATGCTG	CAGATGCTCT	AAGCACTCTG	AAAGGAGTCT	GAAAGGGTGG	3180
CCAGAGCTCT	AGCTGCTCTG	CTCTGCTCTG	TTAGGTTCTG	CTGAGGTTCT	CACCTCAATC	3240
TACCTCTCTG	CTCTGCTCTG	CTCTGCTCTG	AGTTTCTCTG	AATTGTCTAA	TGATCTCTCT	3300
CTCTGCTCTG	CTCTGCTCTG	CTCTGCTCTG	TTTTTCTCTG	TTTTTCTCTG	AGATAATCTG	3360
GTCTTAAAG	TTGTTTTTAA	ATGACAATAA	AACAAGCTAG	AATGTCAAAA	AAAAAA	3416
Name: 294 Len: 1927 Check: 12B5						
GTAAACCAGC	CGGAGCGGCG	CGGAGCGGCG	AGGACCGCGG	TGGCGCCTAG	AGTAGCGACC	60
CGGGGGGAGC	CGGGGGGCGC	GCTGGCTGCA	GGGACCGCGT	GACAGCGTGA	GAGGTTGCGA	120
GAGTACTAGG	TTTTGACAAG	CTTGCTATCT	CGGTGAGTAT	AAGCTAGTCG	TTCTTGGCTC	180
AGGAGGCTTT	GSAAGTCTG	CTTTGACTGT	ACAATTTGTT	CAAGGAATTT	TTGTAGAAAA	240
ATACGATCT	ACGATAGAAG	ATTCTTATAG	AAAGCAAGTT	GAAGTAGATG	CACAACAGTG	300
TATGCTTGA	ATCTTGGATA	CTGCGAGGAAC	GGAGCAATTT	ACAGCAATGA	GGGATTTATA	360
CATGAAAAAT	GGACAAGGAT	TTGCTATTAGT	TTATTCCATC	ACAGCACAGT	CCACATTTAA	420
CGATTTACAA	GACCTGAGAG	AACAGATTCT	TGAGTTTAAA	GACACTGATG	ATGTTCCAA	480
GATTTCTTGT	GGTAATAAGT	GTGACTTGGA	AGATGAAAGA	GTTGTAGGGA	AGGAACAAGG	540
TCAAAATCTA	GCAAGACAAT	GGAACTACTG	TGCATTCTTA	GAATCTTCTG	CAAAATCAAA	600
AATTAATGTT	AATGAGATCT	TTTATGACCT	AGTGCGGCAA	ATTAACAGAA	AAACTCCAGT	660
GCCTGGGAAG	GCTGGCAAAA	AGTCTATCTG	TCAGCTGCTT	TAATATACTA	AATGCATTGT	720
AGCTCTGAGC	CAGTCTGAAA	GAAGTCTTGC	CCAATTCAAC	AGTGCCAGCA	TTCCAACCTT	780
GTTAAACCTA	CCAACTCTTT	AAATGCACTT	TCCTGTGGTG	GTACCTCTTA	AGAGGCGGAT	840
GAAAGCTACT	ATATGAGTTT	GCACATTCTA	ATCACTTTCT	AGTATCACAA	GAGAGATTTT	900
TACTTATATA	ATAGTCTCTG	AGTTTGCAGC	TGGTAAACCC	AGAGGCTACA	TCCAGTATTA	960
CTGCTAAGAG	ACATTTCTTA	TCCACCAATG	TGCTACATCT	ATGAAATGG	TGTACTGTAT	1020
ACTTTAACT	GGCTCATACT	TTGTATTGGA	GAGTACATA	ATGTAAATCC	TAAAGGACCC	1080
ACTATTTTAT	CATAATAAAA	GAAATCTCAA	AGAGCTCTCT	TATAGACTAC	TCCAGATAAC	1140
TTGCTTTTCT	TGTAATCTGT	AGCTTATCT	AATTTTTTTT	AAGAAATCTA	AGGTCAATTAT	1200
TATTTATCAA	AATAAGGCT	TTGATTAACA	CAGCTATATA	TTTTTTTTTA	TTTTTAAAAA	1260
AGCTGCTGAG	AGGCTGATCT	TGCTTTTAAA	ACATGATAGT	CTTTCTAGTA	TAATGTCTTA	1320
GATTAAGAC	GTGCTCTTTA	ATATCTGTTG	GGAAGGAAT	GTCCAGACTT	TTCAATCTCT	1380
TTATTATATG	TTTCTTTTTT	TTGTTTACAT	AGGGAACAAT	TTTTTATAGT	GTGTGTACAG	1440
TGGGGCTCTA	CAACAAGAAG	TGTAATTTTT	CAACAATTTT	TTTAATGATT	TAACAATTTT	1500
TGTAATTCAT	TTTCAAGCTT	CTGCTAGCTG	AGATTTCTAC	TGTGAATCTC	TTGCTTGCTC	1560
ATGCTAAGT	GTATTTGCAA	TACCAATAT	ACAGGTTTAG	TATTTTTGCT	TGTTAGTGAT	1620
TGTTTCTCAT	GTGTAACCTT	TTGTTTGAGA	TGTTAAATCT	TGGACGAGTA	CTGTGATGT	1680
GAATGTGGA	AGTAATTTTA	ATCATATGTA	ATTGCTTACA	AGGCTTAATT	TGCAGTAACT	1740
ATTGCTTTTT	TATTTAACAA	TGCTTTGTTG	CTTTGATATC	ATTAATGTTT	GGATGTAAAG	1800
ATGCTGCTCT	TATCCCAACG	GGAGCCACAG	TATTTAAATT	GACCAACTTA	ATGTTACAAC	1860
TACTTTGAGG	TGGCCAAATG	TAAATAAAA	GOCTTAATTA	AAGTGGTGCA	ATTTTGTAAA	1920

AAAAAA

Name: 285

Len: 1453 Check:

48C

GGCTGTTTTC	GGCGGTTTGG	TGCGCGCGCG	AGTGGGCTGC	ACGTGCGGCG	GGCGGCGGATG	100
CGTCACTTAT	CTGAGGAACG	AGAATGAATA	TGACTCAAGC	CGGGGTTTTC	GTGGGCTGCAG	130
TGGTGGGTTT	GTTGGCTGTC	CTGCTCTAGC	CCTCCATCCA	CAAGATTGAG	GAGGGGCTATC	180
TGGCTGCTGA	CTACAGGGGA	GGAGCTTTAC	TAAGTAGGCG	CAGTGGACCA	GGCTATCATA	240
TCATGTTTTC	TTTCACTACT	ACGTTTCAGAT	CTGTGCAGAC	AACTACTATA	ACTGATGAAG	300
TTAAATATTC	GTTTGTGGGA	ACAAGTGGTG	GGGTGATGAT	CTATATTGAC	CTAATAGAAG	360
TTCTTAATAT	GTGGGTTTCT	TATGCACTGT	TTGATATCTT	GAGGAAGTAT	ATTGCACTAT	420
ATGACAAATC	CTTAATCTTC	AATAAAATCC	ACCATGAGGT	GAACTAGTTT	TTCAGTGGCC	480
ATGACATTTA	GGAGGTTTAC	ATTGAATTGT	TTGATCAAAAT	AGATGAAATC	CTGAAGCAAG	540
CTCTGCAAAA	AGACTTAAAC	CTCATGGCCC	CAGGTCTCAC	TATACAGGCT	GTGGGTGTTA	600
CAAAATCTAA	ATGCCAGAAA	GCCATAAGAA	GAAATTTTGA	GTTAATGGAG	GCTGAGAAAG	660
CAAAATCTTT	TATAGCTGCA	CAGAAACAAA	AGGTTGTGGA	AAAAGAAAGT	GAGACAGAGA	720
GGAAAAAGGC	AGTTATAGAA	GCAGAGAAGA	TTGCACAAGT	GGCAAAAATT	CGGTTTCAGC	780
AGAAAGTAT	GGAAAAAGAA	ACTGAAAAGC	GCATTTCTGA	AATCGAAGAT	GCTGCATTCC	840
TGGCCCGGAA	GAAAGCGAAA	GCAGATGCTG	AATATTATGC	TGCACACAAA	TATGCCACCT	900
CAAAATCTTA	CAATTTGACC	CGGGAATATC	TGGAGCTCAA	AAAGTACGAG	GGCATTGCTT	960
CTAACTATTA	GATCTATTTT	GGCAGCAACA	TCCCTAACAT	GTTGCTGGAC	TCTCATGTG	1020
CTTTGAAATA	TTTATATATT	AGGACTGGAA	GAGAAAGCTC	ACTCCCTCTC	AAGGAGGCTC	1080
TTTAACTCTC	TGAGAGAAAC	GTCATCCAAA	ACAAAGAGAG	CACAGGTTGA	TGCAAGAGGT	1140
GGAAATGTTT	GGATATCTAA	GATGTGGCCC	AAGGGGTTAA	GTGGGAACAA	TCATTATACG	1200
GATCTTTTAC	ATTTACAGAG	AACTTACACT	TCATCTGTTT	CACCTCTCTT	GGGATAGTCC	1260
TGGGTGCTCC	ACTGATTGGA	GGATAGAGCC	AGCTGTCTGA	CACACAAATG	GTCTTTTCAG	1320
CCACAGTCTT	ATCAAGTATC	CTATATGTAT	TCCTTTCTAA	ACTGCTACTC	ATGAATGAGG	1380
AAATCTCTAT	GCTAAGATAC	TGCTGCACT	GGAATGTTAA	ACACTAATA	TATAACAGC	1440
TCTTCTTTTG	TAA					1453

Name: 286

Len: 3120 Check:

678

CGGCGAGGGG	CGGCGGCTAC	GGGCGAGCCC	CGGGCGATGA	GGGGCGGGGG	TTGACCGGGA	60
AGAGCGGGGA	CGGCGGCGAGT	GGCTCCGAGG	GGACCCGCGA	TGGCAGCGGG	CTGAGAGGAG	120
GCTCCAGGGA	GGGCGGGGCTG	CGCTGGCAGC	GGCCGCTGAG	GTGCTGGGGG	GGCGGCTGGC	180
TGGCGAGCGG	GGCAGAAGCG	ACGAGAGGCG	CGCTCGGCAC	CGGCACCCCG	GTGCCCCCGC	240
CTCAGTTGTC	TAACTTCCG	GCTCTCTTCC	ACCGTCTGCG	CGCCAGAGAT	CAACAACCTC	300
TTACCCCCCG	TCCGCCCCCG	CCCTTCCCTC	CGTCAGCCCC	GGGAGCTCGC	CGCGGCCCCG	360
GGAGCAGGAA	CCTCCAGCGC	TGAGATGTGG	CCGTGAGGCG	TTGGCGGGGG	CGGAGGAGAA	420
GCTCGGGGGG	GTCCCGGGGC	CGGAGGGCGG	TGGGGCCGGG	CGGCAGGGGG	GGGAGCACCC	480
CGCGGCTCTC	CGCGGCTCTC	TCCTGCCGTC	TCCGCGGCTG	CCCGTGCTTT	GCAAGCAGCA	540
GCTGGAGGTC	CGGAGCGGTA	GGGCGCGGGA	GATGTGCTCG	TGCTCGGCGT	GGGCGGGGGC	600
TGGCAGGGGG	GCCATCTCGG	CCTCGGAGAA	AGTGGACGGC	TTACCCCGGA	AATCGGTCCG	660
CAAGGGGCGAG	AGGCGAAGC	GCTCCAGGGG	CTCGTCGCAG	TTTCGCAGGC	AGGGCAGGCA	720
GGCAGAGGTC	CAGGCGCTGC	CCCAGCTCAA	AGATGCCACT	TCAAATGAAC	AAACAAGAGCT	780
TTTCTGTGAG	AAGTTGCAGC	AGTGTGTGAT	ACTGTTTGAT	TTGATGGACT	CTGTTTCAGA	840
CTTGAAGAGC	AAAGAAATTA	AAAGAGCAAC	ACTGAATGAA	CTGGTTGAGT	ATGTTTCAAC	900
TAATGCTGGT	GTAATTGTTG	AATCAGCGTA	TTCTGATATA	GTAAAAATGA	TCAGTGCTAA	960
CATCTTGGGT	ACAATTCCTC	CAAGTGATAA	TCCAGATTTT	GATCCAGGAG	AGGATGAACC	1020
CAGGCTTGAG	GCTCTTGGC	CTCACATACA	GTTGGTATAT	GAATTCCTCT	TGAGATTTTT	1080
GGAGAGGCTT	GATTTCCAGC	CTAGCATTGC	AAAACGATAC	ATTGATCAGA	AATTCGTACA	1140
ACAGCTCTTG	GAGTTTCTTG	ATAGTGAAGA	TCCCAGAGAA	CGTGACTTCC	TGAAGACTGT	1200
TCTGCAAGGA	ATTTATGGGA	AATTTCTTGG	ATTAAGAGCA	TTGATCAGAA	AACAAATTAA	1260
CAACATTTTC	CTCAGGTTTA	TATATGAAAC	AGAACATTTT	AATGGTGTGG	CTGAACCTCT	1320
TAAATATTTA	GGAGATATTA	TCAATGGCTT	TGCATTGCCA	CTGAAAGCAG	AACATAAACA	1380
ATTTGTAATG	AAGTTCTTTA	TTGCTATGCA	TACTGCAAAA	GGATTAGCTT	TGTTTCATGC	1440
TCAGCTAGGA	TATGTTGTTG	TACAGTTCCT	GGAGAAAGAT	ACAACAATAA	TAGAGCCAGT	1500
GATCAGAGGA	CTGCTGAAAT	TTTGGGCCAA	AACCTGCAGT	CAGAAAGAGG	TGATGTTTTT	1560
AGGAGAAATT	GAAAGAAATCT	TAGATGTGAT	TGAACCAACA	CAGTTCAAAA	AAATTGAAGA	1620
GCTACTTTTT	AAGGAGATAT	CCAAGTGTGT	ATCCAGTTCT	CATTTTTCAG	TTGCAGAAAG	1680
GGCATTGTAC	TTCTGGGAATA	ACGAATATAT	TCTTAGTTTG	ATTGAGGAGA	ACATTGATAA	1740
AAATCTGCTA	ATTATGTTTG	CCAGTTTGTG	CAAAATTTCC	AAAGAAACCT	GGAATCCGAC	1800
CATTGTAGCA	CTGGTATACA	ATGTGCTGAA	AACCCATAAT	GAAATGAATG	GCAAGCTTTT	1860
CTATGACCTT	ACTAGCTCAT	ACAAAGCTGA	AAGACAGAGA	GAGAAAAAGA	AGGAATTGGA	1920
ACGTGAAGAA	TTATGAAAAA	AATTAGAGGA	GCTAAAGCTA	AAGAAAGCTC	TAGAAAAACA	1980
GAATAAGGCT	TACAACATGC	ACAGTATTCT	CAGCAATACA	AGTGCCGAAT	AAAAAAAAGG	2040
CCTCCCACTT	CTGCCGGATA	GGCAGAGTTT	TGTATGCTTT	TTTGAAATAT	GTAAAAATTA	2100

AAAAA AAAA TCCATCAGTA TAATAAAPT AAAA GCGAP TTTTTCCTTG CAACTCTAAA 2160  
TGGGAAAAATA TATGGAAATA ACSTAGCCT GTCTGTAT TATGGCATA TATATTGTAA 2220  
CCTTTTATA ATCATTGAT TTATTGTTC ACTTGTAA TTTCAAGAA ATGAATGAAT 2280  
TTTATATAT ATATATAG TGAGATAAT ATGGAAATG TAAGAATAT GACTTGAAT 2340  
CTTCTTTGAT TGTCTGAC ATAGATATG TAGTGTGT TGTATATTT TCCCTTTTAT 2400  
AATGTCTTT TCACTGCT TTACCCCTT CTCTCTCTA CCGAGAAATA TCAATGGGG 2460  
ATAAAAATA GGTATCCTT CTTCAATAA ATACATTAT GTACTCTGA ATTAGGCAA 2520  
AATTATTT CTTAATCCT CTTCAATAA ATACATTAT GTACTCTGA ATTAGGCAA 2580  
AACCTTAAAT TTTCACTTT TTTAAAGCA AAAATATAA TAAAGCTTG GAAAGTAAAC 2640  
CAAAATCTT TATGATGTT CTCATGAATA TCCCTCTTC TCTGCAATT ICCAGAGTG 2700  
TAACAGATG TTAGAGGCG CTCAGGTGA TTAACAGCT TCCCTCTCA TCAATCTCT 2760  
CTCTCTCTT TAAAGGCTG AGGCAGGGC TTTCTAGT TCACAACCT TCTTCACT 2820  
AGTCTCTCT TACCCAGGGA TGGAGGCTT GAGTCTCACA GTGTGCTGAT ACAGAGCACT 2880  
AGTTCTCACT GCTCTGCTT ATTTAAAGGA ACTGCTAGT GCTCTCTCT TAGAGCTCT 2940  
AAAACTTGA CTATATAGAG GTCTGTATG TTTTACIT GTCAAGTAT TCTCATAT 3000  
TTTGTATCA GAGTACCAT CCAATCTCT AACTTCACT TGTGTGAAA ACTGTTTTG 3060  
AATGAAAGAT CTTCACTGG GATTGAGCA GCATTTAATA AAGTCTATG TTGTATTTG 3120

Name: 297

Len: 1753 Check:

127B

CAGCTCTTGA GGGAGGCGC CTGCGTTCT TCTCTCTTC TCCCGCCTC CAGCTGCCG 60  
CAGGACCTTT CTCTGCTGC CGCTGGGAC CGCTGCTAT GCGCAGGCG AGCAGGATG 120  
CCCCTAAAAA GGGAGGTGAT GGAATTAAC CACCCCAAT CATTGGAAGA TTTGGAACCT 180  
CACTGAAAT TGGTATTGT GGATTGCCA ATGTTGGGA ATCTACTTC TTCAATGTG 240  
TAACCAATAG TCAGGCTTCA GCAGAAACT TCCCGTTCT CACTATTGAT CCTAATGAG 300  
GCAGATAC TGTGCTGAT GAAAGGTTG ACTTCTTTG TCAATACCAC AAACAGCAA 360  
GCAAAATTC TCCCTTTCTA AATGTGGTG ATATTGCTG CTTGTGAAA GGAGCTCACA 420  
ATGGGCTGG TCTGGGGAAT GCTTTTTAT CTCATATTG TGCCTGTAT GGCATCTTC 480  
ATCTAACAG TCTTTTGA GATGATGATA TCAGGCACT TGAAGGAAT GTAGATCTA 540  
TTGGAGATAT AGAAATAATA CATGAAGAG TTCAGCTTA AGATGAGGA ATGATTGGG 600  
CCATTATAGA TAACTAGAA AAGGTGGCT TGAGAGGAG AGATAAAAA CTAAACCTG 660  
AATATGATAT AATGTGCAA GTAAAATCT GGGTTATAG TCAAAAGAAA CCTGTTCTG 720  
TCTATCATG TTGGAATGAC AAAGAGATT AAGTGTGAA TAAACACTT TTTTGACTT 780  
CAAAACCAAT GGTCTACTT GTTAATCTT CTGAAAAAG CTACATTGA AAGAAAAACA 840  
AATGTTGAT AAAAATTAAG GAGTGGGTG ACAAGTATG AAGAATTGAG CTTAAGGCT GGTTTGCAG 900  
CTTTTAGTG GGCCTTGAA CTCAAGTTG AAGAAATGAG TGCTGAGGAG AGACAGAAGT 960  
ATCTGGAAG GAACATGACA CAAAGTGCT TGCCAAAGAT CATTAGGCT GGTTTGCAG 1020  
CACTCCAAT AGAATACTT TCACTGCG CAGGCTGCG GAAAGATTCA CACAGATTTT GAAAGGGAT 1080  
GGAAAGGGAC TAAGGCTCT CAGGCTGCG GAAAGATTCA CACAGATTTT GAAAGGGAT 1140  
TCATTATGG TGAAGTAATG AAATACGAAG ATTTTAAAG GGAAGGTTCT GAAATGCAG 1200  
TCAGGCTGC TGGAAAGTAC AGACAACAAG GCAGAAATTA TATTGTTGA GATGGAGATA 1260  
TTATCTTCT CAAATTTAAC ACACCTCAAC AACCAGAGAA GAAATAAAT AATTTCTGAA 1320  
CTCAGATAA CATACACTT CCAAAAGGCA TCTGATTTT AAAAAATTA AATTTCTGAA 1380  
AACCAATG CAAATAAAG TTGGGGAGAT GGAATCTTT TGAAATGCAG GTTCACTAA 1440  
TTGTTTTAA ATTAATAAT TGTGTACCC CCCCCCTTA TGAAATGCAG GTTCACTAA 1500  
TGTGAACAG TTTGCTTTT ACCTGATTAA GACCTACTC CAAATTGTAG AAGCTTTTCA 1560  
GGAACCATAT TACTCTCAT ATACTTCAT AATCTCCAT ATGTATGCC AGCCTGACAT 1620  
ATTTGACAT GAGGACAAT TGGCTTGCT CTTTTGAAT CTACAGATA TGCATGTTT 1680  
ACAGTACTC AGATGCTAC ACTCAATAA ACATTTGACA AAACCAAAAA AAAAAAATA 1740  
AAAAAATAA AAAAAATAA

Name: 298

Len: 2374 Check:

1C94

GTCTGCACT GGGGCGGAGA ACTGTGCTT TTGAGGCGG CCGGAAGGAA 60  
ACTGCGAGG GAGGCTGAC GGGGACGAG CATTTCAGAT CTGCTCGTA GACCTGTGC 120  
AGGATCACT TGTCTGCTG AAGGCTGCT TGTCTCGGA CACTACCTT TAGGTTTTT 180  
TACCGAGCT TCACCAAGG CTCCCTGTT GTGAAGAAT CATCAGGAA GAATCAATG 240  
CTTTTAAAC CTAGCAGGA ATATGCCAC AAAACAAGAA TTGGGATCCG CCGTGGGAGA 300  
ACTGCGCAAG AACTCAAAGA GGCAGCATG GAACCATGA TGGAAAAAT ATTTAAAT 360  
CATCAGATG GAAGATGGT TGTGCTGGA GGGGCTGCT TTGCTCTGG AGCATTGTG 420  
TACTATGCT TGGGACTGT TAATGAGAT GGAGCTATT TATGTACT TAGCAGGAG TATTGGTTA 480  
CAGTATGTA AGGATAGAAT TCATTCCAC TATATGACT TAGCAGGAG TATTGGTTA 540  
ACAGCTTTT CTGCCATAG AATCAGCAGA ACGCTGTT TCATGAACCT CATGATGAG 600  
GGCTCTTGG TGACAATTG TGTGACCTT GCAGCATGG TTGGAGCTG AATGCTGGT 660  
CGATCAATC CATATGACCA GAGCCAGGC CCAAGCATC TTGCTTGGT GCTACATTCT 720  
GGTGTGATG GTGCASTGG GGTCTCTCT ACAATATTG GGGGTCTCT TCTCATCAG 780  
GCTCATGCT ACACAGCTG CATTGTGGG GGCCTCTCA CTGTGGCCAT GTGTGCGCC 840

AGTGAAAAGT TTCTGAACAT GGGTGCACDD GTGGAGTGG GGGTGGTGT TGTCTTGTG 360  
 TCCTCATTTG GATCTATGTT TCTTCCACCT ACCACCGTGG CTGCTGCCAC TCTTTACTCA 360  
 GTGGAATGT AGGGTGGATT AGTCTTTTTT AGCATGTTCC TTCTGTATGA TACCCASAAA 1020  
 GTATCAAGGG TGCAGAAGTA TCACCAATGT ATGASITTC AAAATATGAT CCCATTAACT 1080  
 CGATGCTGAG TATCTACATG GATACATTAA ATATATTTAT GCGAGTTGCA ACTATGCTGG 1140  
 CAACTGGAGG CAACAGAAAAG AAATGAAGTG ACTCAGCTTC TGGCTTCTCT GCTACATCAA 1200  
 ATATCTTGTG TAATGGGGCA GATATGCATT AAATAGTTTG TACAGGAGG TTTGGTTGAA 1260  
 GTTTAGAGAA TAAGAAACAT STCATCATAT TTAATGTTG CGSTAATGTG ATGCTCTGAG 1320  
 TCTGCTTTTT TTTCTGGAGA ATAAATGCAG TAATCTCTC CCARATAAGC ACACACATTT 1380  
 TCAATCTCTA TGTITGAGTG ATTTTAAAT GTTTTGGTGA ATGTGAAGC TAAAGTTTGT 1440  
 GTCATGAGAA TGTAACTTTT TTTTCTACTT TAAATTTAG TAGGTTCACT GAGTAATCTA 1500  
 AATITAGGAA ACCTGTSTTT GCATATTTTT ITGGAGTSCA GAATATTGTA ATTAATGTCA 1560  
 TAAGTGATTT GGAGCTTTTG TAAAGGGACC AGAGAAGAG AGTCACCTGC AGTCTTTTGT 1620  
 TTTTTTAAAT ACTTAZAACT TAGCACTTGT GTTATTGATT AGTGAGGAGC CAGTAAGAAA 1680  
 CATCTGGGTA TTTGSAACA AGTGGTCATT GTTACATTCA TCTGCTGAAC TTAACAAAAC 1740  
 TGTTCATCTT SAAACAGGCA CAGGTGATGC ATTCTCTCTG TGTGCTTCT CAGTGCTCTC 1800  
 TTTCCAATAT AGATGTGTC ATGTTTGACT TGTACAGAAT GTTAATCATA CAGAGAATCC 1860  
 TTGATGGAAT TATATATGTG TGTTTTACTT TGAATSTTA CAAGAAGGAA TAACCTTARA 1920  
 ACTATTCTCA AGAGAAAATA TTCAAAGCAT GAAATATGTT GCTTTTCCA GAATACAAAAC 1980  
 AGTATACTCA TGAATTGCTA AGTGTTTTTT TATTTTSCA TATTTATTGA ACTGCTAAT 2040  
 TGAATACAGC TTGCTCTTGT CACCTCTTCA AGCTTTCAAG CTTTATAGA AAAGCTTCTT 2100  
 TGTGGCTTAC ACTGGAAAT ATGAAAGCAG TTTTCTCTT AAGACTTTTG GTTTCTCGCA 2160  
 TTGCTCTCTA GACTAAGCAC TAAAAAGCAA AGCAAAACAG AACTAGTTCT GTCTTAATGA 2220  
 AATATATCAA CCCAAAAGTG TAATGAGGAA AATGCTTCAT TAGTTTCCOC TAGCAGACTT 2280  
 TTACTTCTCT TACACTGCTA CACCATTACT TTCTTGAGAC ATTTGTAAGT CCTTTGATAC 2340  
 AGAAGASTTA TATTTAGGAG GCTTTAATGA AGGG 2374

Name: 299

Len: 5112

Check:

15A6

GTAGCTGGGG TGAGGCCGTC GTCGCCGCAC GGGGTGGTTG GGGCTGTGTC TGTGGGAGGC 60  
 GCGCGGGTGA TGGCGSTGGA GACTCTGTCC CCGGACTGGG AGTTTGACCG CGTTGACGAC 120  
 GGCTCGCAGA AAATTCATGC CGAAGTCCAA CTTAAGAATT ATGGGAAATT TCTTGAGGAG 180  
 TATACCTCTC AACTGAGAAG AATTGAGGAC GCTCTGGATG ACTCAATTGS AGATSTTTGG 240  
 GATTTCAATC TTGATCTAT AGCATTAAAG CTTTTGCCTT ATGAACAGTC CTCTCTTTTG 300  
 GAACTCATAA AGACTGAAAA CAAGGTCTTA AACAAAGTCA TCACTGTTTA TGCTGCACTT 360  
 TGTGTGTGAAA TCAAGAAATT AAAATATGAG GCTGAAACTA AATTTTACAA TGGTCTCTTG 420  
 TTTTATGGAG AAGGAGCTAC AGATGCCAGC ATGGTGGAAG GTGATTGCCA AATTCAAATG 480  
 GGGAGATTTA TTTCTTCTT ACAGGAAGTG TCTTCTTTTG TTACGAGSTG CTATGAAGTG 540  
 GTGATGAACG TAGTCCACCA GTTGGCTGCC CTCTATATCA GTAACAAGAT TGCACCCAAA 600  
 ATTATAGAGA CAACTGGAGT TCATTTTTCAG ACTATGTATG AGCACTTGGG AGAACTGCTA 660  
 ACAGTTTTTG TCACCTGGA TGAAATTATT GATAATCATA TCACACTGAA AGACCACTGS 720  
 ACTATGTACA AAAGGTTACT GAAATCTGTC CATCACAATC CTTCAAAATT TGGAATTGAG 780  
 GAAGAAAAAT TAAAGCCATT TGAAAAGTTC TTGCTGAAGC TAGAAGGGCA ATTACTGGAT 840  
 GGAATGATAT TCCAGGCTTG TATAGAACAA CATTITGATT CTCTCAATGG AGGAGTATCT 900  
 GTGTCAAAAA ATAGTACTTT TGCTGAGGAA TTTGCACATA GTATTGGGTC AATTTTGTGA 960  
 AATGTAGAAG CCAACTTGG AGAACCTTCT GAAATTGACC AGAGAGACAA GTATGTTGGA 1020  
 ATTTGTGGAC TCTTTGTATT GCACCTTCAG ATTTTTCGAA CTATTGATAA AAAGTTTTAT 1080  
 AAGTCTTTAT TGGACATTTG TAAGAAGGTA CCAGCCATCA CTCTAATGSC TAATATTATT 1140  
 TGGTTTCTCT ATAATTTTCT GATCCAGAAA ATACCAGCAG CTGCCCCAACT GCTAGACAGA 1200  
 AAAAGTCTTC AAGCCATTAA AATACACAGG GATACTTTTC TACAAACAGAA AGCTCAATCA 1260  
 CTTACCAAG ATGTACAGTC TTACTACGTC TTTGTGAGCT CATGGATGAT GAAAATGGAA 1320  
 TCTATTTTGT CTAAAGAGCA GAGAATGGAT AAATTTGCTG AAGATCTCAC CAATAGATGT 1380  
 AATGTTTTTA TACAGGCTT CTGTATGCA TATGATTTA GTACCATTA TAAAACCA 1440  
 ATGAATCTCT ACAGTCTCAT GCAAAAGCCA ATGACCAAAA CCTCAGTTAA GGCATTGTG 1500  
 AGGCTTGTG AACTCTTCAA GGCAATAGAG CATATGTTCT ACAGGAGAAAG CATGGTTGTG 1560  
 CTGATTTCAG TTTACATAT AACACAGCAT CTTCAACATC AGGCTCTTCA TTCTATTTCT 1620  
 GTGGCCAAAG AAAGAGTGAT TTCTGACAAA AAATACAGCG AACACAGGCA ACGGCGACTT 1680  
 TCTGCTCTAG TTTTGGCTGA AAACACTCTA AATGACCAA GCACAAAGCA ACGGCGACTT 1740  
 ATTGTTTCTT TGGCACTAAG TGTGGGCACA CAAATGAAAA CATTAAAGA TGAAGAACTC 1800  
 TTTCACTTTC AAGTAGTCAT GAAAAAACTG GATCTTATTA GTGAACTTAG AGAAGAGCTC 1860  
 CAAACACAAAT GTGACTGTTG TTTTATATC TGGCATCGAG CTGTCTTCCC AATTTATTTA 1920  
 GATGATGTAT ATGAAAATGC TGTGATGCA GCCAGATTAC ATTACATGTT CAGTGCTTTG 1980  
 CGGCACTGTG TACCTCTAT GATGCATGCA AGGCATTTAG AGTCTATGA GATACTTCTG 2040  
 GATTCTATG ACAGGAAAT TATGGAAAT TTAATGAGC ATTTGCTGGA CAAATTATGC 2100  
 AAAGAAATAG AGAAGATCT GCGACTTCT GTGCATACTC ATTTAAAGCT GGATGACCGA 2160



AACCCTTTTA AASTTSSCAT GAAGAGCTTG GCTTTTTTTT TCTCTCTTAA TTTAATTGGG 2125  
TTTTTCAATC GTTTCATTGA CATTCTGGCT TACGTAACTT ACTAOCCTAA CAGAACTTTC 2130  
TACAATCTAA CAACTSTAGC CTTTCATGAT TGGGCACTTT ATAGTSAGAT GAGAACTTA 2140  
GCTACTCASC GTTATGGACT GGTATGACA BAGGCACTC TTCCCAGTCA GACTTTGGAA 2150  
CAGGCGCTTG ATGTTTTAGA AATTATGAGA AACATTCATA TATTTGTCTC CTSATACCTC 2160  
TATAATCTCA ACAATCAGAT TTTTATTGAA CGAACAAGCA ATAACAAGCA TTTGAATACT 2170  
ATTAATATTC GGCATATTGC TAATTCATT CGAATACATG GCACGGGAAT TATGAATACA 2180  
TATGATGAAT ACATCAAAAT CAGATTGATT AAGAAGTTCT ATATATTTCG CCAATTTATG 2190  
GAOCAAAATC ATCATAAGTA TCTTTTGTAT AGAGJAGAAA AATTCATTCG AGGCATCAGA 2200  
AAACTTTGAA TAACACCTGA GGGACAGAGC TACCTTGATC AATTCAGGCA ACTCATCAGC 2210  
CAGATTGGTA ATGCTATGGG CTATGTACGA ATGATAAGAT CTGGTGGTCT TCATTGTAGC 2220  
AGCAATGCCA TTGATTTTGT TCTGTATCTT GAAGATATTG TAAATTTTGA AGAACTAGTA 2230  
AAAGAAGAAG GTCTTGCGAG AGAAACATTA AAAGCAGCAA GGCATTTGGA TTCAGTCTTC 2240  
AGTGATCACA CACGAAATTC TGCCGAAGGC GCCAAAGAAT ACATATCTCC GAAATTTCTA TATAATTGTT 2250  
TTTGCTCCAG AATTTTGAAG GCCAAAGAAT TCCATTAGTT GCAAGGAAAA ATTAAATAAA 2260  
CCCCCTCTGA CCTTCAACTT TGTAGAGCAT TCCATTAGTT GCAAGGAAAA ATTAAATAAA 2270  
AAAAATAAAA TTGGAGCTGC CTTTACTGAT GATGGCTTTG CCATGGGTCT GGCTTACATT 2280  
CTAAAGCTTT TGGATCAGTA TCGGGAGTTT GATTCACCTC ACTGGTTTCA GTCTGTAGTA 2290  
GAGAAATACG TGAAGGAGAT AAGAGCAGTT GCTAAGCAAC AGAATGTACA GTGAGCCAGT 2300  
CAAGATGAAA AACTCTTACA AACCATGAAT CTCACTCAGA AGCGACTGGA TGTCTATCTA 2310  
CAGGAATTTG AATTGCTGTA TTTCTCACTG AGCAGTGCAA GAATTTTCTT CAGAGCAGAC 2320  
AAGACTGCTG CTGAAGAAAA CCAAGAAAAA AAGAGAAGG AAGAAGAAAC TAAACAAGC 2330  
AATGGAGACC TGTCTGACAG CACTGTGTCT GCTGATCCTG TTGTGAATG ATACGGATGG 2340  
TATTCAGTGC ACATATGATG AAATCATCAG AATTGTTAAA ACTTTTGCCA GTGGAATGGA 2350  
TAAACTATTG ATGAATTGTT TCTGGGTCA CATCTCTGGA AAATAGATGT TACAGTTCTT 2360  
AAAGSCAGTG CTTTAAAGTG AAGTTCATTC TGTTCCTAAA GGCTCTAGTT TCAAAGSTTA 2370  
AGAATGAGAT TTTAAATTTG GATTTTGGC TGGACTTGAG GGTACAAGAT GTTTCTATTT 2380  
GAAGTGAAT TATAAAAGG CAAATCCAGA TTCAIAAACT ATCACCCTGG ATTTCTTGTA 2390  
ATCTACATGT TTGTAATTTG TATTTGCATA GATCTTTGAT CTATAGTTAT TTCAAGTCAT 2400  
GGGAAATTCA ATGCATATAC TATATACAGC CAGTAAATAC ATGCTTAACA AAAGGAATGA 2410  
GCCTGAAGTT CATAAAGAAT ACATATCAAT ATTCTTATAA AAGGAATATA TGAAGATGGC 2420  
TTTGATACTA GAGGTGAGGC ACAAGTGTGT TATGTACTCT CAGTGTACAG CTTTGATGAG 2430  
GATCCTTCTT TCATTGTTAA TTTCATGTGA CTCACAAGAG CTGCTGATGT CTTTGATGAG 2440  
ACATTTTATA ACTAGTTTAC ATTGCTTTGA GAACATTTAA AGATAAAGCC ATAGAGTCTT GTTTGAAGCT 2450  
TTTAAGATTT ACTTAATACT CAGAAAATTC AGATGATCAG AAAAAAATT GAATGAATTA 2460  
TCACCTTCTAT TTTGGTTGAA GGCATGATGT ATGATGTCAG AAAAAAATT GAATGAATTA 2470  
TTTCTACATC CAAACTCAGG TTTCTTCTAC ATTAGATTGA ATTGAAATTT TGGTGTGGT 2480  
TTGGGTAGAC TTTTTTTTTA TATCAAGTAT AATTTAAAC ATCAGATTAA ATAATTACAC 2490  
TGTTGAGGCT TTTAAAAAAA TACCACTGTG AGAATAAAGC GCTAGTAAGA TACATCACTT 2500  
ACTGATTTTA AAAATACAGA AAGATTTTGA GTAAATTTT TGCCAGCAA GCTGTTAGTT 2510  
TTATTTTGT AAAGGTATGT AAGTTATTAA ATGGTAAATC TTCTAATACA AACACCATTT 2520  
TAAAGTGATA CCTTTACAAT GAASACAAAA GTTTAAAACT TTCTAATACA AACACCATTT 2530  
TGGGAAATGC TTGATTTTTT TCTATTGCAT TTGTCTGCTA AACATTTCTT TSGATAAATC 2540  
CTGCAAAATC TTCTAACATT ATTCTTTGAT TCCAGCTTTT AGAATGGGTG TACAATGCCC 2550  
TGTTTTTACT TAATGGTTAG GCTCAGGGTA ACTTGCCAGC CCAAGATAAA TACTTTAATC 2560  
GTTAAAGATC AGAAGAGACA GAATATGTAG GAAATGTTTT TTGTTTTATTA TGTAACATG 2570  
GCTTACAGAA TTATGAACAG TGGATAGATT AAAGGCATTT AATATTTGTA ATTCATAATA 2580  
ACTGTAGAAA TGGCCCTAAA GCATGCTGCA TAATTAATAA TTTATATTTT CATTATTATA 2590  
AGTGTTTATA TT

Name: 3 Len: 340 Check: 1BBA  
GGCAGGAGGC ATAGGGCTCG GOSTGGTTTT AAGSGTGGTT TCTTGGGCAA GATGGGCCAA 260  
CCTTCAAGTA TTCTGGGATC AAGTTACGCT GCTTTGAATT TGTATTGTTG CAATTTCTCG 261  
AGCTCCTCAG COTCCAGCTC TGCTSTACTT TTGAGGTCA CAGCCCGTGC ACGSTGTTTG 262  
GTTTBCASTA CAGGAGTCTG TGGGTCTCTC CAAATCTTGG TCACAGAAGA TTTGGAGGGT 263  
AAGAGSTTAA TATCATCTTT CTTGGTCTCT CAAATGATAT CTGTTAGGGG TTCGTTTTATG 264  
GAAGTCTTCA ACTTGCTGTG CAAGGTGGGT ACATNATGTA GAAACTGTTT CANCAATGT 265  
Name: 30 Len: 477 Check: 1EA7  
CCAGTGTCTT AGTTACATTA ATGASAACAG AAACATAAAC TATGACCTAG GGGTTTCTGT 266  
TGGATAGCTT GTAATTAAJA ACGGAGAAAG AAACAACAAG ACATATTTTC CAGTTTTTTT 267  
TTTCTTTACT TAAACTCTTA AAACAACAGA AACTTTGTCT TCCTACTCTT ACATCTAAA 268  
CCGATGAAAT CTTTAAACAGA TTACTCTTTA AATATCTACT CATCATTTTC TCTCTCAGAG 269  
TCTAGCTTG AGTTGCACTG CATGTATCNT GTGCATCTTG TTCTCTCAT TTAATGCTGT 270

ACTTTTTCG TTAGTCTCTGA GGAAGTATCT TGAGAGATGT AATGGAATGA AAGGCTGCTG 301  
TTAATTTGGG TACTTTTAA GACAGTANTT CCATAATCAA TGATGGGCTC ATAGAGAAGC 400  
TAAGTATAT GAAGCTGACC TCCTTTATG3 CTAATACGAC TAAGCAAGAA TNCAGGG 477  
Name: 349 Len: 4834 Check: F35

GATGTGAGC	TGGGCTCCCT	GCAAGTCATG	AACAAAACGA	GAAAGATTAT	GGAACATGGG	60
GGGGCTACCT	TCATCAATGC	CTTTGTGACT	ACACCCATGT	GCTGCCCCGC	ACGCTCCTCC	120
ATGCTTACCT	GGAAGTATCT	GCATAATCAC	AATGTCTACA	CCACCAACGA	GAAGTCTCTT	180
TCCTTTCTCT	GGAGGCTCAT	GCATGAGGCT	CGGACTTTTG	CTGTATATCT	TTACCAAGCT	240
GGCTACAGAA	CAGCTTTCTT	TGAAAATAC	CTCAATGAAT	ATAATGGGAG	CTACATGCTC	300
CCTGCTGCTC	GAGAATGGCT	TGATTAATC	AAGAATTCTC	CAAGGAGCTA	CTTCACAGAC	360
TGCTGGAATG	GCATCAAGCA	AAAGCATGGA	TTTGATTATG	AGAGAATGTA	TGCTCATAGG	420
TTAATTAATA	AGGAGAGGAT	TAATTACTTC	AAAATCTCTA	AGGAGGACTC	AGCCCCACAG	480
CCCGTTATGA	TGCTGATCAG	CCAGGCTGCG	CCCCACGGCC	CGAGGAGCTC	AGCCCCACAG	540
TTTTCTAAAC	TGTACCCCAA	TGCTTCCCAA	CACATAACTC	CTAGTTATTA	CTATGCACCA	600
AATATGGATA	AACACTGGAT	TATGCAGTAC	ACAGGACCAA	TGCTGCCCCAT	CCACATGGAA	660
TTTACAAACA	TTCTACAACG	CAAAAGGCTC	CAGACTTTGA	TGTCAGTGGG	TGATTCTGTG	720
GAGAGCTCTT	ATAACATGCT	CGTGGAGACG	GGGGAGCTGG	AGAATACTTA	CATCATTTAC	780
AGGCTGAGCT	ATGCTTACCA	TATTGGGCTG	TTTGGACTGG	TCAAGGGGGA	ATCATGCGCA	840
TATGACTTTG	ATATTCTGCT	GCCTTTTTTT	ATTGCTGGTC	CAAGTGTAGA	AGGAGGATCA	900
ATAGTCCCACT	AGATCTGCTT	CAACATTGAC	TTGGCCCCCA	CGATCCTGGA	TATTGCTGGG	960
CTGACACACAC	CTCCTGATGT	GGAGGGCAAG	TCTGTCTCTA	AACCTCTGGA	TCCAGAAAAG	1020
CCAGGTAACA	GCTTTCTGAA	AAACAAGAAG	GCCAAAATTT	GGCTGTATAC	ATTCTTAGTG	1080
GAAAGAGGCA	AATTTCTACG	TAAGAAGGAA	GAATCCAGCA	AGAATATCCA	ACAGTCAAAAT	1140
CACCTGCCCCA	AATATGAACG	GGTCAAAGAA	CTATGCCAGC	AGGCCAGGTA	CCAGACAGCC	1200
TGTGAACCAAC	CGGGGCAGAA	GTGCAATGCT	ATTGAGGATA	CATCTGGCAA	GCTTGAATTT	1260
CACAGGCTGA	AAGGACCCAG	TGACTGTCTC	ACAGTCCGGC	AGAGCACGCG	GAAGCTCTAC	1320
GCTCTGGGCT	TCCATGACAA	AGACAAAGAG	TGCAGTTGTA	GGGAGTCTGG	TTACCTGTGC	1380
AGCAGAAGCC	AAAGAAAAGG	TCAACGGCAA	TTCTTGAGAA	ACCAGGGGAC	TCCAAAGTAC	1440
AAGGCTGAT	TTGTCCATAC	TCGGCAGACA	CGTTCTCTGT	CCCTGCAATT	TGAAGGTGAA	1500
ATATATGACA	TAAATCTGGA	AGAAGAAGAA	GAATTGCAAG	TGTTGCAACC	AAGAAACATT	1560
GCTAGGCTGC	ATGATGAAGG	CCACAAGGGG	CCAAGAGATC	TCCAGGCTTC	CAGTGGTGGC	1620
AACAGGGGCA	GGATGCTGGC	AGATAGCAGC	AACGCCGTGG	GCCCCACTAC	CACTGTCCGA	1680
GTGACACACA	AGTGTCTTAT	TCTTCCCAAT	GACTCTATCC	ATTGTGAGAG	AGAAGCTGTAC	1740
CAATGGGCCA	GAGCGTGGAA	GGACCATAAG	GCATACATTG	ACAAAGAGAT	TGAAGCTCTG	1800
CAAGATAAAA	TTAAGAATTT	AAGAGAAGTG	AGAGGACATC	TGAAGAGAAG	GAAGCCTGAG	1860
GAATGTAGCT	GCAGTAACCA	AAGCTATTAC	AATAAAGAGA	AAGGTGTAAA	AAAGCAAGAG	1920
AAATTAAGA	GCATCTTCA	CCCATTCAAG	GAGGCTGCTC	AGGAAGTAGA	TAGCAAAGCTG	1980
CAACTTTTCA	AGGAGAACAA	CCGATGAGG	AAGAAGGAGA	GGAGGGAGAA	GAGACGGCAG	2040
AGGAGGGGGG	AAGAGTGCAG	CCTGCTGGC	CTCACTTGCT	TCAAGCATGA	CAACAACAC	2100
TGGCAGACAG	CCCGCTTCTG	GAAGCTGGGA	TCTTTCTGTG	CTTGCACGAG	TTCTAACAAAT	2160
AACACCTACT	GCTGTTTGGG	TACAGTTAAT	GAGACGCATA	ATTTTCTTTT	CTGTGAGTTT	2220
GCTACTGGCT	TTTTGGAGTA	TTTTGATATG	AATACAGATC	CTTATCAGCT	CACAAATACA	2280
GTGCATACGG	TAGAAAGAGG	CATTTTGAAT	CAGCTACACG	TACAACTAAT	GGAGCTCAGA	2340
AGCTGTCAAG	GATATAAGCA	GTGCAACCCA	AGACCTAAGA	ATCTTGATGT	TGGAAATAAA	2400
GATGAGGCAA	GTTATGAGCT	ACAGAGAGGA	CAGTTATGGG	ATGATGGGA	AGGTTAATCA	2460
GGGCGGTCTC	ACTGACAGCA	TCAACTGGCA	AGGCCTAGAG	GAGCTACACA	GTGTGAATGA	2520
AAACATCTAT	GATACAGAC	AAACTACAG	ACTTAGTCTG	GTGACTGGA	CTAATTACTT	2580
GAAGGATTTA	GATAGAGTAT	TTGCACTGCT	GAAGAGTCAC	TATGAGCAAA	ATAAAACAAA	2640
TAGAGCTCAA	ACTGCTCAAA	GTGACGGGTT	CTTGCTTCTC	TCTGCTGAGC	AGGCTGTGTC	2700
AATGAGATG	GCCTCTGCTG	ACTGAGATGA	AGACCCAAGG	CATAAGGTTG	GGAAAACACC	2760
TCATTTTACG	TTGCGAGCTG	ACCTTCAAAAC	CCTGCATTTG	ACCTGACCAA	CATTAGTCC	2820
AGAGATGAAA	TTGAAATGGA	ATAACGACAT	TCCAGAAGTT	AATCATTTGA	ATTCTTAAAC	2880
CTGAGAGAAA	AGGAGAAAT	GGAGGGGGCA	TGAAGAGACT	AATCATCTGG	AAAGGATTTT	2940
CAGTGGTGAAT	GCATGAGAC	AGCTAGAGCT	CGGGCCCCAGC	CCGAGGCTGC	AGGCTTCTCG	3000
CAGGCACTCG	AAAGAACTTC	CCAGTATGCG	TGCTCCTGGA	AAGGACATTT	TTGAAGATCA	3060
ACTATATCTT	CTGTGCTGAT	CCGATGGAAT	TTCACTTCAT	CAGATGTTCA	CCATGGCCAC	3120
CCGAGAGAGC	TGAAGTAAAT	CCAGCATAGC	GGGGAAGATG	TTGACCAAGG	TGAGAGAAGAA	3180
TCAAGAGAAA	GAGAGTCAAC	AGCCCTAGA	AGGCAGCGCC	TCCTTTTCTC	TCTCTCTCTGA	3240
TTAGATGAAA	GTGTTAATTT	ACCTTAAACA	CAGTATTTCT	TTTTAACTTT	TTTATTTGTA	3300
AACTAATAAA	GTGTTAATCA	GGCACAACA	TTCCAAGCTA	CCCTGGGTAC	CTTTGTGCAG	3360
TAGAGCTAG	GGAGCATGTC	AGCAAGCGGT	GTGCACACGG	AGAGTCATCG	TTATAATTTA	3420
CTATCTGCTA	AGAGTAGAAA	GAAAGGCTGG	GGATATTTGG	GTTGGCTTGG	TTTTGATTTT	3480
TTGCTTCTTT	TTTGTCTTTG	TACTAAACA	GTATTATCTT	TTGAATATCG	TAGGGACATA	3540



ATTATATACA	GGTTATCCAA	TCAAGATGGC	TAGAATGGTG	CGTTTCTGAG	TGTCTAAAAC	3601
TTGACACCCG	TGGTAAATTT	TTCAACACAN	TTGACTGGC	TGCCTAATBA	AGTTTTGATT	3660
CATTTTTAAC	CACTGGAATT	TTTCAATGGC	GTCAATTTTC	GTTAGATGAT	TTTSCACTTT	3720
BAGATTAAAA	TGGTAAGTCT	ATTTGATTAG	TCTTATTTTT	TTATTTTTAC	AGGCTTATCA	3780
GTCTCACTCT	TGGCTGTCAT	TGTGACAAAG	TCAAATAAAC	CCGCAAGGAC	GACACACAGT	3840
ATGGATCACA	TATTGTTTGA	CATTAAGCTT	TTGCCAGAAA	ATGTTGCATG	TGTTTTACCT	3900
CGACTTGCTA	AAATCGATTA	GCAGAAAGGG	ATGGCTAATA	ATGTTGGTGG	TGAAAAATAA	3960
TAAATAAGTA	AACAAAATGA	AGATTGCCTG	CTCTCTCTGT	CCCTAGCCTT	AAAGCGTTCA	4020
TTATAATCA	TACTTTTAAG	ATTGCTATAT	TTTGGGTTAT	TTTCTTGACA	GGAAAAAAG	4080
ATCTAAGAT	CTTTTATTTT	CATCTTTTTT	GGTTTTCTTG	GCATGACTAA	GAACTTTAAA	4140
TTCTGATATA	ATATGACTAG	TTTTGAATTT	ACACCAAGAA	TTTCTCAATA	AAAGAAAAAT	4200
ATCAATGCTC	CACAATTTCA	ACATACCACA	AGAGAAGTTA	ATTCTTTAAC	ATTGTGTTCT	4260
ATGATTATTT	CTAAGACCTT	CACCAAGTTT	TGATATCTTT	TAPASACATA	GTTCAAAATT	4320
GTTTTTGAAA	ATCTGTATTC	TTGAAAATAT	CCTTGTGTGT	TATTAGGTTT	TTAATATCCA	4380
GCTAAAGGAT	TACCTCACTG	AGTCATCAGT	ACCTTCCCTAT	TCAGCTCCCC	AAGATGATGT	4440
GTTTTTGCTT	ACCTTAAGAG	AGGTTTTCTT	CTTATTTTTA	GATAATTCAA	GTCCTTAGAT	4500
AAATTATGTT	TTCTTTAAGT	GTTTATGGTA	AACTCTTTTA	AAGAAAATTT	AATATGTTAT	4560
AGCTGAATCT	TTTTGGTAAC	TTTAAATCTT	TATCATAGAC	TCTGTACATA	TGTTCAAAAT	4620
AGCTGCTTGC	CTGATGTGTG	TATCATCGGT	GGGATGACAG	AACAAACATA	TTTATGATCA	4680
TGAATAATGT	GCITTTGTAAG	AAGATTTCAA	GTTATTAGGA	AGCATACTCT	GTTTTTTAAT	4740
CATGTATAAT	ATTCCATGAT	ACTTTTATAG	AACAATTCTG	GCTTCAGGAA	AGCTTAGAAG	4800
CAATATTTCT	TCAAATAAAA	GGTGTTTAAA	CTTT			4860

Name: 301

Len: 4112 Check: 13B5

CAAGGGCGCT	CGGACTCGGT	CCCAGGTGGG	CGGGCGGGCG	CGGGCGGGGCT	CGGGCGGGGG	60
CCCGGGGGCG	CGGGGGCGCG	CAGTACGCG	CGCGCGGACC	CAAGGCCACGG	CCAGGAGCCC	120
AGAGCAGGCG	GGCCACACTG	CCCAGGGGTC	GGCCCTCGGC	CCCGGGCGCTC	GGAGCGGGGC	180
GGCTGGCTGG	GGTTTAATGG	CTGCTCGCGG	GAGCAGCGGC	TAAGGCTGGA	AGGGGGGTGC	240
GGCTCAGGAA	GTCACCGGAG	CAAGCCTCCT	TCGGGGCGCG	CGGCACCGGC	CGGGGGCGGC	300
TCCATGGGGG	GGGGCTCCCC	CGGGGGCGGC	CGCTGACCCG	GGAGCGCGGG	GGGGCTCGC	360
TGGCGGGGCG	CGCGTCCCGG	CCATGAAGTG	AGCCCGCGGG	CCAGCCCCGC	GGGGCTCGC	420
CCCGGGCGCTT	TCTTCTCGCG	CCTCCTCCGC	CGCCCGCGGG	CGGGCGGGGC	GGGGCGGGGG	480
CTGGGGGGCG	CGGGGCTCGG	CGGCCCGCGG	GCCCCGGGGC	CGGGGGCGGC	GGGGCGGGGG	540
GGGGGGCGGG	TCCGGGGCGG	GCGCCTGCAC	CATGAAGTAC	CAGCAGCAGC	TGGCCAACTC	600
GGCTGGCATG	CGGGGGCGGA	TCCAGCGCTT	CGAGTGGGTC	CACCCCAACA	TCTACTCCAT	660
CTAGGAGCTG	CTGGAGCGCG	TGGAGGAGCC	GGTGTGCGAG	AACCAGATCC	GGGAGCACGT	720
CATCGGCATC	GAAGATGCCT	TCGTGAACAG	CCAGGAATGG	ACGCTGAGTC	GATCTGTCCC	780
GGAGCTCAAA	GTGGGAATTG	TGGGTAAGTT	GGCCAGCGGC	AAGTCTGCCC	TGGTGCACCG	840
GTACCTGAGG	GGCAGATATG	TCCAGGAGGA	GTCTCCGGAA	GGTGGCAGGT	TCAAGAAAGA	900
GAATGTGGTT	GATGGACAGA	GCTATCTGCT	GCTGATCAGA	GATGAAGGGG	GCCCCCGGA	960
GGCGCAGTTT	GCCATGTGGG	TGGACGCTGT	TATATTTGTC	TTCAGCTTGG	AGGATGAAAT	1020
AAGTTTCCAG	ACCGTTTACC	ACTACTACAG	TCGAATGGCC	AACATTCGGA	ACACGAGCGA	1080
GATTCCTCTG	GTCTGGGTGG	GAACCCAGGA	TGCCATAAGT	TCTGCTAACC	CGAGGGTCAT	1140
CGATGACGCG	AGGGCGAGGA	AGCTCTCCAA	CGACCTGAAA	CGGTGCACGT	ACTACGAGAC	1200
GTGTGCTACA	TACGGGCTGA	ATGTGGAGAG	GGTCTTCCAG	GACGTTGCCC	AGAAGATTGT	1260
TGGCACAAGG	AAGAAGTAGC	AGCTGTCCAT	AGGACCCCTG	AAGTCGCTAC	CTAATTCTCC	1320
CAGGCATTCC	TCCGTCTGTT	CCGCGCAGGT	GTCTGCCGTG	CACATCAGCC	AGACAAGTAA	1380
TGGAGGTGGG	AGTTTAAGCG	ACTATTCCCT	CTCCGTTCCA	TCCACTCCCA	GCATCAGCCA	1440
GAAGGAACCT	CGGATCGATG	TTCCICCCAC	TGCCAACACG	CCACAGCCCG	TTCCGAAGCA	1500
GTCTAAGGCG	GGGTCCAAAC	TGTTCACTCT	TCCGAAAGGG	AGGAGGCCAG	ACAAGAGAGAA	1560
GAAGGGGCTG	GAGAGTGGTG	CGGACAGCAT	TGGGAGCGGC	CGAGGCATCC	CAATTAAACA	1620
GGGCATGGTG	TTGAAGGGAA	GTGGCAAAAT	GTTGAATAAA	GAGTGGGAAA	AGAAATATGT	1680
AAGCTGTGTT	GACAATGGCG	TGCTGACCTA	TCATCCCACT	TTACATGATT	ACATGCAGAA	1740
TCTTCATGTT	AAGGAGATTG	ACCTTCTGAG	AACCACTGTG	AAATGCCCGG	GGAGAGGGCC	1800
ATCCCGAGCC	AGCTCAGGCT	GCGCACCCAT	CTCCAGCCCT	AAACCCAATG	GGCTATCCAA	1860
GGACATGAGC	AGTTTACACA	TCTCACCCAA	TTCAGACACA	GGGCTGGGTG	ACTCCGTATG	1920
CTCCAGGCCC	AGTATCTCCA	GCACACCCAG	CCCAAGCTC	GACCCGCCCC	CTCCGCTTCA	1980
CGCCAAACAGA	AAGAAGCACC	GAAGGAAGAA	AAGCACTAGC	AACTTCAAAAG	CGGACGGGCT	2040
GTCCGGCACT	CTGAAGGAAC	AAAGAAAGAA	TTTTGAGTTT	ATCATTGTGT	GGCTCACTGG	2100
CCAAAGCATG	CATTTTGAAC	CCACGACGTA	TGAGGAGCGG	GACGCTGGGG	TCCAAGGCAT	2160
CGAGAGCCAG	ATCCTGGCCA	GGCTGCACTC	GTGCGAGAGC	AGCAAGAAAC	AGTCCCGGCT	2220
GAGGAGGCTG	AGCGAGGCCA	TGGCCCTGCA	GTGATCCGGG	AAATATGCGG	GGAACTCCCA	2280
CTGTGTGGAC	TGGGAGACCC	AGAATCCCAA	CTGGGCGAGT	TTGAACCTTG	GAGCCCTCAT	2340
GTGCATCGAA	TGCTCAGGGA	TCCACCGGAA	TCTTGGCACC	CACCTTTCCC	GAGTCCGATC	2400

TTTGGGCTTG	GATTACTGGC	CAATCGAGIT	CATCAAGSTG	ATGTCATCCA	TCGGGAAAGA	1480
CTTATTCGAA	AJCTCTGAG	AAGAGAGCAG	CCA JGGGCH	ACGAAACCAT	CGGTAGAATC	1520
CATCAAGGAA	GAGAAAGAAC	GGTGGATCCG	TGCCAAGTAT	GAGCAGAAAC	TCTTCTTJGC	2587
CGTATTCGAA	TGCACGGAGC	TGTCCCTGCG	CCAGCAGCTG	TTGGGGGTHA	CGGCCGAGGA	2647
GGATTTGCTG	ACGGCCATCC	TGCTGCTGGC	ACACGGCTTC	CGGGACGAGG	TGAAAGAGAC	2700
CTGGGGGAG	GGAGACGGCC	GCAAGGGGCT	GCATCTGGCC	TGGCGCAAAG	GGAATGTGGT	2760
CCTGGGGAG	CTCTGATCT	GGTACGGAGT	GGACSTCACT	GGCCGAGATG	CCCAAGGGAA	2820
CAATATCTG	GCTATGCCC	GGCAGGCTT	CAGCCAGAGG	TGCATGAGTG	TGCTGCTGCA	2880
GTATTTCTG	CGGACGAGC	GCTTCTGCT	CATGGGCACT	CTTAATCTTG	CCAGGAGAAA	2940
CAATATCTG	AACAAAGACA	GTGGGAGGCT	GGCCAGCATT	ATCTGAGGAA	CAGCCGTGCT	3000
CGTATCTG	CGGACCTGG	GACGGGGAG	CCTGGGGCTA	TTCTGCTTA	GAAGTGGGAG	3060
CAATTTAGTG	CGCTGGCATC	CCCTCCCTCT	TCTGCTGGC	CAGTCTCTTG	CGCCCGACCC	3120
ACTTTCACTG	CAAAACAAAT	CACAAACCT	GGACATCCCT	CAAGGGGGCA	AGAGGGGGCC	3180
GGGAGACTGC	AGAAGTGGCT	CCTTTTCATA	AACTCCCTTA	AACCAACAC	AGGAGAGAGC	3240
GAGGGGGCTC	GGCCCTTTGA	TGATAGCACA	TGGCGCAGGA	CCCTTGTCTT	GGTGGCACAA	3300
GGGATGGGGG	CGTGAGGGGG	AGGGGAGGGG	AGGAACAAGG	AGAAGGGGCA	ACTTTCTCTA	3360
ACTGGGAGTT	GAGCAGATAG	TACATTTCCC	CTCTACCAAA	CGGAACACTT	GGATTCCATC	3420
TCTTTCTCTG	GGAGCTCGAC	GGCATAAATC	AGAAGCAAGC	ACAGAGTTTG	TCAGGTTTGA	3480
AGGGGCTATG	ATGGTGTGTG	TCAAATCAGT	TGTAGCTAAT	CTGTCCAGGG	AGAATACTGG	3540
CTTCATTACA	CTTGTACAGC	CGAGTTCTTC	CCGCATTACT	GCTGTTTAAT	AGAACGTGAT	3600
TACTCATCGC	CGAGAAGAAA	GCATATTAGC	CGAGGAGGTA	GTCACGGGGC	ACGCGCCGGT	3660
GATTGCCAAG	ATGTGATTGC	AATACTCTTA	GAAGCACCAT	ATTATCCGAG	ACATGTTCTT	3720
TCAAGCCCTT	GGAGCCCTCT	CTAAATTCAC	TGTCTCATTT	TAGTATCTGT	TTAATTTTTT	3780
ASTCCAAAGA	GAGGAAATCA	GTCGCTGAGT	ATTATTTGAC	TCCGGTCTCC	TTGGTGCAAA	3840
AACAAATGG	GAATAATAAA	TAAGAATAAC	TCAGAAACTC	AAAAGGAAAC	CACAAATTC	3900
GCTAATAATA	GCTATTCGAG	TATATTTGCT	AAACTAAGGA	AATACACAAA	AGGCTGTTTT	3960
TTTGGGAGTG	TAGAGATAT	TTGATGTCT	TTTGGGGAGG	TGGATGTGTT	AGTCTCAGGC	4020
CTCTCTGGAC	CAGTTTGCCC	AAGTCACACA	GGCTTCTGTG	TTATGTATTT	AGATAAGATG	4080
TGTGAAATA	TATTTGAATA	AAAGAAGTTT	AT			4112

Name: 302 Len: 1096 Check: 238D

GCGGGAGCAC	TAGCAGCAGC	CGGAGTCGGC	GGAAAGCACC	CGGGCGCAGC	CGGAGCCGGT	60
GCCTCAGCTG	CGATGGCCCT	GGCCGTGGGG	AGACCTCTTA	ATGAAGAGCT	TCGAAACTTG	120
TCTTTGTCTG	GCTATGTGGG	ATTTGACAGC	CTCCCTGACC	AGCTGGTCAA	CAAGTCTACT	180
TCTCAAGSAT	TCTGTTTCAA	CATCCTTTGT	GTTGGTGAGA	CAGGCATTGG	CAATCCACG	240
TTAATGGACA	CTTTGTTCAA	CACCAAATTT	GAAAGTGACC	CAGCTACTCA	CAATGAACCA	300
GSTGTTCCGT	TAAAAGCCAG	AAGTTATGAG	CTTCAGGAAA	GCAATGTACG	GCTGAAGTTA	360
ACCATTGTTG	ACACCGTGGG	ATTTGGAGAC	CAGATAAATA	AAGATGACAG	CTATAAGCCG	420
ATAGTAGAAT	ATATTGATGC	CCAGTTCGAG	GCTACCTGCT	AAGAGGAATT	GAAGATTAAA	480
CGTTCTCTCT	TCAACCACCA	TGACACGAGG	ATCCATGCTT	GCTCTACTTT	TATTGCCCTT	540
ACTGGACATT	CCTAAAGTTC	CCTGGATCTG	GTCACCATGA	AAAAGCTGGA	CAGTAAGGTG	600
AACATCATTG	CAATAATTGC	AAAAGCTGAC	ACCATTGCCA	AGAATGAAGT	GCACAAATTC	660
AAGAGTAAGA	TGATGAGTGA	ACTGGTCAGC	AATGGGGTCT	AGATATATCA	GTTTCCCACT	720
GATGAAGAAA	CGGTGGCAGA	GATTAACGCA	ACAATGAGTG	TGCATCTCTC	ATTTGCAGTG	780
GTTGGCAGCA	CGGAAGAGGT	GAAGATTGGC	AACAAGATGG	CAAAGGCCAG	GCAGTACCCC	840
TGGGTGTGG	TGCAGGTTGA	GAATGAAAT	CATTGGGATT	TTGTGAAACT	TCGAGAGATG	900
CTGATCCGGC	TGAACATGGA	GGACTTSCGA	GAGCAGACTC	ACACCGGCA	CTATGAATTG	960
TACGAGGCTG	TAACTTTGAA	GAGATGGGGT	TCAAGGACAC	TGACCCCTGAC	AGCAAAACCT	1020
TCACTCTTCA	GGGACATAT	GAAGCAAAAA	GGAATGAATT	CCTGGGAGAA	CTGCAGAAAA	1080
AAAAAATAAA	AAAAAA					1096

Name: 303 Len: 4373 Check: 160D

GAAGGGAATG	TGATCTCTCC	CCAGAAACCA	AAGCTTTGCC	TCAACTCTCT	AGGCGGAGGA	60
CTGCTTCTCC	ATCATCTCCA	GAGCTCAACA	ACAAGTGTCT	TACCTCTTAC	AGAGAAAGAA	120
GGGGGTCAGA	ATCATCAGTT	GATCAGAAAA	CTGTGGCTCG	GATCTCTCTG	GGGCGAGAGAA	180
CTGTTTGGGG	ATCTCTCTCA	GAAGTTGATG	TGAAACCCAG	TGATCTCTCT	CAGGAAAGAA	240
CTGAGTCAGA	CTCTCTCTCA	GATTCTAAAG	CCAAGACACG	AACTCTCTCT	CGGCGAGAGGA	300
CTGCTCTCTG	ATCATCTCCA	GAGGTTGACA	GCAATCTCTG	ACTATCTCTT	CGGCGCAGTA	360
GCTCTGCTTC	CTCTCTCTGAA	GTGAAAGATA	AGCAAGAGAG	AGCAAGAGAG	GCACAGAGTG	420
CTTTCTGATC	CTCTCTCTGAA	CCTAAAGCTC	CAGCCCTCTG	GCTCTCTCTG	AGAGGAAGCA	480
GATCAGGTTT	ATCAAGCAAA	GGCAGAGGCC	CTTCTCTCTG	AGCAAGAGAG	AGTACCGAGT	540
CTCTCTCTGA	ACATCCGCCC	AAATCCAGAA	CTGCTCTCTG	AGCTCTCTAG	TCATCACCAG	600
AGCTCAAGAC	CAAGTCTCTG	ACACCACCTC	GAGCTCTCTG	CTCTCTCTCA	TCTCCGGAGC	660
TAAACAAGGA	GGCCAGAGTG	TCCCGTAGAA	GCCCTCTCTG	CTCTCTCTCA	CCAGAAACTC	720
GCTCTAGAAC	TCCCCCAAGG	CACCGGAGAA	GTCCTCTCTG	CTCTCTCTCT	GAGCCAGCCG	780

AAAAAAGGAG	ATCTTCAGGC	CGACGGGGGT	JABITTCATC	TCCAGCAGAT	AGGACAACTT	840
AAAGGAGG	CGGCTTTT	TCGGCAAAGG	CTCGTGGACT	CGAGAGGTTC	CGTTCCCTTT	900
AAAGAGAG	GAAGAAAGAA	ACAAACCGAG	GTCCAGATAG	GTCTGGATTT	TCTCAGTTAA	960
CGTTTCTGG	AAAGAGAGG	AGCTGCTCAA	GCTTGGGGGT	TACTCGGCAG	CGGAGGGGAG	1020
GCTTTGTTTA	TGCTTCAGG	TCAGCTGCCC	GGCAGSAAAG	TTCCCGGAGC	TCTCTCTGAC	1080
GCTTAAAGG	CGCTCTTGG	ACAGCCCCAA	CCAATCGGAA	GCCTTCTCG	TCACGCACAT	1140
CGCTAGCCCG	GTGAAAGGC	TCTAGATCTC	GACCTCTCTC	AGCCACTCAC	CGGCGATCCA	1200
GCTTAAAGG	CGCTCTTATA	AGCCGACGTA	GGTCCAGATC	TCCAACTTCA	CGAGTCACTC	1260
GAAGATGATC	AACTTTAGG	ACTTCAGTGA	CTTATGAAAG	ATCCCGGTTA	AGAGCATCTC	1320
CAGTAAATAG	AACTTCATCC	AGATCCAGAA	CGCTACCAAG	AAACCGCTCT	CGTTCAAGGT	1380
CTAGAAATAG	AACTTCATCC	CGCTGCTCCC	GTCTAGAAAG	TCCACCAAGT	ACTTCGCAAA	1440
GCTTAAATAG	CACTACTTCA	CGAGTAAACA	GGAGGGGATC	TCCAAAGCAAG	ACTTCGCTTA	1500
TCACTCTGAG	AAATTCAGAG	TCCAGAACAT	CTCGGGTCAAG	CCGAAGGAGA	TCTCGATCTC	1560
GCACATCTCC	AGTAACTTCA	AGAAGGTCCC	GCTCTCGAAG	CTCACCAGTG	ACACGGGGCC	1620
GCTCTAGGTC	CGGACACCTT	CCAGCTATTC	GGGGCGGCTC	TAGATCTCGA	ACGCCACTGT	1680
TAGCATGCAA	AGCTTCTTGA	AGTGGCTCAC	CAGTTGCTAT	CCGCCCGCTC	TCCAGATCCC	1740
GTACTCTAGG	AACAGCTCGG	GGTAAACGGT	CGTTAAACAAG	ATCTCTCTCA	GCCATCCGCA	1800
CGCTTTCTGC	ATCTGGAAGT	AGTTCTGATC	GTCTACGATC	TGCTACTCTT	CGAGCAACAA	1860
GAATTTATTC	TGCTTCAAGG	ACACCTCCAG	TAGCACTCAA	CAGTTCCAGA	ATGAGCTGCT	1920
TCACTCTGTC	TAGCATGTC	CCAACACCTC	TTGATCGCTG	CAGATCACTT	GGAAATGCTT	1980
AACTCTTGG	CAGCTCTAGA	ACATCCATGT	CTGCTCTGCA	GCAAGCGGCG	GGCTCCATGA	2040
TGATGCTTC	AGGTCCCGCA	ATACCTGACC	ACCAGAGAAG	ATCTGTGCGA	GAAATCATAG	2100
CTCAGTCCAG	GATTGCACTT	GCCCTGACAG	CTATCAGTCT	TGGCACCGCT	CGGCTCTCTC	2160
CGTCCATGTC	TCTGCTGCG	CTTGGCTGCA	GAATGTCCCA	GGTTCCAGCC	CGGCTGCTCT	2220
TCTAGATCT	CAGAAACGCA	CCAGCAGGCA	ACCTTGCCAG	CAGGATCTCT	GCAGCTCTCT	2280
TGCTAGATCT	GAATCTAGGC	AGCGCCAGGA	CACCTGCCAT	TCCAAAGCAAG	GTGAATCTGG	2340
TTGATTTCTG	AACTCTAGCT	GCAGCAGCGG	CCATGAAGTT	GGCCAGCGCC	AGAACAGCGG	2400
TGCTAGCTTC	GGCTGTGAAC	CTGGCTGACC	CTCGCACTCC	CACAGCGGCA	GCTGTGAAGC	2460
TAGCAGGGGC	CAGAAACGCA	GCTGCTTGG	CAGCTCTGAG	TCTCACAGGC	TCTGGCAGAC	2520
CACCAACTGC	TGCAAACTAT	CCCTCCAGCT	CCAGAACACC	ACAGGCTCCA	GCCTCTGCAA	2580
ACCTGCTGGG	TCTCTGCTCT	GCACATGCCA	CAGCTCCTGT	GAATATTGCC	GGCTCCAGAA	2640
CCGCGCGAGC	CTTGGCCCCC	GCGAGCCTCA	CCAGTGTCTAG	GATGGCTCCA	GCATTGTCTG	2700
GTGCAAACT	CACCAAGCCC	AGGGTGCCCC	TTTCTGCTTA	CGAGCGTCTC	AGTGGCAGAA	2760
CCTCACCACC	GCTCTTTGAC	CGAGCTAGGT	CCAGAACACC	ACCGTCTGCC	CCAAGCCAAT	2820
CTAGGATGAC	CTCTGAACGG	GCTCCCTCCC	CTTCTCTAG	AATGGGCCAG	GCTCCTTCAC	2880
AGTCTCTTCT	CCCTCCAGCA	CAGGATCAGC	CGAGGTCTCC	TGTGCTTCT	GCTTTTTCAG	2940
ACCAATCCCG	TTGTTTGATT	GCCAGACCA	CCCTGTAGC	AGGGTCTCAG	TCCCTTTCTT	3000
CTGGGGCAGT	GGCAACGACC	AGTCTCTCTG	CTGGTGATCA	CAATGGCATG	CTCTCTGTCT	3060
CTGGCCCTGG	GGTGGCCCCC	TCTGATGTGG	GGGAGCCACC	TGCTCTACT	GGGGCCAGC	3120
AGCTTTCTGC	ATTAAGCCGC	CTGCAGCCAG	CAAGGAGCG	GCGGAGTTCC	TCCTCGTCTG	3180
CGTCTCTCTC	TAGCTCTCTC	TCTCTTCTAT	CATCTCTCTG	GTCGTCTCTC	TCTCTCTCTG	3240
GCTTCACTTC	TAGTACTTCA	GAGGGCTCTA	GCTTCTCTGT	GCAACCTTAG	GTGGCACTGA	3300
AGAGGGTCCC	CAGCTTCAAC	CCAGCCCCAA	AGGAGGCTGT	TCCAGAGGGA	CGTCTCTCTG	3360
AGCCAAAGCC	AGCTTAAAGG	AAGAGGCGCT	CTAGCAGTTC	CAGTTCCAGC	TCTCTCTCTT	3420
CATCTCTCTC	CTCTCTCTCT	TCTCTCTCTT	CTTCTCTCTC	CTCTCTCTCT	TCTCTCTCTT	3480
CTCTCTCTAT	TTCTCTCTCT	TCTCTCTCTT	CCTCTCTCTC	CCCTGCTAAG	CCTGGGCTCT	3540
AGCTCTTGGC	CAGAACTTGA	AGCTCCCAAG	AGCTACCCCT	TGGCGAGGCG	AGGTCCTCTA	3600
GGCTCTCTGG	GGCAATAGAG	TCTCTCAGGG	ACTCTCGGTC	CCTCAGCTAC	TCTCTCTCTG	3660
AGCTCTCTGG	TCTCTCTGGC	CAGCTCTCAC	CAGGGGACCA	GCAGAGCAGC	AGCAGTGAGC	3720
GGCTCTCTGG	GAGAGGCGAG	CGTGGGGACA	GCTCTCTCTC	CAGCCACAGG	CGCAGGAGGG	3780
AGACACTTAG	CGCTGGGGCC	ATGAGACACC	GCTCTCTCTC	GTCTCTCTAA	ATTGCTCTTG	3840
GGCTATTTCA	CGCTGGGGCC	TCTCTCTGAG	CCACAAGGAG	TCTCTCTCTT	TCTCTCTCTG	3900
AGCTCTCTGG	GGCTCTTGT	CTCTCTCTCT	TTGAACCTTG	GCAACCTTCT	GATGGAGGCG	3960
TCTCTCTCTC	TCTCTCTTCT	TTTTCTCTTG	TCTCTCTGAA	ATGTTAATCT	CGTGAAGTCT	4020
TTCTCTCTCT	ATCTCTCTCT	GGGGCTTGG	GCTGGGAGGG	AATGCAAGAT	GGAGTTGGGG	4080
GAGGGGAGGA	TACAGTTCTG	GATACCCAG	CCTGGAGTCA	GGGGCAGGGA	GGCATGGCCC	4140
CAGTTGATAT	CAGAGTTCTC	CAGGGGTGAT	TCTGATGGTG	GTTGGGACTG	GAGGTTGTAT	4200
AAGCTCTCTT	TGCAAGGAAG	GGGCAGGAGT	TGGAATTAGT	TGGTCTCTAC	TCTCTCTCTT	4260
GAGCTTCTGA	ACCTCTCTCT	CCAACTTTCT	ATGTTTCTTA	AAGGCATTTT	GGTTTTTTAA	4320
AATCTCTACA	GCAAGAGCAA	CTTTTCTCTG	CAATAAAAAA	TGAGAAATGC	AGG	4373

Name: 304 Len: 3027 Check: 18E4

CGGGGGCAGG	CGGGGTGCGA	GTGGGCGAGT	CGGAGCCCGT	TGGGGCCCTT	GAGGAAGCGA	60
GGAGGGGCTG	GGGTGGGCTG	AGGCGGGCGG	ACCGGCGAGG	CGAGGCGGGG	GGCCCAAGGC	120

[illegible]

AATAGTGTAT TGGCTACGTC AAGCCAAAGAT GAAGAGTTAA TGTAGGTGTG AGAGAAAGTCT 3860  
GAAGAACCCG CAGGCCCCAAT CCTGTCTCAT TTGTCTTCAG AAGCTTAAAGA AATGTCCACA 4020  
AGTAATTTTG AATCATTTTC TGAAGTAGAA GAAAGCCCTG CTGTGTCTTT SACTTCTTAT 4040  
CAAGATCAGT CACAGGTTT TTTGGAAGCA GTAGAAGTCC CTTCATATGG CTCACTTTGG 4140  
GGTGGGCCAC ATTTTCTCTC AGAACATAAA GAATGTCTA ACTCTCCACT CAGGAGAAAC 4200  
AGCTTTGGAT CACCTTTTGA ATTTAGAAAC TCAGGCCAC TTGTACAGA AATGAATACT 4240  
GGATTTTCTT CTGAGGTTAA AGAAGATTTC AATGACCGT TTCTTAATCA GCTGAAACA 4320  
GATCATCTC TACACATGAA AGAACATCG ACAAGATCT CTGACACAG CAGTTCTGAG 4340  
TTATTTCCAG ATGCAGTGA AAAGGCCAGG ATGTCTTCAA ATCAAGCAT CTCTTCACT 4440  
GTCTTTGATG CTGTACCCAG AACACCTCTG AGAGAAAGAA GTAGTTCTCT ATCTTCTCT 4500  
GAATTAAGG ATGGTTTACG CAGAACTCCA TCAAGSAGAA GTAGGTCTTG GTCTTCTCCA 4560  
GGATTTAGAG ATGGTCTCTG SACTCCCTCG AGGCACAGCC TGTCTGGGTC CTCTTCTGGA 4620  
ATGAAGGATA TACCTAGAAG GCCATTTAGA GGGAGAAGCG AATGTGATTC TTCCCCAGAA 4680  
CCGAAAGGTT TGGCTCAGAC TCCTAGGCCG AGGAGTCGTT CTCATCATC CCCAGAGCTC 4740  
AACAAACAAGT GTCTTACCCC CCAGAGAGAA AGAAGCGGGT CAGAAATCAT AGTTCATCAG 4800  
AAAAGTGTG CTGCGACTCC CCTGGGGCAG AGAAGTCGTT CCGGATCTCT TCAAGAACTT 4860  
GATGTGAAGC CCAGTGCATC CCTCAGGAA AGAAGTGAGT CAGACTCTTC TCCAGATTCT 4920  
AAAGCTAAGC CAGCAACCCC ACTTCGGCAG AGGAGTCGGT CTGGATCATC TCCAGAGGTT 4980  
GACAGCAAAAT CTCGACTATC CCTCGGCGC AGTAGGTCTG GTCTCTCTCC TGAAGTGAAA 5040  
GATAAGCCAA GAGCAGTACC CAGGGCACAG AGTAGGTCTG ATCTCTCTCC TGAAGCTAAA 5100  
GCTCCAGGCC CTCGGGCTCT TCCAGACGA AGCAGATCAG GTTCATCAAG CAAAGCCAGA 5160  
GGCTTTCTC CTGAAGGAAG CAGCAGTACC GAGTCTCTCT CTGAACATCC GCCCAATCC 5220  
AGAACTGCTC GCAGAGGTTT ATCATCTCCG GAGCTAACAA GGAAGGCCAG ACTGTCCCGT 5340  
CCTCGAGCTC GCAGCTCTCG CTCACCAGAA ACTCGCTCTA GAAGTCCCTC AAGGCACCGG 5400  
AGAAAGGCT CTGCTCTATC CTCGAGGCGA GCGGAAAAAT CAGAGTCTTC ACGCCGAGCG 5460  
CCTCGAGCTC CATCTCCAGC CACTAAGACA AACTCAAGGA GAGGCGGCTC TCCTTGGCCA 5520  
AAGCCTCGTG GACTCCAGAG GTCCCGTTCC CGCTCAAGGA GAGAGAAAAC AAGAACAACC 5580  
CGACGTGAG ATAGGTCTGG ATCTTCTCAG TCAACCTCTC GGGGAAGACA GGGGAGCCGG 5640  
TCAAGGTCTC GSGTTACTCG GCGGCGGAGG GGAGGCTCTG GTTATCACTC AAGGTCACT 5700  
GCCCGGCCAG AAAGTTCCCG GACCTCCTCT CGACGCCGAA GAGGCCGCTC TCGGACACCC 5760  
CCAACAGCTC GGAAGCGTTC TCGCTCAGC ACATCACCAG CCGCGTGSA ACGCTCTAGA 5820  
TCTCGAGCT CTCCAGCCAC TCACCGGCGA TCCAGGTCCA GAACCCCTCT GATAAGCCGA 5880  
CGTAGGTCCA GATCTCGAAG TTCACCAATC AGCCGGAGAC GGTCAAGGTC CAGGACTTCA 5940  
GTGACTCGAC GAAGATCCCG GTCAAGAGCA TCCCCAGTGA GCAGAAGGG ATCCAGATCC 6000  
AGAAAGCCAC CAGTAACCCG CCGTCTGTTA AGGTCTAGAA CCGCAACAAC ACGCCGCCGC 6060  
TCCCGTTCTA GAAGTCCACC AGTGAAGTGC ASAAGGTCCA GATCCAGGAC TCCACAGTA 6120  
ACCAGGAGGC GATCTCGAAG CAGAAGTTTC CCTATCACTC GCAGAAGATC AAGATCCAGA 6180  
ACATCTCCCG TCACCGGAAG GAGATCTCGA TCTCGCACAT CTCAGTAAC TCGAAGAAG 6240  
TCCCGCTCTC GAACCTCACC AGTGACACGC CGCGCTCTA CTGTTACCAC GCAAGCTTC TCGAAGTCGC 6300  
ATTGCGCGCC GCTCTAGATC TCGAACGCCA CTGTTACCAC GCAAGCTTC TCGGAGTAAA 6360  
TCACCACTTG CTATCCGGCG CCGCTCCAGA TCCCCTACTC CAGCAACAGC TCGGGGTAAA 6420  
CGCTCTTAA CAAGATCTCC TCCAGCCATC CGCAGCGGTT CTGATCTGG AAGTAGTTCT 6480  
GATGTTGAC GATCTCTAC TCCTCCAGCA ACAAGAAATC ATTCTGTTTC ACGGACACCT 6540  
CCAGTAGCAC TCACAGTTC CAGAATGAGT TGTCTCAGTC GTCTAGCAT GTCCCCAACA 6600  
CCTCTGATC GCTGCGATC AACTGGAATG CTGGAACCCC TTGGCAGCTC TAGAACACCC 6660  
ATGTCTGTG TCAGCAAGC CCGCGGCTCC ATGATGGATG GTCCAGGTCC CCGAATACCT 6720  
GACCAACAGA GAACATCTGT GCAGAAAAAT CATGCTCAGT CCAGGATTC ACTTGCCCTG 6780  
ACAGCTATCA GTCTTGGCAC CCGTCCGCTC CTCTCATGA GTCTCAGAA CCGCAGGCA 6840  
GCAAGAAATG CCGAGGTTCC AGCCCGGCTG CCGTCTCATG GTCTCAGAA CCGCAGGCA 6900  
GCCAAGCTTG CCGAGGATTC TCTGCGAGC TCTGCGGAG CCGAGGCTCT CTGGAAGGCT AGCTGAGCA 7020  
GCGAGAGCTG CCGATTCAGC AGCAGTGAAC CTGGCTGACT CTGGAAGGCT AGCTGAGCA 7080  
GCGAGAGCTG CCGATTCAGC AGCAGTGAAC CCGAGGCTCT CTGGAAGGCT AGCTGAGCA 7140  
GACCTCTGCA CTGCAAGAG CCGAGGCTCT AGCAGTGAAC CCGAGGCTCT CTGGAAGGCT AGCTGAGCA 7200  
TTGGCAGCTG TGAATCTCAC AGGCTCTGGC ACACCAACAA CTGCTGCAAA CTATCTCTCC 7260  
AGCTTCAGAA CACCAAGGCT TCCAGGCTCT GCAAGCTCTG TGGTCTCTCG GTCTGAGAT 7320  
GCCACAGCTC CTGTGAATAT TCGCGGCTCG AGAAGCGCCG CAGCCTTGGC CCGCGGAGC 7380  
CTCAGAGTCT CTAGGATGCG TCCAGGATTC TCTGTTGCAA ACTTCACTAG CCGCAGGCTG 7440  
CGCTTTCTG CCAAGAGGCT TCGGCAAGC CAATCTAGGA TCACTCTGTA ACGGGCTCCC 7500  
TGTCTTCTG CTAGAATGGG CCGAGGCTCT TCCAGTCTC TTCTGCTTCT CCGGTTGTTT GATTGCCAG 7560  
CAGGAGAGT CTCTCTGCGC TTCTGCTTTT TCAGACCAAT CCGGTTGTTT GATTGCCAG 7620  
ACCAACCTTG TAGCAGGCTC TCAGTCCCTT TCCTCTGGGG CAGTGGAAC GACCACTGTC 7680





CTTTATTTTAA CCCCCACAAT TAAAGTTGAA BGAATCCTGA 1822  
 Name: 306 Len: 2020 Check: 1822

GSTATGATG	ACGTGGACAT	TGACCTCCAC	ATCAACATCA	GCTTCTTCGA	TGAGGAAGTC	50
TCTACAGCCT	GGAAAGGTCT	CCGGACAGAA	CCTATTGTGT	TGAGGCTGGG	ATTTTCTCTC	120
TCCCACTACC	TAGATGGACC	AGAAOCATCC	ATTGAGGTTT	TCCAGCCATC	AAATAAGGAA	130
GGATTTGGGC	TGGGTCTTCA	GTTGAAAAAG	ATCCTGGGTA	TGTTTACATC	CCAAACATGG	240
AAACATCTGA	CAATGATTTT	CTTGAAGACC	CAGCAGGAGA	AGAGGCACAG	TTGTTTCAAG	300
GCAAGTGGTA	CCATCAAGAA	GTTCCGAGCT	GGCCTCAGCA	TCTTTTCACC	CATCCCCAAG	350
TCTCCCACTT	TCCCTATCAT	ACAGGACTCC	ATGCTGAAAAG	GCAAACTAGG	TGTAOCAGAG	420
CITCCGGTTG	GGCGCCTCAT	GAACCGCTCC	ATCTCCTGTA	CCATGAAGAA	CCCCAAAGTG	430
GAAATGTTTG	GCTACCCCTCC	CAGCCTCCAG	GCAGGTCTCC	TGTGCTCTCA	GCACTGGGGC	540
CTCCCTCCCC	CAGCACGGAC	CTCTCCTTTT	GTCAGTGGTC	ACTGCAAGAA	CATCCCCACT	600
CTGGAATATG	GATTCCTCGT	TCAGATCATG	AAGTATGCAG	AACAGAGGAT	TCCAAACATTG	650
AATGAGTACT	GTGTGGTGTG	TGATGAGCAG	CATGTCTTCC	AAAAATGGATC	TATGCTGAAG	720
CCAGCTGTCT	GTAATCGTGA	ACTATGCGTT	TTCTCCTTCT	ACACACTGGG	CGTCACTGCT	780
GGAGCTGCAG	AGGAGGTGGC	CACTGGAGCA	GAGGTGGTGG	ATCTGCTGGT	GGCCATGTGT	840
AGGGCAGCTT	TAGAGTCCCC	TAGAAAGAGC	ATCATCTTTG	AGCCTTATCC	CTCTGTGGTG	900
GACCCCACTC	ATCCCAAGAC	TCTGGCCTTT	AACCTTAAGA	AGAAAGATTA	TGAGGGGCTT	960
CAGAAAGCTC	TGGATAGTGT	GATGTCTATT	CGGGAGATGA	CCAGGGGCTC	ATATTTGGAA	1020
ATCAAGAAAC	AGATGGACAA	GTTGGATCCC	CTGGCCCCATC	CTCTCCTGCA	GTGGATCATC	1080
TCTAGCAACA	GGTCACACAT	TGTCAAACTA	CCTCTCAGCA	GGCTGAAGTT	CATGCACACC	1140
TCACACCAGT	TCTCCTGCT	GAGCAGCCCT	CCTGCCAAGG	AGGCTCGGTT	CCGGACCGCC	1200
AAGAAGCTCT	ATGGCAGCAC	CTTTGCCTTC	CATGGGTCCC	ACATTGAGAA	CTGGCATTCG	1260
ATCCTGCGCA	ATGGGCTGGT	CAATGCATCC	TACACCAGAA	TGCAGCTGCA	TGGAGCAGCC	1320
TATGGCAAAAG	GCATCTACCT	GAGCCCCATC	TCCAGTATTT	CCTTTGGATA	CTCAGGAATG	1380
GGAAAGGAC	AGCACAGGAT	GCCCTCCAAAG	GATGAGCTGG	TCCAGAGATA	CAACAGGATG	1440
AATACCATCC	CCAGAGCCCG	ATCCATTCCG	TCACGGTTCG	TGCAGAGTGG	GAATCTAAAC	1500
TGTATAGCAC	TTTGTGAAGT	GATTACATCT	AAGGACCTCC	AGAAGCATGG	GAACATCTGG	1560
GTGTGCGCTG	TGTCCGACCA	TGTCTGCACA	AGATTCTTCT	TTGTATATGA	GGATGGTCAG	1620
GTGGGCGATG	CCAACATTAA	TACTCAGGAC	CCCAAGATAC	AGAAGGAAAT	CATGCGTGTG	1680
ATCGGAACTC	AGGTTTACAC	AAACTGAGGG	GGCCCCAGCC	CTCGTACCAC	CCCTGTTACC	1740
CCAGGATCCA	TCTGCCCTCA	TAAAAGTGTT	CAGGTACAGC	AGCTGAGGCT	GCCCTGAGGA	1800
ATCAAGGGGC	CATTACCAAG	GGGCAGGAAA	AGGATATGTA	AGAGGTGGCC	TTCATGGTAG	1860
AGCTTGACCC	AAGAACTACT	CCACATTCCG	ATGGCCAGAA	CTGACTCCAT	CCCCTGACTT	1920
TCCCTTTTGA	TTACCCCTGT	TTGTAAATAA	AACAATAAAA	TGGAAGGTGC	TGTGGACTGG	1980
AAAAAAAAAA	AAAAAAAAAA					2000

Name: 307 Len: 2268 Check: 12EC

ATGGCTAGCG	TCCACGAGAG	CCTCTACTTC	AATCCCATGA	TGACCAATGG	GGTTGTGCAC	60
GCCAATGTGT	TAGGCATCAA	GGACTGGGTG	ACGCCGTACA	AGATCGCGGT	GCTGGTGCTG	120
CTGAACGAGA	TGAGCCGCAC	AGGCGAGGGC	GCCGTCAGCC	TCATGGAGCG	GCGGAGGCTC	180
AACCACTCTG	TCTGCCCCCT	GCTGCAGGGC	CCAGATATTA	CACTGTCAAA	ACTTTACAAG	240
TTAATTGAAG	AGTCTTGTOC	ACAGCTGGCA	AATTCAGTGC	AGATCAGAAT	CAAACTGATG	300
GCTGAAGGCG	AGTTGAAGGA	TATGGAACAG	TTTTTTGATG	ACCTTTTCAGA	TTCTTTCTCT	360
GGAAGTGAAC	CAGAGGTTCA	CAAAACAAAGT	GTAAGTAGGT	TGTTTCTGCG	TCACATGATC	420
TTGGCTTACA	GTAAAGCTTT	TTTCAGCCAA	GTGTTTAAAC	TGTACACTGC	CCTTCAGCAG	480
TACTTCCAGA	ATGGTGAGAA	AAAGACAGTG	GAGGATGCTG	ATATGGAAGT	GACCACTAGA	540
GATGAGGGTG	AAAGAAAAAT	GGAAAAAGAA	GAACCTGATG	TATCTGTAAG	AGAAGAGGAG	600
GTATCTTGCA	GTGGGGCTCT	GTCCCAAAAA	CAAGCAGAAT	TTTTTCTTTT	TCAACAGGCT	660
TCTTTGCTAA	AGAATGATGA	GACTAAGGCC	CTCACTCCAG	CTTCTTGCA	GAAGGAATTA	720
AACAATTTGT	TGAAATTTAA	TCTGTATTTT	GCTGAAGCGC	ATTATCTCAG	CTACTTAAAC	780
AACCTTCGTG	TCCAAGATGT	TTTCAGTTCA	ACACACAGTC	TCTCTCATTA	TTTTGATCGT	840
CTGATTCTTA	CCGGAGCCGA	AAGCAAAAGT	AATGGGGAAG	AGGGCTATGG	CCGGAGCTTG	900
AGATACGGCG	CTCTGAATCT	TGCGGCGCTG	CACTGCGGCT	TGCTCACTA	TCAACAGGCA	960
GAGCTCGCCC	TGCAGGAGGC	AATTAGGATT	GCCCAGGAGT	CCAACGATCA	CGTGTGTCTC	1020
CAGCACTGTT	TGAGCTGGCT	TTATGTGCTG	GGGCAGAAGA	GATCCGATAG	CTATGTTCTG	1080
CTGGAGCATT	CTGTGAAGAA	GGCAGTACAT	TTTGGTTTAC	CGTACCTCGC	CTCCCTGGGA	1140
ATACAGTCCC	TTGTTCAACA	GAGAGCTTTT	GCTGGGAAGA	CGGCAAAACAA	GCTGATGGAT	1200
GGCCTAAAGG	ACTCCGACCT	CCTGCAGCTG	AAAACACAGCC	TGTCAAGAGCT	CATCGATATC	1260
AGCATCGCAC	AGAAAAACGGC	CATCTGGAGG	CTGTATGGCC	GCAGCACCAT	GGCACTGCAA	1320
CAGGCCCCAGA	TGTTGCTGAG	CATGAACAGC	CTGGAGGCGG	TGAATGCGGG	TGTGCAAGCAG	1380
AACAACACAG	ATCTCTTTGC	TGTGCACTC	TGCCACCTCG	CAGAGCTACA	CGCGGAGCAG	1440
GGCTGTTTTG	CTGCAGCTTC	TGAAGTGTTA	AAGCACTTGA	AGGAACGATT	TCCGCTTAAT	1500
AGTCAGCACG	CCGAGTTATG	GATGCTATGT	GATCAAAAAA	TACAGTTTGA	CAGAGCAATG	1560

AATGATGGCA	AAATATCATTT	GGGTGATPCA	CTTGTTCACG	GAATCACAGC	TCTCAATAGC	1621
ATAGAGGGTG	TTTATAGGAA	AGGGTTTGT	TTACAAGCTC	AGAAACAAAT	GTGAGAGGCA	1630
CATAAGCTTT	TACAAAAAT?	GTTTGTTCAT	TGTGAGAAAC	TGAAGAACAC	AGAAATGGT?	1740
ATCAGTGTCC	TACTGTTCGT	GGCAGAGCTG	TACTGGCGAT	CTTCCTCCCC	TACCATGCG?	1810
CTGCGCATGC	TCTGCGAGG?	TCTGGCCCTC	TCCAAGGAGT	ACCGGTTACA	GTACTTGGCC	1861
TCTGAAACAG	TGCTGAACCT	GGCTTTTGGG	CAGCTCATTC	TTGGAATCCC	AGAACAGGCC	1921
TTAAFTCTTC	TCCACATGGC	CATCGAGCCC	ATCTTGGCTG	ACGGGGCTAT	CCTGGACAAA	1961
GGTCTGTCCA	TGTTCTTAGT	GGCCTACTGC	CAGGTGGCTT	CAGCAGCTTC	CTACGATCAG	2040
CCGAAGAAAG	CAGAAATCT?	GGAGGCTGCT	ATCGAGAAC	TCAATGAAGC	CAAGAACTAT	2110
TTTGCAAGG	TTGCTGCAA	AGAGGCTATC	AGGGACGTGC	TTTACTTCCA	GGCCAGACTC	2160
TACCATACCC	TGGGGAAGAC	CCAGGAGAGG	AACCGGTGTG	CGATGCTCTT	CCGGCAGCTG	2220
CATCAGGAGC	TGCCCTCTCA	TGGGGTACCC	TTGATAAAC	ATCTCTAG		2240

Name: 308

Len: 3176 Check: 1B22

GGTGTGGGG	GGGGGCGAAG	GGTGAGGGCG	GCCCCAGAAC	CCCAGGTAAG	TAGAGCAAGA	60
AGATGGTGT	TCTGCCCCTC	AAATGGTCCC	TTGCAATCAT	GTCATTTCTA	CTTTCCTCAC	120
TGTTGGCTCT	CTTAACTGTG	TCCACTCCTT	CATGGTGTCA	GAGCACTGAA	GCATCTCCAA	180
AACGTAGTGA	TGGGACACCA	TTTCTTTGGA	ATAAAATACG	ACTTCCTGAG	TACGTCTATC	240
CAGTTCTATTA	TGATCTCTTT	ATCCATGCAA	ACCTTACCAC	GCTGACCTTC	TGGGGAACCA	300
CGAAAGTAGA	AATCAGAGCC	AGTCAGGCCA	CCAGCACCAT	CATCCTGCAT	AGTCACCACC	360
TGCAGATATC	TAGGCCCCAC	CTCAGGAAGG	GAGCTGGAGA	GAGGCTATCG	GAAGAACCCC	420
TGCAGGTCTC	GGAAACACCC	CCTCAGGAGC	AAATTGCACT	GCTGGCTCCC	GAGCCCCCTC	480
TTGTGGGGCT	CCCGTACACA	GTTGTCTATC	ACTATGCTGG	CAATCTTTTC	GAGACTTTTC	540
ACGGATTTTA	CAAAAGCACC	TACAGAACCA	AGGAAGGGGA	ACTGAGGATA	CTAGCATCAA	600
CACAATTTGA	ACCCACTGCA	GCTAGAATGG	CTTTTCCCTG	CTTTGATGAA	CCTGCCTTCA	660
AAGCAAGTTT	CTCAATCAAA	ATTAGAAGAG	AGCCAAGGCA	CCTAGCCATC	TCCAATATGC	720
CATTGGTGAA	ATCTGTGACT	GTTGCTGAAG	GACTCATAGA	AGACCATTTT	GATGTCACTG	780
TGAAGATGAG	CACCTATCTG	GTGGCTTTCA	TCATTTTACA	TTTTGAGTCT	GTGAGCAAGA	840
TAACCAAGAG	TGGAGTCAAG	GTTTCTGTTT	ATGCTGTGCC	AGACAAGATA	AATCAAGCAG	900
ATTATGCACT	GGATGCTGCG	GTGACTCTTC	TAGAATTTTA	TGAGGATTAT	TTCAGCATAC	960
CGTATCCCC	ACCCAAACAA	GATCTTGCTG	CTATTCCCGA	CTTTCAGTCT	GGTGCTATGG	1020
AAAACCTGGG	ACTGACAACA	TATAGAGAAT	CTGCTCTGTT	GTTTGATGCA	GAAAAGTCTT	1080
CTGCATCAAG	TAAGCTTGGC	ATCACAATGA	CTGTGGCCCA	TGAACCTGGC	CACCAGTGGT	1140
TTGGGAACCT	GGTCACTATG	GAATGGTGGA	ATGATCTTTG	GCTAAATGAA	GGATTTGCCA	1200
AATTTATGGA	GTTTGTGTCT	GTCAGTGTGA	CCCATCCTGA	ACTGAAAGTT	GGAGATTATT	1260
TCTTTGGCAA	ATGTTTGTAC	GCAATGGAGG	TAGATGCTTT	AAATTCCCTCA	CATCCTGTGT	1320
CTACACCTGT	GGAAATCCTT	GCTCAGATCC	GGGAGATGTT	TGATGATGTT	TCTTATGATA	1380
AGGGAGCTTG	TATTCTGAAT	ATGCTAAGAG	AGTATCTTAG	TGCTGACGCA	TTTAAAGTGT	1440
GTATTGTACA	GTATCTCCAG	AAGCATAGCT	ATAAAAAATAC	AAAAAACGAG	GACCTGTGGG	1500
ATAGTATGGC	AAGTATTTGC	CCTACAGATG	GTGTAAGAGG	GATGGATGGC	TTTTGTCTTA	1560
GAAGTCAACA	TTCATCTTCA	TCCTCACATT	GGCATCAGGA	AGGGGTGGAT	GTGAAAACCA	1620
TGATGAACAC	TTGGACACTG	CAGAAGGGTT	TTCCCTTAAT	AACCATCACA	GTGAGGGGGA	1680
GGAAATGTACA	CATGAAGCAA	GAGCACTACA	TGAAGGGCTC	TGACGGCGCC	CCGGACACTG	1740
GGTACCTGTG	GCATGTTCCA	TTGACATTCA	TCACCAGCAA	ATCCGACATG	GTCCATCGAT	1800
TTTTGTCTAA	AACAAAAACA	GATGTGCTCA	TCCTCCCGA	AGAGGTGGAA	TGGATCAAA	1860
TTAATGTGGG	CATGAATGTC	TATTACATTG	TGCATTACGA	GGATGATGGA	TGGGACTCTT	1920
TGACTGGCCT	TTTAAAGGGA	ACACACACAG	CAGTCAGCAG	TAATGATCGG	GCGAGTCTCA	1980
TTAACAATGC	ATTTTCAGCTC	GTGAGCATTG	GGAAGCTGTC	CATTGAAAAG	GCCTTGGATT	2040
TATCCCTGTA	CTTGAAACAT	GAAGCTGAAA	TTATGCCCGT	GTTTCAAGGT	TTGAATGAGC	2100
TGATTCCTAT	GTATAAGTTA	ATGGAGAAAA	GAGATATGAA	TGAAGTGGAA	ACTCAATTCA	2160
AGGCTCTCTC	CATCAGGCTG	CTAAGGGGAC	TCATTGATAA	GCAGACATGG	ACAGACGAGG	2220
GGTCACTCTC	AGAGCGAATG	CTGCGGAGTC	AACCTACTCT	CTCGGCTCTG	GTGCACTACT	2280
ATCAGCCTGT	CGTACAGAGG	GCAGAAAGCT	ATTTTCAGAA	GTGGAAGGAA	TCCAATGGAA	2340
ACTTGAGCCT	GGCTGTGAC	GTGACCTTGG	CAGTGTCTTC	TGTGGGGGGC	CAGAGCAGAG	2400
AAGGCTGGGA	TTTTCTTTAT	AGTAAATATC	AGTTTTCTTT	GTCCAGTACT	GAGAAAAGCC	2460
AAATTGAATT	TGCCCTCTGC	AGAACCCAAA	ATAAGGAAAA	GCTTCAATGG	CTACTAGATG	2520
AAAGCTTTAA	GGGAGATAAA	ATAAAAACTC	AGGAGTTTTC	ACAAATTCTT	ACACTCATTC	2580
GCAGGAACCC	AGTAGGATAC	CCACTGGCCT	GGCAATTTCT	GAGGAAAAAC	TGGAACAAAC	2640
TTGTACAAAA	GTTTGAACTT	GGCTCATCTT	CCATAGCCCA	CATGGTAATG	GGTACAACAA	2700
ATCAATTCTC	CACAAGAACCA	CGGCTTGAAG	AGGTAAAAGG	ATTCTTCAGC	TCTTTGAAAG	2760
AAAATGGTTC	TCAGCTCCCT	TGTGTCCAAC	AGACAATTGA	AACCATTGAA	GAAAACATCG	2820
STTGGATGGA	TAAGAATTTT	GATAAAAATC	CAGTGTGGCT	GCAAAGTGAA	AAGCTTGAAC	2880
GTATGTAAAA	ATTCTCTCCT	TGCCAGGTTT	CTGTTATCTC	TAATCACCAA	CATTTTGTTC	2940
AGTGTATTTT	CAAACTAGAG	ATGGCTGTTT	TGGCTCCAAC	TGGAGATACT	TTTTTCTCTT	3000



AAATCATTTT	TTTAAATATC	CTTSTBAAAA	GAATAGCTGT	TAGTTTTTCA	TGAATGGGCT	3140
TTTTCATGAA	TGGGCTATCG	CTACCATGTG	TTTTGTTCAT	CACAGGTSTT	GCCTGSCAAC	3145
GTAAA'CCAA	GTGTTGGSTT	CCCTGCCACA	GAAGAATAAA	GTACCTTATT	CTTCTC	3176

Name: 109      Len: 2059      Check: 1013

GGGGGGGCA	AGCGATCCCT	GCTCCGGGCG	ACACTGCGTG	CCCBCGCAAG	CAGAGAGGCG	60
GTGAGCACT	TTACGGGCGC	ACGTAAAGTG	GTGACGCTCG	TGAGTGGCTT	CAGTTCCACAS	100
GTGGGCGCMG	SASCMFGGTT	GCTGTSTTTG	TGCTTCCTTC	TACAGCCAAT	ATGAAAAGGC	180
CTAASTTAAA	GAATTCRAGT	AAACGCGATGA	CCTGCCATAA	GGCGTATAAA	ATCCAPAAAA	240
AGSTTGGASA	ACATCATCGA	AAATTAAGAA	AGGAGGCTAA	AAAACAGGGT	CACAAGAAGC	300
CTAGGAAAGA	CCCAAGAGTT	CCAAACAGTG	CTCCCTTTAA	GGAGGCTCTT	CTTAGGSAAG	360
CTGAGCTAAG	GAATAGAGG	CTTGAAGAAC	TAAACACAGCA	GCAGAAACTT	GACAGGCAGA	420
AGTAACTAGA	AAAGAAAAGA	AAACTTGAAG	CTAATCCTGA	TATTAAGCCA	TCAAATGTGG	480
AACTATGGA	AAAGAASTTT	GGGCTTTTGA	AAACTGAGAA	CAAGGCCAAG	TGGGGCAAC	540
AGAATTCAAA	GAAGCTGTAC	TGCCAAGAAG	TTAAAAAGGT	GATTGAAGCC	TCCGATGTTG	600
TCTTAGAGST	GTGGATGCGC	AGAGATCCTC	TTGTTTGCAG	ATGTCTCAG	GTAGAAGAGG	660
CCATTGTCCA	GAGTGGACAG	AAAAAGCTGG	TACTTATATT	AAATAAATCA	GATCTGGTAC	720
CAAAGGAGAA	TTTGAGAGC	TGGCTAAATT	ATTTTAAGAA	AGAATTGCCA	ACAGTGGTGT	780
TCAAGGCTTC	AACTAAACCA	AAGGATAAAG	GGAAGATAAC	CAAGGCTGTG	AAGGCAAAGA	840
AGAATGCTGC	TCCATTGAGA	AGTGAATCTC	GCTTTGGGAA	AGAGGGCCTT	TGGAACTTC	900
TTGGAGSTTT	TCAGGAAACT	TGCAGCAAAG	CCATTGCGGT	TGGAGTAATT	GGTTTCCCAA	960
ATGTGGGGAA	AAGTACCAT	ATCAATAGCT	TAAACAAGA	ACAGATGTGT	AATGTTGGTG	1020
TATCCATGGG	GCTTATAGAG	AGCATGCAAG	TTGTCCCCTT	GGACAAACAG	ATCACAATCA	1080
TAGATAGTCC	GAGCTTCATC	GTATCTCCAC	TTAATTCCTC	CTCTGCGCTT	GCTCTGCGAA	1140
GTCCAGCAAG	TATTAAGTA	GTAAACCGA	TGGAGGCTGC	CAGTGCCATC	CTTTCCGAGG	1200
CTGATGCTCG	ACAGSTAGTA	CTGAAATATA	CTGTCCCAGG	CTACAGGAAT	TCTCTGGAAT	1260
TTTTTACTAT	GCTTCTCAG	AGAAGAGGTA	TGCACCAAAA	AGSTGGAATC	CCAAATGTTG	1320
AAAGTCTGTC	CAAAATGGTG	TGGTCTGAGT	GGACAGGTGC	CTCATTAGCT	TACTATTGCC	1380
ATCCCCCTAC	ATCTTGGACT	CCTCCTCCAT	ATTTTAATGA	GAGTATTGTG	GTAGACATGA	1440
AAAGCGGCTT	CAATCTGGAA	GAAGTGGAAA	AGAACAATGC	ACAGAGCATA	AGAGCCATCA	1500
AGGGCCCTCA	TTTGCCCAAT	AGCATCCTTT	TCCAGTCTTC	CGGTCTGACA	AATGGAATAA	1560
TAGAAGAAAA	GGACATACAT	GAAGAATTGC	CAAAACGGAA	AGAAAGGAAG	CAGGAGGAGA	1620
GGGAGGATGA	CAAGACAGT	GACCAGGAAA	CTGTTGATGA	AGAAGTTGAT	GAAGACAGCT	1680
CAGGCATGTT	TGCTGCAGAA	GAGACAGGGG	AGGCATTCTC	GAGGAGACTA	CAGCAGGTGA	1740
ACAGTCTACA	AGGTCTTTTA	TCTTGATAA	AATCATTGAA	GAGGATGATG	CTTATGACTT	1800
CAGTACAGAT	TATGTSTAAC	AGAACAATGG	CTTTTATGA	TTTTTTTTTT	TAACATTTTA	1860
AGCAGACTGC	TAAAGTGTTC	TCTGTATAAG	TTATGGTATG	CATGAGCTGT	GTAAATTTTG	1920
TGAATATGTA	TTATATTTAA	ACCAGGCAAC	TTGGAATCCC	TAAATCTGT	AAAAAGACAA	1980
TTTATCTCAT	TGTGATGGA	AGTAGTTATC	TGGAATAAAA	AAAGAAGATA	CCTATTGAAA	2040
AAAAAAAAAA	AAAAAAAAAA					2059

Name: 31      Len: 550      Check: 2010

TCAGACTCTC	CTGTTGGGCG	CAGTCAGCTC	GGTCCCTTCC	AGCAACCATG	TCTGACAAAC	60
CCGATATGGC	TGAGATGGAG	AAATTCGATA	AGTCGAAGTT	GAAGAAAACA	GAAGACCAAG	120
AGAAAAATCC	TCTGCTTCCA	AAAGAAACAA	TTGAACAAGA	GAAGCAAGCT	GGCGAATCGT	180
AAAGAGGCGA	GCGGCTTAAT	ATGCACTGTA	CATTCCACGA	GCATTGCTTT	CTTATTTTAC	240
TCTTTTATGC	TGTTTAACTT	TGTAAGATGC	AAAGAGGTTG	GATCAAGTTT	AAATCGACTG	300
TGCTGCCCCC	TTCAATCAA	AGAATCAGAA	CTACTGAGCA	GGAGGCTCTC	CCCTGCTCTT	360
CCCACTCATC	TGATGCTCTG	GCTAGCAGAG	AGGGAAGAGA	ACTTGCTATG	TGGTGAAGGA	420
AAAAGCTGGG	TGGGAGATGA	TGAATNGAGA	GGAAAAATTC	AAGATGGTCC	AAGATGCTCT	480
GGCAGGATGT	AAATGGCAGT	TTTAATCAGA	GTGGCATTTC	TTTTTTGGGT	CAAAACAATTT	540
CAATTATGGG						550

Name: 310      Len: 2238      Check: 1154

GGTTGGGGG	TGGAGGCTCC	GGCCAGTGCG	AGCGCAACGG	AGSTGGAAGG	GTTTCAGACT	60
CTTAGTGAAG	CGCGGAGCTG	CGGGGGCTAT	GCTGTGGAGC	GGTTGGGGG	GTTTCGGGGC	120
GGGCTGGGG	TGCTTGGGG	GGGCTCTCGC	GGTCTCTGTC	CAGAGGGGG	ACCGGAGGTT	180
GACCTCTGTC	ATCGAGCTTT	CCATGGGACT	TAATGAAGAG	CAGAAAGAA	TTCAAAAGT	240
TGCTTTTGG	TTTGTGGGG	GAGAGATGGC	TCCAAATATG	GCAGAGTGGG	ACCAAGAGGA	300
GCTGTTGGGA	GTGGATGTGA	TGCGGAAGGG	AGCCAGGCTA	GGTTTGGGAG	GGGTCTACAT	360
ACAAAAGAT	GTGGGCTGGT	CTGGGCTGTC	ACGTCTTGAT	ACTTCTGTCA	TTTTTGAAGC	420
CTTGGCTACA	GGCTTACCCA	GCACACAGC	CTATATAAGC	ATCCACAACA	TGTGTGCTGT	480
GATGATTGAT	AGCTTGGGAA	ATGAGGAACA	GAGGCACAAA	TTTTGGCTAC	GGCTCTGTAC	540
CATGAGAGAG	TTTGTCTGCT	ACTGCTCAC	TGAACAGGA	AGTGGGAGTG	ATGCTGCTCT	600
TCTTCTGACC	TGCGCTAAGA	AACAGGGAGA	TCATTACATC	CTCAATGGGT	CCAGGCTCTT	660
CATCAGTGST	GCTGGTGAAT	CAGACATCTA	TGTGGTCTAT	TGCGGAACAG	SAGGACGAGG	720

CCCAAGGGG ATCTCATGCA TAGTTGTTGA GAAGGGGACC GCTGCTCTTA AGTTTGGCAA 780  
GAAGGAGAAA AAGGTGGGGT GGAATCTGCA GCCAACACGA GCTGTGATCT TCGAAGACTG 840  
TGCTGTCCCT GTGCTTAACA GAATTGGGAG CGAGGGGACG GGCTTCTGCA TTGCGGTGAG 900  
AGGACTGAAC GGAGGGAGGA TCAATATTGC TTCTGTCTCC TTGGGGGCTG CCGAGGGCTT 960  
TCTCATCCTC ACCGAGAGAC ACCTCAATGT CCGGAAGCAG TTGGGAGAGC CTCTGGGCAE 1020  
TAACCASTAC TTGCAATTCA CACTGGCTGA TATGGCAACA AGGCTGCTGG CCGGGGGGCT 1080  
GATGCTGCGG AATGCAAGAG TGGCTCTGCA GGAGGAGAGG AAGGATGAGG TGGCTTGTG 1140  
CTTCATGGGG AAGTCTTTTG CTACAGATGA ATGCTTTGCC ATCTGCAACC AGGCTTGGCA 1200  
GATGCAAGGG GGTACGGGT ACCTGAAGGA TTACGCTGTT CAGGAGTACG TGGGGGACTT 1260  
CAGGCTGCAE CABATTCTAG AAGGTAGCAA TGAATGATG AGGATADTGA TCTCTAGAG 1320  
CCTGCTTCAE GASTAGAACC CACACTTGT TTGGGCTGCT GTTCAGTGGG ACTGCACTCA 1380  
GTGTTGAGTG TCTCATGTG GCGCGCTGTA TTCCAAAGGA ATCATGGAIT AGACCCAAGG 1440  
GCTGAGCTCT TCTAGGGCAG GACCTGCACC CTGTGTGTTG GCACCAAGCAT CGGCTCTTGG 1500  
ACTGGGGCAG AATCCCACT GGAACCGGAA GAGCTGGACT GATGAGAAAC ATCAGAAGAA 1560  
TACATACTAC CTTGTTTTTC TAATGCCAGA AGGCTGACCA GTGAAGATTG ACCGTCAAAC 1620  
CATGAAAGTC CTTTCTTGGA TCCACTTTAT CTTGATTAGT CTGCATTTTA CTAGTTCACT 1680  
GGATCCCTCC TCTAGGGGCC TGGGGACTTT CACTGATGCT CTTCTGTATT CTAGAGCAA 1740  
GCTGTGGGAA GCGGAATG AGGAATGCC TCTGTCTGT GTGCTTCTCT GTGGCAGAG 1800  
TACAGATGCA GAAGGTTTCT CTGGATAGCA CACCTCTGAA TGTAATCAT GATAAATGG 1860  
ATATTTGGA AGTTACTCT AAGCTGTGAT GTAGGGTGTA TTTCTACTTC TGGACTGCCT 1920  
CAATATCAAG GCTTGAAGT TTTGAATGTT GAATATTCGT TGGGTTTCAT GTTAAGACGC 1980  
CTGTGGTCCA GGAGTGCTAT TCAGTGTTC TGTTCCTGAT AAACACTTTG AATATTTTTT 2040  
TGTGTTTTTG TTCTCTTTTC TGAAGCTGTT CCTCCTTTTA AATATTTTTA ATCATTGTA 2100  
TAAATCTAT CTTTCATCCA CCTCTGGTTC TACTATAGTT GATTTTTATT TTAAATGTTT 2160  
AATTGTATT GATTAAACAC TTAAGTGAT TTTGGAATAA TAAACTCTC GTCCAATTG 2220  
GTTTTTAAAA AAAAAAAA 2233

Name: 311 Len: 3334 Check: 1CA  
CGGAGGAGGC CCAAGAGACCG GAGCGCGGAG ACCTCAGCCA GCGGGCTAAG CCGAGGGCTT 60  
TCTCCACCGG AGGAACAGGG AACCGCAGTC TTCATCACAG AGGTACCGTG CTCCGGGCTC 120  
CGCGCTGAC CCGGCCCCAGC CCGCTGCGGC GGTGCCTCCT TCCTTCCTCC TTCCCTGGCG 180  
CTCTCTCTTT CCGCGGCGCG CCGCTTCCCT GCGCGCTGC GTCACCGCGG CCGCCATGGC 240  
TGAGAATGGC GAGAGCAGCG GCGCGCGCG CCGCTCCCGC GCGCGCTGCT CCGCCCAAGG 300  
CTCGGCTGCT GCGCGGCTG AGCCTAAAAT CATCAAAGTC ACGGTGAAGA CTCCCAAAGA 360  
GAAAGAGGAG TTGCGCGTGC CCGAGAACAG CTCGGTTCAG AGTGTGATT TTTGCCGGAA AAATCTTAAA 420  
GAAACGCTTC AAATCCCAAA CCGATCAGCT AGTGTGATT TTTGCCGGAA AAATCTTAAA 480  
AGATCAAGAT ACCTTGATCC AGCATGGCAT CCGATGAGG CTGACTGTTT ACCTTGTCAT 540  
CAAAAGCCAG AACCGACCTC AGGGCCAGTC CCGCAGCCT AGCAATGCCG CCGGAAGTAA 600  
CACTACCTCG GCGTCACTC CCGAGGAGTA CTCCACACCT ATTTCCACAA ATAGCAACCC 660  
GTTTGGGTTG GCGAGGCTGG GAGGACTTGC AGGCTTAGC AGCCTGGGCT TGAGCTCGAC 720  
CAACTTCTCT GAGCTCCAGA GCGAGATGCA GCGAGAGCTT ATGGCCAGCC CTGAGATGAT 780  
GATCCAAATA ATGGAATAAT CCGATGATGCA GCGATGCTT TCGAATCCCG ATCTGATGAG 840  
GAGCTGATT ATGGCTAATC CCGATGATGCA GCGATGCTT TCGAATCCCG ATCTGATGAG 900  
TCAGCTGCTC AACAAACCCAG ACATAATGAG CGCAGACTC GCGAGACTC GCGAATGCGA 960  
CATGATGCAA GAGATGATGA GAGATCAAGA CCGGCTCTT AGCAATCTAG AAAGCATCC 1020  
AGGTGGCTAT AATGCTTTAC GCGCATGTA CACTGACATT CAAGAGCCGA TGCTGAATGC 1080  
GCGACAAGAG CAGTTTGGGG GTAATCCATT TCGCTCCGTG GGGAGTAGTT CCTCTCTG 1140  
GGAAGGTACG CAGCTTCCC GCACAGAAAA TCGCATCCA CTACCAATC CATGGGCACC 1200  
ACCGCCAGCT ACCAGAGTT CTGCAACTAC CAGCAGACC ACAAGCACTG GTAGTGGGTC 1260  
TGGCAATAGT TCGAGCAATG CTACTGGGAA CAGCGTTGCT GCGCTAATT ATGTGGCCAG 1320  
CATCTTTAGT ACCCAAGCA TCGAGAGCCT GCTGCAACAG ATAACTGAA ACCTCCAGCT 1380  
GATTCAGAAT ATGTTGTGG CCGCTACAT GAGAAGCATG ATGAGTCCG TGAGCCAGAA 1440  
TCAGATTTG GCTGCAACAG TGAATGTA TACCGGCTG TTTACTGCAA ATCTCAGCT 1500  
GCAGGAGCAG ATGGGGGAC AGCTCCAGC CTTCTGTCAG CAGATGCGA ATCCAGACAC 1560  
ACTATCAGCG ATGTCAAGC CAAGAGCAAT GCAGCTTTA ATGCAGATCC AGCAGGGGCT 1620  
ACAGACATTA GCGACTGAAG CAGCTGGCT GATTCGAGC TTCACTCCAG GTGTGGGGGT 1680  
GGGGGTGCTG GGAACCGCTA TAGGCGCTGT AGGCGCAGTC ACCCCCATAG GCGCCATAGG 1740  
CCTATAGTC CTTTTTACC CCGATAGGCC CATTGGGCCC ATAGGACCCA CTGGGCTGTC 1800  
AGCGCGCGCT GCGTCCACCG GTCTGCTGG CCGCACGGGG CTTACTGTGT CCGAGCTGTC 1860  
ACCTAGAGAA ACCAGAGTC CTACATCAGA ATCTGGACCC AACAGCAGT TCATTCAGCA 1920  
AATGCTGAG GCGCTGGCTG GAGCAATGC TCCACAGCT CCGAATCCAG AAGTCAGATT 1980  
TCAGCAACAA CTGGAACAGC TCAACGCAAT GCGGTTCTTA AACCGTGAAG CAAACTTGCA 2040  
GGCCCTAATA GCAACAGGAG GCGACATCAA TGCAGCCATT GAAAGGCTGC TGGGCTCCCA 2100  
GCCATCGTAA TCACATTTCT GTACCTGGAA AAAAAATGTA TCTTATTTTT GATAATGGCT 2160

CTTAAATCTT	TAAACACACA	CACAAAATCG	TTCTTTACTT	TCATTTTGT	TCTTTTAAAT	222
CTGTCTAGTT	GTAAGTCTAA	TATGATGCAT	TTTAAGATGG	AGTCCCTCCC	TCCTACTTCC	2280
CTCACTCCCT	TTCTCCTTTG	CTTATTTTTT	CTACCTTCCC	TTCCCTCTGT	CTCCCCACTC	2340
CCTCCCTCTT	TGTTTTCTTC	CTTCCTTATT	TCCTTTAGTT	TCCTTCCTTA	GGCGTTTTTA	2400
GTGCTGGGAA	TCAATGCTG	TTTCACTCAA	AAGTGTTCGA	TGCAAAACCT	TCTCTTTATT	2460
CTGCATTAT	TGTGATTTTT	GGAAACAGGT	ATCAACCTTC	ACAGGTTCGG	TGCAACAAGT	2520
GTTTCTCTAC	AGATGTCCAA	TTTATTTGCA	TTTTTAAACA	TTAGCCTATG	ATAGTAATTT	2580
AATGTAGART	GAAGATATTA	AAACCAGAAG	CAAATTATTT	GAAGCCTCT	AATTTGTGGT	2640
ADGATATTGG	CTTATTSTGA	CTTTGGCAKG	TAITTTTGT	AGCAAAATGC	TGTAAGATTT	2700
ATACCAITGA	TCTTTTTTGC	TATATTTSTA	TACAGTACAG	TAAACCAART	TGGCCTGTGA	2760
CATCTAARAA	TATTACAGTA	GAATCTGAGT	GTAATATGTG	TAACCAART	GAGAAAGAAT	2820
ACAAGAAATG	TTTCTGGAGC	TAGTTATGTG	TCACAATTTT	GTAGAATCTT	ACAGCATCTT	2880
TGATAAACTT	CTCAGTGAAA	ATGTTGGCTA	GGCAAGTTCA	GTAAAAACAT	AGTACAAATG	2940
TTTATCCTGG	CATCTCTAAG	TACACATTTA	ATTGCACAGA	AAATTTACAG	TGTAACATTG	3000
CCTCAACATT	TGCAGATTGA	CTGCATATGA	CCTTAATCTT	TGTGCAGCCT	GAAGGATCAG	3060
TGTAGTAATG	CCAGGAAAGT	GCTTTTTTACC	TAAGACTTCC	TTCTCAGCTT	CTCCCATAAA	3120
CAGACCCCTAA	TATGCATTTT	GATTTGTAAAT	TGGAAATSTA	ACTTTCCCTG	AAAGTGTGAT	3180
GTGATGTTTT	CATTACTTTT	AACTGCTATG	TATAAAGGAA	AGTGTGTCTT	TTGACTTCAT	3240
CAGTTATTTG	TCTTGCGCCC	ACAGAAAAAT	GCATTAAAAA	TGACTAAAAA	AAATAAAAAA	3300
TTAAAAAATG	GAAAAAATAA	AAAAAATAAA	AAAA			3334

Name: 311      Len: 1701      Check: 1755

GGAAACAAAG	CTGGAGCTCC	ACCGCGGTGG	CGGCGCTCT	AGAACTAGTG	GATCCCCCGG	60
GCTGCAGGAA	TTCCGGCACGA	GCAGAAGAGG	GGGCTAGCTA	GCTGTCTCTG	CGGACCAGGG	120
GAGACCCCGC	GCCCCCCCCG	TGTGAGGCGG	CCTCACAGGG	CCGGGTGGGC	TGGCGAGCCG	180
ACGGGGCGGC	GGAGGAGGCT	GTGAGGAGTG	TGTGGAACAG	GACCCGGGAC	AGAGGAACCA	240
TGGCTCCGCA	GAACCTGAGC	ACCTTTTGGC	TCTGCTGCT	ATACCTCATC	GGGGCGGTGA	300
TTGGCGGACG	AGATTTCTAT	AAGATCTTGG	GGGTGCTCTG	AAGTGCCTCT	ATAAAGGATA	360
TTAAAAAGGC	CTATAGGAAA	CTAGCCCTGC	AGCTTCATCC	CGACCGGAAC	CCTGATGATC	420
CACAAAGGCA	GSAGAAATTC	CAGGATCTGG	GTGCTGCTTA	TGAGGTCTTG	TCAGATAGTG	480
AGAAACGGAA	ACAGTACGAT	ACTTATGGTG	AAGAAGGATT	AAAAGATGGT	CATCAGAGCT	540
CCCATGGAGA	CATTTTTTCA	CACTTCTTTG	GGGATTTTGG	TTTCATGTTT	GGAGGAACCC	600
CTGCTCAGCA	AGACAGAAAT	ATTCCAAGAG	GAAGTGATAT	TATTGTAGAT	CTAGAAGTCA	660
CTTTGGAAGA	AGTATATGCA	GGAAATTTTG	TGGAAGTAGT	TAGAAACAAA	CCTGTGGCAA	720
GGCAGGCTCC	TGGCAAACGG	AAGTGCAATT	GTCGGCAAGA	GATGCGGACC	ACCCAGCTGG	780
GGCCTGGGGC	CTTCCAAATG	ACCCAGGAGG	TGGTCTGCGA	CGAATGCTCT	AATGTCAAAC	840
TAGTGAATGA	AGAACGAACG	CTGGAAGTAG	AAATAGAGCC	TGGGGTGAGA	GACGGCATGG	900
AGTACCCCTT	TATTGGAGAA	GGTGAGCCTC	ACGTGGATGG	GGAGCCTGGA	GATTTACGGT	960
TCCGAATCAA	AGTTGTCAAG	CACCCAATAT	TTGAAAGGAG	AGGAGATGAT	TTGTACACAA	1020
ATGTGACAAT	CTCATTAGTT	GAGTCACTGG	TTGGCTTTGA	GATGGATATT	ACTCACTTGG	1080
ATGGTCACAA	GGTACATATT	TCCCGGGATA	AGATCACCAG	GCCAGGAGCG	AAGCTATGGA	1140
AGAAAGGGGA	ASGGCTCCCC	AACTTTTGACA	ACAACAATAT	CAAGGGCTCT	TTGATAATCA	1200
CTTTTGATGT	GGATTTTCCA	AAAGAACAGT	TAACAGAGGA	AGCGAGAGAA	GGTATCAAAC	1260
AGCTACTGAA	ACAAGGGTCA	GTGCAGAAGG	TATACAATGG	ACTGCAAGGA	TATTGAGAGT	1320
GAATAAATTT	GGACTTTGTT	TAAAATAAGT	GAATAAGCGA	TATTTATTAT	CTGCAAGGTT	1380
TTTTTGSTG	TSTTTTTGTT	TTTATTTTCA	ATATGCAAGT	TAGGCTTAAT	TTTTTTATCT	1440
AATGATCATC	ATGAAATGAA	TAAGAGGGCT	TAAGAATTTG	TCCATTTGCA	TTCGGAAAAG	1500
AATGACCAGC	AAAAGGTTTA	CTAATACGTC	TCCCTTTGGG	GATTTAATGT	CTGGTGCTGC	1560
CGCTGAGTT	TCAAGAATTA	AAGCTGCAAG	AGGACTCCAG	GAGCAAAAGA	AACACAATAT	1620
AGAGGTTTGG	AGTTGTTAGC	AATTTCAATC	AAAATGCCAA	CTGGAGAAAT	CTGTTTTTTAA	1680
ATACATTTTG	TTGTTATTTT	T				1701

Name: 313      Len: 5956      Check: 1313

GGGGAGAAAC	CTTCTTTGTC	TGGGATTCCA	ACCAGCTCTG	TCCTTAGCTT	GTCTCTGCTT	60
AGCAGTSTTG	CCCAAAGTAA	TTTTCCACAA	GGTTCTGGTG	CTTCCGAAAT	GGTTTCTAAT	120
CAGCCTGCTA	ATTTGCTGGT	TCAACCAACCA	TCCAGCCAG	TTCCAGAGAA	CTTGGTTCCA	180
GAAGTCAAAA	AGGATCGTAA	GGCAGGAAGT	GCTCTTCCCG	GATTTGCTAA	TAGCCCTGCT	240
GGAGGCAAAA	GTGTGGTGT	AGTTCCACCT	GCACACGGCA	CCCTGGTGCC	TGATGGTAAT	300
AAGGCAAAAC	ATTCCAGTCA	TCAGGAAGAC	ACTTACGGAG	CCCTAGATTT	TGCCTTAAGC	360
AGGACTTTGG	AAAATCCTGT	AAACGTGTAC	AACCGTTCOC	ATTCTGACAG	CCTCGCTTCT	420
CAGCAAAAGTG	TTGCCAGTCA	TCCAGACAA	TCTGGGCTTG	GGGGGCTTAA	CCTTGACCGT	480
TTTTATCAGC	AGGTCAAGAA	AGATGCCCG	GGCCAGCTTG	GGCTCGAAAG	AGCCCAGCAG	540
GAGCTGGGCG	CACCCAGCAG	ACAGGCTTCT	CCCCACAAC	TACCCAAAGC	CATGTTTTCG	600
GAGCTGTCAA	ATCCAGAAAG	TCTGCCCGCA	CAGGACAGG	CCCAGAACTC	AGCACAGTCA	660
CCAGCAAGTC	TGTTCTGGT	CGACGCGGGT	CAGCAGCTGC	CCCTCGGGCC	TCCTCAGTCC	720

TCTAGCGTGT	CTCTGGTGT	CAGTGGTTC	GGCAGGCG	CTCTGGTGT	AGAGCAGCG	731
TGBCDADA	CAGTGGTGT	ACTTGGTGT	GGCAGGCG	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	841
TACTACTA	GGCAGGCG	CGATGGTGT	CAGTGGTGT	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	901
GAGCCTGG	CAGCCTGG	CTATTAGC	GATGTCTA	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	961
AGGCGCTAT	ATGGTGTGT	GTCTGGTGT	GGCAGGCG	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	1021
CGGCGCGAG	CGGCGCGAG	CGACTGGT	GAACTGGC	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	1081
GAAGGATACT	ATAGTTGCA	AAGTGGAT	AGCAGTCA	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	1141
TACTCCAG	ASTACGATTA	TGAGATCA	GGTACTGG	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	1201
AGASTCAG	AGCGCGCG	CTATGAGT	AGCTATTG	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	1261
TACAGCAAG	AGCACTCTG	CTTGGGCG	AGCTGGAG	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	1321
TACGATCTC	GCTTCAAG	GATTTTGA	GATBACCG	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	1381
GGGGAAGAG	TGGAGCGG	CAGCGTCC	AGCAGCACT	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	1441
GCACACAG	TGGCAGCG	CAGCAGCA	CTCAGCTCC	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	1501
TACAGAAG	ACAATGTGG	TGCGGTTC	TACGAGGCG	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	1561
CACGGCGAT	TTGCTACGG	CACCTACCG	AGCAATTTCA	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	1621
GAGTATGG	ACCCTGCCG	CACCGTCTG	CTCTGGTGT	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	1681
ACTTCTCTG	AAAAATTTT	AGTGGCTCT	CTCTGGTGT	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	1741
CTTATCAAA	TGATTTCCAA	TCTGGCTTT	GAACTGAG	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	1801
AGCATGGAG	CCTTGCTGCA	CCATAGCTT	GATGTGATTA	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	1861
CCCCTGCGG	AAGACGAC	CCATAAGCT	GATGTGATTA	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	1921
ATGAATGTT	TGCAGAAAT	AAACTTAAT	GACAAAGAG	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	1981
TTTATTGTT	TCTTATGCA	ACAAATGG	ACCCTGGT	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	2041
CTGTTACGA	ACCACAGAA	AGTGTGGCT	CTCTGGTGT	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	2101
ATTGATTTA	CGAATGAGG	AGTGGAGCA	GTGGAAGAG	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	2161
CTCTCTTTT	TCACTGGTG	TCCGGCGGT	GGCAGGCG	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	2221
AGGTTACGG	AGCTGTTGT	GTATGGCGT	AAGAAGGAT	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	2281
AATGGCCTG	GGGGTCACG	TCTGCTACT	GCAAGTAAG	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	2341
CGAGTCATG	CCAGGTTTG	TAACAGCGT	CCAATCAAC	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	2401
CAGCTCATG	CCGAGCGAT	GCCTGCCGG	TCCAGTGT	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	2461
GATTGGAGG	CGCACTCGC	CATGGTCTT	TCCAACCTG	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	2521
TCCAGGAGG	TGGCTACCA	GGGCGACAT	CTGGCTTCA	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	2581
CACCTCTGT	ACCTCATGG	CCAGGCGGG	TTTGGTGT	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	2641
CTTGCTTAA	TGGATCCAA	TCACAGTTG	CCATTCTTA	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	2701
ATCCAGAGG	CGGAAGCCT	TGAGTACGC	CAGTCCCTG	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	2761
CCTAGTTTC	AGGTGTTTA	GTTCATCTA	TCCTGCCCG	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	2821
ACGCAAGCT	TCCACTACT	TGAGGCCAT	GCGAAGAGC	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	2881
TATTCCCCG	TGTTGATCA	CCAGCTTGT	CAGATGGCT	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	2941
CCCCAGCTG	AAGAGAAGC	AGAAGAGG	TCCCTGGCG	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	3001
CTGCAGCAG	TGGAGCGGC	GATTAAGG	GGGGCTGG	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	3061
CTCCCGCAG	AGTGTCTGT	CACCTCCAG	TCCGAGATG	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	3121
CTCAGTCAG	CAGGAGCCCT	GGGGATCGC	AACCTCTGT	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	3181
CCTGAGCACT	CGAGCCCGG	CTTGGCGGT	CTGGCCTCA	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	3241
GGCCCATTT	CCAGTCTGT	CAGAGTGGC	ATGTTCCCG	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	3301
CTGGAGCGG	GTCTTGGCT	TGTGACCC	GGGCTGCA	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	3361
GGGCTGGG	TCCAGCTGT	TGTGACCC	CTGAGGAAA	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	3421
GCCAGGAGG	CAGAGCCAG	GATAGTGG	CAGGAGCG	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	3481
GAGCTAAGT	AAGAAAATTT	TGATGGAAAA	TTTGTAAAT	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	3541
CTAGACTGG	AGGCGCGCG	AGGCTGGAT	CTGCTCGAT	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	3601
CTGTCTCTT	CACCGCTCT	CGAAACAAA	AGAGCTGG	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	3661
AAGGAACCT	AGAAGGGTGA	ATCTTGTTC	TTTGTGTT	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	3721
GAAGCTTAT	TGCGAGATGA	CAAGAACAAA	TGATTTGTT	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	3781
TGGGTGAAT	TAAATGAGC	AGAAGAGG	AAGAAAGCG	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	3841
ATGCCCAAG	CTGTGCAAG	TGCTGGGCT	GCCCTCCCG	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	3901
AACATGTAT	CTAGAAGAG	AGCAGGAAG	AGAGCTGG	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	3961
AGCGGAGAG	AGCGGAGAG	GCTGGCTCT	GCTCTGGG	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	4021
CCACTGCCA	TTCTTCTAA	CTTCTTCTG	CCAACTCCG	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	4081
CCAGAGGGA	CTGGCAGGGA	AGGCTCTGA	GCAGCTAGG	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	4141
GGCCAGAGG	CCAAGGCTTC	TGGGAGCTC	CCTCTGCA	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	4201
ATGCCCTTT	ACAACCTCT	TCAGCTGGC	CAGGCTGG	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	4261
CTAGGGAGG	TTGGCCAGG	GAAGCAGCT	GTCTGAACT	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	4321
TTGCACTTG	AGCCCTGAG	CTCTCTTCT	CCCGAAGAA	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	4381
TCCGTCCCG	CCCCAGGGG	ACACAGCAG	GACTCAGAG	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	4441
CTCCTCAGG	CCCATCGTAA	TGAATTATTT	TGAAAATTAA	CTCTGGTGT	GGCAGGCG	4501

CTGATGAGAA AGACTGAATC TTTGACTCAG AATTGTTTSC CGAAAGAAAT CATGTGACTT 4560  
 TCTTAGTCAT TTAGGATSAT TTAA GATAT AGTATTCTTG GTCAATTTAAG AATGTTCATT 4620  
 CATTTAAGCC GGAGCTGTCT CTGACACGGG AGAGCCACAT GGTCCGGTACT AACGAGGGCC 4680  
 TCTCCAAAGCC CAGCTGTGAG TCACTGCCCA GTGAGTCCCG CCGTTCTTTT AAGGTGCTGG 4740  
 GAGCAAAGAG AGGTGACTG AGGCAGACCC CAATCCCTGC TGTGCACCAT CTGGGGCCCTC 4800  
 GCGTGTCTTG AACTGTGGCTG AATGAGTGGG GGGCGCTGTG TTCTCAATCA CGCTCTCCGA 4860  
 GGAGTGTCTG GGTTCCTTGG SCATTAGTTC AGGTTTTTTG AGAGAGGGCC TACTTACTGC 4920  
 AGTGAATCTG TTTCTGTGTG CAGAGACGCT TCCAGCTCCA CTTTACTTTG TGTGCTGCA 4980  
 TGAGACCAT GGTGATTTT GTTACCCAA AGGCTGTGGG ACTGTCCACT GTGTGGCCCA 5040  
 GTCACTGGGA AGGAGCCCA GAGAGCCGGC TGTGTGACAT GATGCTCAJ GGTGTCTATC 5100  
 CAGCTTGAA ACTGACCTG TGATGTTTGA TTTGGCTTC ATTTGTGTG TAGGAGCACG 5160  
 GTTAGACTCA CTGTAAAGGA AGCTGGATGC ACTTCTCTAA AAGGTGTGAG TTTCCGTGAG 5220  
 CACTTTTCTG GGTACAATCC ACATGACCCA CTTTCTCCCC TGGGGGAGCT TGGTTCAGAG 5280  
 GTTGCTAGCA CTTGGGGGAGA GTATCTTAAC ACAGTTTCTT GACAGCAGCT CTGGAACCTA 5340  
 GTATTTCTGC CCGGAGTTTT GGCACACTGA GACTTTGAGT AGCTCTGTGT GCACTCAACC 5400  
 CTGTTCACCT CAGAGACGGG CCTCCTCTCA CTGATGCAAA GCTTTAAGGC TTCTCTGACT 5460  
 GTTCTGAAAC TCTTGTATT CTTGTCAAGT CTAAGAGAGC TGAAGAAAAG ATTTAAATAC 5520  
 TAATAAAT TACTAGATAA TTTCTGTAGG TTCTGTGGA GGAATACAA CTSTTTGTGT 5580  
 TTTTAAATTT AAGTGTAGAA ATTGTAGAAT GTGGAATTAG CACAGATCT TCTGTGCTTT 5640  
 CTGTTTCACT TATCATTTA GCCCAGACCA CCCAGGATGT TTTCCAAAT GTTCCACAGG 5700  
 CGTGTCCCGC TGGATCCATT TGTCTTGTG ACTTGGAGAA AGGCCAGTCC CTGTGACGGG 5760  
 GCAGCCCTCT CTGTCCCTCG GTGAGCTCGT GTGAATCCTG GGACCTCTTC CGGTGCGCTC 5820  
 TGCCCGCTGT TCTGGGGTGG ACTGCCACGA CTTTTGATTC AAGAAGCTTC CTCCAGGGCG 5880  
 GAGCGCTAT TTTTCTAAA TGAGAATTGT TACATTGCAA ATTGTTGAAT AAAATATTTT 5940  
 GCGCTCTTC AAGCAC

Name: 314 Len: 4073 Check: 1BED  
 GCTGGGCACT GGCATGCTG GGATGTGCTG CTGCTGTGGC TGCTGCCCGC TGTGSCCCAA 60  
 CCTAGAGCAG GGTCACTTC GAGAGAGGAC CCGGAAAG GAGAAGATGA AGGAAGCCAA 120  
 GGATGCCCGT TATACCAATG GGCACCTCTT CACCACCATT TCAGTTTCAG GCATGACCAT 130  
 GTGCTATGCC TGTAAACAAGA GCATCACAGC CAAGGAAGCC CTCATCTGCC CAACCTGCAA 240  
 TGTGACTATC CACAACCGCT GTAAAGACAC CCTCGCCAAAC TGTACCAAGG TCAAGCAGAA 300  
 GCAACAGAA GCGGCCCTGC TGAAGAACAA CACCGCCTTG CAGTCCGTTT CTCTTCGAG 360  
 TAAGACAACC ATCCGGGAGC GGCCAAGCTC GGCCATCTAC CCTCCGACA GCTTCCGGCA 420  
 GTCCCTCCTG GGCTCCCGCC GTGGCCGCTC CTCCTTGTCT TTAGCCAAGA GTGTTTCTAC 480  
 CACCAACATT GCTGGACATT TCAATGATGA GTCTCCCTG GGGCTGCGCC GGATCCTCTC 540  
 ACAGTCCACA GACTCCCTCA ACATGCGGAA CCGAACCTTA TCCGTGGAAT CCTCATTGA 600  
 CGAAGCAGAG GTAATCTACA GTGAGCTGAT GAGTGACTTT GAGATGGATG AGAAGGACTT 660  
 TGCAGCTGAC TCTTGGAGTC TTGCTGTGGA CAGCAGCTTC CTGCAGCAGC ATAAAAAGSA 720  
 GGTGATGAAG CAGCAAGATG TCATCTATGA GCTAATCCAG ACAGAGCTGC ACCATGTGAG 780  
 GACACTGAAG ATCATGACCC GCCTCTTCCG CACGGGGATG CTGGAAGAGC TACACTTGA 840  
 GCCAGGAGTG GTCCAGGGCC TGTTCCTCTG CGTGGACGAG CTCAGTGACA TCCATACAG 900  
 CTTCTCAGC CAGCTATTAG AACGCCGACG CCAGGCCCTG TGCCCTGGCA GTACCCGGAA 960  
 CTTTGTCTAT CATGCTTGG GTGATCTGCT CAGCAGCCAG TTCTCAGGTC CTAGTGCGGA 1020  
 BCAGATGTGT AAGACCTACT CGGAGTTCTG CAGCCGCCAC AGCAAGGCTT TAAAGCTCTA 1080  
 TAAGGAGCTG TACGCCGAG ACAACGCTT CCAGCAATTC ATCCGGAAG TACCCGCCC 1140  
 CGCCGTGCTG AAGCGGCACG GGTACAGGA GTGCATCTG CTGCTGACTC AGCGCATCAC 1200  
 CAAGTACCCG TACTCATCA GCGCATCTT GCAGCATTC CAAGGGATCG AGGAGGAGCG 1260  
 CCAGGACCTG ACCACAGCAC TGGGGCTAGT GAAGGAGCTG CTGTCCAATG TGGACGAGGG 1320  
 TATTTATCAG CTGGAGAAAG GGGCCCGTCT GCAGGAGATC TACAACCCGA TGGACCCCTG 1380  
 GGGGAAAC CAGTTCCTG GCAAGGGGCC CTTTGGCCGA GAGGAACTTC TGAGGCCGAA 1440  
 ACTCATCAC CATGTGTGCC TGTCTGGAA GACAGCGACG GGCGGCTTCA AGATGTGTT 1500  
 AGTGTGCTG ATGACAGATG TACTGGGTGT TCTCAGGAA AAGGACGAGA AGTACATCTT 1560  
 TCTTACCTG TACAAGCCTT CAGTGTATC GCTGCAGAA CTAACTCTAC GAGACATCTC 1620  
 CAAGCAGGAG AAGGGGATGT TTCTGATCAG CGCAGCCCCA CCTGAGATGT ACGAGGTGCA 1680  
 CACAGCATCT CCGGATGACC GAGCACCTG GATCCGGGTC ATTACAGAGA GCGTGCCTAC 1740  
 ATGCCCATCT AGGGAGGACT TCCCTCTGAT TGAGACAGAG GATGAGGCTT AACTGCGGGC 1800  
 AATTAAGATG GAGTGTGAGC AGAAGGACCG GGCAGTGGTG GAGCTGTGCT GAGAGAAGGT 1860  
 CGGGCTGTTT GCTGAGATGA CCTATTTTCA GGGGGAAGAG GATGGTGGCA GTGGGATGCG 1920  
 CCTGCCACG CTGCCAGGG GCTTTTTTGG CTGTGAGTCC CTTGAGTCCC CTCTGGGGA 1980  
 GGGGCTGCTG CAGGATGCTA TCCCTGAGGT GGAGGGTCTG AAAGACCTGC TGTGGGGCC 2040  
 AGGAGTGGAA TTGCTCTTGA CACCCGAGA GCCAGTCTG CCTTTGGAAC CAGACAGCGG 2100  
 TGGTAACAGC ACTCTTGGG TCACTGCCAA TGGTGAGGCC AGAACCTTCA ATGCTCTCAT 2160  
 TGAACCTGCT AGAGCTGACT CAGACTCTAG CCAGAGGGAT CGAAATGGAA ATCAGCTGAG 2220

ATACGCGGAA	GAGGAGGGCT	TACAGCGATT	GGTCAATCTC	TATGGACTTC	TACATGGGCT	2280
ACAGGCGAGT	GTGCGCCAGC	AGGACAATCT	GATGGGAAGC	CAGTTCCCTG	AGGGCCCTGA	2340
GCGCGGGGAG	AAGCTGTGDC	GAGCGAACTC	TGGGATGGG	GAGGCTGGCA	GGGCTGGGGC	2400
TGCGCTGTG	GCCCTGAAA	AGCAGGGCAC	GGAATGGCA	TACTGGAGC	GGCAACATGC	2460
GCTGCTGCAG	GAGGAGCTAC	GGGCTGCGG	GCGGCTAGGT	GAAGAAGCGG	CAACCGAAGC	2520
TGGCAGGCTG	GAGGCCCGGC	TCCGGGAGAG	TGAGCAGGCG	CGGGCACTGC	TGGAGCCTGA	2580
GGTCBAAGAG	GCTCGAAGGC	AGCTGGCGGC	CCTGGGCCAG	AOCGAGCCAC	TCCAGCTGA	2640
GGCTCCCTGG	GGCCGAGAG	CTGTGGATCC	TGGCGCGCGC	AGCTTCCCTG	CAGGCGATGC	2700
CCTGTACTTG	AGTTTCAAGC	CCCGACAGCC	CAGCGAGGC	ACTGACCGCC	TGGATCTAAC	2760
TCTCACTACT	CGCTGTGTCC	ATCGAAACTT	TGAGGACCGA	GAGAGGCAAG	AACTGGGAG	2820
CGCTGAGAG	CGGCTGCAAG	ACAGCACTGA	CCCTGACACT	GCGAGCGAGG	AGGAAGCTAG	2880
CAGCGCTCTG	TCTCGGCCCC	ACAGTCCAGC	AGACTTTAAC	AGAATGCAGG	ACATCCCGGA	2940
GGAGACGGAG	AGCCGCGAGC	GGGAGGCTGT	AGCTTCCGAG	AGCTAAGGGG	GCCCTCCCGC	3000
CCTGGCCCGT	GCCCCACTGA	AGAACATTAC	TGAGGGGGCT	AACCTTGGGG	ACTCCAATTT	3060
GCCPATGATG	AGGGAACATT	TGAAAGAACT	GCAATTGTCT	CTTGCCAGCT	CTTGGGATCC	3120
TTGGATACCT	GGGGCCATTT	AAGAAGCTAG	GGGAATTAGG	CCACAACACC	CCCTGGGACA	3180
TCCGAAAGCT	ACACCACAGA	TGCCAGTGGT	TCATGCCTTC	TTCCCGCAAC	TTTAGGAAAA	3240
TTTATTTAAT	TATTTSTTAT	TAGTTATGGG	GGGAGAGGG	AGATTTAAAG	GACGAGGAGC	3300
ATGGGAACCA	AGCCATAGGG	ATCAGAGGGC	CTTGTCTTGG	AACACTACTG	GGGTATATTC	3360
AGGCTCATCC	ACGCAGCTGC	TGGGTTCTTG	CCCTAACGGC	CCTCCCTTGC	AACATCCGTC	3420
TGGGAGGAGA	GGCTGCAGCC	ACAGCACCCCT	ACTGCCCTTT	AAATAAAGGA	GGGCTGTGGG	3480
CAGGGCCATG	TCCCTTTCTC	CTCTCCCTTC	AACCTCTTAC	TGCTGTTCTC	CCTTTCTCCG	3540
TCCTTCATGG	AAGCCCTGGG	AGATAACCTG	GCTTCCTGGA	GTTGATGGAA	TAAAGGTTGG	3600
GGTGGCCATA	ATGGTTTGTG	GGGGGTGAGG	GAAGAAACCC	ACAGGGACCA	GAATGTTTGG	3660
TTGTTCTTTT	GTTTTCTTTT	TTGTACCAAA	GTCAACTGCA	CGTGTTTTAT	ATTTTTAAGA	3720
GATCGTAGGC	AATTAGAGAT	CGAAGCCTCC	TATCTCCACA	TCTCTGAAGA	AGTTGAGGGG	3780
TGGGGGAGAG	AATGACTTCT	GCCTTCATCT	GCAGTAACGG	GGGGACCTAT	ACTGACCTCT	3840
TCCCCAGCCA	TTTAGAAACA	AGTTCTAGGG	TGGGTTGGAA	AATCTCCAAG	AGCCCTGACC	3900
TCATCTTCCA	CCTCAGCAAC	CATGACCTGA	AACCTCAGCG	TGAATTTGGG	GGATTTTTCA	3960
GTGGAACCCCT	TGCCCCCAAA	TGTCGACCAG	CCCCCAAATG	TCCAAGAATT	TTCTTCTTGC	4020
CAATTTTGTT	GTTTAAAAAA	AAAATTCAGG	GAAAATTAAA	AACCTGGAAC	TCC	4073

Name: 315

Len: 6948

Check:

E69

GGGGCTGAAA	GACACACAGA	AGTCTTCATG	GATATAGTTG	ATACATTTAA	TCATTTAATT	60
CCTACTGAAC	ACTTAGATGA	TGCCCTATTT	CTAGGATCCA	ACCTGGAGAA	TGAAGTCTGT	120
GAGGATTTTA	GTGCAAGTCA	AAATGTCTTA	GAGGACTCGC	TGAAGAACAT	GCTCAGCGAT	180
AAGGATCCTA	TGCTAGGATC	TGCAAGTAAC	CAGTTCTGTT	TGCCTGTTTT	GGATAGCAAT	240
GATCCCAATT	TCCAGATGCC	TTGTTCAACA	GTTGTTGGTC	TTGACGATAT	TATGGATGAA	300
GGAGTTGTTA	AAGAAAGTGG	CAATGATAAC	ATTGATGAAG	AAGAAGTAT	TTTACCTAAC	360
AGGAACTTAA	GGGACAAGGT	AGAAGAAAAAT	TCAGTGAGAT	CTCCAAGAAA	ATCACCTCGT	420
TTAATGGCAC	AAGAACAAGT	AAGAAGTTTG	CGACAGAGCA	CTATTGCCAA	GCGTTCAAAAT	480
GCAGCACCAT	TAAGTAACAC	AAAAAAAGCA	TCTGGGAAGA	CTGTATCTAC	TGCTAAAGCA	540
GGAGTGAAAC	AACCAGAAAG	GAGTCAGGTT	AAAGAAAGAA	TATGTATGTC	ACTGAAACCT	600
GAGTACCATA	AGGAGAATAG	AAGGTGCAGC	CGAATATAGC	GACAAATTGA	AGTGGTACCT	660
GAASTATCAG	TGTCTTCAAG	TCATTCTTCA	GTGTCATCTT	GTCTTGAAAT	GAAGGATGAA	720
GATGGATTAG	ATTCTAAGCA	TAAGTGTAAT	AATCCGGGAG	AAATAGATGT	GCCATCTCAT	780
GAATTTAATT	GTTCACTTCT	TTCAGAGACT	TGTGTTACTA	TTGGAGAAAA	GAAAAATGAA	840
GCTTTGATGG	AATGTAAAGC	CAAGCCTGTT	GSTAGTCCAT	TGTTTAAGTT	TTCAGATAAA	900
GAAAGAACATG	AACAAAATGA	TTCCATTTCA	GGTAAACCGG	GTGAGACTGT	TGTTGAAGAA	960
ATGATAGCAA	CAAGAAAAGT	TGAACAAGAT	TCAAAGGAGA	CAGTAAATTT	ATCCCATGAA	1020
GATGACCATA	TTCTTGAGGA	CGCTGGATCT	TCTGATATTT	CTAGTGATGC	TGCTTGTACA	1080
AATCCAAATA	AGACAGAAAA	CAGCCTTGTA	GTTTGTGCTA	GTTGTGTAGA	TGAAGTGAAT	1140
GAAATGTAATT	TGGAATTGAA	GGATAACCATG	GCTATTGCTG	ATAAAACTGA	GAACACCCCT	1200
GAAAGAAATA	AAATTGAACC	GTTGGGTTAT	TGTGAAGATG	CGGAGTCTAA	TAGGCACTTG	1260
GAGAGCACTG	AGTTTAATAA	ATCAAACTTA	GAGTGTGTTG	ATACTAGTAC	TTTTGGAACG	1320
GAAAGTAATA	TCTTGGAATA	TGCTATTGTT	GATGTGCTG	ACCAAAATTC	AAAAACSTTG	1380
AATGCTATAG	AAAGTACTAA	AATAGAGTCC	CATGAAACAG	CAAACTTCA	GGATGACAGA	1440
AACAGCCAGT	CAAGTAGCCT	TTCTTACTTA	GAGTCAAAAA	GTGTAAAAATC	CAACATACA	1500
AAACCTGTAA	TTCATTCTAA	GCAAAACATG	ACCACAGATG	CTCCGAAGAA	AATTGTTGCA	1560
GCAAGGTATG	AAGTAATACA	TAGCAAAACT	AAAGTTAATG	TCAAAAGTGT	GAAACGAAAT	1620
ACTGATGTAC	CAGAAATCTCA	GCAAAATTTT	CATAGGCCAG	TCAAAAGTGT	AAAAAACCAA	1680
ATGATAAAGG	AGCCAAAGAT	TCAGAGTTGC	AATTCTGGGG	TTAAATCTGT	GAAAAACCAA	1740
GCTCATTCTG	TACTGAAAAA	AACATTACAG	GATCAAACTT	TAGTACAAAT	TTTCAAGGCC	1800
TTAACTCATT	CTTTGAGTGA	TAAGTCACAC	GCTCATCTCT	GTTGCTTGAA	AGAACCCTCAT	1860



CATTTTGGAA	AAACTGGAACA	TGATGAAAT	TGTAGGAGA	AAGAGGTTA	TAAAGGCTCAG	1920
CAAGAGGCCC	CAGCAATGAA	AACCAATAAT	CAGGTGAGG	AAGAGGTTA	ACACCCAGGC	1960
GTTGAGGATT	TTAAGGAAGA	GGATAAACTG	AAACTGAAAA	AACCTGAGAA	GAACCTACAA	2040
CCCCGCCAAA	GAAGAAGCAG	CAAAAGTTTT	TCTTTAGATG	AGCCACCAAT	GTTCAATTCCA	2100
GATAACATAG	CTACCATAAG	AAGAGAAGGC	TCTGATCATA	GCTCTTCATT	TGAAAGCAAA	2160
TATATGTGGA	CTCCCAGCAA	GCAGTGTGGG	TTTTGCAAAA	AACCAATGGG	CAACAGGTTT	2220
ATGGTGGGCT	GTGGAGATG	TGATGACTGG	TTTCATGGTG	ATTGTGTTGG	GTTAAGTCTT	2280
TCTCAAGGAC	AGTATATGGG	CGAGGAAGAC	AAAGAATATG	TCTGTGTAAA	ATGTTGTGCT	2340
GAAAGAGACA	AAAAAGATGA	AATACTATAT	CCAGATACTT	TGAAAGACAA	AGCTACAGTT	2400
GAATTCGATA	GTGGAGATAA	AACAATGAGG	TGTGAAAAGC	TTGGATTATC	AAAACACACA	2460
ACAAATGATA	GAACCAATA	TATAGATGAT	ACAGTGAAGC	ACAAGGTCAG	AATTTTAAAA	2520
CGGGAGTCTG	GTGAAGGACG	AAATTCATCA	GACTGTAGAG	ATAATGAAAT	TAAAAAATGG	2580
CAGGTAGGTC	CTCTTCGTAA	GATGGGACAA	CCAGTTTTAC	CTCGGAGATC	CTCAGAAGAA	2640
AAAAGTGAAA	AAATACCGAA	AGAGTCTACA	ACTGTTAATT	GCACAGGAGA	AAAAGCTTCA	2700
AAACAGGTA	CTCATGAGAA	GCAAGAGATG	AAAAAGAAGA	AAGTTGAAAA	AGGAGTGTCT	2760
AATGTACATC	CTGCTGCTTC	TGCTTCCAAg	CGTTCTGCAG	ATCAGATCAG	GCAAGGTGTC	2820
AGCATTTCTC	TCAAAGACAT	TCTTATGAAG	AGACTTACAG	ACTCAAATTT	GAAGGTACCA	2880
GAGGAAAAAG	CAGCAAAAAT	TGCCACAAAA	ATTGAGAAAG	AGCTTTTCTC	TTTTTTTGGG	2940
GACACAGATG	CTAAATATAA	GAACAAATAT	AGAAGTTTGA	TGTTTAAATTT	GAAGATCTCT	3000
AAAAACAATA	TATTATTTAA	AAAAGTACTG	AAAGGAGAAg	TAACTCCTGA	TCATCTTATC	3060
AGAATGAGTC	CAGAAGAACT	AGCTTCTAAA	GAGTTAGCTG	CTTGGAGACG	AAGAGAAAAAC	3120
AGACATACCA	TAGAAATGAT	TGAGAAAGAG	CAGAGAGAAg	TGGAACGACG	GCCTATCACC	3180
AAAATAACTC	ATAAAGGTGA	AATAGAAATT	GAGAGTGATG	CCCCAATGAA	AGAACAGGAA	3240
GCAGGCATGG	AGATTCAAGG	ACCAGCCGCG	AATAAGTCAT	TGGAGAAAGC	AGAAGGATCT	3300
GAAAAACAAA	AAGAGGAGGT	TGACTCTATG	TCTAAAGATA	CCACTAGTCA	ACACAGACAG	3360
CATCTTTTTC	ATCTCAACTG	CAAAATCTCC	ATAGGTGAA	TGGCACCAAC	TGTAGATGAT	3420
CTTCTCTCAA	AAAAAGTAAA	AGTTGTTGTA	GGAGTAGCTC	GCAAAACATTC	AGACAATGAA	3480
GCAGAAAGTA	TAGCAGATGC	ATTATCTTCA	ACCTCAAATA	TTTTGGCTTC	TGAATTCTTT	3540
GAGGAGGAGA	AACAGGAGTC	TCCAAAGTCA	ACSTTCTCTC	CTGCTCCAAG	TCCAGAGATG	3600
CCTGGAACTG	TTGAAGTTGA	GTCTACCTTT	CTGGCTCGAT	TGAACCTCAT	CTGGAAAGGT	3660
TTTATCAACA	TGCCTTCTGT	GGCAAAATTT	GTTACCAAAg	CCTATCCAAT	ATCTGGCTCC	3720
CCAGAAATAC	TGACAGAGGA	CCTACCAGAT	AGTATTCAAG	TAGGTGGCAG	GATATCACCT	3780
CAGACAGTTT	GGGATTATGT	GGAAAAATA	AAAGCATCAG	GAACCAAGGA	AATTTGTGTG	3840
GTTGGCTTCA	CACCAGTAAC	TGAAGAAGAT	CAAAATTTCT	ATACTTTGCT	CTTTGCATAC	3900
TTCACTAGCA	GAAAGCGCTA	TGGAGTAGCT	GCTAACAAAC	TGAAGCAGGT	TAAAGATATG	3960
TACCTTATTC	CTTTGGGTGC	CACAGATAAA	ATTCCACACC	CTCTTGTGCT	TTTTGATGGA	4020
CCTGGGCTTG	AACTGCATAG	ACCTAATCTA	TTGTTGGGCT	TAATTATTGG	TCAGAAACTG	4080
AAGGACAGGC	ACAGTGCCTG	TGCTAGTACT	AGTCATATAG	CTGAGACTCC	TGAAAGTGCA	4140
CCACCAATAG	CATTGGCCACC	TGATAAAAAA	AGTAAATAG	AAGTTTCTAC	AGAAGAAGCA	4200
CCAGAGGAAG	AAAATGACTT	TTTTAATTCT	TTTACAACCT	TATTACACAA	GCAGAGAAAT	4260
AAACCTCAGC	AGAATCTTCA	GGAAGACCTT	CCAACAGCAG	TTGAACCTTT	AATGGAAGTC	4320
ACCAAACAGG	AGCCACCAAA	ACCTTTAAGA	TTTCTTCTCT	GCGTGTGAT	TGGCTGGGAG	4380
AATCAACCTA	CTACTCTGGA	ATTAGCAAAAT	AAACCTCTTC	CTGTGGATGA	TATACTTCAA	4440
AGCCTTTTGG	GCACCACTGG	TCAAGTATAT	GACCAGGCC	AGTCAGTGAT	GGAACAAAAC	4500
ACTGTTAAAG	AAATTCGATT	TTTTAAATGAG	CAGACCAACT	CAAAAATAGA	GAAAAACAGAT	4560
AATGTGGAAG	TAACTGATGG	TGAAAACAAG	GAGATAAAAG	TTAAAGTAGA	TAATATTTCA	4620
GAATCTACAG	ATAAGTCAGC	AGAAATAGAA	ACATCAGTAG	TAGGCTCCTC	TTCCATTTCT	4680
GCAGGCTCTT	TGACGAGTCT	TAGTCTCAGA	GGTAAGCCAC	CAGATGTTTC	TACAGAAGCA	4740
TTTTTAACAA	ATTTATCAAT	TCAGTCAAAA	CAAGAGGAAA	CTGTGGAGAG	TAAAGAGAAA	4800
ACATTAAAAA	GACAGCTTCA	GGAAGATCAA	GAGAATAATT	TGCAAGATAA	CCAGACTTCA	4860
AATAGTTCTC	CATGCAGATC	TAATGTAGGA	AAAGGAAACA	TAGATGGTAA	TGTAGCTGAT	4920
AGTGAAGAAC	TTGTTGCTAA	TACAGGAGG	TCTCCACAGT	TTATCAACCT	GAAGAGGAT	4980
CCTAGGCAAG	CAGCAGGATG	AAGTCAGGCT	GTAACACTCT	CAGAAAACAA	AGATGAGAT	5040
AGTTGCTGGA	ATGGAGAAAA	ACACATGCTG	CCTGGCTCTT	CACACAACAA	GGAGCACTTA	5100
ACAGAACAAA	TCAATGTAGA	GGAAAAGTTG	TGTTCTGCAG	AGAAAAACTC	GTGTGTTTCA	5160
CAGAGTGACA	ATTTAAAAGT	TGCACAAAAC	TCACCATCAG	TAGAAAACAT	ACAGACTTCT	5220
CAAGCAGAAAC	AAGCAAAAAC	CTTACAGGAG	GATATTTTAA	TGCAAAATAT	TGAAACTGTG	5280
CACCCATTTC	GAAGAGGATC	AGCAGTAGCG	ACATCTCATT	TTGAAGTTGG	AAACACATGT	5340
CCATCAGAAT	TTCTTTCTAA	AAGCATCAC	TTTACTTCCA	GAAGCACCAG	CCCCAGAAAC	5400
AGTACAAACT	TTTCACCAT	GAGGCCACAG	CAGCCCAACC	TTCCAGCATCT	CAAGTCTAGC	5460
CCACCTGAT	TTCCATTTCC	AGGGCCTCCT	AATTTTCCCC	CACAAAACAT	GTTTGGATTT	5520
CCACCAACAT	TGCCACTCC	ATTACTTCCC	CCTCCAGGCT	TTGGCTTTGC	TCAAAATCCC	5580
ATGGTTCCCT	GGCCACCTGT	TGTTTATCTC	CCAGGTCAGC	CACAGGCTAT	GATGGGTCTT	5640

CTCTCAAAA CATCAAGGTA TATAGGCTT CAGAAATTTT ACCAGGTTAA AGACATTCGG 5720  
 AGGTCAGAAA GGGGCGCATAG TGACCCCTTGG GGTAGGCAAG ACCAACAGCA ACTGGATAGG 5740  
 CCAATTTAATA GGGGTAAAGG GGAACGCCAG AGATTTTATA GTCAATTCACA CCATTTGAAA 5800  
 AGAGAGCAGC ATGAAAAGGA ATGGGAGCAA GAATCTGAAA GGCATAGACG CAGAGACAGA 5820  
 AGCTAAGACA AGGACAGAGA CAGAAAAAGC AAGGAGGAAAG GGCACAAAGA TAAAGAGAGG 5840  
 GCAAGGTTAT CACATGGTGA TCGAGGAACA GATGGGAAAAG CARGCAGAGA TASTAGGAAT 6000  
 GTAACAAGA AGCCAGATAA AACTTAAAGT GAAGACTATG AGAAGGACAA AGAAGGAGAG 6020  
 AAAAGTAAAC ACAGAGAAAGG AGAAAAAGAC AAGGATAGGT ACCACAAAGA TAGGACCCAC 6040  
 AATGACAGAA CTAAAAAGAA AAGGTAAAT TPGCAGGCTG CTTGAGGATT ACATTTAAAT 6100  
 AACTGTAAAA ATGTTGATAT TTTTAAACAA AAGAAAGATT GCGTGTAGG ATTGTGCCAT 6120  
 CTTTAAATTT TTTACTATTG GTCAATTCGA GAACAGTAAA TTCTGTGTGT TGGTACAGAG 6180  
 TGCTCTTAC CAGTGTCTAT CAGCCCTTCT TCATAACCAAC GGTCCCTAST TATAGGAATT 6200  
 TAATATTTT AAAAGTTTTA CATTGCTGTA TAITCAAAGA TTGTGTTTAT TAATATGCAA 6420  
 TAAAGGCTTA GAAATTTTAG TTTTATTCCT TAATTGGTAA ATATGGTTAA CTATGGAATA 6440  
 TATTTACTTC CTCTAGTGAA TGTCTTTAT ATAATGACTA ATTTGGGAGT AATGTGTGCT 6540  
 CTGTAAGTTT GTTTTAAATT GCACTGTTTT TAAAGAAACT GTAGAGGAGC AACAAAAATC 6600  
 CAGGCAACTT CATAATCAGA TTATGCTAAT CATTAGTTTG AGCAGTTTTT GACCAAGAAT 6660  
 CAGAAAGCCA AGGGGTACAT TTAATGCTTT ATCTGCACT CATTGAAGTC ATTTATTACC 6720  
 ATATACTACA GCTTTGTGGT AGGCCATTAT TTTCAATTTT ATTTTGGGT CTTGAGAAAC 6780  
 TTGAATCTT AAGCTTGTAC ATGATCTTGT GTTTTGTCTAT CCTTTTACT GTAAAATGTA 6840  
 AATATTTTAA GGGATATTTT GATTCTAAAT ATGATAAAAT AATTTCTCAC CTATTTTGTG 6900  
 TGTGTGACTT GAAATTCAGT AGTAAAGAA TTTCTTCTTT AAAGCTTT 6940

Name: 316

Len: 3213 Check: 1F22

CCCCCAGCAG AAGGGCGCGA CGGCTGCAAC ATCAGCGGTT AAATTGTACA GCCTTTCATA 60  
 GGGCGGTTCA ATGCATCCGT ACTAAGATTG TTAAGGCTGA GGGTCCCTAG CCGGGGAAA 120  
 AACGAAAGGA GGCAGAGGGT AGGAGACCTG GAAGGAAGAC AAGGAGGGTG TAGAAAAAGG 180  
 GGAGAGGAGG GGGCGGGACA GCATGGGGAA GGCCTCAGGT TTAGTGGAGA GATCGTGGCG 240  
 TTCCCATAGA AACGTATCCC TCCGCCCATG ACCGCGGTGT TAGTCTCTTC AGTTCCCTCC 300  
 GCGTCGTTTT TTGGCTGTTT CCGCCAGCT CTTTTGTGCC GCGCAGAACA ACGAGATGAC 360  
 GCATGCGCAA AGCGCAGCGG CCGCATATAT AAACGCGAAC CCGGGCTCTT CCTCGTAGTG 420  
 CCGCCGGGAC TCTTGGCGGG TGAAGGTGTG TGTGAGCTTT TGGCTCACTC GAGCCCTGGG 480  
 CGCTGCTTGC TAAAGAGCCG AGCACGCGG TGTGTCATCA TGTGCGGTTA CCGGCGGTAC 540  
 GGAGGAGGTA AGAAGCTGGA GTCCGGTGA GACGTTTATT CCGCGTGCCT AATGGCGGCT 600  
 GAGGCCGTAG GGTGTGTCGG GAGGTTGGGA GACGTTTATT CCGCGTGCCT AATGGCGGCT 660  
 TAGGAGCACG CCAGACGAAG CCGGAGGCGG CCGAGGCGGG GTGCTGAAGG GAGACGGGAT 720  
 GCGCGGTGTA CATCTCTGCC GAGTTCCGTA CTCTTGGGCA TTTTGTGGC CCAATCCAGC 780  
 CTAAAGCAGG GTTGAGATGA CGGTTTTGCG GTTGCTTTT CCGGAGCTGC CCGCCGGCCC 840  
 CCGTCCCTCC CCGCCCTCGG CCGGCGGCTG CCATTTTTCG CACATTGAGG ACCGTGGTGG 900  
 CCGATTTTCT CAGCGCTTTC CCGCCACTTC AGCGGACAGA TCTGGCCGCA GCTGTAAGAT 960  
 CGTGCTTGTG TTTGAGATAG AACGAAATTG GCAGCTGTGA GCTGCATGTT CTCGTCAAAC 1020  
 AATCGGTTAA ATTGCGGAAT GGAATGGGG ACCTAATCTG CCACTGGCGG CTGGGTTTTT 1080  
 TTTTAGTTAT TTCCAGCGCG GTTTATGGGT CTGGGCGGGG GAGCTGGAGT CTTGGGCGAG 1140  
 CCTGTGCTTG GACGTTTTC CCGGAGGAGC GAGAGCCGGC GCAGCCCTGC TCTCTGGCC 1200  
 CCGCCCTTAC CGAGGCGCTC CCGCCGCCCA CCGGCTGCGG CTGGGCGGCC GCGCGCTCCC 1260  
 GGTGCGCCCG GGGCTGCGCG GACTCATGGG TGGGCGCGGG GTGCGGAGG GTCACCCGCG ATTATTTAGA 1320  
 CGGTGTATCC TACCAAGCGT TTCTGCTTAT GTTGGGAGG GTGACCCGCG ATTATTTAGA 1380  
 ACGTTAAGAA TTTGTGCAA AGTCTAGTTT CTGCGGGAAT TGGGACTTC ACCAGTTTTA 1440  
 CGACTAAGTT TTGTCTTGA TAGAGGGCAT TAAATGTGCT TTACCCAATC TTGAGGATGG 1500  
 CCGGTTTTAA GGCAAGTAAG TAATTGAAC TTGGGCGAGA TTTTGCATAA CCGTCAATCT 1560  
 TCTATTTGCG TTTTAAACA GAAACCAAGG TGTATGTTGG TAACCTGGGA ACTGGCGCTG 1620  
 GCAAGGAGGA GTTAGAAAGG GCTTTGAGTT ACTATGCTCC TTTAAGAACT GATGGATTG 1680  
 CGAGAAATCC TCCAGGATTT GCGTTTGTGG AATTCGAGA TCTAGAGAT GCAGAAAGATG 1740  
 CAGTACGAGG ACTGGATGGA AAGTAAGTAA GATGTTATGA ATCTCTGTT CATTAATAA 1800  
 TACTGTGGCT AGATAATGAA CTTAGTGCTA AATTGGGATT CTGAAGTGTG GAAGAGACCT 1860  
 TAAATAGCTG TCATAGTGT TAAATGCTAA AGGACACGA AAGTTAAAGA AATAGCGGA 1920  
 GATGAGTTA GGGCTTGGTA AAGACCGCCA AAGTTTGTG GGGGGGAAAG AGTGGTTGGA 1980  
 AAGATGAGT GGTGGAAG AGTTCTTTT AAATCTATAA GTCTGAATA TATTTTTAAC 2040  
 TTTAGAATTT TTTAATTTG CTTTTATTAG GGTGATTTGT GGTCCCGAG TGAGGGTTGA 2100  
 ACTATCGACA GGCATGCCTC GGAGATCAG TTTTATAGA CCACTGCCC GACGTCCCTT 2160  
 TGATCCAAAT GATAGATGCT ATGAGTGTGG CAGAAAGGGA CATTATGCTT ATGATTGTCA 2220  
 TCGTTACAGC CCGCGAAGAA GAAGCAGGTA TTTATTTTAA TAAAGGAATG GTTGGTATTC 2280  
 TAGTTAATCA AGTAATCTT TTATTAGCAA GGCAGAAACT AGTGTTTTTT TATAAACTTG 2340  
 AATGTTAATT GTACAGGTGT ATTTTACAAT TTGTGTTTAA TTAAGAAAT GTTACTATAT 2400



TAATAATCAA	CTTGGTCAAA	ACCTTTTCAG	TTTCTTCGCT	TTASTTAGTC	CAATTGATTC	2481
AGAATGTGAC	GAGCCTTATG	ATAIDATGCT	GAGGCGGCTT	GCRAATCCGA	CAATTAAGAT	2520
CTTCTAGAGC	CTTGGSTGA	TCAGDATAAG	AGGCCAGATC	CCCTCGAGTC	ATCTACACCT	2580
ACTTTCACT	TATTTCTTAA	AGGGCAGAAA	ATTTGAGACG	GTGATCGCCG	TAACAATAAA	2640
TTTGGCTTAC	AATTTGGGCG	CCCTTCCGCT	TTAGAAAGAG	GAACACCAGA	TTGACCACAT	2700
TCCCACTAG	AAAAATCTTC	TTGCGTCAAT	CAAGCCTCAC	CTGGCTCATT	TGGCTGTGAG	2760
TTGATCTGTC	GTTAGATTGA	AGAAAACATC	TAGATGCGAG	GATCGGCTAT	AGATCTTCT	2820
AGATCTGTTA	GATCTACTAG	ACCATGCGCG	AAAGAGGGTC	GACCTGCAAA	CTTGCAGGCT	2880
TTATTTTAAA	TACACATTAC	AGTGTTTTAT	ATTATGTAAT	GCTAASTTGT	AATTCAGCTT	2940
TTAATAAATC	TTTTTTTAA	TAGTAAAAAA	AAAAATACTC	AACRACTAAT	AGGCCAGAG	3000
TTTATTTTCA	AATGAGACAC	TAAATTTTAA	TAGTTTGTAG	ATTTGATTTT	AGCAGAGGCA	3060
CACAACTCT	TAAAAACGAG	TTATTGTCTG	ACATTTTGT	TTTTCTCTAA	CTTGAAAAAT	3120
AGSTCAAGGT	CTAGATCACA	TTCTCGATCC	AGAGGAAGGC	GATACTCTCG	CTCACGCGAG	3180
AGGAGCAGGG	GACCAAGGTG	AGATCTTGT	TAAGTGAAGT	CTTTCTGTAT	TATTATTAAA	3240
TTCACTGGTA	GTCCAACACA	GAAAAAGCTC	ATTATTTTTT	TTGGAGACAG	GGTCTTGCTC	3300
TGTCACCCCG	GCTGGAGTAC	AGGGGCATAA	CCACGACTCA	CTGCTGCCCT	GATGATCTCT	3360
TGCGTTTAA	CAGTTCTCCT	ACCTCAGCCT	CCCGAGTAGC	TGGGACTGTA	GGCACTGCCA	3420
CCATAACCCAG	CTAATTTTAA	TTTTTGTAGA	AATGGTCTTG	CACTGTTTTT	CAGCTGGTTC	3480
TCAGGCTCCT	GGGCTCAAC	GATCCTCCCG	CAGTGTCTGG	ATTATGGGCA	TGAGCCTACTG	3540
CACCTTTCCC	CAGTTGAAGT	CTTAACAGGC	CAAAAAAATA	AAAACTGTG	GAGATGGACT	3600
TAAAGTTCTT	TATTTTAGGT	CAAGSTCAGC	ATCTCCTCGA	CGATCAAGAT	CTATCTCTCT	3660
TCGTAGATCA	AGATCAGCTT	CATCAGAAG	ATCTAGGTCT	GGTCTATAA	AAGGATCGAG	3720
GTATTTCCAG	TATGTAACAC	TTTTTTTCT	TACTTGTGTT	TGGATTGTTT	ACATCTTATC	3780
AGTAGAGTGT	CTTAAGGACA	TAATTCAAAT	GGATTGCTTC	AGGGAATATT	TGAGATGTAA	3840
AAGTTTGGAA	TTTATGTGTA	ACTTGTAACA	TAAATATTAC	CCTAGTTTCA	CAGATGAAGA	3900
AAAGGGCTAC	TAGAGATTTT	AAGGCTTGT	AGGCCGTGTG	GTAGACAAGG	GTCCCAAGCA	3960
ATACAGCTCT	ACTCAACACT	CTGGGTAGGC	ATGTTGCTAT	AAACTTTTCT	GGCTTCAGAT	4020
TGGATGATAC	TAGCTCTGAA	AGATGGTAAT	TGATTTTCCC	GACAAAAAGG	CCTATTAGCA	4080
CCAGGAAAAG	AGATCAGAAG	CAAGTAGAAA	CATTTCTCAT	TTTTGGAATG	ATGGGGTTGA	4140
TTTGAGACAC	TGGAAAGTTG	ACTAGGGCAG	TAGTGTGTAC	ACAGAAATGA	ATGTGGATTT	4200
TTTTTTTAGA	CCGTTTCAGA	CCTGAAAAAA	CTAAAGAACC	AGAGCTTTAC	TATTTGTAGA	4260
AGGCCCTTAAA	AGGAGATAGA	ATGGAAAAAA	TTGTAAAATA	AGTATTGCAA	CATGTAATTA	4320
ACAATATTGT	TATCTGTACC	AACGATAAAA	CCGTGGTACG	GAATGCTACT	GGGAGTTAAA	4380
TTGCTGTTTT	ATAGCACAAA	ACCTTTAAAT	GCAGGAATTC	TGAATCTTGT	GGTCTATTTG	4440
AGAAAGCTAT	GAACCATCTC	TTTAGATAAA	TTTAAAGAT	AGATATGTCA	GTCTGATTTG	4500
GTTTGTCTGA	CAGATTGATG	GCTCTCAAAC	ATACTTTGAT	CCGGGAAGAA	GCCTGACAAA	4560
TGGGGGGCGG	CTTTCTTTTC	GTCTGGCCTT	ATCAGCTGAA	TTAGTCTCAG	TTCAGGGGTC	4620
TGGTTATTTT	CATCCTGCTT	TAGCCTCCTG	AGTAGCTGGG	ACTGCCATTG	TGTACCACAG	4680
TGCCCACTG	AGGGATCTGT	GCCTTAAGTG	AGGTTAGTTT	TGCTTCCTTC	ATACCAGTCT	4740
CATCAAAATGA	AAACCATGTA	TTTCCCTTGG	ATATTACACA	GTGTTTGAGA	ATGTTATACC	4800
TGTACAGAAA	CTAACCAATT	GAGTGATAGA	AACAAAGTAAT	TGAAATGGGG	GTTCTTTATG	4860
TCTGTAACA	CTTTGTTTGA	CAGTGTGTTA	GACAGAATAA	GGCAAGTGT	GCATCTTGT	4920
TAGTTTTAGC	TTCTTTATGC	CTGACCAACC	TAATACAGTG	TTGAGTAGTT	AAGGAAATTC	4980
CTTTGGACTG	ATTGATATAA	TTGTGTTTTT	TCACTTTTTT	TATTAAGATC	CCCGTCGAGG	5040
TCAAGATCAA	GATCCAGCTC	TATTTACAGA	CCAAGAAGCA	GGTAGGGTAA	AAATTTGATT	5100
ATCCTTTTCT	AGTTATATGG	CACCAATATC	CAAAGAGTTT	AAAGTGTTTT	TAATTTGTGA	5160
AATTTTAAAT	GTTAACTCTA	AACTTAGGTT	TTAGTGGGAA	CACAGTACCT	TATTTGTGTA	5220
TGCTCTATTT	ATTACTGGCT	GACTTTCCCT	GAACAAGGGA	ATGTAAAACT	ATAGTGAGAA	5280
AGAAAGTTAT	GACTTGGGGG	ATTATATTAA	AGAGGCCCTT	GTTAGAACTG	ATAGGTGCAT	5340
GGAGAAGCAT	CCTGAAATGG	ATGTGCTTAA	AGCAGAATGT	AAAAGATTAA	TCATGATGTA	5400
GTAAITGAGT	CATTTTGTGA	AAAAAGATTG	TTGAAAGATT	GGCTTTTGT	AGCAACAAC	5460
GGTAGGATGT	TTTTCAGTTT	AAGTGCAGTC	TGACATTTTA	AGCTTAGGAC	ATTTGGGGGT	5520
TTTAGGGTAT	TGGTGAATAC	AAGAAAGGGA	TTGGTTAGTA	CTCTTTCTTT	AATAGAATTT	5580
CTCATSTTTT	GACAGCCTAT	CAAGTCCAG	ATCTCCATCT	CCAAAAAGAA	GCTAAGCTAA	5640
ATGTTTTGTT	GCCTTAATCT	GCTGTCAAG	TGTGGCCTCT	GCAGAATTTT	TTTGCTTACT	5700
GCCTTTCAGT	CTTTGAGCTC	TTTGSAGAA	TGGTGCTATA	TAGATTAAAA	TACTATGCTA	5760
AGTTTCTGAA	ATACTTTTTT	TTTTTGATTC	AGTAACATTA	GTTTATACTT	TTGCTGGAAA	5820
TACTTAGTCA	TAAATGTGTA	GGGTGATTTT	TAAGATGTGA	TTGCTCCTGT	GAGTACTTGG	5880
TAGAAATTTT	GGTAAGATAG	ATGCTTTTTT	CCCACATGTA	CAATAGATAA	AAAGTGTGGA	5940
GAAAAGTCTT	GGAAATAGTT	ACCTGCTTAG	TGCTTCTTTA	TGACCAGAAA	ACTTCAATAA	6000
GTTGTCTAT	TTATCTAGTG	CTTCTTAATG	ACCAGAGAC	TTCAAATAGT	TGTCATATTT	6060
AACTGCAGGT	TGACCTTGCA	ATTTTACAAA	GGAGGATAGC	CTAATTTTTT	TTTTTTTCTG	6120
GGATGGAGTT	TTGCTCTGCT	CCCCAGGCTT	GGAGTGCAGT	GGCTCAATCT	TGGCTCACTG	6180

AGCTCTCGA	TTCCCGGGSTT	CAAGCAATTA	TCCTGTCTA	CCCTCTTGAG	CAGTTGGGAT	6240
TACAGGCACT	CACCGGCAAG	CCTGGCTAAT	TTTTTGTAT	TCTAGTAGAG	ACGGAGTTTC	6340
ATCATCTTGG	CGAGSTTGGT	CTTAAACTCC	TGATCTTAGG	TGATCACCTG	CCTCGGCCCTC	6360
TTC TAAAGTG	CTGGGGTTAC	AGGCGTGAGC	CACCGTGCCT	GGCCAGGGTA	GCCTAATCTT	6420
AAGTCAAGGA	CAAAAGATGA	ATATATGTAA	GTTTCATGTC	ATTITTAGGT	CCTTGCTATA	6430
GAATATTAGT	ACCTTAGGCC	ACCTTTGAAG	TTATTGAAA	TTAGTACATG	TACATGASAG	6540
TTTTAATTGA	CACTAATTGG	ATCCAAACCT	AATGTTTTTC	TTTTTAGTCC	TTCCCCATCA	6600
GAATCTCTTC	GCAGAAGTGC	AAGTCTTGAA	AGAATGSACT	GAAGCTCTCA	AGTTCACCTT	6640
TTAGTCAAAA	TTTATTTTGT	TTACATTATT	ATAAGGGATT	TGTGATGTCT	GTAAAGTCTA	6740
ATCTAGGAAA	GATAATTCAA	CCATCTAATC	AAAATGGATC	TGGATTACTA	TGTAAATTCA	6740
CAGTCTAAG	GATAATATAA	ATTTTGTGGA	ATGTATGAAC	ATCATATGCT	CTGAAAATGT	6840
GGCTCTTTAT	TTGGCACATT	TAAATAACAT	GTTTCTAACT	AGATTTTTTA	TTTGTGTTCA	6900
ATATTAACAT	TTCTTAATTT	GATATATTTG	AGAGTCAGAC	ATTATAATTG	TTAATCCTTA	6960
TTCTATACATA	CCTACATTCA	GAATTGAAAG	GTGTTGGTIA	AGTCTTGAAC	ATCACTATTTC	7020
TATGCATAAA	ACTTGCCAG	GATCTTAAGG	GACTTTGAAA	ATTCCATCTT	ACCCTTGTAG	7080
CTCTGGGTAA	GATGACCTGA	GTCCCTTATG	ATACAGCCTG	AATGCATCAT	GACAGATCCT	7140
TAGTTAGCTA	ATCCGTTTGA	AGTTGGTGTT	AGTAGGTATT	GTATGATCAG	TGGTGAAGCA	7200
ATAGGAGCTA	CTCATGTGTC	TAAATGAGCA	TGACAGGAAC	TAAAGGAAC	TGATTAATG	7260
TATGAGAAAT	AGAACTGAT	TTCTGGATGA	TCCTTATACT	AATTGCACT	TTCAGGCTAC	7320
TAGGTGGCAT	AGTGTAAAT	AGGACTCCCC	AAGATATGGG	GAGTTCTACT	CTCAATGGTC	7380
TTGTTTCTTT	GCTTCTACA	TTAGTTAACC	AGTTTTTATC	CAAAAAATGC	ATGTTTGAGG	7440
AATTGTCTGA	AATTGGGACA	AAACACCTTC	ATGTAAACCA	GCTTTGCAAA	ATTTTCCAGC	7500
CCAGATACTC	TTCATCTATT	CAAATGGATT	GTCTTATTCT	GAGCAAAGAC	CTGTTGTTAA	7560
TCTTCAAGCT	AGSTTTTGCA	GTCCCAACC	ACAACATTCT	TCTATTTTGC	CAGGCTGGTG	7620
CAAAATAATT	AAAGATGTCA	ATCAGAAATG	TCAATGAGAC	TAAAGTGGTT	TTGTAAATCT	7680
CAGCTATATT	TACCAACACT	CCATGTAGCT	AATATTTTTT	GGTAGCATCT	GGTAGACCTT	7740
AGAATTTTAC	ATAGCCAGTA	GGTTCTTTAT	TCAAATTTTA	AGTATCTTAA	GAATAGTAGG	7800
CCAGTAACAG	TTACTTTTGA	GAGTTTCTG	GTCAAGCTTT	TACCAGGCAT	TCTCTAGCCT	7860
TGGTACAAAA	AAAAAATAAA	CCTGCTGGTT	GCGCAGATAC	CTAGGCTTGT	CCATTTTATG	7920
CATTTCCAGCA	AAGTCATTGG	AGACTATTGC	AACTTGGGAA	TACTGGTCTG	CATCAAGTTT	7980
AATTGGGTAG	TTTGACCGCT	AGTATGTTGG	AAGTTATTTG	GATTGTTTTT	GGAATTTTGA	8040
CTGGCTGAAT	TATGGTTGGT	ATAAAGTTAT	GTGTATAACT	GGCAGGCTTA	TTTATCTGTT	8100
CCACTTGGTT	AGCTTTAATT	GTTCTGTATT	ATTTAAAGAT	AAGTTTACTC	AACAATAAAT	8160
CTGCAGAGAT	TGAACAAATA	ATCCTGATAC	TTAATTTTTG	GAAGTGGGAG	CTC	8213

Name: 317

Len: 572

Check:

4C

CGCCGCATTG	TGGTCCGCTT	CTCTGCACCTA	TGTCGGGTGG	CCTCCTGAAG	GCGCTGCGCA	60
CGACTCTCTA	CGTGGAGCTG	AGCCAGTACC	GGGACCAGCA	CTTCCGGGGT	GACAATGAAG	120
ACCAAGAAAA	ATTACTGAAG	AAAAGCTGTA	CGTTATAIGT	TGGAAATCTT	TCTTTTTTACA	180
CAACTGAAAG	ACCAATCTAT	GAACCTCTCA	GCAAAAGTGG	TGACATAAAG	AAAATCATT	240
TGGGTCTGSA	TAAAATGAAG	AAAACAGCAT	GTGGATTCTG	TTTTGTGGAA	TATTACTCAC	300
CGGCAGATGC	GGAAAACGCC	ATGCGGTACA	TAAATGGGAC	GCGTCTGGAT	GACCGAATCA	360
TTGCGACAGA	CTGGGACGCA	GGCTTTAAGG	AGGGCAGGCA	ATACGGCCGT	GGCGCATCTG	420
GGGGCCAGST	TCGGGATGAG	TATCGGCAGG	ACTACGATGC	TGGGAGAGGA	GGCTATGGAA	480
AACCTGGCACA	GAAACAGTGA	GTGGTGAGAG	CTCTGTCACT	GACAAACACT	CCTTTGGCCT	540
TTTGAATTTG	CTGAAGAAAC	TCACCTAAAG	TC			600

Name: 318

Len: 338

Check:

142F

CAATGCTTGA	AGTATAAAAA	GCTGAGAGTG	TTCTCGGGCA	GGGAGTCTCC	AGAACCAGGA	60
GAAGAGGAAT	TTGSAAGCTG	GATGTTTCAT	ACTACTCASA	TGATAAAGGC	GTGGCAGGTG	120
CAGATGTAGA	GAAGAGAAGG	CGATTGCTAG	AGAGCCTTCG	AGGCCAGCA	CTTGATGTTA	180
TTCTCTCTCC	TCAAGATAAA	CAATCCTTTA	ATTACTGTCC	GATGAATCTC	TGCAGGCTCT	240
TCAGGAGSTA	TTTGGGTTA	CAGATAATCC	TAGGAGTTG	CAGGTCAAAAT	ATCTAACCAC	300
NTTACAGAA	GGATGAGGAA	AAGTTGTCCG	CTATGTC			360

Name: 319

Len: 451

Check:

A27

TNTTTTTGAC	TTTAAATGAT	AAACTTTTAT	TCTGAATATA	CTGTTTTTGC	ACAAGATTTA	60
ACACACATTT	TTCTGGGATT	ATAAATATTT	TATAACASTA	TTATACAAAT	TTTTACAAAA	120
TCTTTTTTATC	AGGCTAGSTA	ATTTTCACAA	AAGTCTCAAG	AGAACAAAT	AAAGGGGAGA	180
AAAGATTTAT	TGTTCCACAAA	AGCCAGTTGG	CCTTTTGCAT	GAATGCACAC	CATTTTAATA	240
AAATATTTCC	TAAAAGCATG	ATCCGACACT	CATACAACAC	AACAAAAAAG	ACAGCTTTTAC	300
TAGGTACAT	TATAAACTCA	ACTGGCATCT	ACACAAGACA	GTATCCCAT	AGTTTCAGTG	360
GAATTTTAGA	TAACTTGTGT	GAACAGAGAA	TAAAGTATAT	GAAGAGTTGT	CCAATTCTTC	420
NAAAAATTTG	AATTTTTTTT	CACACTCCAA	N			480

Name: 320

Len: 623

Check:

213F

GGCAGTAGCA	GAACACCTGC	TCTCATGAAC	TTCATGATGA	CAGGCTTTTG	GGTGACAATT	60
------------	------------	------------	------------	------------	------------	----

TGTGCAATCT TTGAGGCGAT GATTGGAGCT GGAATGCTTG TACAGTCAAT ATCATATGAG 100  
 CAGANCCAGG CCCAAAGCAT CTGGCTTGGA TGCTGCATTC TEGTGTGATG GGTGGAGTTG 180  
 TGGCTCTCTT GAGGATCTTA GGGGSGCCTC TTCTCTGAG AGCTGCATGG TACACGCTG 240  
 GTAATGTGGG AGGCTCTCT ACTGTGGCCA TGTGTGCGCC TAGTGAAGA TTTCTGAAAC 300  
 ATGGBAGGAC CCTGGGAGT GGGCTGGGT CTTGTCTTTT GCGTCTTCTC TGGGTCTAT 360  
 GTTGTCTCTC CTACCTCTG TGGGCTGGTG CACTCTGTAC TCACTGGCAA TGTATGGTGG 420  
 ATTAGTCTTT TCGAGCATGT TCTTCTGTG TGATACTCAG AAGTAATCA AACGTGCAGA 480  
 AATAACATCT ATGTATGGAG CTCCAAAGTA TGATCCCATC AATTTGAGT TTANATCTA 540  
 CATGATATA ATTAATATAT TTATGCGAGT TGCAATAATG CTATCAACTT GAAGCAACAG 600  
 AAAGAAATTA GTACCGCTTT TTA

Name: 320 Len: 359 Check: 1480  
 CCTACTGCA CCAGCGAGCA CAAGGTGAGC CCCAATCTCT TCGCTGGGT CTACAGGGAG 60  
 ATCAATGATG ACGTGTCTTA CCAGATGGAG TGCCACGCCG TGNAGTGCA GAGCAAGCTC 120  
 GAGGCGAAGA AACTGGCCCC CGCATGATG GAGGCTTCA GGAAGACTTT CCACAGTATG 180  
 AAGAGCGAGC GCGGATCCA CAGCAACAGC TCTCCGAAG AGGTTTCCCA GGAATTGGAA 240  
 TCCGATGATG GCTGAATGAA CTTTNGACG CTTNAGCAA GGCAGCATTG GTCACGGGGT 300  
 TCRAGGGAAT TAGATTGAGT AAGCAACGTT TCAAAATTGG GATGAAAGAT TTCCAAATT 359

Name: 321 Len: 295 Check: 102E  
 CCTCACTGCT ATGGGCGGCA ACAAGAAGAA GAAGCGAGAT GGTGACGAGC GCGGCGGAG 60  
 CCTCGTTCTT AGCTTCCAGC AGGAGAAGAG GCGGGAGTAC CTGACAGGCT TCCACAAGCG 120  
 GAAGGTGAGG CGAAAGAAGG CAGCCATTGA GGAGATTAA GAGCGGCTGA AAGAGGAGCA 180  
 GAGGAAGCTT CCGGAGGAGC GCCACCAGGA ATACTTGAAG ATGCTGGCAG AGAGAGAAGA 240  
 GGCTCTNGAG GAGGCAGATG AGCTGGACCG GTTGGTGACA GCAAAGACGG AGTCG 295

Name: 322 Len: 406 Check: 233D  
 CAAAAGGCTG GTNGCCTCCA GACCCGACTT TTTCAACCAG GAGCACCAGA CACGGGATGT 60  
 GGAATGTGTC CTCACAACAG GAGAAGTTTT CAGGTTGCTG GNGGNAGAGG GGGCTCGGG 120  
 GGCTACCTGG AGCAGGTGTT CCGGCACGCG GCCCGAGAGC TCTTTGGAAT CATGTGGGT 180  
 GAGGTTAGCT ACAAACCCCT GAGGAACAAA GACTTCCAGG AGGTGACACT NGAGAAGGAG 240  
 GGCCAGGTGC TGCTGCACTT CGCAATGGCG TACGGCTTCC GCAACATCCA GAACCTGGTG 300  
 CAGAGGCTCA AACGAGGGCG CTGCCCCCTAC CACTACGTGN AGGTCATGGC CTGCCCTCA 360  
 GGCTGCCTGA ACGGCGGGGG GCCAGCTCCA GGTCCAGAC AAGGCC 406

Name: 323 Len: 489 Check: 149E  
 TTTTTTTTAA CATTCTTAAG TTTCTTTATT CTTCATAGTT TTCTAATGAA CAAATAGTTA 60  
 GTTTTCTTGA GTAAGATTAT AAAAAAGTTA ACCATTCTTC CAAAAGTATA AAGACAAATA 120  
 AAATGTGAGC TCATAATACA AATTTTTTAC ATAGCATTAA AGGTGCAGAT ATTGACTGCC 180  
 CCTCTTCAAT ATGATTGGCC CACCCCTTAA AAAGACTGCA ACAGAGGATT CAATTGTCTA 240  
 AAATACTTGG AAGTACAGAA ATTAAATGCT TTAGCCCAT AACTATATCC TCATCTATTG 300  
 TGTGTGTAGG GAACACATGA GCAAAATCTA TCATTGCGAC TTCTACTTCA GCAATCTCTT 360  
 GGCAACCAAT GGAAGATGG TAGAAAACCT TTTCAGTTG GGAAGTACA TTTCATTATA 420  
 AATGTTCTCT TGACATGCTT TTCCACCCAT TGTCTTGCTC CAGATTTTCA ACTTTCAATG 480  
 AAGTCTGAC

Name: 324 Len: 491 Check: 21BF  
 TAAGGATTAA AAACGATTTT AATTATACAC ATATGGTCAC AATTTTGGCT TAAAAAGATT 60  
 TTGGGAAAT GTACATAAGG CCGCTTGTA ATGTACATCG TGTACTGTT ATGTCTTATG 120  
 TCCGAGGAA AAAATGTTAT CATAAGATT TGCTCTTACT TGGGAGTAG CTATTCAAAA 180  
 ATACATACT CTCTGTACA AAGAAAAAG TCCATCACA TTTAATAAGA TGAAGAAAGC 240  
 ATTGGCTCTC ATGTAACCA AATATCTCAG TCCAATACTT TCTATTATGC ACAATACCCT 300  
 GACTTCAATT GAAAGTGAT CAAATTCTAG CAGGTCCATA TTAACAGTCA ACAACTATGT 360  
 TATAAACAAG AATGATCTCA CAATAATAAA AAGAAAGCTG GTTCATACTT CTGAAACCAT 420  
 ATAAAGATAA AAAATTTTAA AAAAATCACT CTGATTGTG AGAAATAAAT TTACATTATA 480  
 CAACACTATA T

Name: 325 Len: 546 Check: 101E  
 GGGCAGGAGG GACAAAGCAG CDTGATAAAC AAGTGGACGA CTTTTCTTAA GGCAGACTG 60  
 ATTTGCTCAA TTCTGGAG TGATGGGGCA GATACTTACT TTGATGAGCT TCAAGATATT 120  
 TATTTACTCC CCACAAGAGA TGAAGAAAT CCGTAGTAT ATGGAATCT TACTACAACC 180  
 AGCTCCATCT TCAAAGGCTC TGCTGTTGT GTGTATAGCA TGGCTGACAT CAGAGCAGTT 240  
 TTTAATGGTC CATATGCTCA TAAGGAAAGT GCAGACCATC GTTGGGTGCA GTATGATGGG 300  
 AGAATTCTTT ATCCAGGCTC TGGTACATGT CCAAGCAAAA CCTATGACCC ACTGATTAAG 360  
 TCCAGCGAG ATTTTCCAGA TGATGTCATC AGTTTCATAA AGCGGCACTC TGTGATGTAT 420  
 AAGTCCATAT ACCCAATGGC AGGAGGACCA ACGTTCAAGA GAATCAATGT GATTAACAGA 480  
 CTGACACAGA TAGTGGTGGG TCATGTCATT GCAGAAGATG GCCASTACGA TGTAAATGTTT 540  
 CTTGGA

Name: 326 Len: 456 Check: A6C

ACACGATGTT ACATCCAGAG AACCAAGAGC AIGTTCAGAG GGACACGTA CAGTATGAG 60  
ATGATTTACA AGGAGAATGA GCAGATGCAT GCCTGCTGG CCATTGCTCT CACGATGTAC 120  
CCATATCGTA TCGATGAGAG CATTACGCTC CAGCTGCGGG AGAATAAGG GGACAAGATG 180  
TTGCGCATG AGAAAGGTGA CCCACAAGTC TATGAAGAAC TTTTCAGTTA CTCTGCCCC 240  
AASTTTCTGT CCGCTGTAGT GCCCAACTAT GATAAIGTGC ACCCCAATA CCACAAAGAG 300  
CCCTTCTGT AGCAGCTGAA GGTGTTTTCT GATGAAGTAC AGCAGCAGGC CCAGCTTTCA 360  
ACCATCGCA GTTCTGTAA GGTCTACACC ACCATGCTG TGGCCAAGCT GCTGCTTTC 420  
CTGACCTCA CAGAGCAGGA GTTCCGATC CAGCTT 480  
Name: 127 Len: 442 Check: 1810  
TTTACAGTA TCAATTTAA TATTTATTAT AIGCATTTTA TATACATTAT TTTCAACAG 60  
CTGTATGTTT GGTATGTTT ACAAATCTTA AAATTTGCTG ATTCATAGTT TGTAATAATA 120  
AAACCTTACA AACTCATCA AACTCGCAA ACTGATCAGA AAAGTTTCTC GGAAGACTAG 180  
AAAAAATAT TTAATGTCTT AATCATGCAT TACACAAACA AAATCTTTAG TTACACATA 240  
AAATTAAGCA CATCTAAAAA AATAAACAG GGATAACTAG TCAAAACACA GCAGATTTCT 300  
GTATCTGAT TCAACTATTT TTGTATCTTA TTGTAAATGC AAATAAACT TTACTCCAAA 360  
TATTTTAAA TAAGTTAGTT TTGTTTGAA TCATGGTAAA CCAAGATATA TATCTTAGGG 420  
GGAACTACT TGGTTTGTAA TTTAACTAT AAAATACTCC AT 480  
Name: 128 Len: 457 Check: 131  
CAATTAAGGG GTTGGGCGG ATTGGCTCCG CGTTTGGGCT GGTCGGCTGC TCCCCACCTA 60  
CGAGGGTCCG ATCGGAGCC GTTCCCGGG CTTTGGGGAC CTCCAAACAA CCGACTCTTT 120  
TCCAGCTGAA GAAACACTTA AATTCTGGAA ATAGCGACTC AGTATCATGG CCAGCAGCCT 180  
TAATGAAGAT CCAGAAGGAA GCAGAATCAC TTATGTGAAA GGAGACCTTT TTGCATGCC 240  
GAAACAGAC TCTTTAGCCC ACTGATCAG TGAGGATTGT CGCATGGGCG CTGGGATAGC 300  
TGTCTCTTT AAGAAGAAAT TTGGAGGGGT GCAAGAAGTT TTAATCAAC AAAAGAAATC 360  
TGGAGAAGTG GGTCTCTGA AGAGAGATGG GCGATATATA TATTACTTGA TTACAAAGAA 420  
AAGGGCTTGG CACAAGCCAA GTTATGAAA CTTACAG 480  
Name: 324 Len: 448 Check: 770  
TTTTTTT TTTTATGAT CACTCCAAGT GCCATATGTC TATTTTATTC TTCAGGAAAT 60  
TATATTTTT TTTTACAAGA GCACAACAGG AAGCAAAGTA AAAGASTAAT AGATACAGCA 120  
CTCAGGATAA ATCATATCTT TAAATAATA ATAAAAAAT TTACACCTTG TCCTATATCC 180  
TSTTAGTATT TTCATAATAT GGCCATGATT GAAAAACAA AAAGCAAGCA TCTACAATTT 240  
TTTTTGATAA AGACTTTTTA TGCCAGGAAT GGATTAATTA CCAACAAAT TTATACTAAT 300  
CAGGCTGATG TCAATCTATT TTTGTAATGT ATCATTAACA AATTTATTTT GGAAAGATA 360  
AAAATATTGC CCTTGATAA TAAATCTTT TTTCTTTGA TGCAACAGC TAGAACACCT 420  
TTTTCTTTT CTTTTTGATA TTCTAAGA 480  
Name: 33 Len: 464 Check: 1837  
TATTCAGC ACCTTTCCA GTATGCTTAC CTTGTTACGA CTTATCTCT CTCATAAAGC 60  
GATGCTAGA AATTAATTAT GTTAAGTTTA ATTTAATTTG AGGAGGGTGA CGGGCGSTGT 120  
GTGGTACTT CATGCTCAA TTCAATTAAG CTCTCTATTC TTAATTTACT ACTAAATCCT 180  
CCTTAGTCT TTAGTTTCAT AAAGGGTATA GTAATGTTCT TTTATAAGAA AATGTAGCCC 240  
ATTTCTGCT ATTTCAATGG CTACACCTTG ACCTAACGTT TTTATGTTTG ATTTCTTTTG 300  
TTACTTTAAT ACCTTTTTAG GGTGTTGCTGA AGATGGCGGT ATATAGGCTG AATTAGCAAG 360  
AGATGGTGA GTAGAGCGGG GTTTATCGA TTATAGAACA GGCTCTCTA GATGGATATA 420  
AAGTACCGCT AAGTCTNTG AAGTTTTAAG CNATGGCTAG TACT 480  
Name: 330 Len: 373 Check: 498  
GTTGCACAT CGTGGGCCA TGAATGTGTA TGTCTGTGT GTGGTGTCTT ACTTCTCAT 60  
CACCGAGGA ATAATTATG ATGTTATTGT TGAACCTCCA AGTGTGCTT CTATGACTGA 120  
TGAACATGG CATCAGAGC CAGTAGCTTT CTTGGCCTAC AGAGTAAAT GACAATATAT 180  
TATGGAAGGA CTTGCTTCCA GTTCTTATT TACAATGSGA GGATTAGSTT TCATAATCCT 240  
GGACGATCG AATGCACCA ATATCCCAA ACTCAATAGA TTCTTCTTC TGTTCATGG 300  
ATTGCTCTT GTCTATTGA GTTTTTTGAT GGCTAGASTA TCTATGAGAA TGAACCTGCC 360  
GGCTATCTG ATG 480  
Name: 331 Len: 306 Check: 2629  
GGGGAAGAG AGTAGGACTA TACATCACC CAGCTCCACC GAGGTCTGGA GGCGAGGCCG 60  
GAGGTGCTT TCGCAATGA CGTGGCACC ACCATCATCC CGACACCCAT GTACCGTCT 120  
CGGCGAGGA ACCAGATGA AATCGGCAAC TTTATAATTG AGAAGCTGAA GCGGCTAAC 180  
ACAGACCTA CAGCCCGGC CTACGACACC CTCTTGGTGT TCATATATGA GGGCAGCGGC 240  
TCCGAGGCT CGTCTCTGAG CTCCCTCACC TCCTCGCTT CGSACCAAGA CCAAGATTAC 300  
GATTAT 360  
Name: 332 Len: 626 Check: FF  
TCACGTATCG CAAGGGGCTT TATTGATTT AGTTGCTGG GCGAATCAGT TCTTCCCGAG 60  
AGCAGCAAGT GCAGGCATTA GTGTACAGAA TCCAGAGGAA GGGCAGGCTG CTTGGGTGAG 120  
GCTACTCGC CTGAGACAT GTGGAGTTCT CTAGGGGTCT GCAGCCACCT CGGGGAGCTG 180

MAGATTTC	CCCCAGAC	TCTACATAT	AGGAAGSTCA	TGCTTTTATC	TATTTCTGCA	247
CGGTTTTTC	TGCGSTATTC	CTGTAGCGGC	TTCTCGGTA	CTGTGTCCAT	AAACTTAGGG	300
TTATCCCTAG	AGACTTTTC	TGTAACAC	ACTGTATG	GGTCAAGTC	AAATAGCTTT	369
ACATACAC	CAATGATAC	GGANGGAC	TGTGATCAG	AGGAATGGST	GGTACGGSTG	420
GAAATCCAA	GGTAAGTACT	TGTCTTCGTC	CTGTGTGAG	GTTAGCCAA	TGGAAGAC	480
AGTTTGAAT	GGTGTTCAG	CTTGTCTCAG	CAGGGAATGA	GGTGTGAGC	ATCTTTGAC	540
TGGAAGACT	GCAGCAGTTC	CTGTANTTC	TCTGTNAGC	TTTGGGAC	TGAGCGAST	600
CTTTAGTTC	TGGAAGCTT	AGCTGG				620
Name: 131 Len: 4398 Check: F00						
GAATTCCTTC	TGCTAGCGGC	GTCCGCTTAC	ATCCCGGCT	TCTCTCTTC	TGCTCGCGGC	60
ACCTGCTTC	CGGACCGCA	GTTCGGGAA	ATCTTGCTC	CGAGCAGCTC	GATTCGGCT	120
GGTGGATTC	GGGCGCTGCT	GTTCGGGCTG	CTGCTGGCGG	GGGCTGTGGG	CTGCTGTAGC	180
CGGACGAGC	TCTTTCTCTT	CGGCGCGGCA	CAGGGGGAC	TGGAGCTGCA	GGAGCGGAT	240
CACTTCTCT	CTCTCTCTCT	GGAGCTGAGT	GGGGCGCTCC	GCTTCTACCA	CAGATCGGAC	300
ATCGAGCGAG	TCTACGTCAC	CACAAATGGC	ATCATTGCTA	CGAGTGAAC	CGGCGGCAAA	360
GAATTCCTTC	CGGCGCTCTT	CCCACCAACA	TTCCGTGTCAG	TCGCGCTTTT	CTTGGCGGAC	420
TTGGACCTGA	CGGATGGCTT	GGGGAAGGTT	TATTATCGAG	AAGACTTATC	CGCTCTCATC	480
ACTGAGCGAG	CAGGAGCTG	TCTCCACAGA	GGCTTCGCGG	AGATCTCTTT	CGAGCTAGT	540
AGGCGCGTGG	TTGTCAGTTG	GGAAATCGTG	GGCGCTTACC	AAGGGCGGAG	CAGGAGCTCA	600
GACGAGAAAG	GCAAGAGAAA	CACGTTCCAG	GCTGTTCTAG	CCTCTCTCTGA	TTCCAGCTCC	660
TATGCGCTTT	TCTTTATATC	TGAGGATGGT	CTGCGATTCC	ATACGACAT	CTCAAGAGAG	720
GAAACCTTC	AAGTTCTCTG	CGTGGTTGCA	TTGAGTCAAG	GTTGAGTGGG	ATTCTTATGG	780
AAGAGCTAGC	GAGCTTATAA	CATATTTGCT	AATGACAGGG	AATCAATTGA	AAATTTGGGC	840
AAGAGTATTA	ACTCTGGGCA	GCAGGGTCTC	TGGGTGTTTG	AGATTGGGAG	TCCAGCCACC	900
ACCAATGGGG	TGGTGCTCTG	AGACGTGATC	CTCGGAACCTG	AAGATGGGGC	AGAGTATGAT	960
GATGAGGATG	AAGATTATGA	CGTGGCGACC	ACTGCTCTGG	GCTTGGAGCA	TCTGGGACCC	1020
AGGCGCTTCT	CTTACAAAGG	TGTGAGAAAG	GGAGGTGCTG	ACACATACAG	TCTGGCGGAG	1080
GTCTCTCTCT	CGGCGCGGGC	AGCTACCGAA	AGGCGCTTGG	GACCTCCGAC	AGAGAGAAAC	1140
AGSTCTTTTC	AGTTGGCAGT	GGAGACTTTT	CACCAGCTAG	ACCTCTAGST	CATAGATGTG	1200
GATGAAGTTG	AGGAACACAG	AGTTGTTTTC	AGCTATAACA	CGGATTCCCG	CGAGAGCTGT	1260
GCTAACACCA	GACACCACTG	CTCGGTGCAC	GCAGAGTGCA	GGGACTACCG	CACGGGCTTC	1320
TGCTGCAGCT	GTGTGCGCTG	CTATACGGGC	AATGGCAGGC	AATGTGTTTC	AGAAGGTTTC	1380
CCCGAGCGAG	TCAATGGCAA	GGTGAAAGGA	AGGATCTTTG	TGGGGAGCAG	CTAGGTCCCC	1440
ATTGTCTTTG	AGAACAATGA	CCTCCACTCT	TACGTAGTAA	TGAACACGGG	GCGCTCTTAC	1500
ACAGCCATCA	GCACCATTCC	CGAGACCGTT	GGATATTCTC	TGCTTCCACT	GGCGCCAGTT	1560
GGAGGCGATC	TTGGATGGAT	GTTCGAGTG	GAGCAGGACG	GATTCAAGAA	TGGGTTTACG	1620
ATCAGCGGGG	GTGAGTTTAC	TGCGCAGGCT	GAGGTGACCT	TGCTGGGGCA	CGCGGGCAAT	1680
CTGGTCTATTA	AGCAGCGGTT	CAGCGGCATC	GATGAGCATG	GGCACCTGAC	CATCGACACG	1740
GAGCTGAGAG	GGCGGCTGCC	GCAGATTCCG	TTCCGGCTCT	CGGTGCACAT	TGAGGCTTAC	1800
ACGGAGCTGT	ACCACTACTC	CACCTCAGTG	ATCACTTCTT	CCTCCACCGG	GGAGTACAGG	1860
GTGAGTGAAG	CGGAGCGAGA	TGGGGCATCT	CCTTCAGCCA	TCTACACTTA	CGAGTGGGCG	1920
CAGACCTATCA	CCTTCAGGGA	ATGCGTCCAC	GATGACTCCC	GGCCAGCCCT	GGCCAGCACC	1980
CAGCAGCTCT	CGGTGACAG	CTGTCTCGTC	CTGTACAAAC	AGGAGGAGAA	GATCTTGGGC	2040
TAGCTTTTGA	GCAACTCCAT	TGGGCCTGTG	AGGGAAGGCT	CCCTGATGCG	TCTTCAGAAAT	2100
CCCTGCTTACA	TGGGCACTCA	TGGGTGTGAC	ACCAACGCGG	CCTGTGGGCC	TGCTCCCGAG	2160
ACACAGTTCA	CCTGGGAGTG	CTCCATCGGC	TTCCGAGSAG	ACGGGCGAAC	CTGCTATGAT	2220
ATTGATGAAT	GTTCAGAAAC	ACCTCAGTG	TGTGGGAGCC	ACACAATCTG	CAATAATCAC	2280
CCAGGAACCT	TCCGCTGCGA	GTGTGTGGAG	GGCTACCACT	TTTCAGATGA	GGGAACGCTGT	2340
GTGGTCTCTG	TGGAACAGCG	CCCATCAAC	TACTGTGAAA	CTGGGCTTCA	TAACTGGGAC	2400
ATACCCCAAC	GGGCGGAGTG	TATCTACACA	GGAGGCTCTT	CCTACACCTG	TTCTTCTCTG	2460
CCAGGCTTTT	CTGGGATGG	CTAAGCTTTC	CAAGATGTAG	ATGAATGCTA	GGCAAGCTGA	2520
TGTGAGCTG	ACTCTCTCTG	CTACAACTCT	CCAGGCTCTT	TCACTGTGTA	GTGCAAACTCT	2580
GGTTATCAGG	GAGAGGCTTT	CGTTTGGCTG	CCCGGAGAGG	TGGAGAAAAA	CCGCTGCTAG	2640
CACGAGCGAG	AACATCTTCT	CGGGGCAGCG	GGGCGGACAG	ACCCACAGCG	ACCTATCTCT	2700
CGGGGCTCTG	TGCTTCTCTA	GTGCGATGCG	CACGGGCACT	ACGGGCGGAC	CTGCTATGAT	2760
GGCAGCAACG	GCTACTGCTG	GTGCGTGGAT	CGCGACGGCC	GGAGGCTGGA	GGGCAACAGG	2820
ACCAAGGCGG	GGATGAGGCG	CCGCTGTCTG	AGTACAGTGG	CTCCCGGAGT	TACCAAGGGA	2880
CCTGGGCTTC	CTACCTGCTT	GATCCCTTGG	CCTCTTGGGA	CCATTTTACT	CTTTGCTCTG	2940
ACTGGGAAGA	TTGAGCGGCT	CCCGCTGGAG	GGAAATACCA	TGAGGAAGAC	AGAAGCAAAA	3000
CGCTTCTCTC	ATGCTCCGCG	TAAAGTCATC	ATTGGAGTGG	CCTTTGAGTC	CTTGGACAAA	3060
ATGCTTTTACT	GGAGGACAT	CAGTGAAGCT	TCCATTGGGA	GAGCTAGTCT	ACATGCTTGA	3120
GAGGCAACCA	CTATCATTAG	ACAAGATCTT	GGAAGTCCAG	AAGGTATCGC	TCTTGATCAC	3180
CTTGGGCGCA	ACATCTTCTG	GACAGACTCT	AACCTGGATC	GAATAGAAGT	GGCGAAGCTG	3240

GAAGGATTCG	AGAGAGGGGA	CCTTTACTCG	ACAGACTGGA	ACAGAGATTA	CCACAGATT	3380
GAAACTTCCT	ATATGAGACG	CAAGAACCGG	AGGATCCTTG	TGCAGGATGA	CCCGACCTTG	3420
CCCAATGAGC	TGCACCTTGA	TGCTTTCTCA	TCTCAGCTCT	GCTGGGTGGA	TGCAGGACCG	3460
AATCGGGCGG	AATGCTTGAA	CCCCAGTCAG	CCGAGCAGAC	GCAAGGCTCT	CGAAGGCTCT	3500
CAGTATCCTT	TTGCTGTGAC	GAGCTACCGG	AAGAATCTGT	ATTTACACAG	CTGGAGATG	3540
AATTCCTGTC	TTGCTCTGGA	TCTTGCAATT	TCCAAGGAGA	CGGATGCTTT	CCAAACCCAC	3580
AAAGCAAGTC	GCTGTATGG	CATCACCACG	GCTCTGCTCT	AGTGTCCGCA	AGGCTATAAC	3620
TACTGTTCAG	TGAACAATGG	CGCTGTACCG	CATCTATGCT	TGGCAACCGC	AGGATACAGG	3660
ACCTTCCTGT	GCTCTACAAA	CACCTTGGGA	GTTTACTGTA	TGGAACCGAA	ATGAAGACAA	3700
GAGTTCCTTA	TTTCTTTTCC	AAGTATTTCA	CAGCAACACT	CTACTTGAAG	CAACTTGGTC	3740
CAGATTGAAA	AGTGTCTCTT	GGCTGAGTGG	CCACTAGGCC	CAGACCCAGC	CCAGCTTGAG	3780
CCCCAACAA	AAGTTTTTCC	TCACTGTTCC	CCAAAACATG	CACCTCTGAC	TTCTCTAATA	3820
GAAAAGTCTC	CACCCCTACA	CAAGGACAGA	AGCTCCACCG	CCTACCCCCA	AGCTCTCAGC	3860
AGACTTATAT	AGCTCTGAGT	GAGGATTACA	TGCCCCATCC	AGTGTCTTAG	GACCTTTTCC	3900
CAATACTAGC	CCCCCAGTGG	TGAACAGAAC	CTCCCAAATT	TGAGTTGCA	CCTTCCCTGT	3940
GGCTTATGTA	GCTTCAGCCTC	GCTTTGAGGT	ACCCACCGTC	CTGTCTAGCT	CTTGAACCTAT	3980
GAGTTCCTGT	CTGACTAGGA	AAAGTTGCGA	CTTAAGGAGG	AAATTAGCAT	TCTTAAATGT	4020
TTTGTCTTGG	TGCTCTGAAT	TTCTTCTTTA	TTATAGTCCT	ATAGTTTTC	TCTCTAGTTC	4060
CTCACCATCA	TCATCTTGTC	TAAGACCCCG	ATTATAATAT	TCATGCGCTG	CTTTTTTCATC	4100
AAAACCTAAC	CTGTCTTAGA	GATCTATGGG	CATTTGGTGG	ATGATAATGA	GCAGCCCTCT	4140
CCAGATAGAA	TGTCAATATT	TGAGCAGTAG	GATATTGGCA	TTTGTTAGTT	AAAGGCTTAA	4180
ATCAAAAGAA	TGTCCAATGG	TAGGAATTTT	AAGGTGTAGG	TCAGATATTT	GAGAATAGGG	4220
GATTTTTTTT	ATGTGCTTTA	AATTATACCA	AAGATTACTA	ATTATTCCTC	TTTGCCCAAA	4260
ATACTTGCA	CCAAGGTCTT	AGTCTCTCTT	GCTGTCTGGT	TCTTTAGGCG	CACTGCTGGC	4300
ACTGATGCTC	CTCCTTTTTC	ACGGAGACCT	ATCTGAGGTA	CAGGATGCGG	CTGGCACCAG	4340
ATGATGCTCC	ACCACAGTCC	CTCACCTCCG	GCTCCACAT	GACAGAAACA	ATTTACACTC	4380
AACCATGACC	TCACCCCTCC	TTGGTTTCTC	CCTCCCCG			4420

Name: 334      Len: 429      Check: 74D

TGTTTCGGAG	GONAGCGGGG	CNNGNCNTGT	GACAACTGCC	MGTAGACCTG	GGGCTGCTGA	60
ACCCAGTCCC	GATGGCACCA	CCGGCCACAC	CTACAACCAG	TATACACAGA	GATACAATCA	120
GAGAAACAA	ACTAACGTAA	ATTGCCCAT	TGAGTGCTTC	ATGCCGCTAG	ATGTGCAAGC	180
TGACAGAGAC	GATTCTCGAG	AGTAATCTTT	CCAGCCCCAC	CGGTACAAT	GTNTNCTAC	240
CAAGGTCAAT	CCACACCCCA	GTGATGTTAG	CAGACCCCTC	ATCTTTGAST	GGTCTTTTCA	300
CCCTTAAGCC	TTTTGCTCTG	GAGCCATGTT	CTCAGCTTCA	GACAATTTAC	AGCTTCTCCA	360
AGCATCGGCC	GTGGATTGTT	TTGAGACTTC	TCTCCTCAAT	GGTGACATTT	GGTCACTCTG	420
TCTGCTTCA						429

Name: 335      Len: 411      Check: 55

CCCAACGAGC	CATCTGCAAA	ATCCCGGAAG	AGCCAAAGGAG	GGGGACACAG	GCAGTACCAG	60
TGGCACCAGC	AGCCACCCAG	CCCCCTGCCG	CCCTGTACCT	TGTATCTCC	TTTCCCCAGG	120
GCCTGTGCTT	GAACCTGAGG	CACTGCACAC	CCCCACACTC	ATGACCACAC	CCTCCCTAAC	180
TCCTTTTCA	CCCAGCTGCG	TCTTCACCTA	CCCGAGCACT	CCTGAGCCTT	GTGCTCTCAGC	240
TCATCGCAAG	AGTAGCAGCA	GCAGCGGAAG	ACCATCCTC	TGACCCCTTT	GGCTCTCCAA	300
CCCTCTCTCG	TTTGTGAGGC	GCCTGAGGCC	TACTCCCTGC	AGATGCCACC	CTTAGCCAAT	360
GTCTCCTCC	CTTCCCCCAC	CGGTCCAGCT	GGCTGGGACA	GTATCCAGAA	A	411

Name: 34      Len: 308      Check: 3A1

CCGCGAGAGC	TGGGTGAGGT	GGGACTGGTG	ACTCTCAGAA	GCTCCTCGGT	GCACTTTTGT	60
CTCGGCAGAC	TGGGAGGGAG	CAGGCGCTCG	CGGAANACCG	TCACTTACTG	GGTTTGTTC	120
CCTGTCTTCA	GCAAGTTTTT	GTCTTTTGGG	CAGAAGCCTG	TTGACCAACT	GTGGGCCACC	180
ACAGTCTTTC	ACAGAAAGGT	GGCACCAGGA	GTGGTTTGTG	GCCCTCACTA	CCAAAGCCAC	240
GGGAAGCCCA	ATTTCCAGTA	GGATTGCCCG	TTTTGAATTC	TTTTCCCAAA	AGCTAAATNG	300
AGTTTNAC						308

Name: 35      Len: 435      Check: 21E

AAAAAGCCAT	TAATATTCAA	ACAAAGGAAT	CACATTTTAA	AAACCCCTATA	CATAAGAAAC	60
AGCCTCCAGG	AACATTCAA	CAGCAGTCA	GAGGGAAAAA	TGTTTCAATA	GCCCAGTTTT	120
CTTCAAAGTA	TGCCAGAGAA	TACAATCCAA	TTCAGTCTTA	CAATTCATAG	AATTNGTCA	180
TGTTTTCTTG	AGACGCTGAG	GTTCACTCTT	GGCAGTTTCC	AAGTGGCCGC	ATGTGCTGCT	240
CAGAAAAGCC	AGCCAGAGCN	AGCTGCCCGG	AAGAAGTTTC	ACTGCTGGAA	AACTGCTCCG	300
CTCCCAAGGA	AAGCCCAAGC	AAGGCTGGGG	CTGTTGGCTCA	CAACTTCATC	CTTTCTCCAG	360
GGTCATCCAG	CTCCACGTCA	CTTGAAGTCA	ATGTCTGTCN	CCACAGGGAA	GCTCACCATC	420
CTTTGCCATC	CCAGG					435

Name: 36      Len: 505      Check: 2510

CCGGCAACGT	ACACCTTTTT	TATTAAGGGG	CTTCTATTGT	GTTCTGAAGT	TCCATCTCTG	60
------------	------------	------------	------------	------------	------------	----



THACAAAGAT AATATACTTT AAATACCTG SAATGCTGT GTTAAATATA TTTTGATG 120  
TGTGTGTGTA TTATATATAC TACTATATTA TGAACACCTG AGTCATGAA GTTCTTGCAA 180  
AGTGTGCTTT AAAATGCTCA ACCTTTTTTA CTTTTTTCAT ACATGGAAT CACTATTCTT 240  
ATGAAGGCTT GCATATGAA AAAAGTCACT TTGCTGTGAG AGGTGTGAG CATCATCATT 300  
TTTGAGGCTT TGCCATCTTT TATTCTGGGA AGCTTTTCTG GGTTCAGTGA CATCATTACT 360  
TTTACTAAG TTTTCTCGT TGCTTAAAG GCTGTCTGT AGCAACACT GTCTCATCCG 420  
TTCAAGCTT TTCAAGCAG TTTAGCTATT TGAAGGGG SCITTTCTAG TTCATCTTT 480  
CAATATAAT TGCTGGCAT GCGT

Name: 37 Len: 451 Check: A37  
TTTTCTGAG TTTAAATGAT AAACCTTTAT TGTGAATATA CTGTTTTTGG ACRAGATTTA 60  
ACCAAGCATT TTCTGGGATT ATAAATATT TATAACAGTA TTATACAAAT TTTTACAAAA 120  
TTTTCTTAT AGGCTAGGTA ATTTTCACAA AASTGTCAAG AGAACAAAT AAAGGGGAGA 180  
AAAGATCTAT TGTTCACAAA AGCCAGTTGG CTTTTTGCAT GAATGCACAC CATTTTAATA 240  
AAAGTATTTC TAAAGCATG ATCCGACACT CATACAAAC ACACAAAAAG ACAGCTTTAC 300  
TAGGTACAT TATAAATCA ACTGGCATCT ACACAAGACA GTATCCCAT AGTTTCAGTG 360  
GAATTTGAGA TAACTTGTGT GAACTAGAAA TAAGGTAGAT GAAGAGTTGT CCAATTCTTC 420  
NAAATCTTG AATTTTTTTT CACACTCCAA

Name: 38 Len: 245 Check: CDE  
GATTTGCTT GTTGTACCT TAAGAGCTAC AGGTAGAGAA ACCTTCACGG GTTGGAGAGA 60  
GGATTCTAAG GCTTTTCTAG CGTGACCTT TTCAGTAGTG CTAGTCTCTT TTTTACTTGA 120  
TCTTAATGGC AAGAAGGCCA CAAAGGTACT TTTCTTTTT TAGGTACAGA AATATGTCAG 180  
GCTCAACCA CTCTCAGGC AGTTAATGG ACACTAGTCC ATTGTATAT GAGGTGATAG 240  
ATAGC

Name: 39 Len: 403 Check: 185  
AATTCAAAGG TAAATACACT GAGTAAAGAG CTACATTGAG AGTTCTTASA AGTTATGAAT 60  
GAAATCTGGG CTAGTATCA AATCAGAAGT GCTTCTCTTA TCTCATGAA GCTAGGCTGC 120  
TTTATTGAG GTCTGATAT CAACATGTTA GCTCTTGCA AGAAGCTTCA AGAGTAACA 180  
CAGCTATCAC AAGAAGCACA GAGAATAGTT GAGAACTTG AAAAGTCCAC AAAGCTATT 240  
GTGGGTGCA TCAATGGATC CTGCTGGGA GGAGCACTG AGTTTCTAT TTCATGCCAA 300  
TACAGAATAG CAACAAAAGA CAGAAAACA GTATTAGGTA CCCTGAAGTT TTGCTGGGGG 360  
CCTTACAGG AGCAGGAGGC ACACAAAGGG CTGCCAAAA TGG 403

Name: 4 Len: 433 Check: 1372  
GACTCTTCA CGTCAGGCTC AGGTTCCATG GGAGGACGAA GCASTGGAGG CATTTGTGGGC 60  
TTTAGGGACA GATGAGTTTT CCAGATAGTG TCAGCTTATT TGAAGATTAA TTTCTTTGT 120  
TAACTTAAAA TAACTATTT AACCTTGAG TGGCTTCTTT ITAAACCAA AACCGTCTTT 180  
CTTTCTTTT TTATCACAGC AGAATCAGGA TCTCTTTCT ATTCAAGGG GGAACACCC 240  
CAGGGTCAGC GCTGCGCCTG CTGTGGCCGC CGCAGCCAC GNCCTCTGG ATTCTTTTG 300  
TACCTGACT CTTGGCTTGT GCCTTCCACA ACTTCTCGGT TGAGATCCC TATGGGGGA 360  
AGCTTGCTC AANGTCTCT GGAACITGGT CAGAAGCAAG CGCTGGGTH GGGTGTTCNC 420  
CTGGGGCCAA TTT

Name: 40 Len: 527 Check: 26AF  
GGACATGAG GGCCTCCAGT GTCTCCTGTC ACACTGGACA GAAGATGCT CTGATTGGTC 60  
TGCGACATG GAAGAGTGAG CCTGGTCAGG TGAAAGCAGC CATTAAACAT GGCCTTAGCG 120  
CAGGCTACCG CCACATGAT TGTGCTTCTG TATATGGCAA TGAAACTGAG ATTGGGGAGG 180  
CCCTGAAGGA GAGTGTGGGG TCAGGCAAGG CAGTCTCTCG AGAGGAGCTG TTTGTGACAT 240  
CCAGGCTGTG GAATACTAAG CACCACCTG AGSATGTAGA ACCTGCCCTG CGGAAGACAC 300  
TGGCTGATCT GCAACTGGAG TATTTGGACC TCTATTGAT GCACTGGGCT TTAATGCCCTT 360  
TGAAAGCGGG GAGACAATCC CCTTTTCCCA AGAAATGCCG AATGGGAAT CTCAGATATG 420  
ACTCCAATC ACTATTAAAG AGACCTGGAA GCTCTTGGA ACTACTGCTG GCAAGGGG 480  
CTGCTGAAG CCGTGGGCT TGTCCAACIT TCAACAGTGG GCAAGAT 527

Name: 41 Len: 449 Check: 516  
CATATTTGAG AACAGCACAC TGGGAGAAGC AGAGATTGAG CGTGGGNG ASTAATCCTG 60  
AGAGAGATG AGGAGTTGA AACCAACTG CAAGAAGTTG TTTTGAATA TCTTCATGCG 120  
ACAGCTATCA AATACTGCA CTTGGACGGA CAATTCTGGG ACCAACTGAA AATATCAAAT 180  
CTATAAATG TAAAGACCTA GTGGATTACA TAACACACA CTACAGGGA CCAAGAATTG 240  
TACTGGCTG CCGTGGAGGT GTTTGCCATA ACGAACTGCT GGAGTTAGCA AAGTTCCATT 300  
TTGTGACTC TTTGTGCTCA CACAAAGGGA GGTATAACAG CTCTGCTCTG CTGGCAAGTT 360  
CACTGGAAT GAAJATTGGG GGTGAAGGGA TGACCAGGAT GGCCTTTGGG GAACCTTGGC 420  
AATAACTGCT TTGANCCAAT TTGGTTGGG

Name: 42 Len: 411 Check: 13A6  
TTTTCTTGGC CAATGGCTCT CGGGGCGCT CAGAGCAGTT CATCAACCTG CGAGAGGTCA 60  
GCACCTGCTT CCGCTGCCA CCGGGGAGT ATGTGGTGGT GGCCTCCAC TTGAGCCCA 120  
ACAAGGAGG CAGCTTCGT GCTGCGCTTC ATTCTCAGAG AAGAGTGCTG GCACTGTGGA 180

GCTGGATGAC CAGATCCAGG CCAATCTCCC CGATGAGCAA GTGCTCTCAG AAGAGGASAT 140  
TGAGGASAAAC TTCAAGGCCC TCTTCAGGCA GCTGGCAGGG GAGGACATGG AGATCAGGCT 307  
GAAGGAGTTG CCGATAATCC TCAATAGSAT CATCAGCAAA CAGAAAGACC TGCGGACCAA 360  
GGGCTTCAGG TAAGAGTGGT GCCGCAGCAT GGGTGAACCT CATGGATCCT T 411

Name: 43 Len: 455 Check: 1D9D  
TTTCTATTAA CAACTCCAC 3GTGGGAAGA CAGTTTATCA CTTAGTCTTA TACTTTTGGG 60  
CAGCTCAGCT CTGCACAAAT GAGATACATT TGAAGAGTAG TCTGTTTGGC ATCTGTCTATA 120  
TTTTAATCCA CAAACAAAGG AACTCCCTA AATTGAACCT GTCTAAATCC AGCTTTCCCTC 180  
AAGCTCCTTC CTAAAGACTA CACAAATTAG TCATTGAGAG CATCTCTGA TTTAATGTTT 240  
CCTAGAGGCA GAGCTATCAG CAGAGCTGGT GTCACCTGAA CAGAATGGG AGCTTCCAAA 300  
GGGAATACCT TCGAGCTTCA TGCAAAGTCT AACTCAGGAG GGAACAGGGC TCCCTCTTGG 360  
CTAAGAGAT GCTCTTATC CTGGACAGCA ATCAGCTGGC TCTCTTAAG AATGGGGTGG 420  
GTCAAAGGGG NACATGAGCT CATGAAATGT TCAGT 455

Name: 44 Len: 312 Check: 7C1  
CTCAGTGTGA GNAGATATGG AGCGGAGAGA CGTTGACTTT GAGCTTATCA AATAGAAGG 60  
CAAAGTGGGC GGCAGGCTGG AGGACACTAA ACTGATTAAG GGCGTGATTG TGSACAAGGA 120  
TTTCAGTCA CACAGATGCG CAAAAAAGT GGAAGATGCG AAGATTGCAA TTCTCACATG 180  
TCCATTTGAA CCAACCAAC CAAAAACAAA GCATAAGCTG GATGTGACCT CTCTGGAAGA 240  
TTATAAAGCC CTTCAGAAAT ACCGAAAAGG AGAAATTTGA AGAGATGATT CAACAAATTA 300  
AAGAGACTGG TT 312

Name: 45 Len: 600 Check: 1915  
TCCGGAGGCG ACGTCGGCAG TCGGCTCCCT CGTTGACCGA ATCACCAGCC TCTCTCCCCA 60  
GCTGTATTTC CAAATGTGCG CTTTCTAACA AGCTGACGCT GGACAAGCTG GACGTAAAG 120  
GGAAGCGGGT CGTTATGAGA GTCGACTTCA ATGTTCTAT GAAGAACAAC CAGATAACAA 180  
ACAACCAGAG GATTAAGGCT GCTGTCCCAA GCATCAAATT CTGCTTGGAC AATGGAGCCA 240  
AGTGGGTAGT CTTATGAGC CACCTAGGCG GGCCTGATGG TGTGCCCATG CCTGACAAGT 300  
ACTCCTTAGA GGCAGTTGCT GTAGAACTCA AATCTCTGCT GGGCAAGSAT GTTCTGTTCT 360  
TGAAGGACTG TGTAGGCCCA GAAGTGGAGA AAGCCTGTGC CAACCCAGCT GCTGGGTCTG 420  
TCATCCTGCT GGAGAACCTC CGCTTTCTATG TGGAGGAAGA AGGGAAGGGA AAGATGCTT 480  
CTGGGAACAA GGTAAAGCC GAGCCAGCCA AAATAGAAGC TTTCCGAGCT TCACTTTCCA 540  
AGCTAGGGGA TGTCTATGTC AATGATGCTT TTGCACTGTC ACAGAGCCAC AGCTCCATGG 600

Name: 46 Len: 598 Check: 154B  
TTATGCCAAA AATGGAGAAC TACTTAAATA TATTGCGAAA ATCGGTTCTAT TCGATGAGAC 60  
CTGTACCCGA TTTTACACGG CTGAGATTGT GTCTGCTTTA GAGTACTTGC ACGGCAAGGG 120  
CATCATTCAN AGGGACCTTA AACC GGAAAA CATTTTGTTA AATGAAGATA TGCACATCCA 180  
GATCACAGAT TTTGGAACAG CAAAAGTCTT ATCCCAGAG AGCAAACAAG CCAGGGCCAA 240  
CTCATTGCTG GGAACAGCGC AGTACGTTTC TCCAGAGCTG CTCACGGAGA AGTCCGCTG 300  
TAAGAGTTCA GACCTTTGGG CTCTTGATG CATAATATAC CAGCTTGTGG CAGGACTCCC 360  
ACCATTCGA GCTGGAAACG AGTATCTTAT ATTTGAGAAG ATCATTAAGT TGGAAATATGA 420  
CTTTCAGAA AATTTCTTCC CTAAGGCAAG AGACCTCGTG GAGAACTTT TGGTTTTAGA 480  
TGCCACANAG CGGTTAGGCT GTGAGGAAAT GGNAGGATAC GGACCTCTTA AAGCACNCCC 540  
CTNCTTCGAG TCGTCACTG GGGAGANCTG CACCAGCGAC GCCTCCGAAG CTCACCGT 598

Name: 47 Len: 485 Check: 2256  
AAATTCAGAA AGSAGTATTT GAGGTGAAT CCACAAATGG GGATACCTTC TTAGGTGGGG 60  
AAGACTTTGA CAGGCTCTG CTACGSCACA TTGTGAAGGA GTTCAAGAGA GAGACAGGGG 120  
TTGATTTGAC TAAAGACAA ATGGCACTTC AGAGGGTACG GGAAGCTGCT GAAAAGGCTA 180  
AATGTCAACT CTCTCATCT GTGCAGACTG ACATCAATTT GCCCTATCTT ACAATGGATT 240  
CTTCTGGACC CAAGCATTG AATATGAAGT TGACCCNGTG CTCAATTTGA AGGGATTGTC 300  
ACTGATCTAA TCAGAAGGAC TATCGCTCCA TGCCAAAAAG CTATGCAAGA TGCAGAAGTC 360  
AGCAAGAGTG ACATAGGAGA AGTGATTCTT GTGGGTGGCA TGACTAGGAT GCGCAAGGTT 420  
CAGCAGACTG TACAGGATCT TTTTGGCAGA CCGCAAGTAA AGCTGTCAAT CCTGATGANG 480  
CTGNG 495

Name: 48 Len: 293 Check: 744  
AAAGAAATGA ATTGCGAGCAG ACTATTAATA AATTAACCAA GGACCTCTGA AGCTGAACAA 60  
CAGAAGTTGT GGAATGAGCA GTTAAATAT GCCAGAGNAN NGAAGCGATT GAAACACAAT 120  
TAGCAGAGTA TCACAAATG GCTAGAAAAT TAAACTTAT TCCCTAAAGG TGCTGAGAAT 180  
TCCAAAGGTT ATGACTTTGA AATTAAGTTT AATCCCGAG GCTGGTGCAA CTGCTCTGTT 240  
CAAAATACAGG GGNCAAGNTT TATGTACCCG CTTAAGGAAC NCCCGAATGG AAA 293

Name: 49 Len: 632 Check: A95  
GGCAGAGAAAT CAAAAGTTTC TGTGGGAATT TTAAATATAA AACTTGAAAT STATCCACCA 60  
CTCAATCAAA CTTATCTCA AGAAGTAGTG AACACACAGC TTGCTTTGGA ACGTCAGAAA 120  
ACTGCAGAGA AAGAGGAGT ATTTCTTGTA TATGCTAAGC AGTGGTGGAG AGAATATTTG 180  
CAAAATTCGAC CCTCAGACAA CTCAGGACTG GTTAAGATTT TTGCACAGGA TGAAAATGGG 240



ATGAGGAGAG CAGTGTGTTG CTATGTTAAA TCACTTCGAG CTGGAAGGCT TCTTGATACT 120  
 CCAAGGAAAG CAGCAAGATT TGTTAATGTC GTTGGTTATG AACGAGGCCC TGTATTGGA 120  
 GGAGGAGTA AACAGGAGCA GTGGTBCACT GTGCTGGGCT TTCTTGTAJ AAACAAGGGT 120  
 GACTGTGAAJ ATCAGGCTAA CTTTCTGTGC AGCTTCTTTC TTGGATATG ATTAGAAGCC 480  
 TTTGTTGTG TTGGGACCAA GGCAAAAGSA GTACCTCATG CATGGGTTAT GACTTGTGGA 540  
 ACTGATGGGG GCATCACTTT TGGAAGAGTT TANAGGAGCC AGTACCTTCC TAAACCTACN 600  
 AATCTGATG AACCTCCANT GGTGAACAGN CC 630

Name: 5 Len: 603 Check: 1038  
 AGGATGACCT CCACTTCATA NAAACGAGT AGAAGATGAG AGCTTGGATA ACACATGGCT 60  
 AAATAGGANT GACATCATGA TGCAGACTCC TGCCGCGCTG CCAGGACCAJ AACTCACATC 120  
 CACTGTACTG CGGGAGAGCA GTGGGCGCAT GGGAGATCAG ATTCAAGAAC CTGAGTCTGA 180  
 ACATGTTCTT GAACAGAGCT TTTTACACAA TCTTCAGATG CAGATCTTJT GGTTAGGCCA 240  
 GCGGAGTTTA GAAGACTTAA ATCGGAAGGA CAGAAGAGGA ATGAAGTACA TGAAAGTGAG 300  
 AACTGAGTG AGGCATGCTG TTCGGGGTCT AATGGAGGNA GATGCTGAGC CCATCTTTGA 360  
 AGATGTGATG ATGTTCATCC GAAGCCAGTT AGAAGATATG AATGGAAGAA TTTGGAGGAC 420  
 ACCATGGGTT ATTGATCTGC CTCCCATCAA GAAATCGGCG AGANGAGAJO TGAGCTAAGG 480  
 CCGAGACTTC CTTTGACTCT GCCANTTATC CATNGGAGNT GGAATTCANGG ATTTGGGAAT 540  
 CCGTATGCT TCTTGAAGTN CTGGGAGGAA ACTTTCCAAA CCTNGGAGCC CTATTAATTT 600  
 TGG 630

Name: 50 Len: 582 Check: 181  
 CCAAGGATC CAAAATCCCC AAGCCCCGGA AGCCCCCTAA GCGCCCAAGG CCCCCCAAAA 60  
 CGCTGGAAGCT CAAAGATGGA GGCAAGAAGA AAGGGAAGAA GTCCCGGGAG TCAGCCTCAC 120  
 CCACCATCCC CAACCTGGAC CTGCTCGAAG CCCACACCAA GGAGGCACTG ACCAAGATGG 180  
 AGCGGCCCCAA GAAGGGGCAAG GCCACAAAGA GTGTCTGAG TGTGCCCCAAG AAAGATGTGG 240  
 TTCACATGCA GAATGATGTG GAGAGGCTGG AAATTCGAGA GCACACCAAG AGCAAGTCAG 300  
 AGGCAAGTG GAAGTACAG AACAGCAAAC CTGACTCCTT ACTGAAGATG GAAGAGGAGC 360  
 AGAAGCTAGA GAAGTCCCT CTAGCTGGA ACAAAGACAA TAAGTCTCT TTTTCTTTCT 420  
 CCAACAAGAA ACTCCTCGGC TCCAAGGCTC TCAGGCCCCC GAGGAGCCT GGTGTGTTCTG 480  
 GGGCTTTGCA GAAGTTCAG GAGGACAAGC CCAAGCTCGT GCGGGATGAG TATGAGTACG 540  
 TGTGGGATGA CGGTGAGCTT CAGATCGAG AGTTTCCCAT CC 582

Name: 51 Len: 523 Check: 1E87  
 GGTGAGCTGC GAGGTGACTG GCTAGCTGCG TGGGTACTGG AACAGGCAA CGAGGCAGCG 60  
 AGCGAAGGAC GGGAGCCGGA CCCTGGGCCC CGTGGAACCTC CAGCCTGGGC CACCACGTCA 120  
 CGCACAGGCT CGGCGCTGCG ATCCGCGCAT ATAACGATAT TTGGATTGGA CCGCATTTT 180  
 GGAATTTATC TACACTTAAA ATGCCACCAG CAGTTGGAGG TCCAGTTGGA TACACCCCC 240  
 CAGATGGAGG CTGGGGCTGG GCAGTGGTAA TTGAGCTTT CATTTCCATC GGCTTCTCTT 300  
 ATGCATTTCC CAAATCAATT ACTGTCTTCT TCAAAGAGAT TGAAGGTATA TTCCATGCCA 360  
 CCACGAGCGA AGTGTGATGG AATATCTTCC ATAATGTTGG CTGTGATGTA TGGTGGAGGT 420  
 CCTATCAGCA GTATCTGGT GAATAAATAT GGAAGTCGTA TAGTCATGAT TGTGTTGGC 480  
 TGCTGTGAG GCTGTGGCTT GAATTGCAGC TTCTTTCTGT AAN 523

Name: 52 Len: 348 Check: 1165  
 GCAGGCGCAA NTACCGGCGC TCGCAAGGA CCGTSSAAGC TACCGTTACC CCGCCGGCAG 60  
 CCGTGGGCGCA TGAGCAGCTC GGGACTGAAT TCGGAGAAGG TAGCTGCTCT GATACAGAAA 120  
 CTGAATTCG ADCCCACTT CGTACTTGC CAGAATGTG GGAACACCCA CGACCTGCTG 180  
 CACATCTGTG TGAAGCGGCG CACGCTGCAG CCGCGGCANA TGCTGTCCA GCACCGCGTG 240  
 CCGCAGGAGG GAAAGCCAA CACCAACCAG AAGAGCTCAG GCGGATGCTG GATCTTTTCT 300  
 TGTCTGAATG TTATGAGGCT TCCATTGATG AAAAAGTTAA ATATTGAA 348

Name: 53 Len: 355 Check: 1808  
 GCGCGGCGNC GCGGGCTANT ANGNAGGGTG CAGAGAGAAC ACGCTAGCA TGAACAGTGT 60  
 GAGGATTTCA CCAGCTTTT CACCATGAAG GAGATAGACC GGGAGCGCTT GCGACANAGG 120  
 TGAAGGGGT TGTGGGATG CTCCAGCGCT CCGACAGCT GGAACAGCTG GAGCAGTATC 180  
 GAGGAGAGA AGCGGCGAAG AAGCCCTCCG TGGACANGAA TTTGAAGAGA GCGGATCTGA 240  
 AAGCTCAGCT CCGGATTTCT GTCTGTGGG TCAGCGCTCC TGGGCGTAA TGTGGTGTCT 300  
 GGTGAAGAG CAGGAAGCTC CCGCGCCCAA AGCCAGTTGA AGTTCTGAC CGTTC 355

Name: 54 Len: 330 Check: 2652  
 AACHATGCH TTTTCTCTT CTACACACTT GGGGCTCATG TCTGAGCTG CAGAGGAGGT 60  
 GCGACTGGA CCAGAGGCTG TGGATCTGCT GTGGGCGATG TGTAGGCGAG CTTTAGAGTC 120  
 CCGTAGAAG AGCATCATCT TTGAGCTTAA TCTCTCTGTG GTGAGCTCCA CTGATCCCAA 180  
 CACTCTGGG TTTAAGCTA AGAAGAAGAA TTATGAAGCG GCTTCAGAAA GCTCTGGGAT 240  
 AGTGTGATCT CTATTCGGG AGATGACCCA GGGCTCATAA TTTGAAATC AAGAAACAGA 300  
 TGAACAAAG TTGATCCCT CTGGGCTCAT 330

Name: 55 Len: 451 Check: 1D53  
 TGNACAGAA AAGCTGTACG TTATATGTTG GAAATCTTTC TTTTACACA ACTGAAGAAC 60

AAATCTATGA ACTCTTCAGG AAAAGTGGTG ACATATAGAA AATCATTATG GCTCTGATA 120  
AAATGAGGAA AACAGCATGT GGATTGTGT TTSTGGAATA TTAATCAGG GAGATGCG 130  
AAAATCTATG GCGGTACATA AATGGAAGG GTCTGATGA CCGAATCATT CTTACAGACT 240  
GGGAGGAGG GTTTAAGGAG GGCAGGCAAT ACGGCGGTGG NGAATCTGGG GGCAGGTTG 300  
CAGGATGAG TATCGGCGAG GACTACCGAT GCTGGGAAGA GAGGCTAAT GGGAAAAGT 360  
GCCAGAAAGC AGTGAGTGGT TGAGAGCTCT GTCAGTGACA AACACTCTT TGGGCTGTTT 420  
GAATTTGCTG AAGAACATCA CTTAAAGTCG G  
Name: 56 Len: 353 Check: 1FEB  
GCATGTGAG TGATGGAAG CTTTACATA CTGACTGTGG ATCTCAAGTA TACCATTGAA 60  
AAATGAGGAA ACTTTTGGGA CTCACACCCAG CAGAAGGCTG TTAATGCTAT CATCGAGCAT 120  
GTCTGATGA GAGTGTGTGT CAGGGGCGCTG CTCTGCGAG ATTACTACTT GGTACAGTC 180  
ATCTGTGAG GCATCAAGT CCGAATCTTT GAGCGGGAAG CAGATGGCAG TGAAGTCCA 240  
GAGCTTTTGG GTGAGGAAG CAAATTTTTC ACTGAGTCGC GACTGCTTCA GAGAGATGT 300  
CAGATCATTC TGGAGAGCTG CCACAAACAG AACATTCTGG GTACCATCCT TCATC 355  
Name: 57 Len: 463 Check: 291  
TTSTTCTGGA ITCCCGTGT AACTTAAAGG GAAATTTTCA CAATGTCCGG AGGCTTGTAT 60  
GTCTGAGAA TGAAGGAGGA GGATGTCTT AAGTTCCTTG CAGCAGGAAC CCACTTAGGT 120  
GGATCATTC TTGATTTTCA GATGGAACAG TACATCTATA AAAGGAAAG TGAATGATC 180  
TATATCATTA ATCTCAAGAG GACCTGGGAG AAGCTTGTGC TGGCAGCTCG TGCAATTGTT 240  
GCCATTGAAA ACCCTGCTGA TGTGAGTGT ATATCTCCA GGAATACTGG CCAGAGGGCT 300  
GTGCTGAAAT TTGCTGCTGC CACTGGAGCC ACTCCAATG CTGGGCGCTT CACTCTGGA 360  
ACCTTCACTA ACCAGATCCA GGCAGCCTTC CGGGAGCCAC GGCTTCTTGT GGTACTGAC 420  
CCAGGGCTGA CCACAGCTCT CAAGGGGCAT CTTATGTTAC CTACCTAC  
Name: 58 Len: 394 Check: E20  
ACAGTGTGCG TTCAGCCCCA GGACTCGGAC TCGGCTCAGA CTCGGTTCT TTGTTTCTG 60  
GAAGGTGGA CCGGGAATCA GCGGGCCAGG CTCGAGGGCC AGGTCCAAGG TCACAGAGCT 120  
TTGGAGGTCA CTGTAGGCG GTGCGAGGA CCGGCTTGAG ACAGGAAGTC CTTGGGTGA 180  
CAATGAGCAG GGTGGGAGAC AGGGGCGTGG GATGGGGGAC TCCAGAGGTC AGGGGTCTCT 240  
GGGTGGAGG GGAGGGGACT CACGGCTCCC AAGCAGGTTT TTAGAAGCTT TGTCAATGTA 300  
AAGGCAGATG TTGSACTSTA CCAGGGTCTG CTCAGAGACC ACCTGCTCCC GACACTCAA 360  
CGCAGACCTG GGGATCTCG CAGGTATGAA CTGC  
Name: 59 Len: 296 Check: 10B1  
GCCAGGCGTA CTGACAGGTG GAACACCGGA CTGGTGGAGA TGGCGACGCT CTCTCTGACC 60  
GTGAATTCAG GAGACCCTCC GCTAGGAGCT TTGCTGGCAG TAGAACACGT GAAAGACGAT 120  
GTCAGCATTT CCGTTGAAGA AGGGAAGAG AATATTCTTC ATGTTTCTGA AAATGTGATA 180  
TTCACAGATG TGAATTCTAT ACTTCGCTAC TTGGCTAGAG TTGCAACTAC AGCTGGGGTA 240  
TATGGCTCTA ATCTGATGGA CCATACITTA GATTGATCAC TTGGTTGGTA GGTTTA 296  
Name: 6 Len: 573 Check: EDF  
GGGACGCGC GAGCCTGCTG AGCCTGCGCA GCGCCTCACA GSAGGCCAG CCGAGTGCA 60  
GTCCAGAAGC CCGCCAGCG GAGGCGNCAG AGTAAAGAG CAAGCTTTTG TGAGATAATC 120  
GAAGAACTTT TCTCCCGCGT TTSTTTGTTG GAGTGTGCG AGSTACTGCT TTTGGAGAAC 180  
TTGTCTACAA CCAGGGATG ATTTTAAAGA TGTCTTTTTT TATTTTACTT TTTTAAAGC 240  
AGGAAATTTT GTTGTTTTTT TTTTTCTCC CTTCCCCACA GATCCCATCT CAAATCATTC 300  
TSTTAACCA CATTCCAACA GGTGAGGAG AGCTTAAACA CTTCTTCTCT CTGCTTGT 360  
TCTCTTTTAT TTTTATTTT TTCCACACAG TATTAATGTT TTTTGCATAC TTTGCATCTT 420  
TATTCAAAAG TTTTAACTTT CTTTGTCTCA ATCTATGGGA CATGGCCCAT ATATGGAAG 480  
AGATGGGCTG GGGTCAAAA GGGGATATCA AATGAAAGTG GATAGGGGGC CACAATGGG 540  
GAAATTAAG TGGGGGATA ACATGGCCAA AAT  
Name: 60 Len: 436 Check: BE0  
CGGACTCTG GGGAAAGTGA CCGGAGAGAG AGGGGGCTAG CTAGCTAGTC TGTGCGGACT 60  
AGGAGAGCTC CTGGGCGCGC CCGGTGTGAG GCGGCTCAC AGGGCGGGGT GGGCTGCGA 120  
GGAGGGGCG CCGAGGAGG TGTGAGGAG GTGTGGAACA GAGGCGGGA CAGAGGAAGC 180  
ATGGTCTGCT AGAAGCTGAG CAGCTTTTGC CTGTTGCTGC TATACCTCAT CCGGGCGGTC 240  
ATTGGGAGG GAGATTTCTA TAAGATCTTA GGGGTGCTC GAAAGTCTC TATAAGGAT 300  
ATTAAGAAAG CCTATAGGAA ACTAGCCCTG CAGCTTCATC CCGACCGGAA CCCTGATGAT 360  
CCACAAGCCC AGGAGAAATT CCGGATCTG GGTGCTGCTT ATGAGGTTCT CTCAGATAGT 420  
GAGAAC  
Name: 61 Len: 461 Check: 1AAE  
CGCTTCTGT ACAAGGGGGA GGGGCTGAGC AAGATCAGCC ATCGGGGACT ACCTGGGGGA 60  
GAGGGAAGAA CTGAAGCTG CAGTGTCTCA TCGTTTTTGT GATCTGCATG AGTTTACCGA 120  
CCTCAATCTG GTGAGGCGC TCAGGAGGTT TCTATGAGC TTTGCGCTAC CCGGAGAGG 180  
CCAGAAAATT GACCGGATGA TGGAGGCTT CCGGAGGGA TACTGCTGT GCAACCTG 240  
GGTTTTCCAG TCCACAGACA CGTGTATGT GCTGTCTTC GCCGTCTCA TGTCAACA 300

244  
CAGTCTGAA AGTGGGATG TCCGGGACAA GCGGGGCTG GAGGCTTTG TGGGATGAA 360  
CCTGGGATG AACAGGGGG GGGAGCTGGC TGAGGAGGTG CTCAGGAAG TGTAGACAG 421  
CATGDBAAAT GAGCTTTTA AGATTCTGA GGATGAGGG A 461

Name: 62 Len: 422 Check: 2103  
ATCAACAAGG AGATGCTAAA GGTGGGAAAG CAGAAAGCCT TGGTCAAGGA TACAGAGCTG 60  
GACTTGCATG GTTATTAGGA GATGCTGAAG AACTGCCCTT TGATGATGAC AAGTTTGATA 120  
TTTACACCAT TGGTTTTGGG ATCCGGAATG TCACACACAT TGATCAGGTA CTCCAGGAAG 180  
CTCATGCGGT GTTAAACCA GAGGACGCT TTCTCTGTCT GGAATTTAGC CAAGTGAACA 240  
ATCTCTCAT ATCTAGGTT TATGATCTAT ATAGCTTCCA GGTGATGCT CTCTGGGAG 300  
AGGTGATG TGGAGACTGG AAGGCTATCA GTACCTTGTA GAGATATCC GAAGTTTCCG 360  
TCTTGGGAGG ATTTCAAGGA CATGATAGAA GATGAGGCT TTCAACAGT GACTTACGAA 420  
AG 462

Name: 63 Len: 280 Check: 060  
AGAAGTAGAG CAGAAGAAGA AGCGGACCTT CCGCAAGTTC ACCTACGCG GCGTGGACCT 60  
CGACTAGCTG GTTACATGT CCTACGAGCA GGTGATGAC CTGTACAGTG CGCGCCAGGC 120  
GGCGGCTGAA CCGGGGCTG CCGCGGAAGC AGCACTCCCT GCTGAAGCGC CTGCGCAAGG 180  
CCAAGAAGGA GCGCGCGGCC ATGGAGAAGC CGGAAGTGGT GAAGACGCGC CTGGGGACA 240  
TGATCATCTT ACCTGAGATG GTGGGACGCA TGTTGGGCT 280

Name: 64 Len: 408 Check: A6C  
TGGGAGATG AAACAGAGGA AGAAGAAACA AAGCCCATG AGCTCCCTGT CAAAGAGGAA 60  
GAACCCCTG AAAAACTGT TGATGTGSCA GCAGAGAAGA AAGTGGTGA AATTACATCT 120  
GAATAACAC AGACTGAGAG AATGCAGAAG AGGCTGAAC GATTCACTGT ACCTNTGAGC 180  
TTGGAGATA AGAAAGCTGC TCGGGCAGCT AGGTTTGGGA TTTCTTCACT TCCAACAAA 240  
GGTCTGTGAT CTGATAACAA ACCTATGGTT AACTTGGGAT AAGCTGAAG AAAGAGCTCC 300  
AAAGATTGG TTTGAATGTC TCTTCAATCT CCAGAAAGTC TTGAAGATGA TGAGGAACT 360  
GAAGAGAGG GAAGGAGCGA TTTGGGATT GTCACAAGTT CAGCTGGA 408

Name: 65 Len: 463 Check: 100C  
AGCGGCTGG GCGAGGAGCG CGCGAGGCTG CTGCTGCTGC CCGCGGCGCG CGCGGCTGGA 60  
AACCGAGAGG CGAGGCGAAG CGCGGCGCCG TCTTATGCTG GGAGGATGCT GGAGAGTAGC 120  
GGCTGCAAAAG GGTGAAGGAG GCGGTGCTGG AGAAGCGCAG ACNNGGTTGT TGCAGCTCTG 180  
GAAGAAAAG TGTTCATCC TCACCGAGGA AGGCTGCTG CTTATCCCGC CCAAGCAGCT 240  
GCAACACAG CAGCAGCAGC AACAGCAGCA GCAGCAGCAG CAACAACAGC CCGGGCAGGG 300  
GCGGCGGAG CCGTCCCAAC CCAAGTGGCC CGCTGTGCGC AGCTTCGAGC CGCGGTCAA 360  
GCTCAAGGAA CTGCACTTCT CCAACATGAA GACCGTGGAC TGTGTGGAGC GCAAGGGCAA 420  
GTACATGTAC TTTACTGTGG TGATGGCAGA GGGCAAGGAG ATC 463

Name: 66 Len: 512 Check: 111A  
CGCGCAAGG GACGTGTTTC TCGCTCGCG TGGTCAATGA GGCGCTGCCG CTGCTAGCCG 60  
CGACAACTCC GGAACACGGC CGCCACCGAA GCTGCTTCTG CTGCGCTAC TGTGTTCT 120  
GCTGCGGGGT GGAGCTGTGC AGGGCTGGGA GACAGAGGAG AGGCGCGGA CTGCGAAGA 180  
GGAGTGCCAC TTCTACGCGG GTGGACAAGT GTACCGGGA GAGGCATCC GGGTATCGGT 240  
CGCGGACCAC TCGCTGCACC TAAGCAAAGC GAAGATTTC AAGCCAGCGC CTTACTGGGA 300  
AGGAACAGCT GTGATCGATG GAGAATTTAA GGAGCTGAAG TTAAGTATT ATCTGGGAA 360  
ATACTTGGT TTTCTCTCT ACCCACTTGA TTTCACTTT GTGTGTCAA CTGAAATTAT 420  
CGCTTTTGGG GACAGACTTG AAGAATTGAG ATCTATAAAT ACTGAAGTGG TAGCATGCTC 480  
TGTGATTCA CAGTTTACC ATTTGGCTGG GA 512

Name: 67 Len: 367 Check: 9A2  
GGAGAGCAAC ATTAGGATCT ACAGCGAGAG GCGGCTCCTT GGCTGAGCAA AGATGACATC 60  
GGAAGAATGT GACTCTTGGC GGACAGCGCA GTGGNCAGGG CTCCGGGCTG TGTCTCTAG 120  
GAGCGGAGCC GTTTGCTGGT GCTGGAGGGG GCGGACCTG GCGCTTCTT CCGCTGTGGC 180  
CCTAGGCTCT GTGGGCTTCT CAAGCAGCCG TTGGACATGA GTGAGTCTT TCGCTTCCAC 240  
CTAGACAGGA TCTTGGGGCT CAACAGGAAC CTGCGTCTG TGAGCAGGAA AGCAGAGTTC 300  
ATCCAAGATG GCGGACCATG CCGCATCAT CTCTTGGAT CATCTTTATC TTCAGCAAGT 360  
AATGACA 367

Name: 68 Len: 402 Check: 19DD  
TGCAGATGTA GATCTGAAA ACCAGAACCT TTTACTTGAA TCGAATTTGG GGAAGAAGAA 60  
GTATGAAACA GAATTTGATC CAGGTACTAC TTTCTTTGGA ATGTCASTAT TTAATCTGAG 120  
CAATGCGATT GTGGGCGAGT GAATCCTTGG GCTTTCTTAT GCCATGGCTA ATACTGGAAT 180  
TGCTCTTTTT ATAATCTCT TGACATTTGT GTCAATATTT TCGCTGTATT CTGTTCTATC 240  
CCTTTTGAAG ACTGCAATC AAGGAGGGTC TTTATTATAT GAACAATTGG GATATAAGGC 300  
ATTTGGATTA GTTGGAAAGC TTGACGATC TGGATCAATT ACAATGAGGA ACATTGGAGT 360  
TATGTCAAGC TACTCTTTCA TAGTGAAATA TGAGTTGCCT TT 402

Name: 69 Len: 545 Check: 140C  
GCGGCTGCG GCACTNNCA GGGCTGAAGC GCGGCGGCG GTGGGNDTG CAGTAGCCG 60

AGGCTGCTGCT ATGCTGCTGCT TGGTGGTGGG TGTGGTGAGC TGTACCTTCT TGTGGGAGT 113  
GAATGCTGCTG TATTGCTGCTA GTGATGATGT GATGGAATTA ACTCCATCAA ATTGCAAGC 184  
AGAAATATAT TAGAATGATA GTTTTGGCT TGTAGAATTC TATGCTGCTAT GGTGTTGGTCA 245  
CTGTAAAAGA TTAATACAG AATGGAAGAA AGCAGCAATT GCATTAAAAG ATGTTGTCAA 300  
AGTTGTTGCA GTTATGTCAG ATAAGCATCA TTCCCTAGGA GGTGAGTATG GTGTTGAGGG 360  
ATTTGCTACC ATTAAGATTT TTGATGCTAA CAAAAACAGA CCAGAAGATT ACCAAGGTGG 420  
CAGAACTGCT GAAGGCTATG TAGATGCTGC GCTGAGTCT CTGCGCCANT CGTGAAGGAT 480  
CGTTGGGGG ACCAAGCGGA GGATACATTT CTGGAACAAC AGGCAAAAT GATAATTCAA 540  
GTAA

Name: 7 Len: 487 Check: 15F0  
TAAGGGTTT TCTACTATGT CCACTTCTTA AAATGGGGCT GACAATTCCT TGTGGGGCCC 60  
TTACTGTTT TCTACTACAA TGTGTTGAGC TAACTCTTTA CATTGAGATG AATGAGAAAA 120  
AACTAACCTG GGTGTTGCTCT GTCTGTGATA AGAAGGCTCC ATATGAACAC CTTATTATTG 180  
ATGGCTTCTT TATGGAATTC CTAAAGTACT GTACAGACTG TGATGAAATA CAATTTAAGG 240  
AGGATGGGAC TTGGGCAACG ATGAGATCAA AAAAGGAAGT ACAGGAAGTT TCTGCCTCTT 300  
ACATGGAAT CTATGATGCT TTGAGCTCCA CATTGGAGCA TCAGGTAGCG TCTCACCACC 360  
AGTCTGAAA TAAAAACAAG AAAGTAGAAG TGATTGACCT AACCATAGAC AGTTTCATCTG 420  
ATTAAGAGA AGAAGAGCCA TCTGCCAAGA GGACCTGCTC TTTCTATCT CCTACATCNA 480  
CCTACTAG 487

Name: 70 Len: 359 Check: 19B0  
GCTACTGCA CGGGGACCA CAACGTGAGC CCAACATCT TCGGCTGGGT CTACAGGGAG 60  
ATTAATGATG ACCTGCTCTA CCAGATGGAC TGCCACGCGG TGNAGTGCGA GAGCAAGCTC 120  
GAGGCAAGA AACTGGCCCA CGCCATGATG GAGGCCTTCA GGAAGACTTT CCACAGTATG 180  
AAGGCGGAGG GGGGATCCA CAGCAACAGC TCCTCCGAAG AGGTTTCCCA GGAATTGGAA 240  
TCTGATGATG GGTGAATGAA CTTTNGACG CTTNAGCAAA GGCAGCATTG GTCACGGGGT 300  
TCAAGGGGAT TAGATTGAGT AAGCAACGTT TCAAAATTGG GATGAAAGAT TTCCAAAT 359

Name: 71 Len: 342 Check: 1BC4  
CTATGTTGCA ATTCCAAGAC CAAGTCAGTA GTATTACAGC TGGGTGATGG CCAGATATTT 60  
AAGTACCTTT GGGATGACC TTCTCTGGCT ATTAAGCCAT GGATGAACTC TGGTGGATTT 120  
CTGTTGCTG TTTCTTATCC ATGCACCCAG ACCGAATTGG CCATGATTGG AGAAGAGGAA 180  
TGTNTCTTG GTCTGACTGA CAGGTGTGCG TTTTTCATCA ATGACATTGA GGTGCGTCA 240  
AATATCACCT CATTTGCAGT ATATGATGAG TTTTATTGT TGACAACCCA TTTCCATACC 300  
TGCCANTGTT TTTGCTGAG GGATGCTTCA TTTAAACAT TACAGGCCGG CCTGAGCAGC 360  
AATTCATGTG TCCCATGGGG AAGTTTCTGC GG 392

Name: 72 Len: 344 Check: 65D  
GAGTTCACAG ACCGCACCTT GGCACGTTGT CCTCACTGCA GGAAAGTGTG ATCTATTGGG 60  
CGCAGATACC CACGTAAGAN ATGTATCTNC TGCTTCTTGC TTGGCTTGGT TTTGGCAGTC 120  
ACTGCTACTG GCCTTGNCCT TGGCACATGG AAGCATGCAC GGCATATATG AGGCATCTAT 180  
GCAGCTGCTG CATTTNTCAT CCTGTGCGCT GTGCTGTGTT TGGGCGGGG TCTTTATTGG 240  
GCCTGTATGA AGGTGAGCCA CCCTGTCCAG AACTTCTCT GAGCCTGATG ACCACAGAC 300  
TGTGCTGCTG CCCTCCCTGG TGGGGACAGT GACACTACGA AGGG 344

Name: 72 Len: 311 Check: 1E74  
GTGGATGGG GTGCTCTTCA TCCTGCGCTG CGGCAAGGCC CTGAACGAGC GCAAGGCCGA 60  
GTTGAGGCTG CAGTTCATG ATGTGGCCGG CGACATCTTC CACAGCAGT GCAAGCGCAA 120  
CGAGCTGCTG ATGCGCGTGC AGCCCAACGA GCGCGTGTAC ACCAAGATGA TGAACAGAA 180  
GCGGCGCATG TTTTCAACC CCGAGGAGTC GGAGCTGGAC CTGACCTACG GCAACAGATA 240  
CAAGAACGTC AAGCTCCCTG AGCCTATGA GCGCCTCATC CTGAGCTCT TCTGCGGGAC 300  
TAGATGCACT T 311

Name: 74 Len: 176 Check: 1B5C  
CTGCTGCTG GALATGTTTG ATGCTACTCT GAAAGATCGA GAAGTGAAGT TGTAGTGGG 60  
TCTAGTACT ACCATGTTTC TGCATTGGGT AGTGGGAATG GTATATGNT TCTACTTTGC 120  
TTCTTTCAAT CTACTACTGA GAGAGGTAAT TNGACCTGCT GTCTGTGCT TTTTAA 176

Name: 75 Len: 276 Check: 120F  
GCAAGATGGG TTCAAGCGCC AGTACCTGTC AACTCCAGAT AGTCAGTCTC TGGCTGTGA 60  
GCTCATTTGC TACATCTGTG GGGTAGTCCA NCCTTCTAAT GAAGTACTGA GTTCAGATAT 120  
CTTGGCTGCTG TGGGCCATCA TTGGTTGGCT CCTGACAAAG TGCACGTCAA ATGTGCTGC 180  
TTTCAATGCT AAGCTGGCTT TGTGTTATGA CTGGCTGTTT TTTAGTCCAG ACAAGGATAG 240  
CAATATGAAC ATAGAACCAG CCATCTGCT CATGCA 276

Name: 76 Len: 310 Check: 21A5  
ACACCTCTCT GTGCAATGGG TATTGGCTTG CCTGGCTGAT TCATGTGGGA GAGTCTTGT 60  
ATGCTATAGT ATTTGTGCAAG CATAAAGGCA TCACAAGTGG TCGGGCTCAG CTACTCTGGT 120  
TCTACAGAC TTTCTTCTTT GGGATAGCGT CTCTCACCAT CTTGATTGCT TACAAACGGA 180  
AGGCGCAAAA ACAAACTTGA AGTTGTCTGA AAGCTTGTCT TACACTTTTA CATTCTCTCT 240

CAGCTTTTTC TTCTGAGGT AGAGGAGGTT GCAGTANTTT ACTCAGTBAI TTCTCTACTT 300  
 TTTAGAAACT 310

Name: 77 Len: 235 Check: 102E  
 CCTCAGTGT ATGGGGGCGCA ACAAGAAGAA BAAGGAGAT GGTGACGACC GGGGGGCGAG 60  
 GCTCTTCTT AGCTTDSAGC AGGAGAAGAG GCGGGAGTAC CTGACAGGCT TCCACAAGCG 120  
 GAAGGTGAG CGAAAGAAGG CAGCCATTGA GGAGATTAAG CAGCGGCTGA AAGAGGAGCA 180  
 GAGGAAGCTT CGGGAGGAGC GCCACCAGGA ATACTTGAAG ATGCTGGCAG ASAGASAAGA 240  
 GGTCTGAGAG GAGGCAGATG AGCTGGACCG TTGCTGACA GCAAGACCG AGTCC 295

Name: 78 Len: 406 Check: 233E  
 CAAAAAGCTG GTNGGCTCCA GACCCGACTT TTCAACCCAG GAGCAACAGA CACGGGATTT 60  
 GCACTGTCTC CTCACACAG GAGAATTTT CAGGTTGCTG GNGGAGAGG GGGCTCGGGG 120  
 GCTTACCTGG AGCAGCTGTT CCGGCACGCG GCGGAGAGC TCTTTGGAAT CCATGTGGCT 180  
 GAGGTACCT ACAAAACCTT GAGGAACAAA GACTTCCAGG AGGTGACACT NGAGAAGGAG 240  
 GGCCAGGTGC TGCTGCACTT CGCAATGGCG TACGGCTTCC GCAACATCCA GAACCTGCTG 300  
 CAGAGGCTCA AAGGAGGGCG CTGCCCTTAC CACTACGTGN AGGTGATGGC CTGCCCTTCA 360  
 GGCTGCTGA ACGGCGGGG GCCAECTCCA GGTCCCAGAC AAGGCC 406

Name: 79 Len: 288 Check: 18D6  
 AAAGAGAGA GGAAGGAGAA GAGAGGCGAG AGGANGGGGG AAGAGTGAG CCGCTGCTGG 60  
 CTCTCTGCT TCACGCTATGA CAACAACCAC TGGCAGACAG CCCCCTTNTG GAACCTGGGA 120  
 TCTTTCTGTG CTTGCAAGAG TTCTAACAAT AACACCTACT GGTGTTTGCN TACAGTTAAT 180  
 TAGAGGCTATA ATTTTNTTTT CTGTGAGTTT GCTACTGGCT TTTTGAGTA TTNGATATG 240  
 ATACAGATC CTTATCAGCT CACAAATACA GTGCACACGG TTAGAAG 288

Name: 8 Len: 168 Check: E5E  
 CAAATTTGTG TTGTATATAT TCGTATTCCA TGTGTTAGAT GGAAGCATTT CCTATCCAGT 60  
 GTGATAAAAA AGAACAGTTG TAGTAAATTA TTATAAGCC GATGATATTT CATGGCAGGT 120  
 TATTTTACCA AGCTGTGCTT GTTGGTNTTT TCCCATGACT GTAATGCT 168

Name: 80 Len: 322 Check: 1995  
 AAACAGCAGC TGSTGTTTAA CAAGTGGATC GTCATGTTCA GTAGTTTATA CATTATGTGA 60  
 GAAGTAAAGT TCTGATTCTT TTTCTTACAC AGAATTGGCA GAGGGGGTGG ATTTGGGAGG 120  
 AAAGGTGTGG CTATAAACTT TGTTACTGAA GAAGACAAGA GGATTCTTGG TGACATTGAG 180  
 ACTTTCTACA ATACTACAGT GGAGGAGATG CCCATGAATG TGGCTGACCT TATTTAATTC 240  
 CTGGGATGAG AGTTTTGGAT GCAGTGCTCG CTGTTGCTGA ATAGGCGATC ACAACGTGCA 300  
 TTGTGCTTCT TTCTTTTGGG GA 322

Name: 31 Len: 361 Check: 2C4  
 ATTCTCTAAA ATGCTTAATG CCTTTGAAAT TTTGTAATCA AAAAAAGCT TTGAAAAAT 60  
 CTAAAGGGGA GAGTATTCTT TAAAGTTTTT AACATAAGCT TGTCAATGCA CATGTAGATG 120  
 GTTAGCATGT TTAGCAAACC TTGTGAAATT ATAATAAGT TGTAGTTACA TGTGAAACTC 180  
 TAAATGCATG GCAACTGTTA ATGTCATAAC AGTTTAGTTA TTTTGTCTG TTCTGTCTATG 240  
 TGCCACAAAA TATGTACTTT TTTCACTTTT TTCCCTTTGT ATATCAGTTA CGGGTTACAA 300  
 CTGGTTTCAAT CTGAAAACAA CAACAACAA AGTCCATTCA TATTTTTTAA CCATTGTATA 360

Name: 82 Len: 206 Check: 7A3  
 TTTTTTTTT TAGTAGTTGC AACTTCAGCA CATCTTTATT AGAACTCTTT CATTGTGGGT 60  
 AAACAGCCAC AAAAATAAAT GCTGACTTAG AAAGTATAAA CGCAAATATT TAAACAAAAA 120  
 TTTTTGCAGC ATTCATAGCG CAAATTGTAC CTGAAGTGA AAGCCGAATT CTGCAGATAT 180  
 CCATCACACT GCGCGCCGCT CGAGCA 206

Name: 83 Len: 563 Check: 915  
 CATCAGCTCT CTTCCTTGCT GTGGGAACAC TGGCCAGAGG TGTACCACTG CGAGGCGACT 60  
 GTTTATACAT GAAAGCATCC ATGATGAGGT TGTAACAGA CTTAAAAAGG CCTATGCAAA 120  
 GATCGAGTT GGGAAACCAT GGGACCTTAA TGTTCTCTAT GGGCCACTCC ACACCAAGCA 180  
 GGCATGAGC ATGTTTCTTG GAGCAGTGA AGAAGCAAAG AAAGAAGGTG GCACAGTGGT 240  
 CTATGGGGGC AAGTTTATGG ATCGGCTGG AAATTATGTA GAACCGACAA TTGTGACAGG 300  
 TCTTGGCCAC GATGGCTCCA TTSCACACAC AGAGACTTTT GCTCCGATTC TCTATGTCTT 360  
 TAAATTCAAG AATGAAGAAG AGTCTTTTGC ATGGAATAAT GAAGTAAAC AGGGACTTTC 420  
 AAGTAGCATC TTTATCAAAG ATCTGGGCG AGTCTTTTCG TGGCTTGGAC CTAAAGGATC 480  
 AGACTGTGGC ATTGTAAATG TCAACATTCC AACAAGTGGG GCTGAGATTG GAGGTGCTT 540  
 TGGAGGAGAA AAGCAACTG GTG 563

Name: 34 Len: 450 Check: 97B  
 ATTTGGTGTG TTCATGAACA CGCTAAATGG CTGGGTAAAT GGGTGTGGTT CAAAGCCTGA 60  
 TGCTTCAAGA TCTCTGGTTT GAATTTGGTC ACAACCAGGA AGTATTGCC CTTTTTCTGT 120  
 CTGGTCTCTC AATAGSAACT TTTCATACCA GCCATAAACA ATCCAGATGG CTGCCACGTG 180  
 GTCTTACCA GTGAGAGGCG TCACACAGCA CACACTGCAT GAATGGGGAT GAAATCATTC 240  
 CTGAATTAAT ATAGGGTTAT ATTACTTGA CTTAGCCAT TTGAGCCTCA GTGTCTGCAT 300

CATATCTCTT TASTATATGG ACATCTAACT JAAATTTATTA ACCTGGCAAT TTATGGGTGG 360  
CTTTTTTGGG AATATTCTAT TTTAATGGAA AGAATTATGT AGAATACTG GATACATTTT 420  
TAAAAACATC CATAATTAC CATCTTGACA 450

Name: 85 Len: 320 Check: 75F  
CCATTAGTGT TCACACTCAG ACATTTTTTG CCAGCTCTAA GGTAACTTCA TCTATAGCTG 60  
CTCAGACTGA TGCATTTATG GACACCTGTT TCCAGTCAAG TGGGGTCTCC AGAGAAACTC 120  
AAACCACTGG GATAGAAAGT CCAACCGATG ACCATGTACA GATGACCAA GCTGGAAATGT 180  
CCAGAGACAT TTTCAGAGAT GTTCATTCA7 CATATAATGT TGGTACAGGT AACATTATAA 240  
CCAACATTTT AATAGCAGAG ACAGTAACCT ATAGTTTGT ACCTCAGAA7 GAGCTTAAGA 300  
CTTAAATCA AGATAATTGAG 320

Name: 86 Len: 524 Check: 1602  
AACTGGGCAC AGGGTGGGTC TTTGAGTTTC AGTGAGTTTG CTGAAATGTC GAAGAAGTAG 60  
TTTCAAACTT CAATGTTCAA TGAAATTTTT GTTCAAGTTT GAAATGGAGA GAGCAGCTAT 120  
AAAAGGTACT AAGGCTTTTA CAAATTGGTG AATCTGGCA CATGAATCT AGAGCAGGAG 180  
CAACTTCTCA CACATAGTAA GTGGGAAAAG AAAGTGCTTT GAAAGTTCCT CCTCACCTA 240  
CATAGTAGTC GTCATGTGGA GACCTGCCAG AGAGAGACAC ATTCTCAAGT GAATCCTGGC 300  
TTTGTGGAGG GCGTTGGCTA GACGAGACAC AGTGCAATAA AACAACTTTT GGGGGACAGG 360  
TATGTTTCT TGTAGCTGGG GTTGTAAAGT CTTGGCAAGA CAAGCAGTGT GGGCAAAATT 420  
TTGAAGTCT GATGAATGT TAATGCAAA7 GACCTGTGAC ATTTTTTTT TCAAGGTCC 480  
TCAAAATGAG CACATGAAGA GGTGCTGTG AACCTTTAAG TGGC 524

Name: 87 Len: 439 Check: 2297  
CTGCGGCC CTCTCTTGGG TCTGTGCTGC AGTCTGGCG CTGCTGATCG CCACACCGTC 60  
TTGGAAACA GTTCAAACT CAAGTTCGG AATGAGGACT ACACCATACA TGTGCAGCTG 120  
AATCACTACG TGGACATCAT CTGTCCGCAC TATGAAGATC ACTCTGTGGC AGACGCTGCC 180  
ATGAGCACT ACATACTGTA CCTGGTGGAG CATGAGGAGT ACCAGCTGTG CCAGCCCCAG 240  
TCAAGGACD AAGTCCCTG GCAGTGCAAC CGGCCAGTG CCAAGCATGG CCGGAGAAAG 300  
CTCTCTGAGA AGTTCCAGCG CTTACACCT TACCCCTGG GCAAGGAGT CAAAGAAAGGA 360  
CAGAGCTACT ACTACATCTC CAAACCCATC CACCAGCATG AAGACCGCTG CTTGAGGTTG 420  
AAGTAACCTG TCAGTGBCA 439

Name: 88 Len: 376 Check: 233  
TGAATTGAAG GAGCTGCAAA AAACCTTTGA AATCTCCATT GGGAGAAAG ATGAGGTGAT 60  
TTCTAGCTTG TCTCATGCCA TAGGAAGCAA AAGGAAAAGA TAGAGTTGAT GAGAACATTC 120  
TTCCACTGGC GAATCGGCCA TGTCAGAGCC AGACAGGATG TTTATGAAGG TAAACTAGCT 180  
GACCACTACT ACCAGAGAAC TTTACTGAAG AAAGTCTGGA AAGTCTGGCG TTCCGTAGTG 240  
CAAAAGCACT GGAAAGATGT GGTAGAAAGA GCTTGTCAAG CAAGAGCTGA AGAAGTTTGT 300  
ATCCAGATTT CCAATGATTA TGAAGCCAAA GTTGCTATGT TATCTGGAGC TTTGGAAAAT 360  
GCAAAAGCTG AGATTC 376

Name: 89 Len: 341 Check: 7BF  
GTGAGAACAG GTCCATCGAG GGCACCTCTGT ACAAGAAGGG GGCCTTCATG AAGCCTTGGA 60  
AGGCCCGCTG GTTCGTGCTG GACAAGACCA AGCACCAGCT GCGCTACTAC GACCACCGTG 120  
TGACACAGA GTGCAAGGGT GTCATCGACT TGGCGGAGGT GGAGGCTGTG GCACCTGGCA 180  
GGCCCACTAT GGGTGCCTCT AAGACTGTGG ACCAGAAAGG CTTCTTTGAC GTGAAGACAA 240  
GGTCTGCTT TACAATCTCT GTGCCAGGA CGTGCCCTCG GCCCAGCACT GGGTGSACCG 300  
GATCCAGAGC TGCTGTGCGG ACGCCTGAGC CTCCCAGCCC T 341

Name: 9 Len: 219 Check: 327  
AGAGAGTGGT TCAAGTAGA AGATGCTATC AAAGTTCTCC AGTGTCTATA ACCTGTACAT 60  
CGAGAGTATC TGGAAAAGCT AAAGCTGGGT TGTTCCTCAG CCAATGGAAA TTCTACAGTC 120  
CCTTCCCTTC CCGATAATAA TGCTTTGTTT GTAACCGCTG CACAGACCTC TGGGTTGCCA 180  
TCTAGTGTAA GATAGAGAGA ACTGGGTAGG CCTCTCCCA 219

Name: 90 Len: 394 Check: B4E  
CTTGGCTTGA CCACTTATTA CCAAGATGG AGATTGGACC AGTATCATCT TCAAGATTGG 60  
CTTACTATTA TGATGCTCA AAAAGAATGC CACAAGAACT AATTGAGGCT TCAAAATTGGC 120  
ATGAGTTTTT GTTCCAGAG AAAATATCTT CAACTCTCAA AGTAGAAACC TGTCTTTTGA 180  
CTTCTGGCTA CACAAAGCTG CTTCACTTTA TCCAGAACAT CATTTATGAG GAAGGATTGG 240  
ATGATCTCAA TCTTCAGAAA AAACAGAGAA ACATTTTAAG AATAGGAAT CAGAATCTTG 300  
GTCATCTTT ATGGGGAGAC GATATTTGCT GTGAGAAAAT GGTGGCAACA GTCACAGCCT 360  
TACCAAGTTC CTCTATTTT TCGTGGTGT TCTG 394

Name: 91 Len: 153 Check: 1006  
ACCCATGGGA TGAGTGTTTT ATTCATGCTG TTTCCAGGAA GGGATGTCAA AGCTGGACCA 60  
GTGAAACCC TTGGAGGCTT TTTTTCAGT TGGCCACAGG GGTGTTGGAG GCTGCTTAT 120  
GGTCTCTGA TGTGAGAAA CTCTGCTTG GGG 153

Name: 92 Len: 479 Check: 1807  
CATTGGGCT CTAGATGCAT GTCGAGCGG CCGCCAGTGT GATGATATC TGCAGAATTC 60

33CTTAGCST GGTGGCGSSC GAGGTACATT CTTGTAGAAC CGGGTTCTTT TTTCAGTTT 120  
 TGTAGAAAAA TAGATGTTTC AGCTATCATT TACTTAACTG TCTAATATTT AAGATCAATC 180  
 AATAIGTTTC CTGGAAAGAT GAAAAAGTCT CATGACTAAC TCGTTTTTTT AAAAAATT TT 240  
 TAAAACAAAA AGTGTGTGTG TGTGTGTGTG TGTGTGTACT CTCAAAAGCAG AGCATTTCCA 300  
 CAGCAGCAGC CAACATGGGG TTTAGTAGCT TCACTCACCC CTAACATAAG CTTTGAATAA 360  
 ACCAGTGAAT TACTACAAAA AACACTGTTC TTGAAAGAAA NGACNGCAGT CATACATGAA 420  
 CTTGAAACTT GGAATGATCA GGTCTTAAAC ATGGCACTTA AAAAGTTACT TATCAAAAC 480

Name: 93 Len: 560 Check: 25DE  
 TTTTITTTTC CATTGCCAGG ATAAAAAGCA AATTTTAAA TTGAAAAATG TCTAGCACTT 60  
 TATACATGAG AATGAAAGAA TACGAAATTC AAAAAATTA TTAAGATTC ATATGCCGCA 120  
 GCGAGCAGCG CATTGATGAG AGTCTCCCTT CCGAGCGCT TCTGGAGCAG CTTCTTCAAC 180  
 CTCTCTGCGA GAGGGGCTCA GAAGAGCAGG GCGGCTATGC TGCGAACCTC CTTTGTCTCC 240  
 TTAAGGAAAG TCTCAAGTA CTGGTAGATG ATTGTGACTG CGAGCAGGAT CCGGTTTCCA 300  
 GACCCAAATG CCGCTAGGAA GTCAGCCAGG ACCGAGAGGG CCGGATGCA CAGCCCAACA 360  
 AAGGCCGCGG CTGTGGGGAT GTACGGGTTG AGTTTATGGA CCATGGAGGT CTCTGGTGG 420  
 CTTCTCATCA CATTCTGCTG CTCCTTCAGC TGCTTTGCAA CATCTTTGGC AGAGGAACCT 480  
 GAGACCTCAA TCCACGTTTT GGAGAAGAAT GCACAGGAGC CCAGCATGAA CACTATGTAT 540  
 ACAAATCAT GAAACGGGTC

Name: 94 Len: 396 Check: 376  
 GACCTCTTAC CTACTGATG CTGGCAATA ACAATACAG ATGGTAATAG ACTCTGGAAT 60  
 GGTTCCTCAT TTGGTTCTTC TGCTCAGCCA CCAGGAAGTT AAAGTTCAGA CTGTGCACT 120  
 TTAGAGCTGT GSCAACATTG TTAATGGAAC TGATGGGCAA ACACAAGTAG TTTTGAAGT 180  
 TGATGCTCTT TCACACTTCC CAGCACTCCT GACACATCCC AAAGAGAAA TTAATGAAGA 240  
 AGCAGTGTGG TTTCTCTCCA ACATCACTGC AGGAAATCAG CAGCAGGTAC AGGCAGTAAT 300  
 TGATGCAAT CTGTACCAA TGATAATACA CTTTGTGGAT AAGGGGGATT TTGGCCCAAG 360  
 CAGCTTCTTT TTGAGTGCCA ATCGAAGCG GCGGGA

Name: 95 Len: 622 Check: 9F8  
 ATGGAGAGTC ACTTAATAAT AAATTTTCTC TATAGTAGGT AAATCCGATG AAAGGCAGCT 60  
 GATTTCCAAAC AAAAGCTTTA GGAATTGGGA AGSTTTCTAC ATCTCCTTTG TCATCTTCAA 120  
 TGTCATCGAA ATTGCTGCTG TCTATGTCAC TGCTGAGTTC AGGTACTACA GGAGCTGCCG 180  
 TTTCTCTTAT GTTATCCCAA TGCCACTGAT CATTCTTAAA GAAAGGATGC TGTCTGATTT 240  
 CTTCCACCCC ATTTCTCCCA AGTCGTACCT CCTATCTGT TAAGAAAGCA CAGATGAGAT 300  
 TCTTTGCAAT TTTGGAAAT TCTGCATCTT CAGGGAAACA CAGTGAATTC TTATGATCCA 360  
 TAATTTTGCT ATATGTTTCT ACAAGTGAAT CCGCATAAAA TGGAGTATCC CCCACTAGCA 420  
 TCTCATAAAG GAAAACACCT ACAGACCACC AATCACATTC TCGCCCATAG AAACCATCAC 480  
 CCCCCTGTGA TTTGAGAACC TCAGGTGATA TATAATCCGG TGTTCCAACCT GCTGTATCAC 540  
 AATGTACCAT GCTGTGTTCA TCCATCTTCA TACAGGTGCC AAAATCTGCT AATTTTAGAT 600  
 GGTCTATGTT ATCACAGAGC AT

Name: 96 Len: 445 Check: 123B  
 GGAAGGGATG GAAAAAAGGA AAAGCAATAG AAATGTCCA ATTACATCA GTTATCCGTC 60  
 TGCTTTTTCT TGAGAGCTTG TGGAAGGTGT TAACGTGGCT GGGAAACATCA ACACCTTGGC 120  
 ATGCATGAAT GTTAAGTCAG GAAGGCCAGC GATCACCTTG ATAGCTTCTT CACTTAGGTC 180  
 CTCTTCTCTT TTGGTTTTCC TGGTAGATGT GCTTGTCTTC TCTACTGTAG ACATGAGTCT 240  
 TSCAAATGCA TCAATCACTT TGAGGCTTGA GGTGAGATT TCCAGCTTAG AAGTGTGTTA 300  
 CTCATACAC TCGGATGCA CACCATCTAA AGGGTTAGTA AGGCCACTCC TACTCCAGTC 360  
 AACTGGGAGC GGTGTGAGAG ACTCTGGAA CTGATCAGAT GTACATGTGT TCATATCTGG 420  
 TGACATGGTG GGTGTCTGAC CGATG

Name: 97 Len: 541 Check: 147A  
 CTTCTTTCTC TTTATCCTTG AGCCCTTTTC TCTCAGGTAC TAGCGTAGAG GGTAAACCCA 60  
 CAGATCATTC TTGATAATCT CAGCAATCTT CTCAGCTCTT GGGAGGTATG GTTTGAGAAC 120  
 CAGCTGAAA ABGTGTGCTT CCGATCTCTG TCTCGTGCAC GACGGCCTCG GGTCTCTGSC 180  
 CCGGTGTGCA GCGGATTTGG GTTGAATGAG ACATGAGCGG GCCTGAGCGG TTGCGTGTGA 240  
 ACTCTTTGAC AATCAACATG TTTGTGAAGT AGGGTTAGT CTGGAAGTAC AGCTTCAATT 300  
 TGTAGCCCAT GGAATATGT CTGAGATCTT TACCTGCAG AATGGGTCAA GTAGCGGAAA 360  
 AATGTCTTCA TCACGTGCTT TGATCAAAAT TGAATTTCTG GGGTGGTTTT GGAATGATG 420  
 AGTGAAGTGC TTTGACCCAG AAGCCTGGGA TATCCCGGAT GATGAGGTCT CTGCGCTCCA 480  
 GGAAGGCTCT TCGCATCTG ATGAATCTGC GTTGGAGAGC CATGAAGGCT TTGCTGCTTT 541

Name: 98 Len: 334 Check: 4C9  
 ATTTGGAAGC CATTGCAGGC AACTTCTTTT GTTGTATCAT ACCTGTATTA GGAAAATTAC 60  
 AACTATTTTA TAAAAAATC CCAAAACATA TACTGCAATA AGCTCAAAAC AATGTGAAAA 120  
 AGACCAATGT GAATGGCACA CAAAATCGC CTCTTTTATA ATTAAGTGA ATTATGATC 180  
 ATGAAGTAGG TATAGGGAAA TCCAGTCTTC AGGCTTTTGC TCTCTGGAAG AACACCTTTA 240



AGTAATTTT	AAAACTTTA	GCATCAGGCT	GCAGAAAGCG	TTGACAAAAC	TCTTGAATTA	300
TTTCTGGAG	TACTTGCAAG	GAGGCGAGGT	ATTCTTGTG	AAGATACTGA	ACACATTCTG	360
GGCCCCGTTT	GAGATGAATT	GTTT				384
Name: 99		Len: 535	Check: 1D3F			
TTTTAATTTA	CAAAAGGTAG	GCTCCGTTTA	TTAGAGTCAC	ACACAACCTGA	CTATCTCAGT	60
GTGACTCAAG	ACCACAAAAA	ACCCATTTCT	CCTTCACTTC	TGAGTCCTGG	GGTTAATACC	120
TAGACCAGCA	AGTGTACTGC	TTGGGGTCCA	TTACACAGGT	TACAAGTTTT	TCATTGAGTG	180
CAATCTGTGA	CTGTGTGAGG	TTGGCCAGGT	AGGTCACCAT	CAAAAGGTCA	TIGATGTTGC	240
TGTTGASCAT	GSTCTCAAAG	TCATCGGGAA	CTATTTTGGG	TACTTGGTTA	ACCAGGCTCA	300
TCAGGAAGCG	GCCACAGTA	TTGTJAGCTG	ACACCTTTCC	AGACAGTACA	TCTCTGTCAT	360
ATTGCAACAC	TGTAATCAGG	GCATCTCTGA	TGCGAGCTGA	TGCCCTCCT	ACTTGTCTGCA	420
AGTCACTTGA	GAGTCCAATC	ACTCTGTTGG	GGCTAAAGCA	GGTCTTCATG	ATCAGGTCAA	480
CTCCGATGCG	TTCAGTGTG	TAGTACGCGT	ATTTCACTGT	CAGAGGGGTG	AACAT	535



Name: 1 Len: 458 Check: 1458  
NAAAGCCCTTC ATGATTTTAT AGAGCTTTTC AGAGTGATGG TTCTCTGAGC AGAAATTGAC 60  
ATGTTTGGATA TCCGGGACACA CTTCAAGAGA CTCTATGGAA AGTCTCTSTA CTCSTTCATC120  
AAAGGTGACA CATCTGAGA CTACAGGAAA GTACTGCTTG TTCTCTGTGG AGGAGATGAT180  
TAAATATAAA ATCCAGAAAG GACAGGAGGA TTCTCAACAC TTGAAITTT TTTAACTTCA240  
TTTTTCTACA CTGCTATTAT CATTATCTCA GAATGCTTAT TTCAAATTAA AACGCTTACA300  
GCTGCTTCT AGSAATATAG ACTGTCTSTA TTATTATTCA CCTATNATTA GGTCCATTAT360  
GGATGCTTTA AAGCTGTACT TGGCATTTC AAAGCNTATA AGGTTATAAT GGGAGGTTTT420  
NAAAGTGA NTAAATAIG TATTCTCTGT TTTTTAAAA 458

Name: 10 Len: 227 Check: 1478  
TTTAACTGTTG TTGCTGTGA GTGTGACCTC GGAAGCTCTT CCTCAGGAGC TGAAGTCAGG 60  
ATNAGAAAC ACCAACTSTA CTGCAACGAC TGCTATCTCA GATTCAAATC TGGACGGCCA120  
ACCGGCATGT GATGTAAGCC TCCATACGAA AGCACTGTTG CAGATAGAG AAGAGGTGGT180  
TGCTGCTCAT GTAGATCNAT AAATATGTGT NGTATGTCTT TTTNGCT 227

Name: 100 Len: 452 Check: 173A  
TGTATCTTTG ATGAGGTTAG TTTTGGTATT ACAGCAAAAT TTTTCTTTC TGACAAATCT 60  
GTCTGTGTT TATATTAAT AAATCTTTAA AAATACGAAT CCTGAGCTAG AGTAAAAACA120  
ACATTTTBA CTAAAGAATA AATCCTTCA TTGTTAAACC TAAACGCTT TAAATTCAG180  
CCATGGAACA TAAGATAAGA CTGGAATTCA AACTTCTGAT GTCCATGGCA AACCTGAATA240  
CTCTCAGCAG AAATAAAACA CACATAGTAG ATAATACACA ATATAAAAA GCATCAGAAA300  
TTGATGCACC TGGATTTTGT TAAATACAAG AAAGGTCACT CAGTCTTCA TGGATAAAC360  
TAGCTGGGAG AATAGCACTG AACAGTGTAT TGCATTGAGC AGAAATCCCT CAGAAAGGCA420  
ACACTGGATT CATTTTTAGA CAGGCATAGA CT 452

Name: 101 Len: 447 Check: E33  
TTTTTCAATC CTGATAGTTC TTTATTTTTT CAAAATATAT TTGOCATGGG ATGCTAATTT 60  
GCAATAGGTG TCATAATBAG AATAACCCAA ACTGGATAAA TGTBACAAAT GATTGACAAA120  
GCATTTGACA CCGTTCAATT ACACACATC AAGAATGAGG GGAAGGCTT GTAAAAGTAG180  
ACTACTGCAA TGCTACTTAT ATTCTTGCAA TAAACCCAGC AAGCATCCAT ATCAAGAGAG240  
TTATCATCTC ACTTCCAAT TTTTCCCTC AAGAACAATT TGAATCTCTT TGGCATCCAA300  
AGTCTCATAG GTCAATAAAG CTCTGCGAG ATTCTTATGC TCCTTTGCAT GAGTTTTCAA360  
GATATGTTTT GCTCGTTTAT ATGAGTCACT TAGAAGGATT CTTATTTTAT STTCGATGGC420  
AGATTGGGTT TCTGGACTTA GGTTTCC 447

Name: 102 Len: 368 Check: 1FEC  
TTTTTTTCAA AAAAAGAAAT CTTTAATAA AAATTACTCA TAAAAATCCT AATAAATTTT 60  
AAAGAGCAAG ATATTCCTTA TTACATTTAT AAAAGAACAT TTGGTCCTTT TACAAAAAGA120  
TCCCTTTTAA TTTAAATACA TTTCTTATTT ACAGATTAAA CATAAAATAT CATCTACAGT180  
TGCAAAAGCAT ATTGCACATT ACAGAGAAGC ATTGTGTAT TTCCGTAAGT TTTCCAGAG240  
TTTCCAACTC TATACTTTTT TTTGTAAAAA GATTTACCTT TCTTATGCAA AATAAATAAA300  
AATGCAGCTT GTGTTTTGCT ATTTAAAACT AAAACAAAAT AACCTTTAAA AATATTATTC360  
CTCTGCCT 368

Name: 103 Len: 635 Check: 1830  
TGGGATCTTT TTTTATTTTT ATACACATGA CAAGATTTTA CACCAATAGT CAGTTAAATA 60  
GTACAAATTT ACATTCAGGA GGAATGTTAA AAAAAATTCA ACTAAAAAA CCACTTCTTC120  
CTGTGACCCA TAATCCCAAC ATTTTACAGT GCAGGGGAGA AGGAGGCTTG GGAAGCATC180  
CAAAACAGGT CTCTCAAAAG AAATGACTTC AAAACTTCAC ATTCCCTCTC CACACGGGAT240  
TCATAGCGAG AGTATAATT ACAATTCATC CTCTCTGTGA GATTCCTTTT CTGTTTCTCT300  
CTCTTCTTCT TGTGTGCTG CATCCATCTC TTCTCCCTCA TCTCTCTCTG AGTCTTCTG360  
GTCTTCTGAG GTGTCTTCAA GGTCTTCTT CTGGTTCTTC CTCCAACTGT GCTTCAGGGG420  
CAAGGTTTAA ACTGAGGCGA AGATTCTTTC CAATCGAACT CCATAGGCTT TGGTGTCCGG480  
TAGAAGATAA CCGAGCCCAA GTGTTBACGG TTTCAAACAA AACTACAGCA AGAACCATGA540  
CTCTCTGCG AACTTCAAG TCGTTAAATC GGGCGGAAAT GTCTCTGAAC AGGGGGGGGT600  
CTGGAATGAG TTGGAAGGTT TCCCTTAGAC CGGCATAGTA ATTTGTAGAG AAAGTCCTTC660  
CCBCCGGTA AGGCTGTGGC TTCAA 635

Name: 104 Len: 676 Check: EF6  
GCTCATTTTT AATTTTTATT GATTTTTTAA TGCTGCACAA CACAATATTT ATTTCATTTT 60  
GAATTTTATT TATTTCTTTA TTTCTGTTGC TGCTTTTATT TTAATTAAGT AAAGTGAGAG120  
GGAACTTTTG TGGCCTTTTT TTTCTTTTTT TTCTGTAGGT CGCCTTAAGC TTAATAAAT180  
TGGAACATCT AAGCAAGCTG AAGGGAAGAG GGGTTTTTCA GAATCACTGG GGGAAAAAG240  
AAAGGTTGCG GTGTTGATCA TGCCCTATGG TGGGTGACCA ACTCTTTGTA CAATTACGTT300  
TCACTCTTAA TTAATTGTGC TTAAGGCTGA ATTAAATTTG GTTCTTCTT TCTTAGAGCA360  
CTCTCTATTG GCGGAGATGC ATGCGCTGGA TGATGTCACG GTTCTCTGAC AGGGGGGGGT420  
GGATGTTCTC AGTGTCCACG GCGCAGGTAA AATGAGGTA GCAATAGTGG CGCCATCTCT480  
ACTAGCAGTG CTGATTCTCA GAAACTCATC CGGAATGAAN GTACTTGGCC GGGTCACGG540

22  
TGGGTCTCTCT GCGGCTCTGG GAGTGGCATC CCTACAGAGT GTGTAGCBA3 CGAACTCTG3600  
AAAGTAGTTC TCAATCTCA TTTGCCACTG GACTCTCTCA GCAGCAGGTC TTCTTGTGT660  
AGAAGAGATC AGAAGA  
Len: 367 Check: 135E

Name: 105  
GACGGGAAT GAACGCGGTT CTGGGAGCAG CAAGCCCAAG GGTAGCAGCC GAGGCCCCAG 60  
AATGGCAAG TTTCTTTCC AAGACCAAT TAATGAGTAC AAGGAATGCT TCTCCCTGTA120  
TGACAGGAG CAGAGGGGGA AGATAAAAGC CACCGACCTC ATGGTGGCCA TGAGGTGCC180  
GGGGTAGCT GATGGCCAGG GAGGTGCGAG GGGCACTGCA GACCCAGGG ATAGACGGA240  
ATGAGAGCT GATTTCTCT ACTTTCTCA CATTATGCA CATSCAATA AAACAAGAAG300  
ACCCAGAGAA AGAATTCTT CTAGCCATGT TGATGGTGGA CAAGGAGAG AAAGGTTACG360  
TCATGCT  
Len: 440 Check: 1B8A

Name: 106  
GTGTGCTGT GATGAGTGGT AGCGTCGGAA ATGAGGAGCA GAGGCGCAAA TTTTGCCAG 60  
CGCTCTGTAC CATGGAGAAG TTTGCTTCT ACTGCTCAC TGAACCAGGA AGTGGGAGTG120  
ATGGTGGCTC TCTTCTGACC TCCGCTAAGA AACAGGGAGA TCATTACATC CTCATGTCT180  
CCAAGGCTT CATCAGTGGT GCTGGTGAGT CAGACATCTA TGTGGTCATG TGCCGAACAG240  
GAGGATCAGG CCCCAGGCA TGCTCATGCA TAGTTGTTGA GAAGGGGACC CCTGGCTCA300  
GCTTTGGAA GAAGGAGAAA AAGGTGGGT GGAATCTCCA GCGACACGA GCTGTGATCT360  
TCGAGAGCTG TGTGTCTCT GTGGCCAACA GAATTGGGAG CGAGGGGAG GGCTTCCTCA420  
TTGCCGTGAG AGGACTGAAC  
Len: 442 Check: 19D2

Name: 107  
GCACACCTGT AGTCCTAGCT ACTCAGGAGG CTGAGGTATG AGAATGCTT GAACTTGGGA 60  
GCGGAGTTA CAGTGAGCCA AGATTGCGCC ACTGCACTCC AGCCTGGGCG ACAGAGCGAG120  
ACCTGTCTC AAAAAAAAAA AAAAGATGA TGTAACCTC ACAGGGCAAG GTCTTGTGT180  
TTGCTCACT CTGGGTTATG CTCATAAAAC AAGCTTTTGC CCATGTACCC TAAGTCAGAC240  
CCAGGAATGG TGTCTACCAA TGATTGTCTC TTGGCACTTA CCGTACGCAT ACAGAAA300  
CGTGTGGTAA TGGGCATACA CAAAGAAGTC CTCCTTTTTC TTGTGTCCA GCACGGAAT360  
GCTGTCTGG AAGTAATTTA ACACACTCAA AATGCTNGCG TTCGTGTAT ACGGTGAAAG420  
AGGGGCCAAG CAGATGTCTT GA  
Len: 453 Check: 6FD

Name: 108  
GAGACTGCAT AGGCTCGGC GTGGGGGTA TTCTACTATT TTGTCACTGC CCTGGGCATA 60  
ACAGCAGGAG CTCATCGTCT GTGGAGCCAC CGCTCTTACA AAGCTCGGCT GCCCTACGG120  
CTCTTTCTGA TCATTGCCAA CACAATGGCA TTCCAGAATG ATGTCTATGA ATGGGCTCGT180  
GACCACCGTG CCCACACAA GTTTTCAGAA ACACATGCTG ATCTCATAA TTCCGACGT240  
GGCTTTTTCT TCTCTCACGT GGGTTGGCTG CTTGTGCGCA AACACCCAGC TGTCAAAGAG300  
AAGGGGAGTA CGCTAGACTT GTCTGACCTA GAAGCTGAGA AACTGGTGAT GTTCCAGAGG360  
AGGTACTACA AACCTGGCTT GCTGATGATG TGCTTCATCC TGCCACGCT TGTGCCCTGG420  
TATTTCTGGG GTGAACTTT TCAAAACAGT GTG  
Len: 421 Check: 1318

Name: 109  
TTTTTTTGT GCAGAAACAT TCTGAACTAC AAAGCGGCCT ATTTTGTCTT CTGGATATGG 60  
AACTCCTTGG GGATCAGAAT AGAAAGCTTC TAGCTCAAAA GGCCCTCTTC TCAGAAAGGT120  
GAGAACTTTG GAGAAAGGAG CAGCATGGTT TCGACTAAAG ACTTCATGAA CACCTTCAGT180  
ATCTTCTGAA TCATGGTTCC AGATCAGAGA TATTGGAATA GGAACTGCAT CTGTGACGGA240  
AAATTTCTA ACTTTAAATG CCGGGGAAAG TATTGCACAC TGTAATGCAC ATCTCTGGC300  
TACTGCTCA TCTGCATTGA GTGTTGTGCT AATATCTTTT CCAAGAATT TGGCAATTCT360  
TTCTTTCACA GTTGGAATTC GTGTAGCGCC TCCATCAATC TCTACTGCAC TCACATCTT420  
T  
Len: 621 Check: 23BA

Name: 11  
CAGGAAAAA ATATGTTGGA TNCCTTGGT AACTGTCTCC TTATCTGCAA ANTGACATCC 60  
CAACGGATTG CATGCCCTCG GCCTACTGCA AAAGAATCAT CAACCTGGGG CCTGTGCATC120  
CAGGACTCT GATTCAGAA CCCCACCCA TGGGTGTGAG GGTATCTGT GGACATTGCA180  
AGAATACTTT TCTGTGGACA GAGTTACAG AAGGCACTTT GGCACCTGT CCTCACTGCA240  
GGAAAGTGTG ATCTATTGGG CGCAGATACC CAGGTAAGAG ATGTATCTGC TGCTTCTTGG300  
TTGCTTGTCT TTTGGCAGTC ACTGCCACTG GCTTTGCCTT TGNACATGGA AGCATGCAG360  
GGGATATGGA GGCATCTATG CAGCCTGGGC ATTTGTCTAT CTGTTGCTGT TGCTGTSTT420  
GGGCGGGGCT CTTTAATTG GCTGTATGA AGGTCCAGCC AACCTGGTCC AGAAATTCTC480  
CTGAGGCTG ATGACCCACA GANCGGTGCC TTGGCCCTCT CCGGTNGGG ANCAGTTACA540  
CTAGGAAGGA AGCTGGGGTA GTTAAAGGCT CCGGGGCTTN TAAGAAGAAG CCAAGCAACT600  
TGCTTCTTT CCTGGGGAA A  
Len: 309 Check: 1332

Name: 110  
ATAAGAAATG CTGTAGCAA GGGTTCAGC AAGGTGGTTG GTTGTCTGT AAGTCAGTCT 60  
TGAGTACTTG AAACAGTTCT GTGTTTGTGTTTTCTTA GCGTTTAGAA TAGCCATCAT120  
TGTCTGCAA TAGGCAGAGC TATCACGTCC AGGAAAAATG AGGGAGGGAA CCACAGAGGC180

AGGCTGAGCTT CAAATACAG CATTCAAAGG TAATTGGTCT AGTGGTGGCT GGGAGGGAGG240  
GAAGGGTGAT ACTCCATGGT TAGTGGTCTT CTTTGGGGG TGTGTACAGG CGTTTTTTTC240  
GTGGATCTT

Name: 111 Len: 489 Check: 902  
CTACTACTAC TAAATTTGGG GCCGCGTCSA CGAAGAAGCA GGTATTTATT TTAATAAAGG 60  
AATGGTTTGGT ATTCTAGTTA ATCAAGTAAT TCTTTTATTA GCAAGGCAGA AACTAGTGT120  
TTTCTATAAA CTTTAAATGT AATTGTACAG GTGTATTTTA CAATTTTTTGT TTAATTAATA180  
AAATGTTACT ATATTATATA TCAACCTGGT CAAAACCTTT CAGSTTTCTT CBTTTGAGTC240  
AGTGGGCTTG ATTGAGATG TCAAGAGGCT TATGATATCA TGCTGAGGGG CBTTCATAAT200  
CCGACAATTA AGATGCTGCT AGACCTTGAG GTGATCAGCA TAAGAGGGCA GATCTCTCG360  
AGTCATCTAC ACCTAGCTTC ACCTTATTCT TTAAGGGCA GAAATTTGA SACGGTGAT420  
GGCGTAACAG TAAATTTGGC TTACAATTGG GGCACCCCTC CGGTTTAGAA AGAGCAACAC480  
CAGATTGAT 489

Name: 112 Len: 563 Check: 1430  
GGACTCAGAA TTGATGAGAG ACATTTACAG CATGCACATT TTCCTTACTG AAAGGAAACT 60  
CACTGTTTGA GATGTGTATA AGCTGTTGCT ACGATACTAC AATGAAGAAT GCAGAAACTG120  
TTCCACCCCT GGACCCAGACA TCAAGCTTTA TCCATTCTA TACCATGCTG TCGAGTCTTG180  
TCTAGAGGCT GCTGATGATT CAGGGCAAGG GACAGGGACC TGAGGAGCCG AGCGAATAGC240  
ATCTGCTGCT ACCTGCTACC AGAGACGTCC TGTTTGAGCT GTCAGGTGTA ATATATGAAT300  
TGACTTAAGT TAATATAAAT GTGTACATAA TCCACATTTG TAGTCAAGGA CGCAATCTCT360  
TCCACACATG TCGAGTTGTC AGTTGGTACA TCTAAACTCC CTCCATCCTG ACTCACGTGG420  
ACCTAGATAT GTTTTGTTC TATTTTCTTC TATGTCAGTT TTTCATTCTT TGATGTTTAT480  
GTCTTTTGTG CATCAGATCT CTTGTGATAT CACATGGAAG GTTGTGCTCA GCCTGTCCGG540  
TCTCTTTCTT CCTGCACATA TAT 563

Name: 113 Len: 587 Check: 2109  
TTTAGGCTTG TGGAATTATC CTCAATTGCA CATCAGCTGG ATGAGGAGGA GAGGATGAGA 60  
ATGGCAGAAAG GAGGATTTAC TAGTGAAGAT TATCGCACGT TTTTACAGCA GCTTCTGGA120  
AATATGGATG ACAGTGGTTT TTTCTCTATT CAGGTTATAA GCAATGCTT GAAAGTTTGG180  
GGTTTAGAAC TAATCTGTG CAACAGTCCA GAGTATCAGA GGCTCAGGAT CGATCTATA240  
AATGAAGAT CATTATATG CAATTATAAG GAACACTGGT TTACAGTTAG AAAATTAGGA300  
AAACAGTGGT TTAACCTGAA TTCTCTCTTG ACGGGTCCAG AATTAATATC AGATACATAT360  
CTTGCACTTT TCTTGGCTCA ATTACAACAG GAAGGTTATT CTATATTTGT CGTTAAGGGT420  
GATCTGCCAG ATTGGGACGT GACCAACTCC TGCAGATGAT TAGGGTCAAC AGATGCATCG480  
ACCAAAACTT ATTGGAGAAG AATTAGCACA ACTAAAAGAG CAAAGAGTCC ATAAGACAGA540  
CCTGGAACGA GTGTTAGAAG CACATGATGG CTCAGGAATG TTAGACG 587

Name: 114 Len: 222 Check: 12B6  
TTTTGAATCA AAATTAACAT CAATATATAG ATTCTAGTAT ATTCTTCTTA AAGCCTTTAG 60  
AAAAGATARA ATGACATTTT GCAACATATG CCAAACCTCA TGTTTAGTGT ACACTTCTAA120  
TTATTGGCAT AGAGGGATAT AACTGTTAAA TAACCTGAAA TGACACCATG CAATGGTGAA180  
ACTACAGAAG TTGGTGAATA GAAGTATTTA CATAATGTAA TA 222

Name: 115 Len: 512 Check: 1EAB  
TTTTCTTGA TATGCATAGC TTTTCGGGGT TGGTATTAGA CATGGCTTTC GTAAATAATG 60  
CAGGTGTTTT TGTCATGTGT CACTGCTGGC TCTGTGGCTT CCAGGTAAGC TGGGCGCAGT120  
ACCTTATCTG GTACCTCAAC AGGTGTTGGC TCTTCAGATG TTAGCTCGGT GGACGTGACA180  
TCGGTAGAAG GTTCTGCAST TTCGGGGGAA TGTTCCGCCG ACAGTTCTGT CTCCTCTACA240  
TCTTTGACTT CAAACTGTCC ACCCTCTTGG TCATCTGCAT GCTCTTTTTT GGAAGTGGGG300  
TGAAGTGACA CCTGATGGC AATTTGCTGA GGTGCTCGT GCAGCGATGA GGCSTCCGAG360  
TCAGCGGCAG GGGAGTCGCT CCGCTTCAGA GAGTTGGGGA TTGTGTAGAC CTCATCCCTG420  
TCTGC3GCTT CTTGGCTCTT GGAGTATGCC TCAAAAATTC TGCCCCGGTC CTCAGGCTCA480  
ACCACCTCAT AATCTCTCTC ATGATAGTCC CG 512

Name: 116 Len: 566 Check: A72  
TTTTTTTTTT GTTTTTTAAC CCCCCCGGAG AAGCTCTGTC CCGAGCTGAT GCGCATGTTT 60  
GAAGAGGCTT TGCGGAGAGG AGCCCATACC AGCGCAAAGC TGANCTCCTG GTGCTGGCC120  
TGCTGTCTGA CCGAGCTGGC GACCACATCA GGCAGAGACT GCTGCCCCCA CTGCTGCAGA180  
TTGTGTGCAA GGGGCTGGAG GACCCCTGCG AAGTTGTACG CAATGCTGCG CTGTTTGCC240  
TGGGCGCAGT CTCAGAAAAC CTACAGCCCC ATATCAGCAG CTATTCAAGG GAGGTAATGC300  
CACTGCTCCT CGCCTACTTG AAGTCGGTGC CTCTTGGA CAACACACCAC CTAGCCAAAG360  
CCTGCTATGC CCGGAGAAAT TTTGTGGAGA ACCTAGGGCC CAAGGTGCGG CCGTACCTTC420  
CGGAGCTTAT GGAATGCATC CTGCAGCTTC TGAGGAACCC CAGCAGTCCC CCGGCCAAGG480  
AGCTGGCTGT GAGCGCCTCT GAGGCCATTG CTACGGCTGC CCAGGCTCG CTGCTGCCT540  
ACTTCCCTGC CATCTATGGG CACTG 566

Name: 117 Len: 549 Check: 1602  
CCCTGTGCAA TGTTTAGCTC TCACCCCACT CCAAGTGCC ATAATTGAAA TAATACTGGT 60

22

TGGGATGATT ATTACAGATT GGTGATAAAT GCGGCATAAA GTCCGTASAT TACGTAAAG12  
GTATTTCCAA ATGCGTAGT AATGCACTGC AACTGCCCTG GCCACAAACA GTGCTAGAT180  
GGGTGGGGCA AATGGAATGA TGCCATCACT CTTGAAGAAC ACAAATTCOA AGCAATAAAT240  
TAAGCCCCCA CAGGCAAGTT COTGAASTCC ATCGGTGTTT TTTATTGATG TCACACCAA300  
GGCTGNAGAG AATCCCAITG TGAGATAGAA AAAGAGTTCA ACCACCTTAT ATTTTTCATG360  
GTAGATTAAT ACATPAATGG TTCTCCAGC TGCCATGAGC CAGATAAAAC AAGCATATG420  
AGATGCAAGG GGTCAAGTT CACGAAGATT TAACCATGGA GCATAAGAA CAGCAATGAA480  
GAAATAGATA ACCATTCTAT CACACATGTG AAAACAATGC TCCACTGTCC TTAAGTGGCT540  
CTTTTTCOA 540

Name: 111 Len: 416 Check: 71A  
CTCGGCTTCA TAAATAGTAT GGCTTAGAAG AAGGCGTGGG TACAGATGTG CAGGAATGCT 60  
AGTGTGTGTT GTTGTATGCC GATTGTAAC ATTATGAGTC CTAGTTTACT TGAAGCGGAG120  
AAGGCTACGA TTTTTTTGA TGTCATTTTG TGTAAGGGGG CAGACTGTCTG CGAACAGAGT180  
GGTGATAGCG CCTAAGCATA GTGTTAGAGT TTGGATTAGT GGGCTATTTT CTGCTAGGGG240  
GTGGAAGCGG ATGASTAAGA AGATTCTCTG TACAACATA GTGCTTGAGT GAGTAGGGC300  
TGAGATTGGG GTGGGGCCTT CTATGGCTGA GGGGAGTCAG GGGTGGAGAC CTAATTGGGC360  
TGATTTTACT GCTGTCTGTA GGAAGAAGCC CAATAAGTGG GTGAGGCTTG STTTAG 416

Name: 112 Len: 405 Check: 23A0  
CTCGGCTTCA COTGCGACGA CCTGTTCCGC TTCAACAACA TTAATTTGA TCCACTTACA 60  
GAACTTATG GATTTCCTTT CTACCTACAA TACCTCGCCC ACTGGCCAGA GTATTTTATT120  
GTGCGAGAG CACCTGCTGG AGAATTAATG GGTATATTA TGGGTAAAGC AGAAGGCTCA180  
GTAGCTAGGG AAGAATGGCA CGGGCACGTC ACAGCTCTGT CTGTTGCCCC AGAATTTCA240  
CGCTTGTGTT TGGCTGCTAA ACTTATGGAG TTACTAGAGG AGATTTTACA AAGAAAGGGT300  
GGATTTTTTG TGGATCTCTT TGTAAGAGTA TCTAACCAAG TTGCAGTTAA CATGTACAAG360  
CAGTTGGGCT ACAGTGTATA TAGGACGGTC ATAGAGTACT ATTCG 405

Name: 113 Len: 409 Check: 8AB  
CAGAGCTTGC CCAAGGCTTT GTGGGCTGGG CACTCAGCTC CACCATCCAG CGCTTCTACA 60  
AGAACGAGGG AGGTACATGG TCAGTGGAGA AGGTGATCCA GGTGCCCCC AAGAAAGTGA120  
AAGGCTGGCT GCTGCCGAAA TGCCAGGCTC GATCACCGAC ATCCTGCTCT CCTTGGACGA180  
CCGCTTCTCT TACTTCAGCA ACTGGCTGCA TGGGGACCTG AGGCAGTATG ACATCTCTGA240  
CCACAGAGA CCCCCTCA CAGGACAGCT CTTCCTCGGA GGCAGCATTG TTAAGGGAGG300  
CCTGCTGAGG GTGCTGAGGA CGAGGAACCTA AAGTCCCAGC CAGAGCCCCT AGTGGTCAAG360  
GGAAACGGG TGGNTGGAGG CCTCAGATGA TCCAGTCAGC CTGGATGGG 409

Name: 120 Len: 318 Check: 266B  
CGGACGCAAG TACATCCAGA CAGACAGCGG CCCCTACTGT GTGCCCTGCT ATGACAATAC 60  
CTTTGCCAAC ACCTGTGCTG AGTGCCAGCA GCTTATCGGG CATGACTCGA GGGAGCTGTT120  
CTATGAAGAC CGCCATTTCC ACGAGGGCTG CTTCCGCTGC TGCCGCTGCC AGCGCTCACT180  
AGCCGATGAA CCGTTACCT GCCAGGACAG TGAGCTGCTC TGCAATGACT GCTACTGCAG240  
TGGTTTTTC TGGCAGTGT CCGCTTGTGG GGAGACTGTC ATGCTTGGGT CCGGAAAGC300  
TGGAAATATG GAGGGCCA 318

Name: 121 Len: 460 Check: 2526  
TTTAATCTAA GAATTTCTTT ATTTTATGCA TAATAAAAGG GACTACAAAG AACAGCTGAA 60  
AAGGCGAAG ACAAAGGAAC AAAAATAAAC AATGACGTGT ATTCCAACCC AAACAATGAG120  
AAATCTATGC AACTGACTA TCAGTTCAAT CTATTTCCAG GTCGCTATCC TCACTGTGAC180  
ACSTGGCAGA GTTACGCACA GATGTCAGCA CCAAGACTTC CTTTTCTGGG AATAATCCAA240  
ATTCCTGGAG AAAAGCTTCA AGGTCCACAG CAAAGAAATC ATCCCCAGC TSGTCAGTAA300  
TACCAACAAA ATTGGCGATC AATTACCCCT CTTTATAGAT CAGCAGGGCA GGAAGGGCAT360  
TCCCTGTSAA CTGACTGCTG GCGCCAATAA CTGAGCTCTT CACCTTGACG AACTTGACAG420  
CTGGGTAATC TGCGGCAAGG CAGATCATGC AACCATTCT 460

Name: 122 Len: 672 Check: 13BD  
ATAGAGCTTC ACAGCTGCCA GCTGTTCCCG GGCCTGGAAC GTCTGGGTCA GTGAGGTCCC 60  
ATCTGCTAGC CTGACTGTGA TGCGACACTG CTCATACTCC CGCTTGTGG GAGGCTCCTG120  
GCTGGGAGAA GAGGGAACAG GACCTGGCTC TGGTGCCACT GGGGTGGGCT GAGAGCCAC180  
ACTGCTACCA TACTTCTTGG CTCTCTCTGC TTTGTCCCTC TCGATCTTTT CTCTAACTCT240  
TTCTGTGGCT GCTAACTCCT CGGCCTTTTC CCTCCGCTC TCCTCAGCAG CCGGGCGCAT300  
CTCATCTTCC TGTAGCGGCT GTCGTGCTGC TGACAACTCT TGCCCTTGTG TCTCTGGG420  
CGCTTCCCG TTCAATGCTT CCGTTCCTC TCTTTCTTCA CGCTCCGCT GCTTCTGGG540  
CCACAGCTTC AACATCCCT CTAGTTTGT CCGTCTTTCC TCTTCACTCA AAGNGGGGT480  
TGTCTTCTCC CGCAGCCAGA AACAGATTCT TCAAGSGCGC CTGGTCTTG AGGAATTGGG540  
GTCCGCTGCC AAGATATGTC CAAGGGGAGG TTCAAAAAGG TCTTTCAAAA TCGGGTTGGT600  
CTTGCTTTTC AAAAAACCAT TCCATGAAAG CTTGAGTCCC CTGTTCCCTT GAAGGGCAAA660  
AACTTTCTCC GG 672

Name: 123 Len: 310 Check: D0

GCAGAGAGAA TATGTGCTA AGTGGGACCT GTGAAACAC SARAGGCTCA TTTATCTGCC 6  
ACTGTGATAT GGGCTACTCC GBCAAAAAAG GAAAAACTGG CTGTACAGAC ATCAATGAAT120  
GTGAAATTGG AGCAGACAAC TGTGGCAAC ATGCTGTATG TACCAATACA GCAGGAAGT180  
TCAAATGTAG CTGGAGTCCC GGGTGGATTG GAGATGGCAT TAAGTGCAT GATCTGGAC3240  
AATGTTCCAA TGGAACCCAT ATGTGCAGCC AGCATGCAGA CTGCAAGAA ACCATGGGAT300  
CTTACCGCTG Len: 302 Check: 144A

Name: 124  
GCAGAGCTGG AGTTCAGAC CCAGATGAGT CTGCGGTCTT TCTGGAGGCT ATCGGCGAGT 60  
GCAGCAGAAC CCAATCATCC GGCAGAGCGG CANAGCAGCA GCAGTAACAA CAACCGAGTG120  
AAGAGCTGCT AGCAGAGAGA AAGCCTGGGC CTCTGGAGGC GGGAGGCGGA SACCCAGGCG180  
TGGGAGATG CCGGATCAGA GCGCAAGGG AAGAGAGTCA AGAGAAGAGA SACTAAGTCC240  
GAGGAGAGCC AGAGAGAGGA GGGTGGGAT AGGGGGAGCC CAAGAGTTGA GCCTGAGGCC300  
TC Len: 811 Check: 1E88

Name: 125  
TTTGAAGTTT GTAAGAATTT TTTAAACAAA ACAGAAATCA CAGTGACCAA GGGTAATGCG 60  
AGTCTGTGTC TCTTTGCCCC ATGCTGCTCC CCACAGCTCT CGGTGGGTAC TAAATGACGC120  
GCCACTGCAT GATGCTGTG TCTTTCCCGC CCGTGGAGAT GAGGTGGCTG TCTTCACAGA180  
GGAATCGAC ATTGTGACA TGGCTGCTGT GCGCGCGTA GATGTGGCTT GGAGGCTGA240  
ACTGGAGGCA GGGGTATGAG AAGAGGTGCA CTTTGCCAAA GTCGTGCGCT GTGACAGGA300  
GTTTCTTCTC ATGGGCCCCA CAGACGGCAT TTTATGTTGGT TCCGTCCGAG CTTTCTGGGC360  
ACACTCCAAA AAATGGGAAT CCAAAAGTGG AGGTATAGGT AGGCCATTCA ATGTCTCTTG420  
TAGTTTCCAC ACTTACGACT TGCTTACAGG CAGAGGGAAC CCAGTAGAGG ATTTCTGTAGT480  
CTCCGGAATT TGACACGAGG AACTGTGAGT TTACAGACCA GTCCAGGTGA GTAATGAAGC540  
TGGATGACC CGAGCACTTG CCCACTCGCG TGTACTTCTT CCGGTTTGTA TGGTGTAGT600  
ATATATAGAT GCAGTTGTCC TGTGAGCCTA TGGTAAAGAA ATTTCCCATC TGGTGTAGT660  
TGCATTACAG AGAAGCCGAC GGTTCATCC TGTGTGAAGG GGGACCAAGT CTTTGTGTTT720  
TCGTGTTAAA AACAACCCAC CTCACAGTTA GTGGTTCGAC TTCAACCCAC GACCCTTGAG780  
GGATGAAACC AAGAGAACTG GCGGTTTCT C Len: 456 Check: 11A

Name: 126  
TTTTTTTTTT TAAATACAA AAACAGCTT TACTCAGACT TTTTGACTGC CATGTCTCTC 60  
TTTAAAGGA CTACAGTTTG GCTACTTGGT CTCTTCTGGG GCAGATGTGG CATCCTGAGG120  
TGTGTTAGCT TCTGCCGGTG CAGATACAGC TCCTACCACA GTAGGGGTGG TCTCAGATAA180  
AGCAGGGATG GCTTCTGGAG TGGAAGTGGC TCCTGTCTCA CTGGGGGTGG TGTCAGTTTG240  
AAAGGCTGGA GTTCTTTGAC GGCAGCTGGT GTCTGTTGGA CTGGGTATGA TGTCAGCTTG300  
AACAGTCATG GCCTCTTCTT CTGTTTCCAA TTCTGTTTCT TGATTTTGAA CTTCTCACC360  
CTCTCTACC ATAGCAGGTG GTAGTTGTAA TAAAGTCTGA TGATAATGAT GTGTAGTCTG420  
TATCAAATGC ATGTACATGT TGTATACAAA GTTTGC Len: 292 Check: 281

Name: 127  
TTCCGACTCT TTTACATGT TTTTCGATAG CACTGCCATT TTGGCTGGAC TGGCAGCTTC 60  
TGTTATTTCA AAATGGAGAG ATAATGATGC TTTCTCCTAT GGGTATGTTA GAGCGGAAGT120  
TCTGGCTGGC TTTGTCAATG GCCTATTTTT GATCTTCACT GCTTTTTTTA TTTTCTCAGA180  
AGGAGTTGAG AGAGCATAG CCCCTCCAGA TGTCACCAT GAGAGACTGC TTCTTGTTC240  
CATTTCTGGG GTTGTGGTAA ACCTAATAGG AATATTTGTT TTCAAAATG GA Len: 433 Check: 51D

Name: 128  
GTAATTTTCA AGTTATTTTA ATAACCAGGT TTACATTAAC AGTCACGTGA TGAATTTTT 60  
TCTTTAATST CAGCTAAACT CAAAACACAG TTTTGTTCAC GGTTCAAACC AAACAGCTCT120  
TCACGTTCCA GAGCTGCCCT ACAGCTAGCA CAGNTCACAG GAGATTACTG TCTGTCCATA180  
CCCAACAGAC ACAGAACTGA ACACCCACAC ACCAGTTTTT AAAGAGGGAA CTTACAATGA240  
ATGCTGGCTG CCCAGGGCAC CCATGAGTGT ATCTGGGNCT CAAGCTGGAG TTTTCCAGGG300  
GAGAAAGCCT GGGAGGCTTG GTGGCAAGGA AGTTGGGNAT TGCCCAACCT ACTGGGAAAG360  
GGGTTTCTCA GGGGTTGAGT GAAATCCCG GGTAGGNGT CAGCCCTTTG TGGGAAACAT420  
GGGCACTTTC AGT Len: 372 Check: 21BF

Name: 129  
GATCCAGGAG CCAACAGCT GCCATGGTTC ANAAGGCCCT GGAAACCGAC CCAGGAGATG 60  
CGGTGGTTGT CACGCTTTGC GANTTGCTGA TTCTAACTAT NAAGCCATT GTAGGTACC120  
TCGAAAGGTG GCCAGAASTA TCTCCTGCGG CCCTTCTAGC AGGTGGTCTGA CCAGCATTTG180  
CACTGAAGAA CCAAGGTTGT CTGAGGTTGG GCCACCCGAC TTAGCAAGCA CAAAGGTAC240  
CCAGATGGA GAAAGCATGG AGGAAGAGAC GCTGGGTTCC TCTGTGGGAA TCTTTGGAT300  
CAAGCTTCCA GGCTAGCCT CCACAACAGG AAGATGAGGA GACTGAGAGA AGTGCAAGG360  
AACTTGGAAA GT Len: 439 Check: 1E33

Name: 13  
TTGGSTAAA TTGTAATTTT TTTATTGGAA AACAAATATA CAACTTGGAA TGGATTTTGA 60  
GGCAATTTGT GCCATAAGCA GATTTTAAST GGCTAAACAA AGTTTAAAA GCAAGTAACA120

ATAAAAGAAA ATGTTTCTGG TACAGGACCA GCAAGTACAAA AAAATAGTBT ACBASTACCT180  
CGATAATACA CCGTGTGTTG AATAGTGCAA CTTTAAAGTA CATATTGTTG ACTGTGATA240  
GTCGAGGAG ASTTACAAT CCACACTTCA ACAACAACAT GCTGACAGTT CTTAAGAAA300  
ACTATTTTAA AAAAGGCATA ACCAGATGT TCCCTCATT GACCAACTCC ATCTAAGTTT360  
AGATGTGCA3 AAGGGCTTAG ATATATCCAG AGTAAGCCAC ATGCAACAT3 GTTACTTGAT420  
CAATTTTCTA AAATAAGGT 438

Name: 130 Len: 523 Check: 1041  
BAGCGAGGCG GAGGCGGAAG CCGCAGCGGG GCGGCGGGAG CCGCGGGAGC BGGGGAAGCA 60  
BGGGCGGGCG GCGTCTATGG CCGCAGCGGG GCGGCGGGAG CCGCGGGAGC BGGGGAAGCA 120  
BGGGCGGGCG GCGTCTATGG CCGCAGCGGG GCGGCGGGAG CCGCGGGAGC BGGGGAAGCA 180  
CTGAGCGAGC CCGCGGGGCA GCACATCGCA GAAAAAACCG GGAAGATCT GACGGAGTTT240  
CTGAGTTTCT ATGAAGACCA GTATGGCGTG GCTCTCTTCA ACAGCATGG CCATGAGATT300  
GAGGCGAGCG GCGTGGCGCA GGCCAGCTG CTCTGCGGCA AGGTGCCACT GGAGGAGCGC360  
ATGCTCTTCT GGGGAACCT CTTCCAGCAC CAGGAGGACA GTAAGAAGTG NAGAAACCGC420  
TTGAGCTTNT TCGCCACAA CTACGGGCTG GTGCTCTACN AAAACAAA3C NGGTCTATGA480  
GCGGAGGTTC CACCACGAGC CGTCATCAAC AGTGCAAGCT ACAAATC 523

Name: 131 Len: 521 Check: 253E  
AGAGGAAATT GATTAGCTAT GGTGTAAGTT TTCGGGAGAG TCATCTGAAT GTTGTATAT 60  
CCATAAGCAA TAGCTGCATC TTCTACAATA TCACATGCAT GGATAATGTC AGCTCTGGTT120  
GGAGGGGATTT TAATCTCAAT CTGATTCCCA TCACCTATGA CTTCTGATTT TAAATACATC180  
CTGCTCAGAA GTTTGCAAG ATTTTCTGGA GTTCTCTGA TTCCAACCTT TTTGTTAATT240  
AGGTGAGCTC TCACCATCTC CTTTCGGTAA GCTAATTCTG GAAAGGTATG TGATTTTCCA300  
TTAGGAAAAA CCACTTCAGC AGCTTCGACC GTAAATTGAT TCTACAATA TTCACTGAAC360  
ATGGTGACAA TAATATCAAG AACTATNTTT GCCTTAGTAA AGTCAGTTCC CGTGCATTCA420  
ATAAAAAATAT TTCTAGTATN TACTGTTATT CTGSAATGAT CCCCATTGAT GATGGGAGGC480  
ATTGAAAAA GACACCATTT GCTATCATAG ATAAGTGGAT A 521

Name: 132 Len: 429 Check: 19CF  
GAGGGGGAGA GGGGAGCAG ATGCTCAAAA GGGGGTCAAA GAGAGGGGAA GGAAATTGCA 60  
CATAAATAAA CCGSATGATT CCAAATGCAA GGAGTCTCA GAGCGGAGCG CGGACGGCTT120  
TTCCGGAGTC CTGGGTCTGC ATCTGGCGCC TTGGCCCCCTG CTCACCTCGG CTCTCTCT180  
CCTCCTTCTC CTCTCTCTCA CTGCTTGAGC TCCAGGGGCC AGACGTGCTG CGGCCAGCCC240  
GTCCGGCCTT TGTTTTCTT GTCGTTGCTG CTCAGTGTGC TTTTCAAGAT TTCGTTCTGG300  
ACAGAGGAAA GCGGAGGGCG AGAAAAGTGG AAAGAGAAAT TCAGAGAGGA TACCTGGTTC360  
CACACCAACC CGGAGCTTCC TGCGCCGGAG GAGACAGTGA ACCAGAGAGG AAAGGATACG420  
ATGGGGGAG 429

Name: 133 Len: 442 Check: 5E9  
TCAAAACAATA ACTTGGTATT TTATACTTCT CTATACTTTG TAGCAAATCT TTTTTTGCTG 60  
AATTTAATTT ATAATAAAT TTTTAAATTA CATCTCTCTC TTTTTTTTTT TTAAATCAA120  
GGCTCTTTTA TGTCAAAATC TTTTTTTAGC TATATTTTAG ATTAACATTT AACATCCCCC180  
CCTTGTGATC TATACCGTTG GATATTCAGG TATTACTGTG TGTGTAACAG CTAACAACAG240  
AGGGAGGAGG GAAAATAAAG GCAGTGAAT TGGACGGATG CATCAACAAC AGCAGATAAA300  
GCTAACCCCT CAGTGACCAT AGCAGCATGT CTTCTGGAAG CCTTTACTCT TACCCAGAG360  
ATTTCTCAG CCCCCCTTCT CTCTCCCTCC TATCTCCAA ACACAAAGCC AACAGTCTGT420  
CCTTTGCTT TTCTTGAGGA GA 442

Name: 134 Len: 913 Check: F1E  
TTTTTTTCTA TCCCTCTCA TTTATTCCTT GTGGAAAAAG AAAAACACAA ATCTTAAAAA 60  
CTAAAGCAAG TCAGGGAAGC CTGGAAAGAT ACCAGATTT GATAACATGT TAGAAGGAAA120  
TCCAGGCTAA GGAATCTCAT TTTCTAGCTT TGATCTGGTT GTCAGTTGGG ATGGACTTGC180  
CCAAATGATG GCGCACAGAA AGGCCAAATT TCTTGTCTTT CTCTCATCC TGTACCTCTT240  
TTTTCAATTA GAATCTGCC TGGAAGTTTA GGTCAAAGAG GCTGCTTGGA GCPAAATACA300  
GTGGTGTCTC ATTCGCNNAA ATATTTTTTC TTCCCCCCCC CAGGCGTTTC TTCATCTTCT360  
AGGATTTGAA TTGGGGCGTC TGCTGGAGTG GCGCAATGCT ATATGTCAAT TGAGGTTCTA420  
AGACTTGGAA GCGACAGAAA TGCAGAATGC CACTCTGAAT TGGCCAGAA ATGACATTCA480  
TGTCGGCGT GATCCCTTGC AGAGAGTACA TGGAGCCACT GGCAGCGTAA GTGTAAGCAA540  
GCACTGCTCT CTTACTCCGG AAGGTCCTT TGTATACAT GGCAGGGACT CCGAAACCAC600  
ACTCTTCTAT GAACACTCGC TCAAACCAGC CTTTTCAGAT GGCAGGGACT CCGAAACCAC660  
TGCAGGGGGG ACTGGGATAT CACAAAGGTC TGCGGCTTTC CAGCTTCTTT TTGTCAGGCT720  
ACAAATATCT GGGCTCAGAT GGGCTTTCTT TATTAAGCAG AACAAGATTC GCAGGATACT780  
BGAAGTCCC AGGGTCTTT CAGTTTACTT GGAAGGGCT TTTGGGAAAG AAGGGATGGA840  
AATTATGSGA TAAAGGGGCC GATTCCACAA CTTCTTCTT TTTTTTTTAA GCGGTTGGG900  
AAGCTCTTA TGG 913

Name: 135 Len: 750 Check: 1FCD  
TTTTTTTTTT TTGTCTTCA TAGTAAAGT TTATTGAACA GAAAACCCAG CAAAGTTTT 60

CAGCTGCTGTA AAGTTCCOCT TAGTTTAAAG TAAAGCACTG CATTCTTAAA AGCAATTATAT120  
 CATAAGTCTT TCTAGAAAA STCTGTCTAA AACATSTCTA GCAATTTCTA TGATTATATAT120  
 AASTABTACA CTTAGTGTA TTTAAACATT CCAACAGGAA TCAAATCGTA CCAGCAGAAC240  
 CACTTCTGTA TCTATGACTT CTATGTACAA ACACACATGC AGACACACAC ATTTGSAAAA360  
 GTTCTCTAAG CATAGACATG CAACACCTAA GGCCTTCTAC GTACAGTGTCT TATTAAACTA360  
 TTAGAGATAT ATATTAAAGC TCTTCAGAAT AAAGACATGA GAAGCCTTGG GCATTNTTTG420  
 TTAGCCTATT TGTATCACGG CTTCACGTTT CTGCTTTTGC TTGCTCACAA AAGCATATCA480  
 TCACTCACAC TGTTTTTTAA AAACCTCATCA TTGCTATGTC CAGGAGAGGC AATCTAGCTG540  
 GAGTCTAGCT ATCCAGTCCA TTCTCTCTAA AGCCTCCAAC AGCTACAGTA CAAACACAT600  
 CAGTNTGCTA TGGCTGGGGG GCCTTCTGGA AGAAGAGAGG CAAAGAAAAT CTGGAAGACA660  
 AGCCTAGCTG TGGCTCAAAA GGAGGGGCTG STCTGCTCGC CATCTAGTAC ATCCTCTCT720  
 TGGATGGAGG TGGCTTGGGG TTTCCATTTC 750

Name: 136 Len: 348 Check: B6B  
 AAAAGGACGG CCAGTGAATT GTAATACGAC TCACTATAGG GCGAATTGGG CCTCTAGAT 60  
 CCATGCTGGA GGGCCGCCA GTGTGATGGA TATCTGCAGA ATTCGGCTTT TGACACCAGA120  
 CCAACTGGTA ATGGTAGCGA CTGGCGCTCA GCTGGAATTC CGGCTGGGAC TACGGGTCT180  
 CACTCCAGAA GAGGCTTCTT CAGAGCATGG TAGTCTTGGG GTTCTAAGAG AATGAGAGTA240  
 CAGCTGCTAA AACCTCTTGA AACTG3GGCT TGGGAGTCAAC ACATGACTTT CTCCACATTC300  
 TGTCTGCTAA AAGCGAATCA TAAGCACAGC ACAGACTCAA GGGATAAG 348

Name: 137 Len: 505 Check: 1021  
 AAACGACGGC CAGTGAATTG TAATACGACT CACTATAGGG CGAATTGGGC CCTCTAGAT 60  
 CATGCTGAG GGGCCGCCAG TGTGATGGAT ATCTGCAGAA TTCGGCTTTT KACACCAGAC120  
 CAACCTGGTA TGGTAGCGAC CGGTCTCAG CTGGAATTC GGATTGGTCC AATTGGGTAT180  
 GAGGAGTTCA GTTATATGTT TGGGATTTT TAGGTAGTGG GTGTTGAGCT TGAAGCTTT240  
 CTTAATGGT GGTGCTTTT AGGCCTACTA TGGGTGTTAA ATTTTTTACT CTCTCTACAA300  
 GGTTTTTTTC TAGTGTCCAA AGAGCTGTTT CTCTCTGGA CTAACAGTTA AATTCTACAG360  
 GGGATTTTGA GGGTCTGTG GGGCAAATTT AAAGTTGAAC TAAGATTCTA TCTTGGACAA420  
 CCAGCTATCA CCAGGCTCGG TAGGTTTGTG GCCTCTWCCT ATAAATCTTC CCCTATTTT480  
 TBTACATAGA CGGGTGTTCT CTTTT 505

Name: 138 Len: 513 Check: 117D  
 AGGGCCGAGT GGAGGTGCTG GTGGAGAGAA ACGGGTCCCT TGTGTGGGGG ATGGTGTGTG 60  
 GCGAAAACTG GGGCATCTG GAGGCCATGG TGGTCTGCCG CCAGCTGGGC CTGGGATTCG120  
 CCAGCAGGC CTTCCAGGAG ACCTGGTATT GGCACGGAGA TGTCAACAGC AACAAAGTGG180  
 TCATGAGTGG AGTGAAGTGC TCGGGAACGG AGCTGTCCCT GGCGCACTGC CGCCACGACG240  
 GGGAGGACGT GGCCTGCCCC CAGGGCGGAG TGCAGTACGG GGCCGGAGTT GCCTGCTCAG300  
 AAACCGCCCC TGACCTGGTC CTCAATGCCG AGATGGTGCA GCAGACCACC TACCTGGAGG360  
 ACCGGCCCAT GTTCTGTCTG CAGTGTGCCA TGGAGGAGAA CTGCCTCTCG GCCTCAGCCG420  
 CGCAGACTGA CCCCACACG GGCTACCGCC GGCTCCTGCG CTTCTCCTEC CAGATCCACA480  
 ACAATGBCDA GTCCGACTTC CGGCCAAGA ACG 513

Name: 139 Len: 340 Check: E2C  
 TTTTTTTTTT TTTTGAAT GAGTAAATTT ATAGCTTTAT TTGCATACAG AAAAGTGCAT 60  
 GAGAAAAATA GTATGTACAA AACASTTGTG TGGCTGATCA TGACTTTCAA AAATCAACT120  
 ACCTAGAAAT AGTTACCTCC AGTTTAGCAC ATTTAGGTAT TTGGACATTT AAAGTACTAT180  
 TTCAAGTCTG TGTATATAGT GACTGAGTAG GAAGCTGATA GAAAATTATG CCATATATGA240  
 TCAACTATTA CCATTAAACA TAAACCACA GGAATTTCTA CTTGGGGCTA ATCATAGAG300  
 GGTCTATGGG CCGCTGTCTT GTTAGCTTC TGACATCAC 340

Name: 14 Len: 486 Check: 1FA  
 GCTAGGAAGA TAGTTGTTAC ATACTGAAGT AGGTTATTAA ATAAAGTAAAT GAAATATCTT 60  
 TGAACATATA TATAAATAGG ACAGGCTTAT ATTCTAACTA GTTTGCGGTG TTTTCAGCTA120  
 ACTCTATCAC ACCTAACCAT CTGTGTAAGA CTTGATGCAT TTTATATCAT TTTTAGGCT3130  
 GGTAGGAAA CAACAAAATC ACAGATATCG AAAATGGGAG TCTTGCTAAC ATACCACGT3240  
 TGASAGAAAT ACATTTTGAA AACAAATAAC TAAAPAAAAT CCGCTCAGGA TTACCAGAGT360  
 TGAATAACCT CCAGGTAAAA CATTCTACTT GTGTTGAGTA GNTATTGGGT ATTTTCTCT360  
 TAGGTTTTTA ATAACACACT TTAGGCACAC CTCAAGCAAA GGACCAAGTA AGGCAGCAA3420  
 GGGTGGATTG AAACATAATG ACTCTCCAGG TTGCATGAGG TGTTTTAAGA AGTAGGAGA3480  
 CTTTAN 486

Name: 140 Len: 334 Check: 1A0F  
 GGCTTTTGG TCCAGAAAA ATAGAGGGGA TCTCTGTGGA GCTCTTTTGG TTTTTCATCA 60  
 ATTCTGGGGC TATTAAAACT AGCCATTTCAT CTAACGAGGG CCAAAGCAAT TCCAGAGGCT120  
 TGAACACCTG GCTTTTTTGA GTTTTATTCC CATTGTAGCC CATATCAATT CCATTACTG3130  
 GGGAGGATG AACAATTCGA AAGAGGTGAC AAAACATTCT CACAATCCTT AAAAGGCTCT240  
 TATTTTGAAC ATCATAATTG CTAGAGAGGC TAAGCAGTTT ATGACCATTT GTTGTAGCAA300  
 CTTACGCAAG GCTTGTAGA ATCTTTAGGT ACTG 334



Name: 141 Len: 447 Check: 1A.F  
TTTAAAGTTA CACGATTATT TATTGAGAGC CTCCTCTCCC CGCCCTTGCA ATCTCTAGGT 6  
CACTTTCTCC BCTTGTAGAT TTTGCGCGCA AGCCCCA3AA AGACGGCTGG GGGCAGGGGT120  
GCTGGGTACI GTTCAATGAG AGCCATAATG TGSDTGTAACT TGTCTTCTCT ATATTSCAAG180  
AACACTGCTG GCAGATTCAG CTCCTCATAT AGCSCCTTCA CCGGGGGCCAC TTTCTCAGCC240  
TCCTTCTGSC CSTAATTTTC CTTCAGGATC TGSTACTGTT CTGGAGTGGC CCGTTGCAGA300  
CACTGAGCTA CCAGCCAGCT GCATTTGTTG TCCTGGATGT CAGTGCCAAT TTTGCGGGTC360  
ACACTGSGGT CCGCAAGAGG GTCAAGGTAA TCATCTGAA TGTGAAAGAA CTCCCTCATC420  
TCCAGCAGGA TCTTCTTGGC ATTGGCCTGC TCCTTCTGGC CATCAATTCC TGCCATGTAC480  
ATGGCTCCAG CTATAGG 497

Name: 142 Len: 353 Check: 1801  
TTTTTTTTTT TTTTAGAGAT TGTGTGACT TTTATTCAAT TGGAAATCCG GATTAAAATA 60  
AAAGCACTGA GAGCAAGCT TTACAAATAT TACATTACTA CGTCATTGAT ATGGCTTTTA120  
CACTGATTGG ATACAGGAAA AAAAAAACC TAACATTAGA ATTAAGGCAG TAACAACATG180  
TGCAAACTTA GCACACCCCC TGACAGTCTT CAGTAGAAAA CTACTCTGTT CAGGTGGTAT240  
CTGACATGGC TGCATGTAGG TCTCATTGCA TGGAAAGGATA GGTCCTGAAAG AGCTTCATTTC300  
CTTAAAGGGG AAAAGGACCC TTCTCACTGG CCAACGATGG CCAGGAGCAG CTT 353

Name: 143 Len: 559 Check: 225B  
ATGCTTCACA CTTGGTTTGC TTATATTGAT CATTTAAGAA GAGATATTAA TCTTACCTAT 60  
TGCCATGAAT ATTTTCATTTA CATTCACTGA TGTTTTAGCG GATGTCTCCA TGAATAATAA120  
ACTATTGTCA TGTGCATAGG ACTGTGCTTC CTGGAAATCT ACTGCTCTTT TATTGTCTAG180  
GTGGGCTTTG TTTCCCGATA AAGCTATTAC AATGTTAGGA CTTGCTTGCC TCTGAAGTTC240  
TTTAAACCCAA TTTTGTGCTC TTGCAAAAGGA CTCCTCATTT GTGATATCAT ATACAACAT300  
GGCTGCTTGT GCTCCTGTGT AGTACATTGG TGCTAGGCTA TGSTATCGTT CTTGACCAGC360  
TGTATCCCAT ATTTCAAAC TTTACTGTAGT GTCATCAAGA CACACAGTTT GGGTTAGAAA420  
AGCAGCTTCA ATGGTACTCT CTTGAAATCA TGACATTGGC TTTTCAAAA CAAGCACTAG480  
GCTTGATTGG CAAGAGGCGA CTCTCCGAGA GTACTAGTTT GAACTGCATA TWTATTTCCA540  
GTATTGGGDC CTTGGGTCT 559

Name: 144 Len: 572 Check: D1C  
TTTTTTTTTC TTTTAAATGC TTCTTTTATT TCATTGGTTG TACATTGGGT GAGTGAAGT 60  
AATATTACAA CCAAAACATA GTATTGATAC AAATTAGACT CCTGTTTACA CTGTAAGGTA120  
ATGAATGAGG GAATTCCTTA AGTGTTACAG AAAGATTAG TAGAAATGTT ACCAGTGGTA180  
TGGCTGAAAG AATATTTCCG TGAAGTGCTG TTATATCCTG AAAACCAAGA GTGAAATGTA240  
GTTCCCATAC AAGTGGAGAG TTAGTCTCTT AACTACAGTA TTTGTTGAAC TGATATCTTC300  
ATGTCTTGGG TATTGGTGAT TTTTGTTTTT TAATTAAACA AAGCATTAA GATTTATTCA360  
TCATAGTCAG ACTTCTGAAT ATAAACAAAC TTTTGGCAAA TAATATTTAT ACAGAAAAAT420  
AGTTTTASAT CCTCTCAAAT CCCAGAATTA TTCTATAAAA TTACATTATA AATAAATAAA480  
AAGCAAPATC TSTTGTACAT ATATTTGTAC ATCTATGCAT TTGCTTGGC TCTCCTTAT540  
TGTAATGGC ATATTTATGA CTCTTTGCAT AT 572

Name: 145 Len: 402 Check: 1D03  
TTTTTTTTTT TTTTGTCT TAAGGAAGTT TTTTGGCATT CTTTTTTTTT TTAGATTACA 60  
ACACACATAC AATAAGTGAA TTTTATCAAA ATACAGCACA TTTCTTCTAC TATATCCATA120  
AAAATCAATT CCTATSTAAA TAGTACTGAA AATCAACTAA AATGAGTTAA AATTTACAAA180  
GAGTGTGTTA AGGTTTTCAA TCAAAATTAT TAAAACTATA CAGTACAATA ACCAATTGAT240  
AACATCTTGA AAGAAATGCA ATATTTGAGT TCACATATTT TTAAGAGTGC TGCTACTTA300  
CTCTGACTAG CAAGATGGGA AAGTGAGTCC AACTCACTTT TGCAAAAATA ATGTTGGTTG360  
STGTTTTAAG CTAGTCTTAT AAAAGTCTTA ATTAAGATCA AG 402

Name: 146 Len: 482 Check: 28  
AGTAGAAACA AAGTATGTTT AATGGTTGCT TTGGAAGGG GAGTGGGCA COTCATGCCA 60  
GGGAGATTCA AAAATGAGAC TTTTCAAGCA AGCACTGCCT ATAGCATAGT CTCATATTTT120  
GAAAATTTAA ACTTAATTTT AATTATATAT AAAGAACTAT TTTAAAAAT CACACCCACA180  
AGTAAAAAAD TGSTAACTG TTTACAAAGT GCAGCGTCAG TACAGCAAC TCATCTCAAC240  
AAAAGATTAT GTSTGTTTTG TCGGBCTTTT AACTCCCCCT GGTTCCTATT TAAATGCTTT300  
AACATTGAST CATCTGTCAT ACATGAAAAG CCTGTSTAAT GAAACCTGGG TCCTTTAAACA360  
CCTGCTATTA ATTAATTCCA ACATAAGTGA GTATGAGACC TGNAGAGTAA ATTGTATCA420  
TCTGATTGAT GAGGTACAGA TTATCTGAAT AAAATTCTG ACCTGGTTAT GAGTCAGTAA480  
TC 482

Name: 147 Len: 489 Check: 149E  
TTTTTTTTTA CATTCTTAAG TTTCTTTATT CTTCATAGTT TTCTAATGAA CAAATAGTTA 60  
GTTTTCTGTA GTAAGATTAT AAAAAAGTTA ACCATTCTTC CAAAAGTATA AAGACAAATA120  
AAATGTGAC TCATAATACA AATTTTTTAC ATAGCATTAA AGGTGCAGAT ATTGACTGCC180  
CCTCTTCATT ATGATTGGCC CACCCCTTAA AAAGACTGCA ACAGAGGATT CAATTGTCTA240  
AAATACTTCG AAGTACAGAA ATTAAGTCT TTAGCCCAT AACATATCCC TCATCTATTG300



TGTTG TAGG GAACACATGA GCAAAATCTA TCATTGSCAG TTCTACTTCA GCAATCTCTT361  
 GGCAAAACAGT GGGGAGATGG TAGAAAACTT TMTCCAGTT GGAAGTACA TTCCATTTA420  
 AATGTCCCTG TACATGCTT TCCACCCAT TGTCTTCTC CASATTTTCA ACTTTCAATG480  
 AAGCTGGAG 489

Name: 148 Len: 372 Check: DA7  
 TTTCACCTTT TAATTTTATA TTATTTSCGT CATACTTTT CTGTAACGGA AGTGTAAAT 60  
 TTAATTTACT TTTTGTACC TTTTGGSAAT CTAATGTATT GTAAGGTATT TTACACGTGT120  
 CCTTATTTTG CCACAACCTG GATATTGAAG CTATCCAAAGC TTTTGAATA AAATTTAAAA180  
 ACCCTCAAGC TTGGGTGAGT GTGGGATAT CTGTGTGABA CTGTGTGCTC AGGGTGGAGG240  
 GAGGTGNGG GGGGNGHNNC CHNNNNCCCT NNACTTTTTC CTCTTCTGC NNCANGCTCT300  
 TCCAGCTTGA GGCCCACTTG GGGGSTATCC TTTAAGGACT GCCTTGCTTA GGGCTGGGCC360  
 CCTTTTTCAG GA 372

Name: 149 Len: 491 Check: CA  
 GTTTTTAAAA CAAGCAAATT TTATTAAAGG AAAATTTTGC AGGTTTAAAG TTTGCAGGTG 60  
 AAATTTTGTA GGTGAAAAGG TTTACTTTTC ACCAGTCTGT TCTGGCATGC TCTAATGAT120  
 GTCAGAGTCA CCTGGATCAA TGATAGCCAG TGTGCACACT CTGTAGTATT TTCCGCATGC180  
 TGTGCCCAGT TCAATATTAT TGCCACTGTA GTGATGGACA CCAGTTTTCG CCAACATAGC240  
 ATATCTACTCT ATTTGAGATT TCCTCAAAGC TGGGCAGTTG TTAECGAGPA TGACCAATTT300  
 CGCTTTGCTT TGTCTGATCA TCTTCAGAGT CTGCTTGTAC CCCAGGACGT ACTTCCCACT360  
 TTTTATAACG AGTTGGAGCC TAGAGTTGAT CGACTCCAGC GACTTTTTTC TCTTCTTTGC420  
 GGCCACCATC TTCTGCTT AGGAGCGGGA CGGCCCCCA CCTAGAGAG ACAGAGAAC480  
 GGACAGGAAT T 491

Name: 15 Len: 601 Check: 1356  
 CGACAACCTGT GCTGACAACC CATGTTCTTG CAGCCAGTCT CACTGTTGTA CACGATGGTC 60  
 AGCCATGGGT GTCATGTCCC TCTTTTTGCC TTGTTTATGG TGTACCTTC CAGCCAAGGG120  
 TTCCCTTAAA TTGTGCCCAGG GGTGTTATGA CCGGGTTAAC AGGCTGCTT CCGCTGTAA180  
 AAACCTCAAC ACATTTTGCT GCAAACTTCC CACTGTCCC CCTAGGAAT TTGAAAAACC240  
 AACATAGCAT CATTAATCAG GAATATTACA GTAATGAGGA TTTTTTCTGT CTTTTTTTAA300  
 TACACATATG CAACCAACTA AACAGTTATA ATCTTGGCAC TGTTAATAGA AAGTTGGGAT360  
 AGTCTTTGCT GTTTGCGGTG AAATGCTTTT TGTCCATGTG CCGTTTTAAC TGGATATGCT420  
 TGTTAGAAT CTAGCTAATG GAGCTCAAAG TATGAGATAC AGAAGTTGGG TGANCCATGT480  
 ANTGCATAAG CTAAAGCAAC ACAGACACTC CTANGCAAAG TTTTTGGTTG GTGAATAGTA540  
 CCTTGCAAAA CTGTAAAT AGCAGATGAC TTTTTTCCAT GGGTTTCNCC AGAGAGAATG600  
 T 601

Name: 150 Len: 455 Check: 254B  
 CATGTTTAAAT TTATTATTAT TGCAAAAGAA CAGTTTTTCT CATGATTAGT GAAATAGAAA 60  
 ACTCACATA TACTTAAGAG TCTGCAACAA GTTACATAGA ATCAGAGGCA CTTCAAAGGC120  
 TTAAAAAGAC GTTTCAACT TAAATGCATT TTTAAGAACA AAACTGATT TTTCTTTAAA180  
 CCTCTACTCG TACCTTCAAA TTGCAAGAAA TTAACAAATA CAGTGGCCAA AGGAATCTGC240  
 AGCAACTTCT TAAAATACTG TTAACATCTT TGGGTTTGCT GAGGCTTGT AGTAACCTAC300  
 ATCAAACTCT CCAAAAGAA GATCTGATTA GATAGATATG ACTAAACGGT TTTGTAGTAA360  
 TAATCCAATT TTACACATTA ATTTGCTGTT GCAAACTCTG CCAAAGCTAC AGGTAATGAA420  
 AAATAAAGCA AGTGTAATAT GGATAGTCTG AACT 455

Name: 151 Len: 465 Check: B98  
 AGCTTGTCTCA CGCTGTGCA GGGGTGGATC CTGAGCTGCC GAAGCGGCG TCTGCTCTC 60  
 CCGCTGCGGC TTCTCTAATT CCATTGTTTT TTTTAGATTC TCTCGGCGCT AGCCGTCTT120  
 GGAACCGGAT ATTCGGGCTG GCGGTTCCG CCGCTGGGC CTAGGGGCT AACAGTAGCA180  
 ACAGAAAGCG GCGCGCGGC AGCAGCAGCA GCAGCAGCAG CAATCTCTTC CCGAACACGA240  
 GCAACACAGG CGCCCGAAG CCGGAACAGG CGTTTAGAGA AAATGGTAGA CGATATTGAT300  
 ATTGAGCAAA TGCTTGAGG TCCTTACAAG AAGGTGAGAA AAAACATGTC GGTGAGGTTT360  
 ATATATTTT TAATTTAGCA TTATTCACGA AACTACTGCT GAAATGTAAA CTAACCTTCT420  
 CCGAGCCCTC TTGATTTATC CTATTAGAGA TGCTTACCT TGTAC 465

Name: 152 Len: 386 Check: 1BC9  
 TCTTCTTAG TTTTCTTCCC AAATGGTTC TCAGCCCCAG TGCTGGGCG TGAAATAGSC 60  
 CCAGCTCCCT GTATAGTTCC CACAGAGCTG GCCACACCAT AAGTCAGGG CAAACTGGAA120  
 CTGTGGGAAG GAGCTGCAGC CTGTACTTCC CCTTCAGTTA GAGCCTGAAG CTGGAGGAGC180  
 TTTTCTAGCA AGTACCTTCT TTCTTCTTTT GCTTTAAGAA ATTTTCTCTC AAGACGAGCA240  
 ATTTCTATC AAATAGCAGC ATTTTCAAC AACGTGGCT TGGCGGCTTT GCGCAGCGG300  
 AGGTACTTCA GCGGTACTT CTCATTCTGG CTCTTCTTCT GAGGCTTTTT CATCCTGGCC360  
 TTGCTGGAAT GCANCGGAG CCGCGG 386

Name: 153 Len: 601 Check: DA2  
 TTTTTTTTAT GGCTTGGTTT TTATTTCTAT GCTTATAAAA AAAATATGAA GCTTCTTTGT 60  
 GTGGACTGAA GGGGTGTTAG CCGTGTGATG TTGGTCTTCT GTGCTGTAC CCCAGTGGCT120

GTTCACATTC TAGGOCCTTG CTAAATAAAG CAGGCTCCAC TGGCAGCTGT CTGTACACTT180  
TTTCTTGGGG GAAGABTTCT TGTCTTCAGT TTAAGTCAAGT AGGCTTCTTG GCTCTGTTAC240  
ATGCTCATGT GTTCTGGAAG AACATATGAA ATATCATCCG ACGGATGACG ATACAGCCCC300  
TGCTTCAGGC TTTCTGTATC AAGATAGTGT CCAATGAACC CCATACTCCT TCCAGCACAC360  
AAGATGOCAT TGAAGGCTCC AATGTCAATA TATTCATCAG CTTCTCTCCG AGTAAAGGAC420  
CCACABTTTC TAAACATGTC TACAAATGCG ACTCGATGA GACCATCTAC ATTCAGGATA480  
AGATTTGBCCT TCTTGGAGGT TTAATCTTCT CTACTTCCAG TGCATAAATC GAGCAGAGAG540  
TGGCCANSGA GTCTTGGCCT GCGTAATCTT TTGABATCTG CATTGGCATG TTCTGGGTGT600  
T  
Len: 340 Check: 11AF

Name: 154  
GCGTTTTTCT AATCTTTATT GCCAACGGTT TAAAATGGTC AACATAAAAA AAAAAGACAT 60  
TTTGATAATA AATACTGCTC TTTGGGCTGT AATAAATAAA AAGTTTATTA ACAAGGAATG120  
CACTTTTCCA GGCACAAGTA TCTTCAAAAA TTAATGAAAA AAAATTATAT ATGGCCATAG180  
TTCACAGTTA GGCAGCCAAA AGCTGCTCCA ATTACAGCCT TTAACAACA TGGGAGCTTC240  
CTCCCTTCTC CTTCCCTTTC AGGAAGTATA TTCACAGTTC CAAAGTCTCT TGGCTGAAAT300  
GCTCTCAACA GAGAGAATTT AAGAATCAAT GCACCTTTCT  
Len: 759 Check: 21EB

Name: 155  
CCTGCTCTCA CTTTCCCTTC CTCATCTTCC TTTTCTCAC TCTTGACTT TTCCTCACTG 60  
TCGGACTTCT GTTGTCTTTT GGTTCAGAC TTCTCATCTT TCTTTAAGTC TGCTTTGGT120  
CCTTTGTATT CATGTGTGTA CAGAGGCTCG AAGGAGTCAA TGAAGCCAC ATCAGCAGTC180  
AGATTTGGCA AGAACCAAAA GTGGTGCTT CCTCCAGTTA TSAGCCAAAT GATGAGAAAT240  
AGAATGCAAT GAGCAACAGC AAGGAGAAGA ATACTGGCTA CAAAACAGCC TGCACCCACA300  
CTGAGGTAAT AAACACCTAC TCTCATTTCT GCTGGCCAAA GGGGGAAGAG GGTGGCCTGCT360  
ATTACTGCAA TCACAAGAAT TAATCCCATG ACAAATGTTT TAAAGTGAAC TGGGTCTAG420  
ATCCATACAT ACACCTCATT TCCATCCAGA AAAACCTGAT CATCATGTG CTAAGTTTGA480  
ATTTTCTCTA GTTCTCTTCT TTTNTAGAGT TCCCTGAGTT TCTCTCTTTT TGATTCTTCT540  
TTTCCCATC TTTTNTTCT CTTTTCTTCT TTTTGGCTCT CATCCCTTAT ATTTNCTTCT600  
TGCTCTTTTA TCTCTCTTTT TCACTNTCAG CTTTCCCTTA TCTTTTTCTT TCCTATGCTT660  
ATCATATTCA TCCATACTT TAGGGGGCTG TGAAAAACTG CTCTAAAAAC TCTGTGAGTC720  
ACCACAANNT CCCCCTGTGA TAAGTNTCTT CTTCTGCTT  
Len: 703 Check: 24F3

Name: 156  
TTTTTGAGAA TACACAGGGA GCTTTATTAT ACAAATGGC GGGGTGGGG GCGGCAAGCA 60  
GCGGATGGCA TCAAGAGGCG GAGGGTAGGT CATGCTGGCA ACAGGAAGCA ACTTCTTAGC120  
CAGGSCCGGG GGGCGGGTGT CTGGCTGGAA TCTCCCTGG GTACATGGAG GGTGCCAGCC180  
GGCTGGACCT GCAGACCCAG GAAGCGAGAT GGGACGCTA GGGAGCCGGG CCCCCTTCCA240  
CAAGCACCTT CTCATACTTC CCATGCCCGG TGGCCACAAA CTTATACCTC TTCCAGATG300  
GGGTGCTCTT AATTGTTGAT GAGGTCTTGG AGCCTCCCTT CTGCTCCCAG AGGCTTTTCT360  
TGCTCATGTC TCCAGCCACA ATATCCTTGC AGGACGGAGT CTGGCCGCA GACTGAGCCT420  
GTACCTCACC CGTCTCCAC CGACTCTTGG TACTGGCCAC AGCCATGCTG GGCAGCTCTA480  
TGGAGGCCTG GCGGGGCTAG CTTGGGGTCC GGGCCAGCGT CTGGAATGGC CTGGTGTATT540  
TCTCCAGCCA CTGATCAATC CTGGAGATGG GCAAGTCTTG CCTGGATTTC TTCACACTGG600  
TACTCTTCTT TATTGGAGCG TTTAGGGGAC TCGTCTGTC NATGAAGTTG GTGTNGGCTC660  
CAGGGAAGCG AGCTCTGGTC GATGTCCCTT CAAAACCAAG GGG  
Len: 757 Check: D7F

Name: 157  
CTTGTGTGT CCGCTTTAGA AGGTCAAAC TCTCGTGAAG CTCTTTCTCT GCCTCCTTAA 60  
GTTTACGCTT TTTCTCCTTC ACTCTCATAA CAAACATTG TCTCATTTCT TCTTCTTCT120  
TCTSCAGTTC TCCAGGAAT TCATTCTTT TTGCTTCATA TGTCTCCTGA AGACTGAAGG180  
GTTTGCTGTC AAGGTGAGTG TCCTTGAACC CCATCTCTTC AAGCTTACAG CGTCGGTACA240  
ATTCATAGTG GCGGGTGTGA GTCTGCTCTC GCAAGTCTTC CATGTTACAG CGGATCAGCA300  
TCTCTGGAAG TTTCAAAAA TCGCAATGAT TTTTATTCTC AACCTGCACC ACACCCAGG360  
GGTACTGCTT GGCCTTTGCC ATCTTGTGTC CAATCTTCAE CTCTTGGGTG CTGCCAACCA420  
CTGCAAAATG GAGATGGACA CTCATTGTTG CGTTAATCTC TGGCACTCTT TCTTCATCAG480  
TGGGAAACTG ATATATCTGG ACCCCATTGC TGACCACTTC ACTCATGATC TTACTCTTGA540  
ATNTGTGCAE TTTTATTCTT GCAATGTGTC AGCTTTTGCA AATATTGGGA ATGATGTCAC600  
CTTACTGTCT AGCTTTTTCA TGGTGACCAG ATCCCAGGGA CTTAGTGAN TGTGAGTANG660  
GGGCAATAAG TAGAGGCAAG GCATGAATCC TCGTGTGATG GTAGTTTGAG AAGAGACCTG720  
TAAATCTCAT TTTNCTCTGC NGTANGCCT CGAAGT  
Len: 455 Check: E81

Name: 158  
GGAAATAAAA AAACCTGTTT CAGGCTTCAT TTATTGCTAC ATAATGACTA CTTCAAGGCT 60  
CATCTGGCCC GTGTCAGTC ACTCTTAGAA GTGGTAAATA CAGTGGTATA GTTTGGAAGG120  
AAAGGAGGAA AAAAATAATG CATTGTGATA CAAAAATATT ACCTACATAT AAATTATTAA180  
AGATTTATAA AACATTGAGA ATATGTTCTT GCTATAAAAA CAATATACTT AAATATAGAA240  
GCAAAAAGTC CTGAAGCACC CGCAATTATT TTAATATCCA TTTAATCAGG GAAACTATA300

TATGTGGATA TATAATACAT ACATAT TAA TATTT TAGA AAAAAAATG AAAAACTGTG361  
ATTATAATTC AAAAAAGATT TATCTAATTA TGGAGGTAGG TCTCCACTCC AATTATACAA417  
ATAAGTTATC AATTTTATTC AAAGAAATAT AAGTT  
Len: 486 Check: E17

Name: 159

TGGTTTTCTT CAGCCGSCAGT CTGTCTCTCT CTGAAGAAAA TTCTTGCAGT GCTCAGTGAG 60  
AAATACAGCA ATTCAAATTC CTGTAGATAG ACATCCAGTC GCTTCTGAGT GAGATTTCATG120  
GTTTGTAAGA GTTTTTCATC TTGACTGGCT GATTCTACAT TCTGTTGCTT AGCAACTGCT180  
CTTATCTCTT TCAGGTATTT CTCTTAACA GACTSGAACC AGTGAAGTGA ATCAAACCTCC240  
CGATACTGAT CAAAAAGCTT TAGAATSTAA GGTACACCCA TGGCAAAGCC ATCATCAGTA300  
AAGGCAGCTC CAATTTTATT TTTTTTATT AATTTTCTCT TGAACCTAAT GGAATGCTCT360  
ACAAAGTTTA GGGTCAGAGG GGAACAATT ATATAGAAAT TCCGGAGATG TATATTCTTT420  
GGCTTTCGAA ATTCTGGAGC AAAAACTCT ACAAACATTT TGAAATATTC TGTGCTTTCG480  
GCAGAA  
Len: 511 Check: AC3

Name: 16

AGAGGATGCG CAAGGCCCGTG AACGAGAAGT CCTCAACTG CCTCCTGCTC AAAGTCAACC 60  
AGATTGGCTC CGTGACCGAG TCTCTTCAGG CBTGCAAGGT GGCCCAAGGC AATGGTTGGG120  
GCGTCATGGT GTCTCATCGT TCGGGGGAGA CTGAAGATAC CTTTCATCGCT GACCTGGTTG180  
TGGGCTCTGT CACTGCGCAG ATCAAGACTG GTCTCTCTTG TCBATCTGAG CECTTGGCCA240  
AGTACAACCA GCTCCTCAGA ATTGAAGAGG AGCNGGGCAG CAAGGCTAAG TTTGCGGGCA300  
GAACCTCAGA AACCCCTTGG CCAAGTAAGC TGTGGGCAGG CAAGCCTTGG STCACCTGTT360  
GGCTACACAG ACCCTCCCC TCGTGTCTAGT CAGGTCAGTC AGGCCCGAG CAACACTTNC420  
AGGGGTCTCT CTAGTTAGCG CCCACCGCG TTGAGTTCTG ACCGTTCTTA GAATNTACAG480  
AAGCCAATTC CTTGGAGCCT GTTGCACTCT A  
Len: 638 Check: 251

Name: 160

GGGGCTCCTC TTCACTTTCT TTATCTTCAT CATCTGAAGA CTCTTCTCTG TTTTCTTTT 60  
CATCTTCATC ACTACTAGAT TCATCTGACA GAATTTGAGG ACATTTGGTT CGCTTAGCCT120  
TACTTGCCAT TCCAGAACTG TTCCGGTCTT TTTTACTGCC TTTGCTACAA GACTTTTTAA180  
ATTTGCGCAA TGGTTTGCCA GAACGCTTTG GATGCAATTA GAAATTCAGG ATCCTCTTCA240  
CTAGTTCACT ATTTACACCT GATCTCTCCA AATCAAGAAC CTCACAGATG CTCTTTAACA300  
TGGCATTCTT AAACCTTTTC AACATTTCTT CCTTCTTTTT ATATTGGACA CTTCCTTTTT360  
CAAATGGAAA GCCACTGAAC TGACCCACAT TCTTCTTTAA TGAGGACACA CAGCCTGGCC420  
TGTGTAAAG CACTTTGTGT ACATATCTAA GATCATCCGT TTTCTCTTFA CTTAGAAAAA480  
CATGTATGCT CTCAATTTCA CAAAGCGTCT GCCGCTTTCC TTGCTGCATT GTAAATTGCT540  
CTCTCTGCAG GGAGAGACGT GCATTGGCAC CTCTCTACTT TTTCTTTTCC CTCTTGCCCT600  
CCCGAAAGAA CCTTTTTTTT TCTTCTCTCT CTCTCTCT  
Len: 845 Check: 445

Name: 161

GAATTCGGCA CGAGCCTGTC TGGAGGAGTG GTAGTGAGTG CTATATTCTT CATTTTGTCT 60  
GCCAATATCT TATCATCTCC CTCTAAGAGA GGACAAAAAG GTACCCTTAT TGGATATTCT120  
CCTGAAGGAA CACCTCTTTA TAACTTCATG GGTGATGCTT TTCAGCATAG CTCTCAATCG180  
ATCCCTAGGT TTATTAAGGA ATCACTAAAA CAATTTCTTG AGGAGAGTGA CTCTAGGCAG240  
ATCTTTTACT TCTTGTGCTT GAATCTGCTT TTTACCTTTG TGAATATTAT CTATGGCGTG300  
CTGACCAATA GTCTGGGCTT GATCTCTGAT GGATTCACA TGCTTTTTGA CTGCTCTGCT360  
TNAATCATGG GACTTTTTGC TGCCCTGATG AGTAGGTGGA AAGCCACTCG GATTTTNC420  
AAGGGTACGG CCGAATAAAA ATTCTGTCTG GATTTATNAA TGGGCTTTT TCCAAANAGN480  
AAAHAGCGGT TTTTGGGGTT ANGGGAAGCA AGNGGCAAGA TGGATTGGAN CCCCAGGAA540  
TTAAGGCNNC CCACANNGNA AACACCCAGN NCCANTTGGN GGGNGNNNAA NNAAACCCCTN600  
ANTGGGACCN GGNCCCTTNA NCCAAGGCCC AAGNCANGCC CAGGGGGGCT CCNCAAGGGG660  
AGNNGCANCN AAANNGGGNC AAAGGNCCTT CAAACNCANN GGNNGGGNCA AGGGACCCNG720  
GGGNGGGGSC AACCNCGGGG TUNGSGGGG GNGNAAAAACN CAAAANNGGG GGGNATECCA780  
AAAGGTTGGG AAAAAACNTG GNAAAAAGGG GGNNGGNCC AAAGGCGNAA APANGNGTGG840  
GGGCG  
Len: 496 Check: 176A

Name: 162

TGTAATACCT CCTCATCTTT TCTTCTTATA CAGTGTCTGA GAACATTTC ATTATAGATA 60  
AGTAGTACAT GGTGGATAAC TTCTACTTTT AGGAGGASTA CTCTCTTCTG ACAGTCTTAG120  
ACTGGTCTTC TACACTAAGA CACCATGAAG GASTATGTGC TCCTATTATT CCTGGCTTTG180  
TGCTCTGCCA AACCTTCTT TAGCCCTTCA CACATCGCAC TGAAGAATAT GATGCTGAAG240  
GATATGGAAG ACACAGATGA TGATGATGAT GATGATGATG ATGATGATGA TGATGATGAT300  
GAGGACAACT CTCTTTTTTC AACAGAGAG CCRAGAAGCC ATTTTTTTTC CATTTGATCT360  
GTTTCCAATG TGTCATTTTC GATGTCACTG CTATTCACTGA GTTGATACAT GCTCAGATTT420  
AGGTTTGACC TCAGTCCCAA CCAACATTCG ATTTGATACT CGAATGCTTG ATCTTCAAAA480  
CAATAAAATT AAGGAA  
Len: 491 Check: 21BF

Name: 163

TAAAGATTAA AAACGATTTT AATTATACAC ATATGTCAC AATTTTGCTT TAAAAAGATT 60

TTTGGGAAAT TTACATAAGG CCGCTTGTAA ATGTATATCG TGTACTGTT ATGTCTTAT3120  
TCCAGAGGAA AAKAT3TTAT CATAAGATT T3CTCTTACT TGGGAGTAGG CTATTCARAA180  
ATATAGTACT TTCTGTACA AAGAAAAAAG TCACATACAA TTTAATAAGA TGAAGAAAGC140  
ATTGGTCTOC ATGGTAACCA AATATCTCAG TCCTATFACTT TCTATTAT3C ACAATACCT300  
GACTTTAAAT GAAAGT3ATC CAAATTCTAG CAGGTCCATA TTAACAGTCA ACAACTATGT360  
TATAAACAAC AATGATCTCA CAATAATAAA AAGAAAGCTG GTTCATACTT CTGAAACCAT420  
ATAAAGATAA AAAATTTTTA AAAAATCACT CTCTATTTGG AGAATAAAT TTACATTATA420  
CACACTATA F 421

Name: 164 Len: 457 Check: 1683  
TTTTCTGTT TAT3ACACTT TATT3ATGCT GGGG333T5G GGAGGAGACC TGGAGAAATA 60  
TGT33333CA AGASTCCCCA G3TGGGGACA 333AA3T3T TGAAGCCT33 CCCTACTGG120  
GCA3333AAG CAGASTTGGC ACTGTATGCA CAGG333AT3A GCA3CTG333 GTACTCCAGG180  
G3CAGGTGCC GCTCCACTAG CAGT3CAGT GAGATTTGGT CAGTGACCAG GCCCTGCC3C240  
C3CATCAGCA GCTCCAGGTC CTCTGGCTTC ACAGTCTTGC GGCCAGCATG AGCAGCAAAT300  
ACCTCCAGAT CATCACAAG ATGCTG3AAA TATTATCTA GGCCTTCTC CACCATCTCA360  
AGAGCCTTCC TCTCCATGGG CATCTTGGCA TAGAAGCTAA AGAGTTTCA ATAGTGGCTC420  
AGTCCAGCCT T3TGGGGATC TTGCCGNGC CTGNG3C 457

Name: 165 Len: 477 Check: 17AD  
TTTTTTTTTT TTTTAGTTTT CTCCCAAAT GGTTCCTCAG CCCCAGTGT GGGCCCTGAA 60  
ATAGGCCAG CTCCCTGTAT AGTTCCACA GAGCTGG3CA CACCATA3T CAGGGGCAA120  
T3GAACTGT GGGAGGAGC TGCAGCCTGT ACTT3CCCTT CAGTTAGAGC CTGAAGCTG3180  
AGTACCTTCT TTAGCAAGTA CCTTCTTCT T3TTTTGCTT TAAGAAATTT TTCCTCAAGA240  
CGAGCAATTT CATCACAAT AGCAGCATTT TCAACACCCG TGGCCTTGGC CGCTTTGCG3300  
AGC3CAGGT ACTTCAGCCG GTACTTCTCA TTCT33CTCT TCTTCGGGAG CTTTTTCAT3360  
CT33CCTTGC TGGACTGCAG CGGAGCCCGC G3CT333AAG CGAGGCCGTC CAGCAGGCT3420  
AT33CT3AGC CCG3CTACGG GGGCCCCAGG ACCTT33CCG CATCGGAT3C TAAGTCG 477

Name: 166 Len: 463 Check: 19A4  
BAGAAGACGA CAGAAGGGGG TACTGCGGCA GAAT3AGAGG G3CCTGA33C GTGCCATG33 60  
G333CTGGAC C33GAGCGAC AGAAACTAGA GACCTAGGAG AAGAAATCA TTGCAGACAT120  
TAAGAAGATG GCCAAGCAAG GCCAGATGGA TGCTTTCGC ATCATGGCAA AAGACTTGGT180  
3333ACCCCG C3CTATGTGC CCAAGTTTGT ATT3ATGCGG G3CAACATCC AGGCTGTGCT240  
CCTCAAGATC CAGACACTCA AGTCCAACAA CTC3ATGGCA CAAGCCAT3A AGGGTGTCA3300  
CAAG33CATG GGCACCATGA ACAGACAGCT GAAGTTGCC CAGATCCAGA AGATCATGAT360  
GGAGTTT3AG CGGCAGGCAG AGATCATGGA TATGAAGGAG GAGATGATGA ATGATGCCAT420  
TGATGATGCC ATGGGTGATG AGGAAGATGA AGAG3AGAGT GATGCTGT 463

Name: 167 Len: 399 Check: BC8  
TTTTTTTTTC TTAGGTTTAT AATCAGCAT ATCCTCATCT CGAGGTCTCT TTAATGGCTT 60  
TATATCTCT TTAGGAGGAA CAAAATAGCC AT3ATCTTCA GGTTCATCTT TAATTTGTG3120  
TGGACTAGAG AAGCCATTTT CCTTCTCCTT CTTTATTTT GCATCC3CAG AGGCTCGAAC180  
CTTTCTCTCT TTTGTTTTTT CTTTGTCTCT GTCTTTATGT TTGTCTTTAT GCTTTTCTGA240  
GCTTCCATCT T3TGT3TTGG TCTTCTCCTT CTCTTTGT3T TTCTTTTCAG AATCTTTAT3300  
TTACTGT3TG CTATGCTTGG ACTTTTCCCG G3CTTCTTCC TTTCTGGGTT CTTTTGNGCC360  
CNG3TCTCGA T3CTTTGGTT ATTTTGTGT TAT3GAAT 399

Name: 168 Len: 557 Check: F21  
GAGCCCAAGC G3CTTCTCCG CACCAGGGAA G3CCTAC3CA CCAGAAGCCA AGATGTCCAG 60  
CAAG33GGGC AAAGCCAAGA CCACCAAGAA G33333CAG CGGGCCACAT CCAATGTCTT120  
C3CAATGTTT GACCATGCC AGATCCAGGA GTTTAAGGAG GCTTTCAACA TGATTGACCA180  
GAACCGTGAT GGCTTTCATTG ACAAGGAGGA C3T3CA3GAC ATGCTGGCCT CGCTGGG3AA240  
33AC333ACA GACGAATACC T3GAGGG3AT GAT33333G G3C333333 CCATCAACT3300  
C3CATGTTT CTCACCATGT TT333333A G3T333333 A33333333 AGGATGTGAT360  
T33333333 TTTGCTTGT T3GAGGAG3A AG3CTT33GT TTCAT3CAT3 AGGACCAT3420  
T33333333 CTCACCA3CA T333TGAC3G CTT333333T GAG3AAGTGG ACGAGATGTA480  
C33333333 C3CATTGATA AGAAAG3CAA CTT333333T GT3GAGTTCA C333CATCCT540  
TAACATGGC G3CAAGG 557

Name: 169 Len: 564 Check: 163  
AC3ACTTGGC CATGCTGAAA CAGATGAACA ATTAAGAAT ATTATATCTA AATTCCTTCC 60  
TCTT3TTTTG CTCAAACTCT CTAGCAC3CA AGAA3333TA CGTAAAAAGG TAATGGA3CT120  
GCT3GTCCAT CTGAATAAAC CTATAAAAA C3G333333A ATACA3CTT CAGTAGAGA180  
ACT3TTGGTT CAGTACCAGG ACCCTGCTGC AGTTT3CTTT GTCACAAAT TTACTATAAT240  
TTATGTTAAA ATGGGCTATC CTCGCTTACC AGT333333A CAAT3T3AAC TGGCCCTA3300  
GCTTCTTACT GCCATGGAAG 33A333333T G3CA3333G GATAGCTTAA TGCATCTTT360  
AATACCA3CC CTTTTTCACA TGA3AATCC3 TGT33AAT3A TCA3AATCAG CTTCTCCATT420  
TAATCTTGT GAGAAACCA AGACTGTGCA GCT3CTTTT3 GACTTCATGC TAGATGTCT480

TCTTATGCTT TATGGTTACG TGTAAATGA ATCCGAGAGT GGTAAAAAT CATCTTCAT 540  
ACAGGCTTCT TCTTTCAACA GTGG 564

Name: 17 Len: 333 Check: 14BF  
CAATGCTTGA AGTATAAAAA GCTGAGAGTG TTCTGSGCA GGGAGTCTTC AGAACCAGGA 60  
GAAGAAGAAT TTGACGCTG GATGTTTCAT ACTACTAGA TGATAAAGGC GTGGCAGGTG120  
CAGATGTAGA GAAGAGAAGG CGATTGCTAG AGAGCCTTCG AGGCCAGGA CTTGATGTTA180  
TTCCGCTGTC TCAAGATAAA CAATCCTTTA ATTACTGTC GATGAATGTC TGCAGGCTCT240  
TGAGGAGGTA TTGGGGTTA CAGATAATCC TAGGAGTTG CAGGTCAAT ATCTAACCA300  
NTTACCAGAA GATGAGGAA AAGTTGTGG CNTATGTC 384

Name: 176 Len: 457 Check: A6C  
GATTGATGG TGCGGTGGTG ACCTATTTTT ACAAATTATA CTTAATGAGT AAPATTAGTG 60  
TAAATGATA ACATGCTTCT ACCTGTATTT CTAGTGACCC TTTAGCAGCA GSTATTTATA120  
CCTGGTATTT ATGATGCAGT ATATAAGTGG TGAACAATAA CTGACAGTAT TGTGCTTGCT180  
GTACATGCTT GGTCTTTTGA AACAGATTTT AGTAAGCATT TTCCAGAGGT AAAACTGTGT240  
CTTTATTTCTA ATTTTATTTCC TAGGSCAAA TAGACAGGGA TTATTTCTTT GAATCTATTT300  
CCAAATTAAT ATTTTATTTCT TTGGTATTTT TACACTTTAA GGCCATTTGG TGCAATTTAG360  
AAAGTGTGGG CCTCCCTTCC GCTAGCCACA TTCANAATTA ACTTCCAAAA CCTCAGGAAC420  
ASTACAAAGA ATTGAAAGCC TCAATATGCG AGCAGAG 457

Name: 171 Len: 527 Check: 703  
TTTTTTTTTT BATGGATACT AAGGGAGTAT TTTACTGAAA AAAATAGAAA ACTACATTTT 60  
TACAGGAAT AAACCTTATGT CTGCAATACT CAGCCTTAAA TTCACCCCTC ACTTCAGAAG120  
AGGTCCAGG GGCAGGAATA ACACGCACAG ATTGTTTGT CACGACTTCC AGCCGGTCCA180  
CCAGACCTCT GGCAGGTAA TACTGTACAA AGTGCTTCCA CGTGATTTCT CTTCCAGGAT240  
CTCGAAAATA GAGGTAGAAA AATCCCATG CAACGCTGC CCCCCAAAAG GCCAGACTGC300  
GGAAATCCTC CTCATCCAG GGAAGTCCG CCCTTCTGCA TCCGCTCCA CCAGGCAAG360  
TTATCTGCT TCCCTCCTCT CCTGCTCCG TCTCTCCAG ACTCAGCAT CTCTASTTCA420  
CCASTCTCTT TGGGTGGTTT TGAACACAG CACAGSAAA ATAACTGCTG TCTTGCTGCT480  
AGAGTCAGCT TCTGAACGTG GATCCCTGG AAGCACTGGA ACAGGAG 527

Name: 172 Len: 546 Check: 101E  
CGGCAAGAGG GACAACGCAG CCTGATAAAC AAGTGGACGA CTTTCTTAA GGCCAGACTG 60  
ATTGCTCAA TTCTGGAAG TGATGGGGCA GATACTTACT TTGATGAGCT TCAAGATATT120  
TATTTACTCC CCACAAGAGA TGAAAGAAAT CCTGTAGTAT ATGGAGTCTT TACTACAACC180  
AGCTOCATCT TCAAAGGCTC TGCTGTTTGT GTGTATAGCA TGGCTGACAT CAGAGCAGTT240  
TTTAATGGTC CATATGCTCA TAAGGAAAGT GCAGACCATC GTTGGGTGCA GTATGATGG300  
AGAATCTCT ATCCAGGCCC TGGTACATGT CCAAGCAAAA CCTATGACCC ACTGATTAG360  
TCCAGGAGG ATTTTCCAGA TGATGTATC AGTTTCAATA AGCGGCACTC TGTGATGTAT420  
AAGTCCGTAT ACCAGTTGC AGGAGGACCA ACSTTCAAGA GAATCAATGT GGATTACAGA480  
CTGACACAGA TAGTGGTGA TCATGTCTAT GCAGAAGATG GCCAGTACGA TGTATGTTT540  
CTTGGG 546

Name: 173 Len: 710 Check: 316  
CTCTTTCTCT ATCTGGGCTT TCTTTTGAGC TCTTCTTGT TTATTACGTA GCTTCTTTAG 60  
CTCTTTGCTA GACATGTTTG CTGTATCAGC TTCTGTTCT TTATTCTCAT CTGTAAGGGG120  
GTTTCTATGA AGCTTCAAAAT AGATCTCTAT AGCAATTCTT GCTGCTTGA AGTAAATGG180  
ATGCTGTGGA AGTACATCTT CTAGTTTTAA TAAGTCCACA TATGATCTAA GGTAAATCT240  
CCTCATACAG TAIGTATGAA AGTCAAACTG CTCATCAGTG ATTTCTATAA AATGTCTCTC300  
AACTCTATGA CATTTCTTAA GTGCTTCACC AAATTTATTC ATTGCTTTAT AAGCCTGGGC360  
ACATTTCTGT TGAACACACA TGCATGCTAT TTCATTCAAA TTCTCTACCG CTGATGTTCT420  
TTCCCTTGTA AACTTTGAGC ACATTTCTTC AGCTTCTTTA ATCAGGTTGG CTTTATGAT480  
GTATTTTCCA CATTTGAGT TGATAAATCT GTCTGCTGTG TCCAAAGCCT GNGCCTCAT540  
CATCTACCTT GAGCTCTTT TAATATTTCC AGCATGCTTA TAGATTTTAG CTNTCAAGAG600  
AAAGAGTCT ATTAATGTAG TGTACTNTCA ATAGCASTAT TTATGTAATC CANAGCANTA660  
GATGGCTGAC CAATTTTGTC ATAATGGTGT GCCAAGTAGT ACTTGACCCA 710

Name: 174 Len: 409 Check: 6EF  
GGCAGAGCA TTAATACATG TCCACAGGAA GTACAAAAGC CATCTTCATT TGAAGTAAA 60  
TACAATAATC TGAATAATTCT TAGCACCAAG TATTACTTTT AAAAGTAAAG ACAACCGAGT120  
GCTCTCCCA CATATTGTTG ACTTCTTCT ACTCACACTG CATGTCATTT GAGATTTTAA180  
AAAGTTAGCT GGTACAGTTT TGAAGAAATG CAGTGTTTAA AAATAATTGT GTTAAAGAA240  
CAAAAGTTTA GGTAAATAGA TTTTGAGTAT TTCAAACCAT TCAAGTTTAC AAAGAAAAT300  
GAAAAATCCA TTCTTTGGTC TAGATTAGCT GTTCCCTTTA CATTAATTTA AATTTCCAT360  
GGCTTTTGA AAATTTTAAA AATSTTGAAT CTACTAGAC AAAACAAA 409

Name: 175 Len: 410 Check: 152D  
GGCAGAGCT TTGCAAGGAA TGAATACTGG ATCTACTCAG CCAGCACCTT GGAGCGAGG 60  
TACCCCAAGC CACTGACCA GCTGGGACTG CCCCCTGATG TCCAGCGAGT GGATGCTGCT120

TTTAAATGGA TTTAAAGCAA TAAAGACATAT ATCTTTGCTG GAGACAAATTT CTGAGGATAC130  
AATGAGGTGA AGAAGAAAAT GATCTCTGSC TTCTCCAAGC TCATCGCABA TGCTTGGAA210  
GCCATCCCGG ATAACCTGGA TCCCTCTGAG GAGCTGAGG GCGGCGGTCA CAGCTACTTC300  
TTTAAAGGTG CCTATTACCT GAAGCTGGAG AACCAAAAGTC TGAAGAGCCT GAAGTTTGA360  
AGCATCAAT CCGACTGGCT AGGCTGCTGA SCTGGGCTG GCTCCCAAG 410

Name: 176 Len: 473 Check: 2689  
TTTTTTTTTT TTTTTTTTAC AAAGGAAAAC AAAGCTACTT TTGGTTTTGG CAACATTAAA 60  
AAAGAAAGAA ATATAAAAAG CAATGTGSCA TTGTCTCTA TTCATTAAA AAAAAGGTG120  
CTTGGGCAAG AGACAATCAG AATTAGTTTG TTTTCTAAAA TTCAGAGTAT CTGGGATTTT180  
AAAGGTAGCA CTTTTTAAAA AGTTCAACAA GTACATAAC ACTTAAAAA TCAAAAAGC240  
TTTCTATAAA AAAGCTCAGC TTTTAAATCA CGTTTGTGTT CTGCAAAATTT GGGAGACAAA300  
TTGAGTTCTT ACTGGAATGT GGCCTATCCT TGGTTGACAA ATCTGAAATG CAATGTCTCC360  
AAATGGCACT GCTCTCCTTT CCGCCTCTCC TAGGACCACA CCAATAACCA GCTCCCAAGC420  
ACAAGTTCTT GCTCCCATTT TTTCTGTAGG GGTGGGGGTG GGACCTTCAG GCT 473

Name: 177 Len: 423 Check: F88  
TTTTTTTTTT TTTTTTTTTT CAAAGCTTTT TGTAATATT TTATTTTCCA TATTTTAGAG 60  
TCAGAAASAA GCGCTTGGTA ATAAAAATA TAGAGAATTA TTTTCTTCAA GCTGCTCTG120  
CCTGCGCGCG GCTTCCCGCG CCGCGGCGCG AGGCTGAGT GCGCGGCGCT AGAGGCGCGC180  
AGTCCATCTC ATATTTTACA GATATGTTAG AGGCGGGGAT GGTACACAGG GAAAGCGCAG240  
CTCTCAGCAT GCGCCACGCT GGTGAGGAGC CCGCAGGCTC CTCCCGGCTG TCTCGGACAG300  
AGACTGAGAA GCTGCGCGCG TCCCGTGGGG GCTAGGCTG CCGCGGGGCT CACGGGGGGG360  
CAGGAGTGGG CCGTGATGTC GCTGTGCTTG TACGCCGCTT CGTCCAGGTG CAGCAGCCTC420  
CGG 423

Name: 178 Len: 304 Check: 1952  
TCAGGTTCAA GTGCTGGATT GTGTCACTGG AGCATCCCAA AACTCAGAGC ACCCTATGGC 60  
GCTCTTTTGC CTCTGTACCA TAACTTGAAA ACTGCCTGAT GGCCTTTTTT CAGTGGTTCC120  
CTCCAGGAAG CTTTGATCTC AGTTGAAGAA GTTCTTTCTT GGCATTCCAA TGCCCTGTCT180  
AGCTCCATAC TCTCTAGACA CTTTAAACAA AGGCTGTCTT GCACACATG TGACAAATAC240  
ACAAATATAA TGATAATTAC ACTAATAATG ATATGTTTCA AGGGGCACTG GCGAGGTCCA300  
CATA 304

Name: 179 Len: 541 Check: 1295  
GGGCGAAGA AAAATGTGAA GGATTGGAAC TGCACITTCT GAGAAAAATA TGTCGTAACT 60  
GCAAGTGTGG CCAAGAAGAG CATGATGTCC TCTTGAGCAA TGAAGAGGAT CGAAAAGTGG120  
GAAACTTTTT TGAAGACACC AAGTATACCA CTCTGATTGC AAAACTAAAG TCAGATGGAA180  
TTCCCATGTA TAAACGCAAT GTTATGATAT TGACCAATCC AGTTGCTGCC AAGAAGAATG240  
TCTCCATCAA TACAGTTACC TATGASTGGG CTCTCTCTGT CCAGAATCAA GCATTGGCCA300  
GGGAGTACAT GCAGATGCTA CCCAAGGAAA AGCAGCCAGT AGCAGGCTCA GAGGGGGCAC360  
ASTACCGGAA GAAGCAGCTG GCGAAACAGC TCCCTGCACA TGACCAGGAC CTTTCAAAGT420  
GCAATGAGTT TCTCCGAGA GAGGTGAAGG AGATGGAGCA GTTTGTGAAG AAATATAAGA480  
GCGAAGTCTT GCGAGTAGGA GATGTCAAAC TTCCCTGTGA GATGGATGCC CAAGGGCCCCA540  
A 541

Name: 180 Len: 345 Check: E67  
AGGAPATTA TATTTTGATA CCCATGCAAT GGTTCAGGAC NTTGGAAACT CATGNTTTG 60  
ACAAATACCA AGCAGAAACA ATTGTATCAG CGTTAACTGC TTTATCAAA GTGAGCCTGG120  
ATACTATCTA TAAAGAGATG GTCACTCAG CTCAACAGGA AATAACAGTA CAACAGCTAA180  
TGGCTCATTT GATGCTATC AGGAAAGACA TGGTCATCCT AGAGAAAAT GNATTTGCAN240  
ATCTG 245

Name: 180 Len: 685 Check: 531  
TCGTGGACA AAGTTATCC TACACCTGAA AGAAGACCAA ACTGAGTACT TGGAGGAACG 60  
AAGAATAAAG GAGATTGTGA AGAAACATTC TCAGTTTATT GGATATCCCA TTACTCTTTT120  
TGTGGAGAAG GAACGTGATA AAGAAGTAAG CGATGATGAG GCTGAAGAAA AGGAAGACAA180  
AGAAAGAGAA AAGAAAAAG AAGAGAAAAG GTCGGAAGAC AAACCTGAAA TTGAAGATGT240  
TGTCTCTGAT GAGGAAGAAG AAAAGAAAGT TGTGACAAG AAGAAGAAAG AGAAGATTAA300  
GGAAGGTAC ATGATCAAG AAGAGCTCAA CAAAACAAAAG CCGATCTGGA CCAGAAATCC360  
TGACGATATT ACTAATGAGG AGTACGAGAA ATTCTATAAG AGCTTGACCA ATGACTGGGA420  
AGATCACTTG GCASTGAAGC ATTTTTCAGT TGAAGGACAG TTGGAATTCA GAGCCTTCT480  
ATTTGTCCCA GAGCTGCTC CTTTTGATCT TTTTGAAAAC AGAAAGAAAA AGAACAATAT540  
CAAAATGTAT GTACGACAG TTTTTCATCT GGATAACTGT GAGGAGCTAA TCCCTGAATA600  
TCTGAACTTC ATTAGAGGGG TGSTAGACT AGAGGATCTC CCTCTAAACA TATCTCGTGA660  
GATTTTCAA CAAAGCAAAA TTTTG 685

Name: 181 Len: 207 Check: A9C  
TTCTCAGAGG AACGAGAATG AATATGACTC AAGCCCGGGT TCTGGTGGCT GCAGTGGTGG 60  
GTTTGGTGGC TGCTCTGCTC TACGCTCTCA TCCACAAGAT TGAGGAGGGC CATCTGGCTG120

25  
TGTATTAGAG GAGAGAGCT TTACTAAGTA TCCCACTGG ACCAGGCTAT TATATATGT181  
TGCTTTTCAT TACTATNTT CAGAATC 187  
Name: 181 Len: 530 Check: A17

AAATCATTNT GBTTCAGGGA CACCTOCAGT AGCACTCAAC AGTTCCAGAA TGAGCTGCTT 60  
CACTCTCTCT AGCATGTCCC CAACACCTCT TGATCGTGG AGATCACTTG GAATCTTTGAL120  
ACCTCTTGCC AGCTCTAGAA CACCCATGTC TCTCCTGCAG CAAGCCGCTG GCTCCATGAT180  
GGATCTTCA GCTCCGCAAA TACCTGACCA CCAGAGAACA TCTGTCCAG AAAATCATGC240  
TCATCTAGG ATTGCACTTG CCTGACAGC TATCAGTCTT GCACTGCTG GGCCTCTCC300  
GTCTATTTT GCTGCTGCTT TTCTGCAAG TATGTCCTAG GTTCTAGTCC CGTCTCTCT360  
CATAGTCTG AGAAGCGGAC CAGCAGCCAA CCTTGCCAGC AGGATTCTG CAGCTCTGCT420  
GGCAGCTAG AGCTAGCTA GCGCCAGGAC ACCTGCTATT CCAAGAGCAG TGAAGCTGGC480  
TGACTCTCA ACCTCAGCTG CAGCACCCTG CATGAAGTTG GCGAGCTCCA 540

Name: 183 Len: 526 Check: 7E1  
TGTAGATCAA CTGAGGCTAT TACTTGTGAG TAATGTGGGA GGAGATGGAG AAGAGATTGA 60  
AAGATTCTTT AAATTACATC AGGAAGACCA GCTTGTGCA ACTTGCCTTA TTCTTGCTTG120  
CTCCACTGCT GCTGTGATA GAGAAGTATC TGCTGCGCT ACTCGGGCTT TCTTTAGGTA180  
TGCTGGTGAA GTACAGATGA GATTTCACAC CACTCTTCCG CCTCCAAGTA ATGTTGGTCC240  
CATCTCTGGG TCTCTGTCT ATTCTAGTTT TCTGTCTCT AGTGGTAGTC TCTATCCAAA300  
TGCATCTTT TTGGGAACAC CGTCTCATGG TATACAGCT CCTGCTATCT CAACTCCAGT360  
GTGTGCTCTG GAAACCCAG CAACTCAGGC CACAAATATG AGTTGTGTGA CTGGACCAGA420  
GATTGTGTAC TCTGGAAAAAC ACAATGGGAT TTGCATTAC TTTTCTCBA TCATGGGAAA480  
CATTTGGGAT GCAAGCTTAG TTGTGGAGAG AATATTCAAG AGTGGC 540

Name: 184 Len: 612 Check: 1413  
GAAGAAGAGG AAGAGGAGGA GGAGGAAGAG CAGCCGCGAG CAGCAGAGCC TCCCACCCTG 60  
CCCGTGGAGG AGAAGAAGAA GATTCCAGAT CCAGACAGCG ATGACGTCTC TGAGGTGGAC120  
GGGGGAGCA TCAATGAGAA TGCCAAGCAA GATGTGATG ATGAATATGG CGTGTCCAG180  
GCTCTTGAC GTGGCTTCA GTCCTACTAT GCGGTGGCC ATGTGTCTAC TGAGAGAGT240  
GACAAGCAGT CAGGCTTAT GGTCAATGGT GTCCTCAAAC AGTACCAGAT CAAAGGTTTG300  
GAGTGGCTGG TCTCTCTGTA CAACAACAAC CTGAACGSCA TCCTGGGCGA CGAGATGGGC360  
CTGGGGAAGA CCATCCAGAC CATCGCGCTC ATCAGTACC TCATGGAGCA CAAACGCATC420  
AATGGGCTCT TCTCATCAT CGTGCCTCTC TCAACGCTGT CCAACTGGGC GTAGAGTTT480  
GACAAGTGGG CCCCCCTCGT GGTGAAGGTG TCTTACAAGG GATCCCCAGC AGCAAGACGG540  
GCTTTTGTCT CCGAGCTCCG GAGTGGGAAG TTCAACGTCT TGCTGACGAC GTAGAGTAC600  
ATCATCAAAG AC 612

Name: 185 Len: 433 Check: C75  
GTTTCTTCCA GACAAAGGAA TATCAAAACA CTTCGGCACA AGTACAACAA AGGCATGGGA 60  
AGATCATGAT AATGTTTTAC ATCATTCTT ACAGCATTTT ATTTTAATCA GTATTTGTAG120  
AAAACAAGGA TGCTGAGTTC TTGAACACTG CAGTCACAAA CTCAAACTTA AATTTCCAAA180  
AAAAGGAAAG AAACACTGA ACTACTTGGT CAACTGAACA TCTGTAATAA TAAATGTAAC240  
GAAACCTAAC CAAATAAATA TGCCACTGAG ATCACAACCTG AAGTGTATGG TTTTGTAGT300  
GTGGCAGAGA CATTAAATTA TTTAATCAGT TTTTGTACTAC AACCCAAAGC AAAGCATCCT360  
CTCTGTTTTT CTGATGATT ATTCTAAAG TAACCTTAAA AAGCAGAAAC TTGCTGGTTA420  
AAGAGAATTT CTG 433

Name: 186 Len: 377 Check: 2316  
ATAATGCAAG CCTTTGCTAG GCAATCCAA TTTATTGAAC TACTGATGCT AAGTTATACA 60  
AAATTGCAAC ACTTTAATTA AGGCTTTTAG TTTACATTTG GCTACCTCAA AGTAGTTGTA120  
ACATTAGGTT GGTCAATTTA AATACTGTGG CTCCCTGTTG GATAGACACA CAATCTTTAC180  
ATCCAAAGAT TAATGCTATC AAAGCAACAA GGCATTGTTA AATAAAACAG CAATAATTAC240  
TGCAAAATAG GCTTTGTGAC CAATTACATA TGATTAAAAT TACTTCCGAC ATTCAATCT300  
ACAATGATC GTCATGATT TAACATCTCA CCAANNACGT TACCATGCT AAACATCATC360  
TAATAGGTA AAATAT 377

Name: 187 Len: 413 Check: 4F4  
CTTATGCTC GAGGGAAGA CTTAGACTCC TTTTTTATAT TGCTTTCTCT TGAGCTTTT 60  
GTGGCTGCTT TTTTGTCT GGAGGGCATG CTGCTAGCCA AGTCTACAGG GGTTCACCT120  
TCTATCTTCA GCTTTGACG AGGCTCTTCA GCGCTGCTT TCTAGCTTT TTTGGTTGT180  
TTTTTCCCA CAGTTCTTCT CTGTGTTGG CTGTCACCT GTGCAAGAGA TTTCTGCTCT240  
GAGGCTGAC TTTTGTGAT CTTTGGGATG GTTTTGGAGT CTGCTCCCG AGTASCGGAA300  
GTGCTCTCT TAGCTCACT TGTATCAGT TAGCTATTCC CAGTGGCTG CTCTCGGCT360  
TCTTTTCTT AGCTTTGAGA TGATGGGATG TTTCTGTCCA CTGAAGAGGC GGG 413

Name: 188 Len: 378 Check: 13F6  
CTGAAAGGCT AATTTTGCAT TGTTCCTCAT CCGCTCTCTT GCTGCTCTCG 60  
CTGCTGCTCT CCGCTGCTCT CCGGACTCC GCGAGCTTTA TCGGAGAGT CCTTGAATC120  
TGCTTTTCTT TTTAATCTCT TGCATCGGAT CACCGGCTG TCGGAGATG TCAGAGCAG180



CTTAAACACAG CAGCTCCCAA ATCACCACCA AGGACTTAAA GGAGAAGCAG AAGSTTTTCTT247  
AAGAGGCGCA AAATGGAAGA GAGGCCCTT3 CTAACGCGAA TGCTAATGAG GAAAATGGG300  
AGCAGGAGG3 TGACAATTAG GTAGACCAAG AAGAGGAACA AGGTGGG3AG GAAGAGGAGG360  
AGGAAGAA3A AGGTGAT3 373

Name: 120 Len: 545 Check: 214D  
TCTGTGAGAA GTTGTAGCAG TGTGTATAC TGTTTGATTT CATGGACTCT GTTTCAGACT 61  
TBAAGAGTAA AGAAATTTAA AGAGCAACAC TGAATGAAC TGTGAGTAT GTTTCAGACT 121  
ATGCTGTGAT AATTGTTGAA TCAGCGTATT CTGATATAGT AAAAATGATC AGTCTAACA181  
TCTTCTGATC ACTTCTTCCA AGTGATAATC CAGATTTTGA TCAGAAAGAG GATGAACCA241  
CCTTTGAGG3 CTCTTGGGCT CACATACAGT TGGTATATGA ATTCTTCTT3 AGATTTT3G300  
AGAGGCTTGA TTTCAGGCT AGCATTGCAA AAGGATACAT TGATCAGAAA TTTGTACAAC360  
AGTCTCTGGA CTCTTTTGGT AGTGAAGATC CCAGAGAAGG TGACTTCTG AAGACTGTT420  
TGCACCGAAT TTATGGGAAA TTTCTGGAT TAAGAGCAIT CATCAGAAAA CAAATTAACA480  
ACATTTTCTT CAGGTTTATA TATGAAACAG AACATTTCAA TGGGTTGCTG AACTTCTTGA540  
ATATT 545

Name: 19 Len: 304 Check: 187B  
GATCAAAACA AGTCTGATAG TCTATGCAAG TAACCAGCCA TGTATTTGTA ACAACTTCTC 60  
CCAGGCTG33 TTCCACTTCA CAGCCGAGCA GAGGAATCAC AGCATAATCC GCAACAGTT120  
TGCTCAGAAAG GGACATGATT TTCCAGCAT TTTCTTTAA NNANGTTT33 GATGTTAGAT180  
TCATTTTCTT TACTAAAAAC CAAAACAAGG AACTCTTTT GGCTAAATAA GCCTTCTTCA240  
GTAATTGTNG AAGCATCAGG GGACACAATG ACTTGACAGA AGACTGGGT TTTCTTCTT300  
GGCA 304

Name: 190 Len: 648 Check: 1E8C  
GGGTGTGCGA TTGTGTGGGA CGGTCTGGGG CAGCCCAGCA GGGCTGACC CTCTGCCTSC 60  
GGGGAAGGGA GTGCGCCAGG CGCCGTCATG GCGGTGTGCG AGAGCCAGCT CAAGAAAATG120  
GTGTCCAAAT ACATAACAG AGACCTAAT GTACGTGAAA CTGTCAATGT TATTACTCTA180  
TACAAAGATC TCAAACTGT TTTGGATTCA TATGTTTTTA ACSATGGCAG TTCCAGGGAA240  
CTAATGAACC TCATGGAAC AATCCCTGTG CCTTATAGAG GTAATACATA CAATATTCCA300  
ATATGCTTAT GGTACTGGA CACATACCCA TATAATCCC CTATCTGTT TGTAAAGCCT360  
ACTAGTTCAA TGACTATTAA AACAGGAAAG CATGTTGATG CAAATGGGAA GATATATCTT420  
CCTTATCTAC ATGAATGGA ACACCCACAG TCAGACTTGT TGGGGCTTAT TCAGGTCTG480  
ATTGTGGTAT TTGAGATGA ACCTCCAGTC TTCTCTCGTC CTATTTCCGC ATCCTATCCG540  
CCATACCAGG CAACGGGGCC ACCAAATACT TCCTACATG CCAGCATGCC AGGTGGAAT600  
TCTCCATAAC CATNCGATA CNCTCCANT CCCAGTGGGT ACCCAGCT 648

Name: 191 Len: 339 Check: 127B  
GCTGTTTAAAG CTCAGGCTAA AGATGATATA AATAGAGGTG CACCATCCAT CACATCTGTC 60  
ACACCAAGAG GACTGTGCAG AGATGAGGAA GACACCTCTT TTGAATCACT TTCTAAATTC120  
AATGTCAAGT TTCACTAT GGACAATGAC TCACTTTCT TACATAGCAC TCCAGAGAGA180  
CCTGGCATCC TTAGTCTGTC CACGTCTGAG GCAGTGTGCC AAGAGAAAT TAATATGGAG240  
TTCAGAGACA ACCCAGGGAA CTTTGTAAAC ACAGAAGAAA CTTTATTTGA AATTCAGGGA300  
ATTGAGGCA TAGCTTCAGC TATACAAAAC CTTAAAAA 339

Name: 192 Len: 252 Check: 1228  
TGTAGTGTAT GGATGGAAGC CGCTGCAATG CGCTGCTTCT TGTAACAGCG TTCACTCTG 60  
CAACAGGCTG GTGAGAGTG GTGCGGCAAT TTTTNCCTCA ACCATAAGCG ACATTGAAAC120  
TCTTCAAGAG AAGTGTGAGG NGATGGAGGA AGGCTACATC CAGTGTCTCC AGTTTCTATA180  
TGGGTGTGAG GTGAAGTGG GTGTGATGAA CAAAGGTGTG GGNATGCTC TGTGGGACTA240  
CGAGGCTCCAG AA 252

Name: 193 Len: 272 Check: 27D  
GATAAACAGG ACTACCGCA GCCCTCGSAC CTGTCCACTT TTGTAAACGA GACCAAATTC 60  
AGTTCAACCA CTGAGGAGTT GGATTACAGA AACTCTATG AAATTGAATA TATGGAGAAA120  
ATTGGTCTCT CCTTACCTCA GGACGAGAT GCGCCGAAAG AGCAGGCTTT GTACCTTATG180  
TTTGACCTT CTAGGAGAG CCTGTCAAG TCATCTCCCG TCCGCATSTC AGAGTCCCT240  
ACCCCTTCTT CAGGCTAAG TTTTGAAGAG AC 272

Name: 194 Len: 331 Check: 12FD  
GAGAGCTGAG AAAAATTAAC CACATGAGAN AGGATACACT AGCCAGATG TTGACGTTG 60  
GAATATCTG TGTGGAAC AAAATGATG TNAAGGAAG GTGTGAGGCT TGGTGTCTG120  
GTGCAATGAT GAAAGGAATG GGAGGTTTTG GCTCATTAT TCAGCTATAC CCTGGAGGAG180  
GACCTGTTG GGCAGCAACA GCATGTTTTG GATTTCTCAA ATCTTTTCTC AGTGGTCTT240  
ATGAATCTC TGTCAAACAA GTGGGACAGT TTTCTACATG GAACATTTTC TGCCAAGATG300  
TTATCTTCAG AGCAAAAAGA CAGTGTCTT3 GTT3 331

Name: 195 Len: 352 Check: 13BF  
TTTTGTTTTT GTCAAAATGTT TTATTGAGTG TAGACATCTG GAGTACTGTA AAACATGCAT 60  
TATCTGTAGA TTCAAAAAGG AGCAAGGCAE ATTGTCTCA CTGTCAAATG TGTGAGGCTT120



88  
GGGATACATG ATGAGATTA ATGAAGTATC ATGAGAGTAA TATGGTTTCTT GAARAGCTTC180  
TACAAATTTGG AGTAGGTTT TAATCACGTG AAAAGAGCAA CTGTTTCATAT TTAGTGAACCC240  
TGCATTTCAT GAGG33333G GGGTACACAN TATTTTAATT TTAAAACAAA TAAAAATAAT300  
TTGTTTCTCA AAGATTCCCA TCTCCCAAC TTTATTTCTC GCATTGGTTT TC 382  
Name: 196 Len: 355 Check: 9AF

TTATGAAGAA GAAATTATTC ATTTTAAGAA AGAATTCTCA GAACCAAAAT TTGGGGATGC 60  
TGAG3AAAAG TATAGAGAAA TGATGATTGT TATGAGGACA ACAGAACTTG TGAACAA3GA120  
TCTGATATTT TATTATAAGA CTCTT3ATCA AGCPATAATG AAATTTTACA STATGAAAT180  
GGAAGAAATC AATTAATTA TACGT3A0CT GTGGG3AAAT A0CTATCTG TACAAAGATAT240  
TGAATACATA GAAATACGGT CTGAT3C0GA TGAATATGA T0AGCTTCTG ATAAAAGGCG300  
GAATTATAAT TACGAGSTGG TGATCTGAA GGGAGACADA GCCTTGATA TG0GA 385  
Name: 197 Len: 456 Check: A6C

GCAGGATCT ACATCCAGAG GACCAAGAGC ATGTTCCAGA GGACCAAGTA CAAGTATGAG 60  
ATGATTAACA AGCAGAATGA GCAGATGCAT GCGCTGCTGG CCATTG00CT CACGATGTAC120  
C0CATGCGTA TTGATGAGAG CATTAC0CTC CAGCTGCGGG AGAAATATGG G0ACAAGATG180  
TTGGCGATGC AGAAAGGTGA CCCACAAGTC TAT3AAGAAC TTTTCAGTTA CTCTGCCCC240  
AAGTTCTCTT C0CCTGTAGT G0CCCAACTAT GATAATGTGC ACCCCAACTA CCACAAAGAG300  
C0CCTCTCT C0AGC0CTGAA GGTGTTTTCT GAT3AAGTAC AGCAGCA30C C0AGCTTTCA360  
A0CATCTGCA G0TTCTTGAA GCTCTAC0C A0CATG0CTG TGGCCAAAGCT G0CTGGCTTC420  
CTGGACCTCA CAGAGCAGGA GTTCCGGATC CAGCTT 456  
Name: 198 Len: 422 Check: 1FAE

GCACGAGATA CTGTGAAATA CCTTTTCTCA CAAAAGGCA AATATTGAAG TTGTTTATCA 60  
ACTTCTGTAG AAAAAAATA CACTTGGCAT ACAAATATT TAAGT3AAGG AGAAGTCTAA120  
CGCTGAAGTG ACAATGAAGG GAAATTGTTT ATGTGTTATG AACATCCAAG TCTTTCTTCT180  
TTTTTAAGTT GTCAAGAAG CTTCACAAA ATTAGAAAG ACAACAGTTC TGAGCTGTAA240  
TTTCG0CTTA AACTCTGGAC ACTCTATATG TAGTGCATTT TTAAGCTT3A AATATATAAT300  
ATTCAG0CAG CTTAAACCCA TACAATGTAT GTACAATADA ATGTACAAIT ATGTCTCTT360  
AGCATCAATC TTGTTACTGC TGATTCTTGT AAATCTTTTT GCTTCTACTT TCATCTTAAA420  
CT 422  
Name: 199 Len: 446 Check: 1C55

CGATGGAGAC ATCAAAACAAG AGCCAGGAAT GTATCGGGAA GGACCCACAT ACCAACGGCG 60  
AGGATCACTT CAGCTCTGGC AGTTTTTGGT AGTCTTCTG GATGAC0CTT CAAATTCTCA120  
TTTTATTG0C TGGACTGGTC GAGGCATGGA ATTAAACTG ATTGAGCCTG AAGAGGTG3C180  
CCGACGTTGG GGCATTCAGA AAAACAGGCC AGCTATGAAC TATGATAAAC TTAGCCGTTTC240  
ACTCCGCTAT TACTATGAGA AAGGAATTAT GCAAAAGGTG GCTGGAGAGA GATATGTCTA300  
CAAGTTTGTG TGTGATCCAG AAGCCCTTTT CT0CATGGCC TTTCCAGATA ATCAGCGTCC360  
ACTGCTGAAG ACAGACATGG AACGTCAAT CAACGAGGAG GACACAGTGC CTCTTCTCA420  
CTTTGATGAG AGCATGGCCT ACATGC 446  
Name: 2 Len: 352 Check: FBA

CATGGCATGC AGAGSATCTA CAAAATGGGT TCACCAGGCC TGTCTACAAC GCTGGGTG3A 60  
TGAAAAGCAA ACAG3AAACA GTACAGCCAG AGTGGCATGT CCTCAGTGCA ATGCTGAATA120  
CCTAATAGTT TTTC3AAAT TGGSTCCAGT GGTTTACGTG TTGGATCTTG CAGATAGACT180  
GATCTCAAAA G0CT3TCCAT TTGCTGCAGC A3GAATAATG GT0G0CTCTA TCTATTGGAT240  
AGCTGTGAST TAT3AGCAG TGACAGTGAT GCAGGTTGTA GGTCAATAAG AAGGTCTG3A300  
TGTTATGGAG A3AGCTGATC CTTTATCTCT TTTAATTTGG GACTTCTAT TA 352  
Name: 20 Len: 1553 Check: F16

AGGAGGGCCG G0G03NGCAG G0G0G0BACT G0CTG0CTGC CTGGGTTG0G GAAGTGATAG 60  
C0G0CGAC0G AG0CT3CTGC TTTCTTG0TA CT0CTTG0G TTCCCG0CTA CTTCCCC03 120  
A0G0T3AAG G0G0CCAGCT G0GATG0TC AGATAG00CT TGTCTCC03C C0G0AATCTC 180  
T0G000CTAG CAGTAC0GAG CAGAC0G0G CAGCAGCAGC AGCAG0C3AG GAG3AAGATG 240  
G0G0GAC0G T0G0G0CTG TGTG0TGAC TGTG0CAG0 GGTATACAPA ACTAGGATAT 300  
C0T33AATA CAGAACACA GTTTATCATC C0TTCTGTGA TTGCTATTAA G0AGTCA0TA 360  
AAAGTGGGTG ATCAAGCTCA AAGGAGG0TG ATGAAAGGTG TTTGATGACC TAGACTTCTT 420  
CCATTG0GTG ATGAAGCAAT AGAAAA0CT ACATATTGCA ACAAAGTTGG C0CAATC03C 480  
CATG0TATAG TTTGAAGATT G0SACTTTAA TGGAAAGGTT TATGGAGCAA GT3ATCTTTT 540  
AAATATTTTA NGG0CAGAAC C0TGAAG0C ATTATTTCT TTTGACTGAA C0TCCATT3A 600  
ATACT0CAGA AAACAG0GAA TATACTG0TG AAATAATGTT TGAGT0CTTC AATGTT0CAG 660  
G0TTGTACAT T0CTT0CAG G0T3TTT0TG C0TTATCT3C ATTTTGA0C TCAAGACA03 720  
TAGGAGAN0G GACGTT3ACC G0TNOG0TAA TAGACAGTGG AGATGGTGTG ACTCATGT3A 780  
TTCT3TGGC T3AAGG0TAT GTGATTG0CA GCT3ATTAA ACACATT0CA ATC3CAG03A 840  
C03AAGATAT AACAATATTT TAATTCAAGC AACCTG0TGA GAGAC0CGAG AAGTAGG03A 900  
T0CCT0CAAG AACCA0C0T T3GAA0CTG CTAAG0CAGT AAAGGAG03C TATAGTTATG 960  
T0T000CAGA TTTAGTAANA GAATTTAACA AGT3CTTTTG GAACTAAGAG CTAGTATCTT1020

GAATTAATTA ATAGCTGTGA GTGCTTTCTG ATTAAGTGGCA TTCTGTITTT TGCTTTAATA1000  
 GAAGATTAAT SACAAAGATG TTGAGCAGT ATTCAGTTTC TGTAGTGTCA TTTCTTATTA1100  
 AAAACAAAAC AACAAAGATA ATTTATCCAA ATTGGCATAT TTAAAGCCTA ACATTCTAAT1200  
 AAAGGACAAA ATTTTCTTTT AAATACTTGT TTCAGCCTCT TTATCTCTTT TATAAGTTAA1260  
 CTAATTAATC TATTTCTTTC AGACTTCTGC AATASTTCTT TAAAATCACC ACAGTTAACA1320  
 AGCTGACTTT TATAATGTGC TCNAANACCA ANACTTGTGA ACTTTTAAAT TGTGAGTGC1380  
 TTTCTATTTT ATAAGTGGAT CTCCATTGGA TATTTTCATT TGNATAACTC ATTGCASTC1440  
 TGGAAATTTT TTTTAGTGGC AGTCTCTGGA CATATCATTG AAAGTTAATF TCTTTGCAAT1500  
 TTTAAATAT CTGGATTATG GAGGAAAAGT GATNAATAA AATTAAACT GAATTACC 1560

Name: 199

Len: 531

Check:

256

CGAAAGAAA TACAGAAATG AAAGTGTITT GGCTAGCTT GATAACTATG SACAGCAAGA 60  
 AATTGCGGAT CTTTTGTGA ACTATAATGT AAAATCTCTC ATTACTGAAA ATGATCTATC120  
 CCGTCTAGTG TCTTTTAACT TAATGTTCAA GACTTTCATT GGCCCTGGAG GAAACATGCC180  
 TGGGTACTTG AGACAGAGAA CTGCACAGGG GATTTCTTGG AATTTCAAAC GACTTTTGA240  
 GTTCAACCAA GAAAGTTTGC CTTTTGCTGC TGCCAGATT GGAAATTCCT TTAGAAATGA300  
 GATCTCTCTT CAGATCTGGAC TGATCAGAGT CAGAGAATTC ACAATGGCAG AAATTGAGCA360  
 CTTTGTAGAT CCGAGTGGG AAAGACCACC CCAAGTTCCA GAATGTGGCA GACCTTCACC420  
 TTTATTTGTA TTAGCAAAA GCGCAGGTCA GCGCACATC CGCTGGAAA ATGCGCTCG480  
 GAGATCTCTT TAAACAGGGT TTAGTAAATA ACACAGTATT AGGCTATTTG ATTGGCCGA540  
 TCTACTCTTA CTCAAGAGG GTGGAATATC TTCAGATAAA C 581

Name: 201

Len: 625

Check:

22A8

CTCCTGGGCC AGAGCCTGGA CGGGGCTGAA GGACACGGGG GACAGGGCTC CTGGCTTCTT 60  
 CCGCCCCGTC CTGGCCGAGA GCCTGGAGCA TGATGAGCAC TCTTGTCCCT TTAAGAAATC120  
 AAAGCCGCACT CCGGCTCTCC TGCCAGCAA GAAACCTAAA AGGGAAACAA ACTCTGACAG180  
 CGTCCGACCT GGCTACGAGC CCATCTCGCT GCTCGAGGCG CTCAACGACC TCCGGGCTGT240  
 CTCCCGGGCC ATCCTCTGGG CCGCTCTTTA TGAAGAAATC ACCTATTGAG GCATCTCGGA300  
 CGGCTCTGTC CAGGCTAGNT GTCCCTCTGC GCGTATCGAC CACATCTCG ACAGCAGCCG360  
 CCAGAAAGGC AGGCTGCGAG GCAAGGCCCC CGACAGCACC CTACGGTCCC CBTCTTCCC420  
 CATCCACGAA GAGGATGAGG AGAAGCTCTC CGAGGACGTG GACGCCCCCT CCGCACTGGG480  
 TGGCGCAGAG CTGCCCCGTC GGGAAAGCAG CTCCCCCTGAG AGTTTCATAA CAGAAGAGST540  
 TGATGAGTGG TCTGTCAACA CAAGCAAGGG GACCCGAGCA GCTTCCATTG ASAATGTCT600  
 GCAGACAAAG CAAGNCCGGA GCACT 625

Name: 202

Len: 806

Check:

1E28

TCTAGTTTTT GGAATGGAGC CTCGCATCCT ATACAACCTT TTACAAGGCC AGAAATGTAT 60  
 TGTTCAAAACA ACTTCATGGT CCCAGTGTCT AAAGACCTGT GGAAGTGGTA TCTCCACACG120  
 AGTTACCAAT SACAAACCTG AGTGCCGCTT TGTGAAAGAA ACCCGGATTT GTGAGGTGCG180  
 GCGTGTGGGA CAGCCAGTGT ACAGCAGCCT GAAAAAGGGC AAGAAATGCA GCAAGACCA240  
 GAATCTGCTC BAACAGTCA GGTTTACTTA CGCTGGATGT TTGAGTGTGA AGAAATACCG300  
 GCGCAAGTAC TCGGGTTCTT GCGTGGACGG CCGATGCTGC ACBCCCCAGC TGACCAGGAC360  
 TGTGAAGATG CGGTTCGGCT GCGAAGATGG GGAGACATTT TCCAAGAACT TCATGATGAT420  
 CCACTCTGTC AATGTCAACT ACAACTGCCC GCATGCCAAT GAAGCAGGCT TTCCCTTCTA480  
 CAGGCTGTTC AATGACATTC ACAAAATTTAG GGACTAAATG CTACCTGGGT TTCCAGGGCA540  
 CACCTAGACA AACAAAGGAG AAGATGTGAG AATCAGAATC ATGGAGAAAA TGGGCGGGGG600  
 TGGTGTGGGT CATGGGACTC ANTGTAGAAA GGAAGCCTTG CTCANTCTG AGGANCANTA660  
 AGGTATTTGG AAAATGCCCCA GCGTGTGCTT GCGGATGGAC ACTAANGCAG CCACGATTSG720  
 AGAATACTTT CACTCATAGT ANTGCAGCAC AGTTACNGCT CAATTTGGAG CNTGTGGAAT780  
 TGAGACTTTC NGTTCCCGGT TGAAAT 806

Name: 203

Len: 489

Check:

610

GCACGAGCGG CACGAGTTC ATTTTCCAA AAGAGAAAAA AATGACAAA GGTGAAASTT 60  
 ACATACAAAT ATTACCTCAT TTGTGTGTG ACTGAGTAAA GAATTTTTTG ATCAAGCGCA120  
 AAGATTTTAA GTGTCTAACA AACTTAAAGC TACTGTAGTA CCTAAAAAT CAGTGTGTAT180  
 CATACATAAA AACTCTGCA GAGAAGTAT CCAATAAGG AAATAGCATT GAAATGTAA240  
 ATACAATTTT TGAAGTTAT GTTTTTTTT TATCATCTGG TATACCATTS CTTTATTTT300  
 ATAAATTTAT TCTCATTTG CATTGGAATA GATATCTCAG ATTGTGTAGA TATGCTATTT360  
 AAATAATTTA TCAGGAAATA CTGCCTGTAG AGTTAGTATT TCTATTTTTA TATAATGTT420  
 GCACACTGAA TTGAAGAATT GTTGGTTTTT TCTTTTTTTT GTTTNGNNTT TTTTTTTTTT480  
 TTTTTTTT

Name: 204

Len: 403

Check:

20BF

CAAGCTCAGA AGGCTCATCT CAGAGTTTCA TCTCTCTGT ACTCATTTGT GGAACCAATT 60  
 TGATCACTGC AGTGTGCCA AGGCGAAGTA AAAGAATTGC AGGCAAAAAA GTTTGCAGAG120  
 TGGAAATCAGG AAAAGCAGGC TGCTTTTCTC CTAAATCAA GGCATAAAGA AAAGGTTCCG180  
 AAGATCTCTG CCGTTTGAAA TTCAATCTAG GGAATAATG CAGAGAAGTA AATGGGATGT240  
 TCTGGTGTCA ATAGGATATT GAAAGTGTTG GTTGGGCSAC TTGCAATCA ACAAGTTTA300

AAAAAAGGGA ATTGGAATCT GTAAAAACAG GTTTGGTTTT TAAAGGGAAG ATGTTGGATT360  
GGAAAGAGGT TACCAAAAGA AAGGGGTTCG AGAAAAAGGA TCA  
Name: 185 Len: 462 Check: 1820

TTTACAGGTA CAAATTTAA TATTTATTAT ATGCATTTTA TATACATTAT TTTTCAACAG 60  
CTGTATGTTT CCTATSTGGT ACAATCTTAA AAATTTGCTG ATTACATAGT TGTAAAACAA120  
AAACCTTACA AACTCATCA AACTCGCAA ACTGATCAGA AAAGTTTCTC GGAAGACTAG180  
AAAAAATCTT TATTSTCTT AATCATGCT TACACAAACA AAATCTTTAG TTACACATA240  
AAATTAAGTA CATCTAAAAA AATAAACAG GGATAACTAG TCAAAACATA GCABATTTCT300  
GTATCTTAT TCAACTATTT TTGTATCTTA TTGTAAATGC AAATAAAAT TTACTCCAAA360  
TATTITTTAA CAASTTAGTT TTGTTTGGAA TCATGGTAAA CCAAGATATA TATCTTAGGG420  
GGAAACACTT TSTTTTAA TTTAAACTAT AAAATACTCC AT  
Name: 206 Len: 724 Check: 462

GTCAGGGGCT GTAGCAAGTA CATTAGCTTC AAGTTCCCTA ACTTGGACAT TCAATATTC 60  
TTCTTCTCTT ATTAACGCT GGATGCTTGC AGTAAATTTT TCTAGTGT TCTCATTTTC120  
TCGTTCACTA TCCGTAAGT TAACTACTCT TTCTTCAAGT TGTACTTTCT GTTCTTGGAT180  
TTGCATTGCT TTTTAGAGT CGTTTTGCAA CTGTGATTCC ATTTTGTCTA CCTCTTCTC240  
AGAGATTTCA ATAAAGTG AGGAACCCAT TCTTCTTTT ATTACTTTCT TTCCACCACC300  
ATCTATGTA CCTSACTGTT CTATGATTTG TCCCTGTAAA GTTACCACT TCCATCTTCT360  
ATCTTTTGA TATGCTACTC TTGTGGCTTG ATCCAAGTTG TCAGCTACTA AGGTATCTCG420  
TAAAGCAAAA TAAAAAGCTT GCGCAATTTT CTCATCTTTT ACTTTTACTA AATCAATAA480  
ACGAGGAGTA TTTTCAGGAG TTTGAATTTT GGTCTCTTTT TTCGCCATA CAGCCATCTT540  
ATCTAAACCT ATAAAGTTG CAACTCCAAT ATTTTGTCT TTTAAGGAAG TTACACATTT600  
CTTGGGCTAT ATCAATAGA TCAACCAACA ATGTAGTCCA GTGCATGACA ACAGGATGAT660  
ATACCACTT CGSATTTTTT ATTAATGGGT TCTAAGGCC CAATCGTCCA TATATTTCTG720  
GAAC  
Name: 207 Len: 371 Check: 1633

CCTCGTGCRA BTANAGGTT CGCNGGNTG CAGACCTCAC AGGAGATCAG CTACCCTCCT 60  
GTGAGASTCT GAAGSATACT ATTGCCAGAG CTCTGCCCTT CTGGAATGAA GAAATAGTTTC120  
CCCAGATCAA GAGGGGAAA CGTGTACTGA TTGCAGCCCA TGGCAACAGC CTCGGGGGCA180  
TTGTCAAGCA TCTGGAGGGT CTCTCTGAAG AGGCTATCAT GGAGCTGAAC CTGCCGACTG240  
GTATTCCCAT TGTCTATGAA TTGGACAAGA ACTTGAAGCC TATCAAGCC ATGACAGTTTC300  
TGGGGGATGA AGAGACGGTG CGCAAAGCCA TGGAGCTGT GGCTGCCAG GCGAAGGCCA360  
AGAAGTGAAG 3  
Name: 208 Len: 359 Check: 57A

CGGCCATCAC CTCATTCCCTG TCAAGGAGAA CCTCGTTGAC AAAATCTGGA CAGACCGTCC 60  
TGAGCGCCCT TSCAAGCCTC TCCTCACACT GGGCCTGGAT TACACAGGCA TCTCCTGGAA120  
GGACAAAGTT CTAGACCTTC GGTGAAAAAT GGCTGAGAGG AAGTGCATGT GGTTTGTGGT180  
CACTGCCTTG CATGAGATTG CGTGGCTATT TAATCTCCGA GGATCAGATG TGGAGCACA240  
TCCAGTATT TNNTCTACG CAATCATAGG ACTTAGAGAC GGTCTATGCT TTCATTGATG300  
GTGACCCAT AGACGGCCCC AGTGTGGAAG GAGCACCTGN TTTCTTTAAC TTGGGCTTG 359

Name: 209 Len: 353 Check: 220B  
TGGCAGAGG CGGTGTCCAA GATGTTTTCA GTTCAACACA CAGTCTCTC CATTATTTTG 60  
ATCGTCTGAT TTTTACCGGA GCCGAAAGCA AAAGTAATGG GGAAGAGGGG TATGGCCGGA120  
GCTTGAGATA TCCCGTCTG AATCTTGCGG CACTGCACTG CCGCTTCCST CACTATCAAC180  
AGGCAGASCT CGCCTGCGAG GAGSCAATTA GGATTGCCA GGAGTCCAA GATCAGSTGT240  
GTCTCCAGCA CTGTTTGAGC TGGCTTTATG TGCTGGGGCA GAAGAGATCC GATAGCTATG300  
TTCTGTGGA SCATTCTGTG AAGANGGCAG TACATTTTGG GTTACCSTA CCT 353

Name: 21 Len: 561 Check: 14E5  
AGCCAGSTTT TCGAGGTGCT GAGAAGNCA GAAACTCCGC AGACTACTCC TCAGAGAGCA 60  
AAAAGGAGAA AACTGAAGAA AAGGAAATG CAGCTCGTTA TGACAGGAT GGTGAGAA120  
GTGATGACAA CTGSGTGGT GACGTTTCCA ATGAGGATCC ATCTTCTCCT CGAGGAGGCT180  
CAGCATACT CCGCAGAGAG AATGGGCTAG ACAAGACAGC CCGCTCTAA AARGATGTCT240  
CGATTAGTCC AGCTCTATT GCATCTTCCA CGAGTACTCC CTCTCCAAA TCCAAAGAAC300  
TTAGCTTTAA TGAATAATCT ACTACTCCCG TCTCAAAGTC CAATACCTTC TACTCCAGCA360  
ACTGATGCGG CACGCCCCAG GGAGTAACT TANTCCCGGG ATTTGAGGCC TTGTANCTGG420  
GAAAACCAAC AGGAGTTGGA CCTTTTGGGC TCAAGCCTAA GGAACCCCAAT GGAAGSTATC480  
TTTGTCCATA TCCANTCCA TTTGGGGATT GTGCCCATGC TGAATGARC GGGGAGCTGA540  
NCAGCCCGGG NGGSGGCTAC G  
Name: 210 Len: 651 Check: E09

TTTTTTTAC TGTCTTCACA TTAATGGAGA TGGTGATT CTCTTAGCT TTTACTTTT 60  
TTGTTGATGA TGGTTTGGAG GCTGGAGAAA ATCCACCCAG GGTGAAAGG GCTGGAGTTTC120  
CATCGGATT CAATCCCTTT GCTTTTAATT TGGTCTCTTG TAAGCTACT TTTCTTTTTT180  
CTACTTCTTT TTCCAGTAAT TCATAGTTTG GCTTTTTTCT GGTATAAAGC CTAASTGTTT240

CTATGCAAA. TTCTGGATT TCTCTTCTG TACTGCCAAA AAGAGAAAC TAATGGGA 130  
GAGTTGCAAA CGGAATCTGA AGTGTCTAG CTGCAAGSTA GATGCAAGCA CATGCTATA 130  
TCTCTGCTT AAATCGAACA AACACATTG TTGCAAGACT GTCATTCATG TAATTCAG 142  
CAGTTTGAAT CAGGGTITGA TTACGTTTAC ATTCTAAGAC TTGTAAATAC ATAACAATGA 130  
TCTTATGAG ATGCTTGACA TGAACACAAA ATCCCAACTC CTTTAGTACC CTCTCTCT 130  
CTTTGATAG TTATTTTTG GTGTTAATGT AGTTCTGATC AAGGATCATG GGGCTTGGAG 600  
TCTTTTCTT TTTAACTGGC GGAGSTGGTG GAATACATTA ATCAGATCT 7 651

Name: 211 Len: 789 Check: F55  
CAAGACAACT ACATGAGGG CTCTGACGGC GCTCTGGACA CTGGGTACT GTGGTATGTT 60  
CCATTGATAT CCATCAGGAG CAAATCCAC ATGTCACATC GATTTTTCTT AAAACAAAAA 120  
ACAGATGT TCATCTCTCC AGAAGAGGTG GAATGGATCA AATTTAATCT GGGCATGAAT 180  
GGCTATTATA TGTGCAATTA CGAGGATGAT GGATGGGACT CTTTGACTGG CCTTTANAA 240  
GGAACACACA CAGCAGGCCAG CAGTAATGAT CGGGCAAGTC TCATTAAACA TGCATTTAG 300  
CTCGTCAGCA TTGGGAAGCT GTCCATTGAR RAGGCTTGG ATTTATCTCT GTACTTGAA 360  
CATGAAACTG AAATTATGTC CGTGTTCCTA GGTGTGAATG AGCTGATTC TATGTATAAG 420  
TTAATGGAGA AAAGAGATAT GAATGAAGTG GAAACTCAAT TCAAGGCTCT CCTCATCAG 480  
CTGCTAAGGG ACTTCATTA TAAGCAGACA TGGACAGACG AGGGCTCAGT CTCAGAGCAA 540  
ATGCTGAGGA CTGAAGTACT ACTCTGCTC TGTGTGACA ACTATCAGCT GTGCTACAG 600  
AGGGCAGAGG GTATTTTCAG AAAGTGGGAG GAATCCAAATG GAAACTGAG CCTGCTGTCT 660  
GACGTGAGCT TGGCAGTGT TTGCTGTGGG GCCCAGAGCA CAGAAGGCTG GGATTTTCTT 720  
TATAGTAAAT ATCAGTTTTT TTTGTCCAGT ACTGAGAAAA GCCAAANTGA ATTTNCCCTC 780  
TTCAGAACA 789

Name: 212 Len: 457 Check: D31  
CAATTAAGGG CTTTGGGGG ATTGGCTCCG CGTTTGGGCT GGTCCGCTGC TCCCCACCTA 60  
CCAGGGCTGG ATCCGGAGGC CTTCCCGGG GGGCGGGGAC CTCCAAACAA CCGACTCCTT 120  
TCCAGCTGAA GAAACACTTA AATTCTGGAA ATAGCGACTC AGTATCATG CCAGCAGCCT 180  
TAATGAAGAT CCAGAAGGAA GCAGAATCAC TTATGTGAAA GGAGACCTTT TTGCATGCC 240  
GAAACACAGC TCTTTAGGCC ACTGTATCAG TGAGGATTGT CGCATGGGG CTGGGATAG 300  
TCTCTCTTT AAGAAGAAAT TTGGAGGGG GCAAGAAGTT TTAATCAAC AAAAGAAATC 360  
TGGAGAAGTG CTGTTCTGA AGAGAGATGG GCGATATATA TATTACTGA TTACAAAGAA 420  
AAGGGCTTG CACAAGCCAA CTTATGAAAA CTTACAG 457

Name: 213 Len: 727 Check: 30C  
TTTTTTTCT GGTAATATAT TGCTGCACTG AGTGTGTGCA ATTTTATTC AAGGTCTATC 60  
TGATGCTGAG AAGTTTCTGT GATAACCTGT CCATCTCTAG TTTCAACCGT CTTAATCAGA 120  
AGTGTCTTT TTGAGTGGG ATCAACCAGA GGGAGTGAAT CCAGATTAGT TTCTCTCAG 180  
TTCAGGGAGG AAPAGTTTG AAGAGGCAGA GAAATCTGCT TCTCTCGGC TTCCAGCAGC 240  
TTCCTGTAGG TGGCAATCTC AATGTCAAGG GCCATCTTAA CATTGAGCAG GTCTTGGTAT 300  
TCAAGAAAGT GAGGAGCCAT TTCCTCTTC ATATTCTGAA TCTCATCTG CAGGCGGCCA 360  
ATAGTGTCTT GGTAGTTAGC AGCTTCAACG GCAAAGTTCT CTTCATTTT ACGATCTGG 420  
CGTTCCAGGG ACTCATTTGG TCTTTAAGG GCATCCACTT CACAGGTGAG GAGTGCACC 480  
TGTCTCGGT ACTCASTGA CTCCTGCTTT GCTTGGGCA GGGGCTCAT GTTCCGGT 540  
GCAGCTCAG AGAGGTGAG AACTTGGAT TTGTACCATT CTCTGCTTC CTGCAAGTT 600  
TTGGCAGCA CACTTTCATT TTGCTGACGT ACGTCACGCA GGGCAGGCT GAGSTCAAGC 660  
TTGGAAACAT CCACATCGAT TTGGACATGC TGTCTCTGGA TGTAGGCTT GCGCTTCTG 720  
ATTTCT 727

Name: 214 Len: 622 Check: 19DE  
GCTCCTSTCA GTACACACTC CCAACAGTT AAACCCAGCT CTAATTCIAA CTGTGCAAGA 60  
GCTTTTAAAG AATGCAAGGA CTTGTCTGCA ACAGAGAAAC TCACTCCAAG AGCAAGAAGC 120  
CAAGAAGAGA AAACTAAG ATGATGAAG AGCAACTCCC ATTAAAAAG GGGGTGTTA 180  
CAGTGATGAG GAGGCACTG TAGACAGCTG CATCAGTGAC ATGAAGAAG AAACAGGGA 240  
GGTCTGAGC CCAAGAGCA CTTCTGACAA TGAGACAGA GACTCTCAA TTATTGATC 300  
AGGAAGTGAG CAGATCTTC CTTCCCTGTA AATAGTTCT GTTAAGAAT ACGAATGAG 360  
AGTTCTATCT TGTCTTCAG AAGACATGTC AAATATCAGG TCACAGCATG CAGAAGAA 420  
GTGCAACAT CAGTATATG ACGATTGTAA AGAATTTAAA GACCTCCACT GTTCCAAGGA 480  
TTCTATCTTA GCTGAGCAAG AATCTGAGTT CCTTCTACT TGTATCTCT CAGTTCTGT 540  
TGACTTAGCT GACTTGAAG GCTGTGATG CCAAGCTTT CCGTTTCAAG ACGCTGAGST 600  
TGTCTTATCT CTCACTTCTG 622

Name: 215 Len: 448 Check: 5DC  
ATAGTTAAAC AACTTTATTA ACATAGTCAA GCAGTGATTA ACATTCACAT CTATTATGT 60  
ACATCATACA AATGTAAATA CAAATTTAT ACAGTACAAT ATATATCTC TGCATGATC 120  
AAAATATTTG GTGGCCCCAA AAACTCTCT TTAATAATTCA GCAGCTTATC AAAAATTA 180  
ACCGTATTCT ATTTAAATG GAGATCTGTT AGCACAGAGT TAGACTTCAA GAAATATCAA 240  
TTTAGTACAG TTTGAGAGT TGCAGGAGGA TATGTTTGA GACACATTC TAACATAGTG 300

PGGAGBTAG AGGAAACATC AGATTAAAG GTTTTAAAGCA TAAGTCATAG AACCTAAGTTT  
GTGACGAGAA AGATCCASTT ATATTTGTAA CTAAAGCTAA TGCTAGTAAA TTATTGACCA  
CAATGTAAAC ATATTAAGT3 TAAAACTG

Name: 216 Len: 595 Check: D48  
TCTGTCTTAA TGTATCATTA AGCTCCTTAA AATACTGGAG AACAGCTTCC TTATCGCCTT 60  
GGATCATTTT CTCAGAATGA GATTTTGTGTT CTTTCAGCTT TTCAATAAGA TGGGTAAAGAT120  
CTGTCTAGT3 TGTGTGAGTC AACTGTTCAA GCAGTTTTTG AGSASTGTCC TTTCCTTCA180  
AATAGTCACT TTGAAGGTCA TGTATAGGAT GACCATGAT3 TTGACCTATG GTAAGGCAAT240  
GATCATTAAC TAATTTTTTA TCTAATAGAC AGTAAACATT TAATGTT30 CTGTATGTT360  
CAGGCGAGGT CACAATATCT GSATGCTCTT TTGCTGGTA CTTTTCATA ATAGCCTTA380  
GTGCAAAATT AACAGGTAAA GATTCATGC CAGTTGGAGC AATTTGAGTA ATATTTTGC420  
AATTAAGGCA GTTGAGTGGG ATTGTAAA3 GTCTCCATAT ATAAAAGTTA CCAGATGCT480  
GAAGAAATTT TTCCAAACAA TTTCTACAAA ATGTATGAGA GCATGGCAGT ACACGAGAT540  
CTTCAAAAT ACTATAACAT ATGGGACAAG TTAACCTCTG CTCANAATTG TGCAT 595

Name: 217 Len: 153 Check: 330  
AAGTGGSTGG GCTTGCCAAG CTCGACACCA GTGCGACTGA GGCCAGGGCC CTCGSCCTTC 60  
ACCTTACT3G C3TCATGAGA GGGCTCCACC TTGACTCGGA TGGGCTGCT 120  
TGSTGAGTAA AGAGGACCAT AATGCTGT3 153

Name: 218 Len: 446 Check: 98D  
TAGATGGCTA CTTCCGGCTC ACAGCAGAT3 CCCATCATTA CCTCTGCACC GACGTGGCCC 60  
CCCCGTGTAT CGTCCACAAC ATACAGAATG GCTGTCTATG TCCAATCTGT ACAGAATACG120  
CCATCAATAA ATTGCGGCAA GAAGGAAGCG AGGAGGGGAT GTACGTGCTG AGGTGGAGCT180  
GCACCGACTT TGACAACATC CTCATGACCG TCACCTGCTT TGAGAAGTCT GAGCAGTGT240  
AGGCTGCCCA GAAGCAGTTC AAGAACTTTC AGATCGAGGT GCAGAAGGGC C3CTACAGTC300  
TGACGCTTC GCACCGCAGC TTCCCCAGCT TGGGAGACCT CATGAGCCAC CTCAAGAAGC360  
AGATCCTGCG CACGGATAAC ATCAGCTTCA TGCTAAAACG CTGCTGCCAG CCAAGCCCC420  
GAGAACTCT CAACCTGCTG GTGGCT 446

Name: 219 Len: 581 Check: A7F  
ACGGATAGCG GATCTGCGAC AGGGGCTGCT GGACATCAGC AACCATTTC A TCCCTCTGC 60  
TGGGCACTTT GGCTGGTAGA CTATTTTCCA TCCGAGTCTC CTCTTCAGCT TTTTCCGTTT120  
GCTCAGTTTT TGGTTCATCT TTCTCTCAA ACTGTGATGC TTCTTGAGAC TGATGCTGT180  
AAGGAGTACC TGGTCTAGCA GATGATGATG AGGTCTGGGG AGTTTCCTCA CTAGCTTCAA240  
CTCCTACTCT ATCTGTTTTT TCTCTTCTT TCTTATTTGT CTTATCGGGT TCTTTGCT300  
CTTCATTATG GCTACCCCTCA GAGTCAGAGC ACTCCTCCCC TTCTGTACTTT TTTTAGAGAA AGGAATGCTC420  
CCATCTCTGT CTCTTCTGGA ATAGGCTCTT TGTGTACTTT TAAGCACCAT TCGGGCAAGC480  
CAGATAGTTC AAATGTACCC ATTTCTTCTT CAGCATCTCT TAAGCACCAT TCGGGCAAGC540  
TATCCTGTCT ATCATCTATG CTTCCACTGC CAGAGCGAAC CCGATAAGAC AAATAAGAAA540  
GAAGGAGAGA AAACAGATCC GCTAGCAGAT CCGCTATCCG T 581

Name: 220 Len: 450 Check: C1B  
CCAGA3TTTT ACATTACACT TGTCTGTCTT ATAATTGATA TTTTAGGATG TTTGGGTGTT 60  
TGTTAGAGGC AGAATTGGAT AGATACAGCC CTACAAATGT ATATGCCCTC CCCTGAAAAA120  
AATTGATGA AAATCTGCAC AGCAAAGTGA AACACACAGA TAATAGGAAC AAAATGTAGT180  
TCCATGTGC CAACAAAAAT AAATGAAATC TCTGCATGTT TGCAGCATAT CTGCCTTTTG240  
GGAAT3TAAT CAAGGTATAA TCTTTGGCTA GTGTTATGTG CCTGTATTTT TTTAAATGG300  
TACACAGAA AAGGACTGGC AGTCTACTTC TACCATA3TT AAACCTCACC CTCTTTAATT360  
TCACACATA TTCTTTGGAA GCAGGAAGAA ATGCTCATAA AGAGGATCAG ACCTTCTTTT420  
CGTGAAACC AGTATTTGGC GCCATATATA 450

Name: 221 Len: 372 Check: B74  
TTTGAACATA ATAGCACGAT GTT3GAATCC GACTTGGGGA CCATGGTGAT AAACAGTGAG 60  
GATGAG3AAG AAGAAGATGG AACTATGAAA AGAAATGCAA CCTCACCACA AGTACAAAGA120  
CCATCTTTCA TGGACTACTT TGATAAGCAA GACTTCAAGA ATAAGAGTCA GGAAGACTGT180  
AATCAGAAAC TGCATGAACC CTTCCCTAT3 TCCAAAAACG TTTTCTCTGG AITAACTGG360  
AAAGTTCTCT CAAGATGGGA GACTTTTTGA CTTTTTTTTG AAAAATCTTA A3TTTTAGG300  
AGGAATTTAG CAGGTTGCGG GTTAAAAAA3 GCACTTGGGA CCCCCATGGT TGGGGAACG360  
GGNGTTAG3 GA 372

Name: 221 Len: 418 Check: 77C  
TTTTTTTTTT TTTTATGATG CACTCCAGT GCCATATGTC TATTTTATTC TTCAGGAAAT 60  
TATATTTTTT TTTTACAAGA GCACAAACAGG AACCAAAGTA AAAGAGTAAT AGATACAGCA120  
CTCAGGATAA ATCATATCTT TAAAATAATA ATAAAAAAT TTACACCTTG TCCTATATCC180  
TGTTAGTATT TTATAATAT GGCTAT3ATT GAAAAAACAA AAAGCAAGCA TCTACAATTT240  
TTTTGATAA AGACTTTTTA TGCCAGGAAT GGATTAATTA CCAACAAAAT TTATACTAAT300  
CAGGCTGAT3 TCAATCTATT TTTGTAATGT ATCATTAACA AATTTATTTT GGAAGAGATA360  
AAAAATATTG C3CTTGATAA TAAATCTTTT TTTCTTTTGA TGCAACACAG TAGAACACCT420

TTTTTTTTTT CTTTTGGATA TTCTAAGA  
Name: 212 Len: 373 Check: A96  
TTTGGACATG CCGTGGGCCA TGACTGTGTA TGCTCTGGTG GTGGTGTCTT ACTTCCTCAT 60  
CACCGGAGGA ATAATTTATG ATGTTATTGT TGAACCTCCA AGTGTGGGT CTATGACTGA120  
TGAACATGGG CATCAGAGGC CAGTAGCTTT CTTCGCCTAC AGAGTAAATG GACAATATAT180  
TATGGAAGGA CTTCATCCA GCTTCTATT TACAATGGGA GGATTAGGTT TCATAATCCT240  
GGACCGATG AATGCACCAA ATATCCAAA ACTCAATAGA TTCTTCTTC TGTTCATTGG300  
AATCTTTT STCTATTGA GTTTTTTAT GGCTAGAGTA TTCTATGAGAA TCAAACTGCC360  
GGGCTATCTG ATG 372

Name: 213 Len: 386 Check: 824  
GGCACGAGGC TTCAAGCTAC TGCGGAAATG CATCCTGCAG ATGACCCGGC CTGTGGTGA 60  
GGGCTCCCTG GGCAGCCCTC CATTTCAGAA ACCTAATATT GAGCAGGGTG TGTGAACTT120  
TGTGCAGTAC AAGTTTAGTC ACCTGCTCC CCGGGAGCGG CAGACGAT3T TCGAGCTCTC180  
AAAGATGTTT TTCTCTGCC TTAACACTG GAAGCTTGAG ACACCTGCC AGTTTCGGCA240  
GAGGTCTCAG GCTGAGGAG TGGCTACCTA CAAGGTCAAT TACACCAGAT GGTCTCTTTA300  
CTGCCACGTG CCGCAGAGCT GTGATAGCCT CCCCCGCTAC GAAACCACTC ATGTCTTTGG360  
GCGAAGCCTT CTCCGGTCCA TTTTCA 386

Name: 214 Len: 593 Check: 136B  
GGCACGAGGA TTGCACACCT AAACCTTGA GATCATCAGC TGCCTTTCAA ACATTTAATT 60  
GGCCAGGTTA TGATTGACAA AAATCCAGGA ATCACCCTCAG CAGTAAATAA AATAAATAAT120  
ATTGACAATA TGTACCGAAA TTTCCAAATG GAAGTGCTAT CTGGAGAGCA GACATGATG180  
ACAAAGGTTT GAGAAAACAA CTACACCTAT GAATTTGATT TTTCAAAAGT CTATTGSAAT240  
CCTGCTCTGT CTACAGAACA CAGCCGTATC ACAGAACTTC TCAAACCTGG GATGTCTTA300  
TTTGATGTTT TTCTGGGGT TGGGCCCTTT GCCATTCCAG TAGCAAAGAA AACTGCACT360  
GTATTGGCCA ATGATCTCAA ICCTGAATCT CATAAATGGC TGTGTACAA CTGTAATTA420  
AATAAGTGG ACCAAAAGGT GAAAGTCTTC AACTTGGATG GGAAAGACTT CTTCCAAAGA480  
CTAGTCAAAG AAGAGTTAAT GCAGCTGCTG GGTCTGTCAA AAGAAAGAAA AACTCTGTG540  
CAAGTTGTCA TGAATTTGCC AGCAAAAGCT ATAGAGTTTC TTAGTGCTTT CAA 593

Name: 215 Len: 477 Check: 26B9  
GTAAGTTTAC CGCGCCCGCT CCGGCCGGCC CTGCGCCTCC CGCCGCGCCC GGGATSTATT 60  
CGTCCCGGCT CTGCTCACC CAGGATGAGT TCCACCCGTT CATCGAGGCC CTGTGCTCT120  
ACGTCCGCGC CTTCGCCTAC ACCTGGTTCA ACCTGCAGGC GCGGAAGCGC AGTACTTCA180  
AGAAGCACGA GAACCGGATG TCGAAGGACG AGGAGCGTGC GGTCAAGGAC GAGCTGCTGG240  
GCGAGAAGCC CGAGGTCAAG CAGAAGTGGG CGTCGCGGCT GCTGCCCAAG CTGCGCAAGG300  
ACATCCGGCC CGAATGCCGC GAGGACTTCC TGCTGAGCAT CACCGGCAAG AAGGCGCCGG360  
GCTGCGTGCT CTCCAACCCC GACCAGAAGG GCAAGATGCG GCGCATCGAC TGTCTCCGGC420  
AGGCGGACAA GGTGTGGCGG CTGGACCTGG TCATGGTCAT CCTGTTCAAG GGCATCC 477

Name: 216 Len: 299 Check: DE7  
GCCAAAGCTC AATACCCCAT TGCTGATTG GTAAAGATGC TCACTGAGCA AGGCAAAAAA 60  
GTCAGGTTTG GAATTCACCC AGTTGCAGGC CGAATGCCTG GNCAGCTTAA TGTGCTCTG120  
GCTGAGGCTG GTGTGCCATA TGACATTGTG TTGGAAATGG ATGAGATCAA CATGATTTT180  
CCAGATACTG ATTTGGTCTT TGTAATTGGA GCTAATGACA CTGTTAATTC AGCAGCTCAA240  
GAAGATCCCA ACTCTATTAT TGCAGGCATG CCAGTCTTG AGGTCTGGAA ATCAAAGCA 299

Name: 217 Len: 390 Check: 2565  
GAGTGAAGGA GTTAAACTT TTCTTBTAG TGTACAACTC ATTTTGCGCC AATTTTCACA 60  
AGTGTTTGTC TTTCTCTGAA TGAGAAGTGA GAAGGTTTTT ATACTCTGGG ATGCAACCGA120  
CATGTTCAAA TGTGTGAAAT CCCACAATGT TAGACCAATC TTAAGTTTCC TAAGTTATT180  
CTTTTAAGAT ATATATTAAA CAGAAATCTA AGTAGAACTG CATTGACTAA CCACTCCCTC240  
TGGATGGTGG TGAACCTGAA GCATGCTTTA ACCTCTAAGA CTGTCTAACA CCGCTTTTCAT300  
TCATGTCTC CACAGACTGG GTAGCAAAAA AATCACCTTT TAGTTTTAGT TTTTATCTA360  
AAGATGTTAS AAGATGCTG AGTGTGCTT 390

Name: 218 Len: 423 Check: 1661  
TTCTCTCTGTC GGTGTGGGCC AAGTGGGAT AAAGAGAAGA GCAACATCTC TAATGACCA 60  
CTCATCTCTC TGTCTCTAT CTACTTGGAG CACACAGAGA GATTCTGAA GGCATATAG120  
GAGATTCTG GTTTTGTGT CCGAGAACTG ATCAACTCTC CTAAAGATGC ATCTCTCTC180  
ACATTCCTA CACTTACCAG GCATACCTTT GTTGTCTTCT TCGGTGTGAT GATGGCT3AA240  
CTAGAAAGA TGGTAAAAA ATTGAGCTG GCACAGCAGC AGACTCGCAG CAGATTTTCAT300  
GAAGAAAAAC TCTCTACTG GGAACATGG CTGTTTCAGA CTTCAGTATC CTATTCAAAC360  
TTGGATTAAA GGTATTTTGA TAGTTCATC TGTTCCTGGC ATSTATGTTT GGAAGGGAAG420  
GAT 423

Name: 219 Len: 417 Check: 1300  
TAGAAAAAGAA AAGAAAACTT GAAACTAATC CTGATATTAA GCCATCAAAT GTGGAACCTA 60  
TGGAAAAAGGA GTTTGGGCTT TGCAAAACTG AGAACAAAGC CAAGTCCGGC AACAGAAAT120

CGAAGAAAGTT GTACTGCGAA GAACTTAAAA AGGTBATTGA AGCCTCCGAT GTGTCTCTAGT  
AGGTSTTGGA TGCGAGAGAT CCTCTTGGTT GCAGATSTCC TCAGGTAGAA GAGGCCATTG240  
TCCAGAGTNG ACAGAAAAAG CTGGTACTTA TATTAAATAA ATCAGATCTG GGTACCAAGG300  
GAGGATTTTG GAGAGCTGGG NTAAATTATT TTGAAGSAAA GATTTGCCCA ACASTGGGTG360  
TTTCAGAGCT TCAATCAAAA OCCAAAGGST TAAAGGGGN GGTTTACCCA GGGTTTC 117  
Name: 23 Len: 476 Check: 213A

CGTACTGCTT CCGATATGGT ATCGACATCC CGTATCTTAG TTGCAGTAGT GAAGATGTGC 60  
TATGAGGCTA AAGAAATGCA TTTACTTAAT GAAATATTA TGCTTTTCTC CAAAAGGCG120  
AGTCACTTAA AACAGGCTGT TGGTAAATG GTTCACACT GCTGTACTTA TTTGAGGAA1 8  
ATCAGAGAGG TTCTATGAA ACTTCTATTA ATTGATAGT TACGAATGCT TACCGAAGCA240  
AGATTTATGT TGAATTTGAG CGTGGGCGAC TCACTAAAAC ATTAGCAACT ATAAAAGAAC300  
AAAATGGTGA TGTGAAGAG GCAGCTTCCA TTTTACAGGA GTTACAGGTG GAAACCTAG360  
GGTCAATGGA AAAGAAAGAG CGAGTGGAT TTATTTTGA GCAAATGAGG CTCTGCCTAG420  
CTGTGAAGGA TTACATTGGA ACACAAATCA TCAGCAAGAA AATTAACACC CAAATT 476  
Name: 230 Len: 441 Check: 1340

CAGTTTCATG TATTTGAATC GACAAGACAC CTCCTTCGAT TCTCCATGTA TCGCTGACC 60  
AGCCTGGAGC CTGCGAGTGA GCGAATCAGT TATGTTAACT TTACCATGTC AGAAGCGGCA120  
CAGAGGCTTG TTGTATGGGT CCGTCAAGAC TTTCTGTTAC CAGAAGACAC TTACATTGCA180  
AATGCTGCTT TTCAAGTGTG TTTTACATCT TTACGGAATG GCGGCCANCT GTATATAAAAL40  
ATAAACTTTA GTGGAGACAT CACTATAAAT ACTGATGATA TTGATTTGBC TGGTGATATC300  
ATCCAGTCAA TGGCATCATT TTTTGTCTAT GAAGACCTTC AAGTAGAAGC GGATTTTCTC360  
GTCTATTTTG AGGGAATTAC GGAAGGTGTC TAGTTAAGGT GGATGAATAT CTTTTCAGTG420  
CATTCAGAAG CTCCAGTGGT T 441  
Name: 231 Len: 333 Check: 8BC

GGTGTCCGAG GAAGTCAGCC ATTACTCCCC AGTGGAATGG ATCCAACTCG ACACAAAGGA 60  
CATCTAAATA TGGGTGGGCC AATGCGAGA ATGACTCTCT CAAGAGGAAT GGTGCCCTTA120  
GGACACAGCA ACTATGGAGG TGCAATGAGA CCCCCACTGA ATGCTTTAGG TGGCCTGGG180  
AATGCTGGG AATGAACATG GGTCCAGGTG GTGGTAGACC TTGGCCAAAC CCAACAAATG240  
CCAATTTCAA TTACCATACT CTTTCAGCAT CTCCTGGGGA ATTTATTGTT AGGTCTCCA300  
GGGAGGTTGA NGGGCCACCA GGNACACCC TTC 333  
Name: 232 Len: 402 Check: 1753

CCCTTTACAC AGACTCACTT GTCACCTACT GCCATAGAGT ACAGCCACAG CCACGACAGG 60  
TACCTACCAG GTGAAACCTT TGTCCTGGGG AATAGTCTGG CCGCTCCTT GGAACACAC120  
TCAGACTCAA TGGACTCTGC CTCAAATCCC ACCAACCTTG TCAGCACCTC CCAAAGGCAC180  
CGGCCCTTGC TTTTCTCTG TGGCCTCCCA CCAAGCACTG CCTCAGCTGT GCGCAGGCTA240  
TGCTCCAGGG GGTGGGACCG ATACCTGGGA GAGCCGCGAT GCCTCTTGA CTGAGTGGCC300  
GGGACCCCTT CTTTCATGGG ACAGTTCGAG GATGTTGATT GCAGTTTTGT TCCGGGGAAG360  
GTTGATTCTT CAGSTTTGGG ACCCCAAGGT TGAACCTGTT TT 402  
Name: 233 Len: 492 Check: 1260

TGGGATCATA AGGAGCCCTT AAATACTTGT TATTGACTGG GGTATTTTT ATGCTGTAGC 60  
AAATGTGACA GGCTCTTTTT AGCAAAATTT TTGAAAATTT TTTTGGTATT ACTCTGAAAC120  
AAAATTTAAG TTGGAGTTTC AAGGATTTAG GAGTAGTTTT TCATTCTACA TGAAGTGAAG180  
TAATATTATG TGAACCTCAA TATTTGTTTA AAAAACTAT ACAAATCAGA ATAGTACTAA240  
AATACTGTAG GAATTTTAGG CATTTTTATT TTGCACTTTG TGTGGGATTG AGSGTGTTC300  
GGAAATACCC AACCCATTAA AAATGTAATC TAGTTGGGCC AAAGGGGTG CCGCTTAAAL360  
TACGGAAGCC CGAAGCTGGC NTTGNTTGG GGHTAACTTT TTGAGGGGTT TTTTGTCAA420  
NAGGCTNTT GGAGGAGTTA CCATTTTTCT TTAAGGTTG GGTGGGTGCT CTTGTCCAGA480  
TTTCTTGGGG AC 492  
Name: 234 Len: 321 Check: 7

CGTGGGACTT CAGCAGTCTT ACAAATACAG GCAGAAAGTAC TATGACGAGA TCATCAATGG 60  
CTGAGAGGAG GATCTCTGCG CCGAGAAGAT GCAGGTGGCT TTCCGCTGTC AGCAGATTTG120  
CGTGGGACTT GAGAACAAGG TCACTGACTT CTGAGCTACA ATCTGAGTGT CTGCTTGGG180  
ACATAGGTAG CTGAGGTACC TGAGAGCCCT TCAGGGANGG NGGCGGAGTG GCTGTGGGTG240  
AGGCTGCCAG CTTCTCTCTG GAACGGGCCC CAAGCCGGAN TGGGTGACAG CCGAACCCTG300  
CCAAGGTTTT AACTGTAGG A 321  
Name: 235 Len: 359 Check: 1B4B

GGTTGCTATT AAGCAGGTGT TGAATGGAGA ATGTTGAATG AATGTGTGGC TCAGTGATGG 60  
AGAGGAGGTT TCATCTTTGA AATCTAGGCG TCTTCACTCA TGAAGGAGAG TCTAGTCTT120  
GGAGGAGGTT TGTACGAGAG GTGGGTTGTG GTGCTGTATG TGAACGAGTG CAAGCTTGAT180  
TCATCTTCAG GGGCTGATA AACTAGTAAA TCATCAAAAT GAGATCATAA GTGTTAATGT240  
AAGCTGAGCA TGAAGAAJAA GACTGTTTTA GAGCAGACA TTGGTTTACT CTGAGCCT300  
TGTCTTCTGT TTCCCTCTTT CCACTCTCTT TCCCCCACC CAATCTTTTT TTTTTTTT 359  
Name: 236 Len: 306 Check: 309



GTGATGATGAG AGAGCTGTGGT GTACCTSCGG CTGGGCTTGG AGAAGTCAGG CTACTCCCAAG 60  
CTG TTGAGCA GCAGCTACTG GGCAGAGATT TGTGAGACCT TTACCTGGGA CCGCTGTCC120  
CTGCTGAGAG TTTCTGTGGA GTCCCCCTTT AGCTCACTT TTCCCTCTGG CTGTGTGGG180  
CTGCTGTGT CTGATGAACAT CAAGGCTGTG ATTGAGCAGC GGCAGTNCAG TGGGCTGTGG240  
AATCANAAGG AGGANTTACC GATTGAGATT NAACTAGGCA TGAAGTNCCTG GTACCACTCC300  
GTNTTT 306

Name: 237 Len: 395 Check: 23DC  
GTGAAAATAT TACAGTAGAA TCTGAGTGTA ATATGTGTAA CCAAAATGAG AAAGRATACA 60  
AGAAAATTTT CTGAGGCTAG TTATCTCTCA TAATTTTSTA GAATCTTACA GATCTTTGA120  
TAACTTTCTC AGTGAAGATG TTGGCTAGGC AAGTTTCAAT AAAATATAGT A3AAATGTTT180  
ATCTGTGTAT CTCTAGTAT ACATTTAATT GTACAGAAAA TTTACAGTGT AACATTGTTT240  
AATCTTTTCA GATTGACTGT ATATGACCTT AATCTTTTGT GCAGCTCTGA GATCAGTGT300  
AGTTAATGCT NGGGGAAAGT GCTTTTTTAC CTAGGACTTC CNTTCTCAGT TTCTCCCTT360  
AAAGAGAGCT CTAANTATGG CCNTTTTGGN TTTGT 395

Name: 238 Len: 440 Check: 1545  
GACAATCCAT TAATTCACAG TSCGTGCATA GATCACATTT TTAAATGTA AAAATGCAAG 60  
CAAAAACAGG TGTAACAAAG AAAGTGTGCT CAAGGACCAA AGATTTAACA GATAAAAAA120  
CCAAATTAAG AGAGATATAG TAGACTATAT GAAGAGAGAT TATATTTTGT ACACACCAAT180  
ATACATCAAA GTGCTGTGTG CTTTCTGAAA ATTTGAAGTG GCAAAATTAT TTTATGTTT240  
AATGATTATT TTATTTTATC AGGGACTGCC TCAAGAAGAA AATAACATAA GCTTGTGGAA300  
TGGGTGGGAG AAAATGCCCT ATTTTTTCTT GGCAATACT TGTATTAAAG TTAACNTTGT360  
TGGATCTTGA TATTATCCTA GGTACNGTG TATGTGTGTA TTAATTATAN GGTGTGTGTG420  
TANATTATAC CTTTTATATA 440

Name: 239 Len: 507 Check: 26EE  
NGGCTCTTAT CAGTGCACCT GCCCTGATGG TTACCGCAAG ATCGGGCCCG AGTGTGTGGA 60  
CATAGACGAG TGCGGCTACC GCTACTGCCA GCACCGCTGC GTGAAGCTEC CTGGCTCCTT120  
CGGCTGCGAG TGCGAGCCGG GCTTCCAGCT GGCGCCTAAC AACCGCTCCT GTGTGTGATGT180  
BAACGAGTGT GATATGGGGG CCCCATGCGA GCAGCGCTGC TTCAACTCCT ATGGGACCTT240  
CCTGTGTGCG TGCGACCCAGG GCTATGAGCT GCATCGGGAT GGCTTCTCCT GCAGTGATAT300  
TGATGAGTGT AGCTACTCCA GCTACCTCTG TTCAGTACCG CTGCGTCAAG GAGCCAGGGC360  
CGTTTNTTCC TGCGCACTGC CCACAGGGTT TACCAGCTGN TGGGGCAAAA GGNTTTTGCC420  
AAGAACATTT GATTGAGTGT TGAGTTTGGT TGCGNAACAG TGCTTCCGAG GGNCCAAANT480  
TTGTTAAATT TCCATGGGGG TTAACGT 507

Name: 24 Len: 278 Check: DEF  
AATTGCGGCC GAGGGTCCCT GGTGCAGATC CACGAAAAAA ACGGCTGGTA CACACCCCCA 60  
AAAGAAGAGG GCTAACCCCTG GAGTATCACC CTTCTCTCCT CCCCAGGCAC CACTGGACCA120  
ATTACCTTTG AATGCTGTAT TTGGATCTCA CGCTGCCTCT GTGGTTCCCT CCGTCATTTT180  
TCTTGGAGCT GATAGCTCTG CCTATTGCAG GACAATGATG GCTATTCTAA ACGCTAAGGA240  
AAAAAAACAA ACACAGGACT GTTTNAAAGT ACTCAAGA 278

Name: 240 Len: 369 Check: 1CF5  
GAGACAGATG GCGCACCCAGG AGCTGTTGCT CTGGTTGCC TCTGCGAGG CTTNGAGAAG 60  
GAGGTGGGTA TAATGTTTGA CCAGAGAGCC TGAAGCTTGC ACCAGAAGAT TGTTGAAGAT120  
GCTGTGAGAG AAGGTGTTCT GAAGACGACG ATCCCGATAT TAACCTADCA AGGTGGATCA180  
GTGGAGAGCT CTCAGGCATT CCTGTGCAAA AATGGGGACC CGCAGACAGC TAGATTTGAC240  
CACTTGTGTG CATAGAGCG TGCCGGAAGA GCTGTGTATG GCAATTACTA CAATNGCAAG300  
GAAGATGGAA CATNCAAGCA CTTNGGTTGA NCCCATTTNA ACGATCTNTT TCTTTNGCTT360  
GCGAGGAGG 369

Name: 241 Len: 248 Check: 1F04  
AATCTAATTC AATTGTCAA AGCTACAAAA GGGGGGAAGA CATGTGTATT ANTTTTGTA 60  
AGTCAACAACT TCTTAAACAA AAATACTACT ACTGTGAGCA GATTCATTAT ACACATTTCT120  
GATGAATTCG ATTAGAACAA TAAAAATTTT ATCTTGAGAA ATAGCCACAA TBAAGTAAT180  
TTACATAATA TAAACAATG ACAGNTCTAC AGATSCAGTT GCTCATGAGT TTACACATG240  
ATACATAA 243

Name: 242 Len: 288 Check: D09  
GTTTGGAAAA TTAAGTGTAC ATGATCAGTT TGGTGTCTCT GTAGACAGT TTTTAACTGA 60  
AGGAACCAAT TGTAACAGTC TCAATTTTAA CTAAAACTTG AAGAAGTAAA ACAACAATGC120  
AAAGCTTTTA GATTTGTTTG GCGAAACTTG TTAAGACTGT AATGCAAGAA CCAAAATGCAC180  
TGTGATGTGG TACCAACTAA TTAGCAAGCA TGAHTTTTTC ACCTAAGAGT GAAAAAGGGA240  
AAATTTTACA TGCTTTGAAG TTAAAGRGCA GAMCTCCTGA CTACCAT 288

Name: 243 Len: 423 Check: 1FE0  
AAAGASTTAA GGAAGGCAGG TTGTNCTTCT ATTCAGGNCA CTCTTCTGTT TNCATGTACT 60  
GCATGCTGTT TGTGCACTT TATCTTCAAG CCAGGATGAA GGGAGACTGG GCAAGACTTT120  
TACGNCACAG ACTSCAATTT GGTCTTGTGG CCGTATCCAT TTATGTGGGC CTTTCTCGAG180



TCTCTATTTA TAAACACGAC TGGAGGCGATG TGTTCAGTGA ACTTCATTGAG GAGTCTCTGGG240  
TTGCTATATT AATTGCTGTGTA TATGTATCGG ATTTCTTTAA AGAAAGAAAT TCTTTTAAAG340  
ANAGAAAAGA GAGGAGCTCT CATAAAGCTC TGGGATGAAA AGAACAACNA CTGGGGGAATC360  
ACTTGTGCGA GCTAATGACC AGCCTTGAAA GGTAGGCGAG GTGTCHAGGT GAAGCTGGG3420  
TBT 423

Name: 244 Len: 460 Check: 1420  
CCACACAGTAT CTCCTGATC AAACGCGCTCT CTGGGCTCTT CAAGTCTCTT GATATCATG 60  
CCTTACGCTT GATGCGCTGT ATGCAACGAA AGTAGAGGCT CAGAAACCTG GAGTACTTT3120  
CCCCTTTTGA AGAGCTGTGT CTCTTGGCAA CAGATCTTGG AGCTGGGGGT CTGATATTCT140  
CTAAAGTCCA GCATGTGATC CATTAGCAGG TCTCAGTAC CTGCGAGATT TATGTCACCT240  
GAACTGTGCG AACTGTCTGA GCTAGCAATG AAGGCTCTAG TCTGATGCTC ATTGGGCTT3300  
AGCATCTGAT CAACCTTTAAG AAGATTTACA AAGGCTCTAA GAAAGATGAG GATATCCCACT360  
TGTTCCTCTT GCAGACAAAA TACATGGGAT GTGCTTCAAG GAGGCAATCT GTTTTAGTCT420  
GACAGATTTG AGGAATCTGA GTATTGGGAA CTTCCTGCT 460

Name: 245 Len: 2533 Check: B49  
CCAAAGCCCAT GAGGGCGCG CGCCCGGCG CCGTGTGTGA CGAGACGGAG CTCTGGCCCC 60  
CCGAGGAGGA GCAGAGGATC AATGCGGTTT AAGAATCGAT TCCAGCGGT CATGAACCAT 120  
CCAGCTCTAG CCAATGSCCG CTACAAGGCA ACTTGTATG AACATGCTGT TAACTTTTAC 180  
ACACAGCAT TCTCATATTG TCCGGCCATC GTGGGCGAGT CCGTCTCTCA TCGGCTGTCT 240  
GATGACTGCT GGGAAAAGAT AACAGCATGG ATTTATGGA TGGGACTCTG TGGCTCTCTC 300  
ATGCTTTCTA CAGTATTTCA CATTGTATCA TGGAAAAAGA GCCACTTAAG GACAGCGGAG 360  
CACTGTTTTT ACATGTGTGA TAGAATGGTT ATCTATTGCT TCATTGCTGC TTCTTATGCT 420  
CCATGCTTAA ATCTTCGTGA ACTTGGACCC CTGGCATCTC ATATGCGGTG GTTTATCTGG 480  
CTCATGGCAG CTGGAGGAAC CATTTATGTA TTTCTCTACC ATGAAAAATA TAAGTGTGTT 540  
GAACTCTTTT TCTATCTCAC AATGGGATTC TCTCCAGGCT TGGTGGTGAC ATCAATGAAC 600  
AAGCAGGATG GACTTCAGGA ACTTGCTGT GGGGCTTAA TTTATGCTT GGGAGTTGTG 660  
TTCTTCAAGA TGATGGCAT CATTGCATT GCGCAAGGCA TCTGGCAGCT GTTTCTGGCT 720  
ACGGCAGCTG CAGTGCATTA CTACGCCATT TGGAAATACC TTTACCGAAG TCTACCGGAC 780  
TTTATGGGGT ATTTATGACC AATCTGTACT AATTCTCCAA ACCAGTATTA TTTCAATTAT 840  
GGCAGTTGGG AGTGGGGTGA GAGCTAAACA TTGCACAGGG CAAAGAAAAA AAATAACTGC 900  
ACTGACTTTA TATCTTTTGA ATATAATTAC TGTGAAAGTA TAAAGGCTGT GTTCTGSAAT 960  
TTTCTGGCTC ACAGCAAATA AATAAGGTAG TGAATTAATT ATTCATTCCA TTCCACTATC1020  
ATGAAGGACT CTGAATAGAC TTGGCCAAC TATGTTTACA AACCAGACTT TTATATTTA1080  
ATTTTACAGA TTTTACTACA TGATTTTCT AAATTACTAT GTGAGTTGT AAAAGTCAGT1140  
GCAATAACAA ACCTTCCTTT TTAAGAAGAA CTTACACTAC TTTTACCAT GTTTCATCTT GGCATAACAT1200  
GTAAAGAATC ATGGACAGAA CTTTAGTTTT TTGTAATTT TTAATAAAAT ATTTCAATTGA1260  
GTTCTTTTTT TAAATAGAAA CTTTATGTTT GTAAATTTT GGAGCAAGCA GTCAACATTC1320  
TATGATCTC TGCAGGTCT CATTCACTGT GTAAATTTT GGAGCAAGCA GTCAACATTC1380  
CAGAAACGAA CAAACATTAT ACCTCTTCTG ATAGTTTTAT TAAGCATGGA GAAATGGCA1440  
ATTTTAAAAA ACTGCAGTTT TCCAAACTTT TCTGCAACC TCTTACTCTG AATTCACTGC1500  
TGCTTTGGGA CATATACTTG ACCTAGCTTG GTTTACCAGT GATGGAAAAA TATTTTGATA1560  
TCATTAACCT TTTCAAAAAGA TCCAACTTTT TCTCTATGCT TTGCGACAT TCTCTTCAGG1620  
GTCTCTTTCC ACAGCGGATA AATGTTTTTT CTGATTTATG ACAGTATTGT TGTGATGGCC1680  
ATCTGCTGGA AACTCCTGAA GAGCATTATG TATTACAGTG AGCAGTTGTA TTGCTGTTT1740  
GGTGGCCAAAT GGTAAAGTCA TTGTCACTTA GCTTTATATT GTCACTTTGA TATTTATTTT1800  
AAATTTGGA ACTAGATGCA TAAATTCACA TTTCTGCTT TCTTTGCAAT CTCTCATAT1860  
AATGTTTTT TTTTTTTTTT CCTAGAAAAA ATATTTAAAG CATTGTTTGA CAGGTAGAA1920  
CTCATGTATC TGTAGTCCAT GAGTTATATC CTGGCTCAGT GGAGTGATAT TTATGTATTA1980  
TTTTTACTTT TCTCTCAGTG TCTTATATTA ABATTAACAT GTTGTAAATA GTTCTTTTGT2040  
TGATTAATCT CTCTGTGTTG TGTTTAATA AATTAATAG GCTTGGCTTT AGATCGGCTG2100  
CTGATATTGC CTGTTTCTTA GTAATGSGCT GATCAATGA TCAGTGGGAT TCTGGTTT2160  
ATGATAACCT TATTAATTGA AATTTTCTAC TCACTGGCT TTAAGAGAGG TTTATTTTGT2220  
ATATTTTAT AACTCTCTGA TTTTGAAGAA TATATGGA GTGAGAAACA GAAAGAGTGG2280  
TATTTCTGCT GAGTTTAAAT AGGCAAGGTA CCACTGATA ACACCAACCA AACACTCTCT2340  
ATCTGATGA TCTGAAACAT CTGATGCTT GTTCTTTTAC TGTGTATATT TTATTTTAA2400  
TATATTAAC TTTGTTGATT ATTTAAGGTC TACTTAAAG TAACACTGTC CAAACCACTA2460  
ATATGTATGT AAAAATTGTG CTGTATACTA CARTAAGGT GTTACTTGA TTTTTCACAA2520  
AAAAAAAAAAA AAA 2533

Name: 246 Len: 6072 Check: 1F2E  
GCTGCTCGGC GGGGAGGCCC CCGCGCTTTA AAATAATGCT CCGGGGCCCC GCGGAGCCAT 40  
GCAATGCGGA GCGCTGCTCC TGGGCTGCTT GCTCTCTCGG GTTGGCTCTC ATGGAGTATT 120  
GTGGCTCTGC TCGGGCTGG GGGCCAGCAT GGGTTTCTAC CAGGCTTTTC GGTCTAGCTT 180  
CGGCTTCCAG GGTCTGAGGA GCGCCGACGG CCGGCGCTG CCGACCTCGG GCGGCTGCG 240

[illegible]

AGGTGAGTTC TTGCTGCTTG TATTTTUTTT TGGGCGCTCC CTCTCTCTCC GCTCTGGCTT4080  
 CTCTTGGCGG AGTGTGTGGT AAGCACTCCA GTGTTCTCTT AATGAGGCAC TTGCTGTCT4140  
 ACTCGAGCAA GCGTGGGTGT TCCTTCTCTC TCATCTCTCT GGAATAGGGA ATAGGATCT4200  
 CATCTTTGCA AACTACACAA TGCTGCAAGT GCTTCCCAAG GCGCACAGGC TGTAGGAAA4260  
 CGTGTTTTAT GTTAAGTCAC AAACCCACTT GACTTCTGGG TACTGGAATT AATAACAGTG4320  
 GGTGAGACTG AGGGTGAGTG AGTTAGTACA TATTAATCCT GGTGTGTGAG CTTCAGACT4380  
 ACCTCGTCCA AATTTTGATG CTATGTAGTC AGTGGTTTGT GGGCTGTGAT GCGAAGGT4440  
 TCTTTGAGTC AGTTTCAAAG GTTACTTGTG TTTTTTTTTT TTTTTFAG TCAGAAAT4500  
 AATAGCTCTG ATATATCTCT CAGGSCCTTT SCAGTTTCTT CTCTCTCTCT TCTGAAATC4560  
 CTGGGTAGAG AATGGCTGAG GAGGAGATTA CCAGAGAAGT TGCTTTGCTC AGTGCTTTGC4620  
 CCGAGGATTC CCTCAAATCT GAGTGGACTT CATCCTTTGC GGGGCTCTCT AGCTGGCC4680  
 ATCTTCTAT TCCACGCTGT AGCTAGTGTG TAGTGTGAGC TTTCTCAAT GTGGTGAA4740  
 CATTTTGCA GAACTGTTGTA GAAAGCTGCC TTATAGTTGG CTGACAAAAG CATAATTCT4800  
 TCATAACAAA CTTTCAAATC ATTACAGTAG CTTAGCTACT ITAATGATG TGACCGAGGA4860  
 ATCCCTTCTA GAATCATAGG TGGCAAGGGA GGGTTTGCTA GCTCTCCATT TGCAGTGGCC4920  
 ATTGTGAAAA ACCAGCTTCT GTATTCAAAT CTTTCCTTCA TTTTTTAA TTTTCTTT4980  
 GGCAGCGCTT GTGCTGGAAC TTACTCATTG TAACTGAATC CTCAGGGCTT TTCTGTTT5040  
 AGATCATGGA CTGTGCAAGT CACACTTAAA TAATTTTCTA TGTATTTAAA GAAAAATGCA5100  
 CCGAGGATGT GTCTGTGCAC GTGACTATTA GAGGAGCGTC TGTAGAAGTA CCTGGTTT5160  
 TCASTGCAST TGTGCAATCT GAGGGCCTTG TTTCTCTCTC CCCTTTCCCT TTCTCCCCAC5220  
 CAAAGGAAAA TATCCCTCTT AATGATTTCT TAGTTCAGTT TACTGAATGA TTACCACTG5280  
 TAATTCTCTT TTGGATTGTG TAGACTCAAC ATGAGACATT CCTTCTGTCT TTCTGGAGGG5340  
 CACCAAGGGG CTTTCTCTTT GATAAATTTT TTTTGTCTGT TGACAAAAAC AAAAACTTT5400  
 TTTCAAATGT AGTGCTGGTG AAAAGGTAGG GCTGAGTGAT TACCTTAGCC ACAGGGTGG5460  
 TGAGCAGGAA CTTTAGAAGA AAATCCTGAG CTTTCTGTCT CATTCOCAGC ATCCAGCTCC5520  
 TATTCTAGTG CCTCTTCCCT GCAGGGCAGG GACCCCTTGG ATGCTCCCGC TGAATCTGG5640  
 GGGTGGGGCC TGTGTCCAG GTTTCACAGG GCTCAGGGTT CTGATTCTAT ACCCTCTTCC5700  
 ACGTGAATCT GGTAAAAATA TCAAGTACCT GTGGAACCTC CTGATTCTAT ACCCTCTTCC5760  
 TTCTTTCTCT AAGGCAGAGG AATAATATTT TTAAGGTTA TTTTGTTTIA GTTTTAAATA5820  
 GCAAAACACA AGCTGCATTT TTATTTATTT TGCATAAGAA AGGTAAATCT TTTTACAAA5880  
 AAAAGTATAG AGTTGGAAC TCTGGGAAAA CTTACGAAA TACACAAATG CTTCTCTGTA5940  
 ATGTGCAATA TGCTTTGCAA CTGTAGATGA TATTTTATGT TTAATCTGTA AATAAGAAAT6000  
 GTATTTAAAT TAAAAGGGAT CTTTTGTAA AAGGACCAAA TGTCTTTTAA TAAATGTAAT6060  
 AAGGAATATC TTGCTCTTTA AAATTTATTA GGATTTTAT GAGTAATTTT TATTAAAAGA6120  
 TTTCTTTTTT TG

Name: 247 Len: 5615 Check: 2627  
 GAAACTGCGG GTGTGACCCC CCCGTGGTGG CTCTGGGTGT CTGCGGAGGA GCTGGGGGCG 60  
 GAAGATGAGG CTAACGGCTT GGCTTCAGTG AACGCACCGG GATGTGCAAG CCGGGAGGTA 120  
 GAGGCAGGCT GATGGGGGAG GGAACGAGCA GCGTGTGAGA CCGGGTGACG GCGGCTACCA 180  
 GCGCGGGGCG GCACCGGGAC TGAAGAGTGT GCGTGTGAGA CCGGCTGGTC CCGCGGCCAG 240  
 GCTAGGGGCG GGGCGAGCGC CCAGTTGAGC CTGCTGGGGC TGGAGSAGCG AGAAGGGTTT 300  
 TCTTCACATT TCAGAGCGAA CCAGACGGGG ACAGTAAGGT AATAGACGAG AAACCGAAAG AATCAGAAAG 420  
 GGAAGTAGCA AGAAGTGGAG AGAATCTGGC AATAGACGAG GAAGSTCGGT STAAGTGAAG 480  
 AASTCTATGT GAGTAGCTGA AAGCATTGGG TGACCAGAAA GGGTCTGTGT AAGTGGATGT 540  
 GAAGASTGAG GTGTGGCTGG ATCAAAGGCG TAAGAGAAGC GGGGCGCCGA GAAGTGCCAG 600  
 GAGTGAGGAT CAAGGAAAAA CCGTGGAGT AGCGGAGTTC AAATTTGAGA GCGTTTGAA ATTGGAAGAC 660  
 ACGGGGGGCG AAAGCAGCCG AGCGGAGTTC CCTGCTCAG AGAGTTATCG ACGTATCCGG 720  
 TTGCTGGCGA ACGAGGGTCA GGACCTGCAT CCTGCTCAG CATCTGCGGG CTTCTATGG 780  
 AATGTGGGAT CAGAGGCTGG TGAGGTTGGC CCTGTTGAG CATCTGCGGG CAGCAGCCAC 840  
 TATTAAGGTG AAGGGTGTCC GTGGGCAAGT CGATCGCAG AGACATGAAA CTGCTCTACC 900  
 CGAAATAGGG GTTAAATAT TTGGASTACC TTTTAATGCA CTGCTCCATT CTGCTGTACC 960  
 AGAATATGGA TACATTCCAA GCTTTCTTGT CGATGCTTGC ACATCTTTAG AAGACATAT 1020  
 TCATAACGAA GGGCTTTTTC GGAAATCAGG ATCTGTGATT CGCTTAAAG CACTAAAGAA 1080  
 TAAAGTGGAT CATGGTGAAG GTTGCTATC TTCTGCACCT CTTTGTGATA TTGCGGGACT 1140  
 TCTTAAGGAG TTTTGTAGG AACTGCCAGA GCGCATTTCT GGAAGAGAA AAGCTACAC TGTGTCTCT 1200  
 ACTTTTGAAG GCTCAACAGT TAGGCACAGA GGAAAGAAAT AAAGCTACAC TGTGTCTCT 1260  
 CTGTCTTCTG GCTCAACACA CAGTTTCATG ATTAAGATAC TTCTTTAACT TTCTCAGGAA 1320  
 TGTCTCTCTT AGATCCAGTG AGAATAAGAT GGACAGCAGC AATCTTGAG TAATTTTGC 1380  
 ACCGAATCTT CTTACAGACAA GTGAAGGACA TGAAAAGATG TCTTTAACA CAGAAAAGAA 1440  
 GCTACGATTA CAGGCTGCAG TAGTACAGAC TCTTATCGAT TATGATCAG ATATTGGGG 1500  
 TGTACGATAT TTTATCTGG AAAAGATACC AGCCATGTTG GGTATTGATG GTCTGTGTG 1560  
 TACTGATCA CTGGAAGGCT TTGAAGAAAG TGAATATGAA ACTCTGGTG AATATAAGAG 1620  
 AAAGAGAAGA CAAAGTGTAG GAGATTTTGT TAGTGGAGCA CTAAATAAAT TAAACCTAA 1680

TAGAAACCTTT TGTATTAGAC CTCAGAAAGA AAGAATTGCG TAGCTATCTG AATCAGCACTG  
BATTCTTTACA GCAAAATGCTA AGCGTACATT GCCAGTAGAT TCTTCTCATG GTTTCTCAAGT1741  
TAAGAAAAAGG AAGTCCATCA AGCACAATTT TAACCTTTGAG CTGTTGCCAA GTAATCTCT1822  
CAATAGCACT TCTACACCGG TATCAGTTCA CATCGATACA AGCTCAGAAG GGTCACTCTCA1860  
GAGTTTACTC TCTCTCTATC TCATTGGTGG AAACCATTTG ATCACTGCAG GTGTGCCAAG1920  
GCCAAGTAAA AGAATTGCAG GCAAAAAAGT TTGCAGAGTG GAATCAGGAA AAGCAGGCT31980  
CTTTCTCTCT AAAATCAGCC ATAAAGAAAA GGTTCGAAGA TCTCTGCGTT TGAAATTCAA2040  
TCTAGGGAAA AATGCGAGAG AASTAAATGG ATGTTCTGTT GTCAATAGAT ATGAAAGTGT1100  
TGGTTGGGGA GTTGCAAAAT AACAAAGTTT AAAAAATGTA ATTCAATCTG TAAAAACAG31160  
TTTCTTTT AGCTCAGATG TTGATGAAAA GTTACCAAG AAAGGTTGAG AAAAGATGAG3220  
TAAGTCTGAG GAAACCTTAC TAACTCCAGA GCGACTATT GGAACAAAT ACCTGGATGT1280  
TTGGACAGGA CTTAATAATT CAAGTTTTCA AGAAGTAGAT GCAATGAG CTCTTCAAT2340  
GGTGGAAAA CTGAGGTAG AAAACTCTTT GGAGCTGAT ATTATGGTAG AAAAGTCACCT2400  
TCTACTTCA TGTGAACCTA CCCCTTCCAA TTTAAACAAT AAGCATAATA GCAACATAAC2460  
AAGTACCCCT CTTAGCGGGG ATGAAAATAA CATGACCAAA GAGACTTTGG TGAAAGTTCAD2520  
AAAAAGCTTT TCTGAATCTG GAAGTAATCT TCACGCATTG ATGAATCAGA GGCAGTCATC2580  
AGTAATCAAT GTGGGGAAAG TAAAAATTAAC TGAACCATCT TATTTAGAAG ATAGCCCAGA2640  
GGAAAACTTA TTTGAACTA ATGATTTGAC TATAGTAGAA TCAAAGGA3A AATATGAACA2700  
CCACACTGGT AAAGGTGAAA AATGTTTTTC AGAGAGGGAC TTTCACCCCT TTTCAACTCA2760  
AATATTTAAT AGAGAAACAA CTATAAAATG TTATTCAACT CAGATGAAGA TGGAACATGA2820  
AAAAGACATT CATTCAAATA TGCCAAAAGA TTATTTAAGC AAGCAAGAAT TCTCCAGTGA2880  
TGAAGAAATA AAGAAACAGC AGTCCCCAAA GGATAAACTA AATAATAAAT TAAAAGAGAA2940  
TGAGAAATAG ATGGAAGGTA ACTTACCGAA GTGTGCAGCA CATAGCAAGG ACGAGGCTAG3000  
ATCCTCTTTT TCACAGCAGA GTACATGTGT TGTAACAAAC TTGTCAAAC CTAGGCTAT3060  
GAGAATTGCT AAACAGCAGT CATTGGAAAC ATGTGAGAAA ACAGTTTCTG AAAGTTCACA3120  
AATGACAGAA CATAGAAAGG TTTCTGATCA CACACAGTGG TTTAACAAGC TTTCTTAA3180  
TGAACCAAT AGAATAAAAG TCAAGTCAAC TCTTAASTTT CAGCGTACTC CTGTTGCTCA3240  
GTCCGTGAGA AGAATTAATT CTTTGTGGA GTATAGCAGA CAACCTACAG GGCATAAGTT3300  
GGGAGTCTT GTTGATACAG CTCTCTCTTT GGTCAAATCA GTGAGCTGFG ACGGTGCTCT3360  
TTCTCTTGT ATAGAAAGTG CATCAAAAGA TTCTCTGTT TCATGTATCA AATCAGGTCT3420  
TAAAGAACAG AAGTCCATGT CATGTGAAGA GTCAAATATT GGTGCAATTT CAAAGTCAAG3480  
CATGGAGTTA CCTCGAAAT CTTTCTTAAA GATGAGGAAG CACCCAGATT CAGTGAATGC3540  
TTCTCTTAGG TCTACTACAG TTTATAAACA GAAGATCTTA TCTGATGGCC AAGTTAAGGT3600  
TCCCTTGGAT GATCTGACTA ATCATGATAT AGTAAACCA GTTGTAATA ACAACATGGG3660  
CATTTCTTCT GGGATAAATA ACAGGGTCCCT TAGGAGACCA TCAGAAAGAG GAAGGCTG3720  
GTACAAAGGT TCTCCAAAAC ATCCTATCGG AAAAACTCAA TTACTACCAA CAAGTAAACC3780  
TGTATTTTG TAATTGGTAA ATGTTATACT TGTCATTAAT GTAAATAAAG TGAGTAATTG3840  
GTATGACTTG CAGGATGATG TACATGTTAG TTTGTAGCTC AGGATGATTG TTAAGCAATA3900  
BATTTGTCTT ATTGAAAATG TTTCAATTTT TTTCACTGTAC AAGCAACTTA GATTTTATT3960  
TGTACAAATT ACTTCTTTGT TTTCTTAAT GATGGCAAT TTTAAACTTT AATTTTATT4020  
TGTCTCTTTA AAGCAGAGGT TAGACTTTAC CTCTCTGACT CTGTCTGTTA GGCTGGAGT4080  
TGTCTCTTTA ATCTCACTGC AAGCTCCACT TCCTGGGTTT ATGCCATTTT CTGCTCTAG4140  
CTCTCCGAGT AGCTGGGACT ACASTTGCCC GGCACCAAGC CCAGCTAATT TTTGTAATTT4200  
TTAGTAGAGA CGGTTTCAAC GTGTAGGCA GGATGGTCTC GATCTCTGA CTTGTGAT4260  
CGCCCGGCTC AGCCTCCCAA AGTCTGGGA TACAGGAT GAGCCACCAC GCGCGCTAG4320  
ACTTTACCTT TCTAAAGAAA TTGTTTACTG GATTTATAAG AAGTTAATTT TTGAAAATGA4380  
CATATCTTTG TGTATAGAA AGAATGGAGC AASTTGTGCC TATTTCTCTC AAGTCAGATA4440  
AGTTTCTTAA AATAAATAAA TTTCTAGCAT ATAAAGGTA GAGATAAACT CTGCAAACT4500  
TAGTCTGGA ATTATATTAA TGTATTATTG CCTTGCACAA ATTCTAGAA ATTAATTTCC4560  
TTCATAGCA TCTTAAACT CTATTTTTAT TTGGGGCAGA GTAATTTCTT TTATAGTGC4620  
AGTAGTSTA CCTGTGTGTT ACTGGAATA AGAACAATGG TTAAGBCAGA ATAATGACT4680  
AATATTTTC ATATATTATG ATGTGGAAAT AATTGATAAC TTTTAAGUCA TACTATGTT4740  
TTAAGATAAA TTTGCACAAA CAGTTTGTG TCTGTTCTGT CCAATATAGA TTTGGCAATT4800  
CTATTTTGA ATTTGAAATA GTAGATGCAC CTCTTTACCT TTTTACTTG GATAAAACC4860  
TATGATGATT TTGTCTGTG TGTAAATGTT ATTTATTTAG CATAGACATT AAAGATAACT4920  
CTCTGAAAA TGAATTGACT AAGGCTCTCA TGAAATTTAA AGTGCCATTT AGAACATGCA5040  
CCAAATTGTC AAGTAAATCT GTCTAAATTT ATATTTTAAA TTATTACAAA TTACACATCT5100  
TTGAGGAAA AGTATTATGA ACAATAGAAC ATATTCTCTA GGTTGTAGAG GAAGGAATA5160  
GCAACAGAA TCAACCACTA AAGGTAGTTT TCCAGATTGG TTGTAGAAAT GTCATGTTTAS5220  
GATGTTGAG CAGATTAGAG CAGCATTCAT GCCACTCGGA GCAACCAGAC TTACAGCATA5280  
AGTATGTAG AGGAATTTCA AATCATCAGA TGTTTGTG GCTAGGTTCT ACTTTGTTTAS5340  
TTTATATCA AATAGTTTG TAGATGTTTA TGGCATTTCT AATTGTAAGT AGAGACAAA5400

TATTATATA GTGAGATATA TGTGTGTCTGCTTTAAACCAAT TTTTAAATTT TAAAAATGCAAAAT  
TTAAGCTCTTT TTTTATATCCA TCAAGGGAAG GATGAAATGT TGAATTTGAA GACTAATTCASB11  
GTAAGAASTT CTAGGGBSTTT AACTGTACAT ACTACGTGAA CTGGCTTTTC TGAGAGATTA5590  
ATCAATAATG AAACATGTCT GTTTTAAAAA CTACC 5615  
Name: 248 Len: 5298 Check: F37

GGCGTCCGAC GGCAGCCACC GCCCTGCGGC GAGCGCGTGC CCGGACTGCG CGCCCGGAGA 60  
CCGCSAGBGT GCAAGGAGTT CAGAAATGTC CAGAAATGAC AAAGAACTGT TTTTGTGAA 120  
STTTTAAAAA TCTTCAGACA ATTCCAAATG TTTTTTTAAA GCTCTGAGT CCATAAAAGA 180  
ATTCCAATTA SPAGAATATC TTCAGATTAT TACAGAAAGAA GAGGCAITCA AGATAAAGGA 240  
GAATGATADA TCACTTTTATA TCTGTACCC TTTTAGTGGG GTTGTCTTGG ATCACCCTCAA 300  
AAAGCTTGBC TGCAGAATTG TTGGTCTCTCA AGTAGTCATA TTTTGTATGT ACCACCAGCG 360  
ATGTGTCCCA AGAGCCGAAC ATCCAATTTA TAATATGTT ATGTCTGATG TAACCATATC 420  
TTGTACAAGT CTGGAAAAAG AAAAAAGGGA AGAAGTTCAT AAATATGTAC AAATGATGG 480  
CGGACGAGTA TACAGAGACC TTAATGTATC AGTAACTCAC CTTATTGCAG GAGAAGTTGG 540  
TAGCAAAAAA TATTTAGTTG CTGCAAACTT GAAGAACTT AGATATACTG ATATAAATC 600  
AAAAACACTT TGGGAGAAGT CACAAGAGAA AAAATAAAT TGTGTGACTG GCTTATGTGG 720  
GGAAGATTTC AAGTGTCTTA TTTTCTTGG AGTAAAGCAT GAGGTCAAT ACATGGGACA 780  
CTTAGAGAGB AAGGAAGTTC AGCAACTCAC AGTTAAGCAT GAGGTCAAT ACATGGGACA 840  
ATTGAAAAATG AATGAATGTA CACACCTCAT TGTGCAAGAA CCAAAAGGTC AGAAGTATGA 900  
GTGTGCCAAG AGATGGAATG TACACTGTGT GACCACACAG TGGTTTTTTG ACAGTATTGA 960  
GAAAGTTTTT TGTGAGGATG AATCCATATA CAAGACAGAA CCTAGACCAG AAGCAAAGAC 1020  
TATGCCCCAT TCTTCAACTC CTACCAGCCA GATCAACACA AGTTGCGTA AGTGAATCAA TATGTAATTC 1080  
AGATGTCCAG AATATTTCCA ACATAAATGC AAGTTCGTA AATCTGGATG TCAGTGCATT 1140  
ACTTAACAGC AAAGTGGAGC CTACACTTGA AAATCTAGAA AATCTGGATG TCAGTGCATT 1200  
TCAAGCAACT GAAGATTTAT TAGATGGTTG TCGGATATAT CTTTGGGCTT TTAGTGGCAG 1260  
AAAGCTAGAT AAAGTGGAGG GACTTATTA CAGTGGAGGT GAGATTCGTT TTAGTGGCAG 1320  
AAATGAAGAT TTAAGTGGG TTATTGTGGG AGATTATGAT GATGAATTA AGCAGTTTTG 1380  
GAATAAATCA GGCACACAGG CTCATGTAGT GGGAGCAAAG TGGTTGCTAG AGTGTTCAG 1440  
TAAAGSTTAT ATGCTTTCTG AAGAACCATA TATCCATGCT AATTACCAGC CAGTGGAAAT 1500  
TCCAGTTTCA CATCAGCCTG AAAGTAAAGC AGCTCTTTTA AAAAAAGA ACAGCAGCTT 1560  
CTCTAAGAAA GACTTTGCTC CTAGTGAAAA GCATGAGCAA GCTGATGAAG ATCTGCTCT 1620  
TCAATATGAA AATGGTAGCT CCACAGTAGT TGAGGCTAAG ACGTCTGAAG CCAGGCCCTT 1680  
TAATGATTCT ACTCATGCTG AGCCCTTGAA TGATTCTACT CACATTCTT TGCAAGAAGA 1740  
AAACCACTCT TCTGTGCTG ATTGTGTCCC TGATGTTCT ACAATTACTG AAGAAGGCTT 1800  
ATTTAGCCAA AAGAGTTTCC TTGTTTTGGG TTTTAGTAAT GAAAATGAAT CTAACATCG 1860  
AAACATCATA AAGAAAAATG CTGGGAAAT CATGTCCCTT CTGAGCAGAA CTGTTGCGGA 1920  
TTATGCTGTG GTTCTCTGCT TGGGGTGTGA AGTGGAGGCC ACTGTGGGAG AAGTTGTTAC 1980  
AAATACATGG CTGGTTACTT GCATAGACTA TCAGACTTTG TTTGATCCAA AGTGAATCC 2040  
TCTCTTCAAC CCAGTTCAG TAATGACAGG TAAGACTCCT TTAGAGGATT GTGTATTTT 2100  
ATTTAGCCAG TGTGCTGGAG CAGAAAAAGA GTCTTTAACA TTTCTAGCAA ACCTCCTTGG 2160  
AGCAAGTGTT CAAGAATACT TTGTTCGCAA ATCCAATGCA AAGAAAGGCA TGTTCGCA 2220  
TACTCATCTT ATACTGAAAG AACGTGGTGG CTCTAAATAT GAAGCTGCAA AGAAGTGG 2280  
TTTACTGTCT GTTACTATAG CTTGGCTGTT GGAGACTGCT AGAACGGGAA AGAGAGCAG 2340  
CGAAAGCCAT TTTCTATTG AAAATTCAAC TAAAGAAGAA CGAAGTTTGG AAGCAGAA 2400  
AACCAATGGA ATCAATCTAA ATTCAAGATC TGCAGAGCAT TATGAACGCG TTTGAGTA 2460  
TCACAGAAAA ACCGTGCTTA CACCTTTAGA TATGAACGCG TTTGAGTA AAGCTTTCCG 2520  
TGTGTGTGTC TCACACATG CCAGACAGGT ACCATCAAAA TTCTGTCTCA AGGACAACT 2580  
TCAGAAAGAG CCGTGTGTAC ACCTGGATAC ACTTGCAAGG TTTGAAACTC CAGGACGTCC 2640  
CTTAAAGCCT TGTCTTGATG TGAAGGATGC ACTCTCAGAA GTTATTGTCA AAAATTTG 2700  
CAGGCAATAG AAAAGGAAAC CGAGTACGCC ACTCTCAGAA GTTATTGTCA AAAATTTG 2760  
ACTGTCTTGT GCAATAGCT CTCGAAATGC TGTGCTCTT TGTGCTAGCC TGTGCTAGCC 2820  
AGAGGCTCAG TTAGAGAGG AAGAAAGGCC AAAGGCTACT CACAAAGTAG TGTGCTAGCC 2880  
TAGTAAAAAA CTGAGTAAGA AGCAGAGTGA ACTAAATGGG ATGAGAGCTT ATCTATCAAG 2940  
AGATTAAGAG TGAAGTTTTG ATGAAACAST GACTCATTTT ATCTATCAAG TGTGCTAGCC 3000  
TGACACTAAT GGGGAGTATA AATCTGTAAA AGAAAGAGGA GTACACATTT ATCTATCAAG 3060  
CTGGTTTTTA GATGTGTGCC AAGAGTGTA ACATCTCTCT GAACTCTTIT ATCTATCAAG 3120  
TTATAATCCC AAAATGAGCT TGGATATCAG CGCAGTGCAA GATGGCCGJC TGTGCTAGCC 3180  
TCTACTACTC TTAGCTGTGT CTTCAACAAA GATGATGAG CCAGATCTCT TGTGCTAGCC 3240  
AGAAATGAT CTAGACAATA TGGCCACCAA TAATAAGAG TACAGACCAT CAAATGGAAG 3300  
TGAAAGAAAT GATCTAAAG GAGTTCTGAC ACAGACCTTA GAGATGAGAG AGAAGTTTCA 3360  
GAAGCAGTTA TAGGAGATAA TGTCTGCAAC ATCAATAGTG AAACCTCAAG GGCAGAGGAC 3420  
TTGCTTTTCA AGAAGTGTG GTAACAGCGC ATCTTCAAC CCGTACAGCA CTCGCTCTGC 3480  
TCGAGTGGGA GGAAGTAGAG TCTAGAGGC ACTGAGGCAG TGTCTCAGA CAGTACCTGA 3540

TTTAAAGATA TACGCTTCCC AAAATGAACA TATCATTTTGG GATGACCCCTA GAGGAGGCGA 343  
 GGAGATAGCA AGGCTTTCCTA GCAATTTGCA TTGGGCTAGT TGTCCCGCAC AATATCTGAB 360  
 GCTTTAATTT GATATTCAAA ACTTGGAGTA TGTCTTTT CAAAAATTT TADATGATT 366  
 AGAAATTTCT AACAGGCTG TCTGTGATTC TGGAAACATA CGTGTGACTG AAGCTCCCAAT 372  
 ACACCCAAATC TTTAAGAAAC TGGAAACTTC CATAAAGAAC AGCCACCTCA TCCCTACGGC 378  
 TCAAGCTCTCT AGTATTGCT TTCCACTCCT CAACCCCTCT GTGGCTCCGC ACCCTAGAGA 384  
 AAACATTATA CGATAGAGG AGACTCATCA AGAATTAAAA AAACAGTACA TATTTCAGT 390  
 ATCATCTCTG AATCTTAAG AACGTATTCA CTATTTCAT CTGATTGAGA AACTAGGTG 396  
 ATTGCTATA TAAAGTAGT GCTTGTATTC CACCTGTACA CACATTCTTG TGGACATCT 402  
 ACTTTAAAC GAGAGTATT TAGCTCACT GGTCTGCTG GGTGGGTGG AAGTGGGTGG TCTATCCT 408  
 CTACCTTCAA CCTGCGAGA CTGCTGGACA CTTCCTGCA GAGAGAGCT ATGAATGGGG 414  
 AAGTAGTCTC ATACTTATG TTTTGAAGT TTTTGAAGT AATCAATGTA CAGCAACGAA GACTAGCA 420  
 TGCAGCAATG AGATGGAGAA AAAAAATCCA GCAAAGACAA GAATCTGGCA TTGTTGAGGG 426  
 AGCATTTTCT GGTGGAAAG TTATTTTACA TGTGATCAG TCTCGAGAAG CAGGCTTCAA 432  
 AGCTCTTCTT CAGTCAGGAG GAGCAAAGCT GCTACCTGGT CATTCTGTAC CTTTATTTAA 438  
 AGAGGCGACA CATCTTTTTT CTGACTTGAA TAACTGAAA CCAGATGACT CAGCAGTTAA 444  
 TATAGCAGAA GGTGTGCCC AGAACGTGTA CTGCTGAGA ACAGAATACA TTGCTGATTA 450  
 TCTCATCTAG AATCACTCT CTCATGTAGA AATTACTCT CTATCAGAAG TATTTGATT 456  
 TATTAGAAAT AATAAGGAAC TTGGGACTGG ATTAACAAA AAGAGGARAG CTCCTACAGA 462  
 AAAAAATATA ATCAAACGAC CTAGAGTACA CTAACTGCA CTACCTTTTA GTTACCAAAC 468  
 ATTAATTTT TTTAAAAAT GAAAGCCTGA ATGTGACTGT GATAGATTTG GGTAGTAATT 474  
 TAAAGATGAG TACCTGAAGA ATTCTGCTTC AGAGTATAAT GATGACCTTT CTTGAGTTT 480  
 GAAACCTGTA AATTGTAATC ACTGAAATAT TAACTGTTT TTAATAAAAA GTTACCTGAA 486  
 ATAGCAACAA AATACAATC CTCAGCTAGC TTGCTGTTAA ACCACATTGA AGTCTGTTAA 492  
 AAGATATTTA TTTTCTTGT AAATATCTGA AGCTGTAGCT TAGTGGAAT TTTAGCAAGG 498  
 TAATGATTT TCTTTAAAA TGTCTGCTTT ACAAATTCAT AACAAACAA TTTCTCAGTC 504  
 AGCATTTAT CATGTTTTTC CTGATTTTTA TCTCTCACCT ATTTTACCTC TTTTACAGG 510  
 AGCTGAGCA CAAGGTTTAA TGAGGAAGCT GGGCTATAA ATATGTGTCT ATATATGTAT 516  
 ATGTATGTT GTACAAATCT CCATGATGTT TGCAAGTTT GAATGCGCAA AACTGGAA 522  
 ATGTGACAA AAAGAATAAA AGTAGTAAT CAAATTAGTA TTAAGATGTG TTTACATAGA 528  
 TAAATTTTTT AAAAGAGC

Name: 249 Len: 1584 Check: 12A6  
 GCGCTCGGC CTAGCATGTC GGAAGCGGCC GAGGAGCAGC CCATGGAGAC GACGGGCGCC 60  
 ACCGAGAAAG GACATGAGGC CGTCCCCGAA GCGAGTCGCG GCCGGGGCTG GACGGGCGCC 120  
 GCGGGGGGGC TGGAGGCGCG ACCGCCGCGC CCGCGAGCGG GAATCAGAAC GGCGCCGAGG 180  
 GACGAGATCA ACCGCAGCAA GAACGAGGAG GACGCGGGAA AATGTTCTT TGGTGGCCTG 240  
 AGCTGGGATA CTAGCAAAAA AGATTTAAPA GACTATTTTA CTAAATTTGG AGAGGTCGTT 300  
 GACTGTACAA TAAAAATSGA TCCCAACACT GGACGTCATA GAGGGTTTGG GTTTATCTCT 360  
 TTCAAGAGATG CAGCCAGTGT GGAGAAGGTC CTAGACCAGA AGGAGCACAG GCTGGATGGC 420  
 CGTGTCTATG ACCTAAAAAA GGCCATGGCT ATGAGAAGAG ACCCGGTCAA GAAAATCTTC 480  
 GTTGGGGGTC TGAATCTCTA AAGTCCCACT GAGGAAAAAGA TCAGGGAGTA CTTTGGCGAG 540  
 TTTGGGGAGA TTGAGGCCAT TGAATTGCCA ATGGATCCAA AGTTGAACAA AAGACGAGGT 600  
 TTTGTTTATA TCACCTTTAA AGAAGAAGAA CCGCTGAGGA AGGTTCTGGA GAAAAAGTTC 660  
 CATACTGTCA GTGGAGGCAA GTGTGAGATC AAGTGGGCCC AGCCCAAAGA AGTCTATCAG 720  
 TACGAGCACT ATGGCTCTGG GGGCCGTGGA AACCCCAACC GAGGGARCCG AGGCAAGCGA 780  
 GGTGGTGGT GAGTGGGAG TCAGAGTCAG AGTTGGAATC AGGGCTACGG CAACTACTG 840  
 AACGAGGGCT ACCTTACCA GCAGGGCTAC GGGCTGGCT ATGGCGGCTA CCACTACTC 900  
 CTTATGGCT ATTACGGTA CGGCCCGGEC TACGACTACA GTGAGGGTAG TACAACTAC 960  
 GGCAGAGAGC AGCAGCTGG TGGCATCAG AATRACTACA AGCCATACTG AGGCGGCCAA 1020  
 GGCAGGAGC AACTGATCGC ACACATGCTC TTTTGGATA TGGATGAAC ACAATTATGT 1080  
 ACAAATTTA ACTTGGCAA CTTTCTATTC CTTTCTCCAT GTGATCTTA TTTAAATTT 1140  
 CTTTATGGA AATCTCTCT CTGTTGACTA TTTTCAAGAG TCTAGGTCT TTAGGAGCT 1200  
 GTGCTCTCT AGAGGCTATA GCGCATCAT GGGCTTATTT TTATTACAG GTCCCCAGAA 1260  
 AGAGGCTGAG AGGCTCTGCT TCTGCTGCTC GTTCTGAGC CTGAGCTCT TTTTCTATC TTTTAAATTT 1320  
 TTAAGAGAT AATTTGATC TTAGGAAAC AGTCTCACT TTTTCTACT TTTTCTACT 1380  
 ATATTATTTT CTTATACAT TTCTGTAACT GGAAGTGTG ATTTTACTCT ACTTTTGGT 1440  
 AATCTTTTTC GGAATCTAAT GTATTGTAA CTATTTTACA CTTGCTCTCA TTTTGCCACA 1500  
 AATCTGATAT TGAAGCTATC CAAGCTTTT AATATAAAT TAAAAACCC AAAGCTGGGT 1560  
 GAGTGTGGGA AAAAAAATA AAAA

Name: 25 Len: 237 Check: 1456  
 GAGATATTGG AGAGGCGGCC TTATGAGGA GAGGGGCTCG GAGAGACGAC TCCTCTTACT 60  
 ATCATCTGCG AGCCATGCA GCTCTGAGG GTCAACAGCC AGCCCGGCCC CCAGAAGCGA 120  
 TGTCTTTTTS TGTCTCGCA TGGTGAGAG ATGATGTTG TTTTGGGAA GTACTGCTT 180



NTD IATNCA AAGSDNCTA DAINIENCA CAASDTNBAI NAINCDE 237  
Name: 250 Len: 1121 Check: B9B

GGAAATTCCT ATAGAGCTGG GTGAGAGAGG GAGGCTTCCT CGGCGGCTCT CGAGGCGGG 60  
ITGCTTCGCG CTGAGCTCTC CGGCTCTCTT TCTCTCACA CACCAGGTCC DCTCGAAGC 120  
C3CGCTCTCT GTGCTATGGG GGAGCTGAGG GCTCTTGAGA GTCTCATCGA SATGGCTTC 180  
CCCCGGGGAC GCGCGAGAAA GGCTTTGGCT CTCACAGGGA ACCAGGGCAT CGAGGCTGGC 240  
ATGCACTGGG TGATGGAGCA CGAAGACGAC CCGCATGTGG ACAGGCTTTT AGAGACTCC 300  
CTGGAATA TCTGGGAGG CGAGGCTACT TCTCTAGAGC AAGGCGGCTT TGAAGTCT 360  
GCTCTCTCT CCGAGAGAGG CAAGCTCTCT TTGCTGAGG AGGAAAGACA GGAACAACT 420  
AAGAGTATCT TGAAGCTCTT GGCTTAGAAG CAGCGGAGAG GTGAAGAAAG AGAGGAACGG 480  
GAGGCTATCT AACGCGAGCG GCAGGCGCAG ABACAGGGG AAGATTTGTC AGCAGCAGCA 540  
CAGGCTCTAC AGCAAGATGA GATGCGCCCG GCTCTCTCTG AGGAGAGCGG GAGGAAAAT 600  
GCGAGGAGT TAGCAGCTAG ACAAAGAGTT ABAGAAAAGA TCGAGAGGGA CAAGCAGAG 660  
AGAGCCAAAG AGTATGCTGG CAGTGTGGGG TCTCAGCCAC CCGCAGTGGC ACCAGAGCCA 720  
GCTCTCTCT CCTCTTCTCC CAGCCAGGAG COTCCACCA AGCGGGAGTA TGAAGTGT 780  
CGCATACAGG TCAGGCTGCC AGATGGGAGC TCACTGAGCC AGAGCTTCCG GGCGCGGGA 840  
CAGCTGGCAG CTGTGAGGCT CTATGTGGAG CTCACCGCTG GGGAGGAAT AGTGGGGGG 900  
CAGGAGCTCT TGCAATCTCT CAGTGGCTTC TCGAGCGGG CTTCTCTAGA AGCTGACAT 960  
GAGCGGCGCT TGCAAGAGCT GGGAGCTCTG CTTCTCTCTG TTCTCATCTT GCGCAAGAAA 1020  
TCTCCAGCT GAGGCGCTTT GTCCCATTTT CCTCTGTGA CCGCTTCTC TTTGATAAAG 1080  
CACTGACATC TCTCTCTAA TAAATAGACC CTGATTTCT T 1121

Name: 251 Len: 2337 Check: 25F0

GGAGCGGCGA ACATGGCGGA ACGCAGGAGA CACAAGAAGC GGATCCAGGA AGTTGGTGAA 60  
CCATCTAAAG AAGAGAAGGC TGTCGCCAAG TATCTTCGAT TCAACTGTCC AACRAAGTCC 120  
AACAATATGA TGGCTCACCG GGTTGATTAT TTTATTGCTT CAAAAGCAGT GGACTGTCTT 180  
TTGATTCGA AGTGGGCGAA GGCTAGAGA GAGAGGGAAG GTTTATTATC AACTAGGGAG 240  
TCTGTGGTGG ACTACTGCAA CAGGCTTTTA AAGAGCAGT TTTTTCAGCG AGCTCTAAAG 300  
GTAATGAAAA TGAAATATGA TAAAGACATA AAGCAGAAA AAGATAAAGG AAAAGCTGAA 360  
AGTGGAAAAA AGAAGATAAA AAAGAGCAAG AAAGAAAATA TAAAGGATGA GAAGACAAA 420  
AAAGAAAAAG AGAAAAAAAG AGATGGTGAA AAGGAAGAAT CCAAAAAGGA GGAACCTCCA 480  
GGAACCTCTA AAAAGAAGGA AACTAAGAAA AAATTCAAAC TTGAGCCACA TGATGATCAG 540  
GTTTTTCTCG ATGGAATATG GGTGTATGTA TGGATCTATG ACCCAGTTCA CTTTAAAAA 600  
TTTGTCTATG GATTAATTTCT TGTGATTGCA GTAATAGCGG CCACCCTCTT CCGCTTTTG 660  
CCAGCAGAAA TGAGAGTAGG TGTATTATAC CTGATGTGG GTGCAGGCTG TTTTGTAGCC 720  
AGTATTCTTC TCTTGCTGT TGCTGATGC ATTCTATTTC TCATCATTTG GCTCATAACT 780  
GGAGGAAGGC ACCACTTTTG GTTCTTGCCA AATCTGACTG CTGATGTGG CTTCATTGAC 840  
TCTTTCAGGC CTCTGTACAC ACATGAATAC AAAGBACCAA AAGCAGACTT AAAGAAAGT 900  
GAGAAGTCTG AAACCAAAAA GCAACAGAAG TCCGACAGTG AGGAAAAGTC AGACAGTGAG 960  
AAAAAGGAAG ATGAGGAGGG GPAAGTAGGA CCAAGGAAATC ATGGAACAGA AGGCTCGGG 1020  
GGAGAACGGC ATTCAGACAC GGACAGTGAC AGGAGGGAAG AACTGGAACA GCAACAGAT 1080  
AGTGGAAATG GAAATGATTT TGAAATGATA ACARAAGAGG AACTGGAACA GCAACAGAT 1140  
GGGATTTCTG AAGAGGATGA GGAAGAGGAA ATGATGGAG AAACACCTAA ATCTTCACAT 1200  
GAAAAATCAT AATCTGACTA ATTTTGGGAC TGAATGAATA AGTACAAGAG GTTGGATTT 1260  
CTATGTTGGC TGATTACCAT ATTGAACACA TGGATTTGTT AGCATTCTTT AAATCTATCT 1320  
ACTGAAATGT ATTTGACATT CAGGCACTTA TATTCTGCTC TTTCTTTTAT AGAATATT 1380  
CACTATTATT GTTACAGTTT AAAAGCATTA ATATGTTTA TCCATTTCAT AATTTACAG 1440  
TAAGTAGGTC TCATTCTATT TGACAGTTAT CAAGATGTA CTTTCCACAG TTAATTTTAT 1500  
ATTAATGGCA ATTTTGTATA GTTTTATGGT TTTTACTGT TAGACTAATC AAAATAAAT 1560  
TTAAAAAGGA CAAGGAAAT CCAATATTTT ACATTATGCA TAGTTATGTA GTCATTTCAT 1620  
AGTTTCTTTA AGATGTGTAA ACTCATTTGT GTTACAGAG TCCAAAATTA TTTTGTGGAA 1680  
TATACAGGA CATTTTCTTT AAGATTTCTG GTTACAGAG TTTTGTGGAA TTTTGTGGAA 1740  
ACAAGTCAAC TAGTAAAT GCAACACAC TTTTGTGTTA GTTAAATTTT TTTTGTGGAA 1800  
TAGGAAATCC ACATCTGATT GTAGGCTCTG CTGAGAGAAA GATGGTCTCT TCCAGCAGAG 1860  
AAAGTGAACA GCATTTGTTG GAAGGTGATG GCTCTCTCTC CTTCTCTCTC ATTTCTGTT 1920  
CGTAACGTAA AGTGTATTCT GTACATAACT TATAATATA ACATTTTACT TTAATTTTAT 1980  
CTTATTATTT AGATATTCTT CAACATTTAA ATTCATAAAA TTAAGACCAT GTAGGGTAT 2040  
GTTTTTAGAG AAATGAAAT TTGATTAATC GCAAGAACAT CTGTGATCTT TCTACAGCAG 2100  
CTTCAGTTT GTGCAACAT TCAATGATG GCAAGAACAT GCAAGAACAT GCAAGAACAT 2160  
CAGACTTAAA GTAGCTTTGT ACCTTTTAA GTTCTTTTGT ATTTATTTTA AATCTTTTAC 2220  
TTACAGAAAT AGATCTGTA TTATCAGACC AGGAGGCAAT GCTGTGAAAG ATAATTTCT 2280  
ATTCTAAAT ATCAAAATTTA AAATAAGAT AATGAAGAA AAAAAA 2337

Name: 252 Len: 3380 Check: 3E0  
GCACACCATG GTGCACTCT GTGGCTACT CAGGCTCAC CGGAGGCTAG TGCGGCTGAA 60

JANTAT TCT CTAGCGTGA ACATTTACGA GTTGTGCTT GTGTGTCTT TAACCTTTGAA 100  
 CTACGA AAT GAGGAGAAAAG TTCCTTTGGA GGGCTTTCTT GTGTTCCTCA TGATGAAGA 180  
 CTCTGCTGTT TACA JCTTTG AGGCTTTGCT GGTGGBAAG AAAATTGTAG CAGAAITACA 240  
 AGACAAATG AAGGCGGCA CCAACTATGA GAAAGCTATC TCCAGGGCC ACCAGGCTT 300  
 CTTATTGAG GGGACAGCA GCTCCAGGA TGT TTTCTT TGAATGT33 GTAACTCTCA 360  
 AACTGGGTG AAGGCGGCTG TCACCTGAA GTATGTGAG GAGCTGCTC TGGAGCAGA 420  
 TGGGCTCTG CGCTTTGTG TCCAGCTGT CCGAATGCT AGATACTAGT TCTGTGGGT 480  
 GGTAAAGAG AGTTGCTTA ATGTGAAGAT TCCATAGTC CCAATATGG ATTGAGAAG TCCAATCCA 540  
 CATATTAGC ATGTGCTCA CCAATAGTC CCAATATGG ATTGAGAAG TCCAATCCA 600  
 CTGCTGCTG AATAAGTTG ATCGGAGCT GGAAGCTCT ATTTACTACA ATGAGGTGCA 720  
 GGTGCTGGA CATAAGTTG ATCGGAGCT GGAAGCTCT ATTTACTACA ATGAGGTGCA 720  
 TACCTGAGC GTGCTTTG AGATGGGAT GGTATCATG AAGCTAGTC ATTTGATGG 780  
 AGATCATCT GCAATGCTGA GTTCTATCT TCATGGAGC CTGCGGAAGT ATGAGAGCT CCAATGAGTA 900  
 CTGTGGAGAG TTTATCTTT TCATGGAGC CTGCGGAAGT ATGAGAGCT CCAATGAGTA 900  
 CCAGGATACA TCTGCTGCT AATACAGGA GCAAGGAAA CACTGATTTT GCTGCTGAAG 960  
 AGTTTACCTA TAGGCTGTTA TTTCAACATC TATGGATTG GCTCTTCTTA TGAGGCATG 1020  
 TTTCCGGAGA GTGTGAAGTA CACTCAGCA ACPATGGAG AGCTCTGGG GAGAGTGAA 1080  
 CTTATGAGG CCACTGAGG GGTACTGAA ATTTGGGAC CACTCAGAA CATTTACAG 1140  
 GGACCTCTCA TCCAGGCA CCCCCTACAG CTTTTGTCT TTACAGATG AGAAGTTACA 1200  
 GACAGCTTTA GTGAATTA AGAAGTTAG ATCAACAGAC AGAAACACAG GTGTTTCTCA 1260  
 TTTGGTATTG GAGAAGGCA CTCCACAGC CTAATAAAG GTATTGCCB GGCATCAGG 1320  
 GGCACCTCAG AATTTATCAG AGGCAAGAG AGGATGCACT CCAAGGCTCT CAGGACTCTG 1380  
 AAAGCTCTC TGCAGCCTGT GGTAGAGGAT GTCTCTCTGA GCTGGCATTT GCTCTGCT 1440  
 CTGTCTGCTA AATGCTTTT CCCAGAACAG ACTGTCTCT TTAGGGGTCA GAGATTATC 1500  
 AGCTATGCCC AGCTGACGG GAGGATGCCA GCAAGCAGAG CCAAGGCTCT CAGGACTCTG 1560  
 AAATATACAC TCCAGGGCAA GACTTTTGA GATAAGSTGA CATTTCTCT ACAACCCAG 1620  
 CCGTATGTCA ACCTCACCAT TCACCGCTT GCTGCCAAGT CTTGCTCTCA GACCAAGGAG 1680  
 ATGGGCTCA GGGAGACTCC AGCAAGTGAT AAAAAAGATG CAITGAACT TAGCCTTGAG 1740  
 TCTGGTGTCA TAAGCTCTT CACAGCTTT ATTGCTATCA ATAAGGAGCT CAACAAGCC 1800  
 GTTCAGGGGC CTCTGGCTCA TAGGGACGTC CCAAGGCCAA TTCTGTTGG TGCTTCTGCC 1860  
 CCATTGAAGA TAAAATGCCA ATCAGGTTTT CGAAAGGCT TACACTCTGA CCGTCTCTCT 1920  
 TCTGCTCTC AGCCAGAGG GGAAGTTATG TGTATAAGG CCAAGACATT CCAGATGGAG 1980  
 GATTACAGTC TCTGTGGGT GATAAGTCAC AAGGACCAG ACAGTCCAG CTTTGGAGAG 2040  
 AATCACCTTG TGCAGCTGAT TTACCACCA AATGCAATG GTTCTGGGA TCTGAATGAA 2100  
 GATCTAGCCA AGATCCTAGG TATGAGTTG GAAGAAATA TGGCTGCAG GCTGCGAG 2160  
 CTTGTGGATT CCTCAGGCT GGGCACCATC CTGGCCGTGA TCTGGCTGCA CAGCAATGGT 2220  
 AAGGACTTGA AGTGTGAATG GGAGCTTCTG GAAAGGAAG CCGTGGCTG GATGCGTGCC 2280  
 CATGCAAGCT CCAACATGCC TTCGTTGTG AAGCTGTGA TTAAGTTCT GAAGTCTCT 2340  
 GTGGATCTG CTATCTTTG CTTTGAAGA TACCATCCAG AAAAGAAGT GCTTTAAT 2400  
 TGCTACTGTC ATTTCTCTA GTATCACTTT TGCTGTGAT ATGTGTTCT GTGTATTATA 2460  
 ACTCTTTATT TTTTGCCATA AAAGTAAAG ATGCTTACT CACTTGGTT CTCTGCTCCA 2520  
 GGTTCACCTT GATATGATC TTTCTTTTC CAACATATG CTTAGAAAG GTGACAGTGG 2580  
 TCCAGAAC TATTTCTTT CTTGAGGAG TTCAAAACAT TCAAGGAG TAATGTTCT 2640  
 CCGAGGCTTT CAGGGGAAAC AACATGAAA ACAGGTGACA TGAAGTACAG ACTAAAGATT 2700  
 GCAGCATTTA TGTATAGAA TGCTTGAATT AGAGAATTT CTGCTATATC TTTGTCTGTT 2760  
 CACTTTCTAT CTATATACT TATCAGGCT ATACTGGTAA GCTTGGCTAG GAGGAGTTAG 2820  
 AGGGAGTTG AAAGCCAAAC TCTGGATCAA TGTAATGTCA AGATCACAA GACAGAGAT 2880  
 GCAGGGGTCC ACTGTGAGAG GTGACACTGT TGGGAGCTT CCGTGAAGA CTTGGGTTGA 2940  
 CTTTGTAGC CTGTAGAAC TACATGTCT TTTTCCACT GCTGAAGA AAGCTCTATA 3000  
 ACTATAACTG TTGAGAGAG ATGTTCTCT TTAATCATGA AAGCTCTATA TGAATAGT 3060  
 ATGCAATCT TACTCTAC CTTGAAGCT GTTCTCTTA AGTCAAGCT TGAATAGT 3120  
 CAGTAAAGG AAGGCTGGG TTAATGGAG CTTTGGCTG GAGCTGAAG TGGAGCACT 3180  
 ACCGCACTAG GAGGAAAGG GCTCTCTGTA ATGTTCTCT AGCTTTGCT CCAATATAC 3240  
 CTATCTGCT GGAATGAGC CTATTTGATA TGCTGTCTT TAAATAACT TGTATCAAT 3300  
 TTAATGAGC TATTTCTAC CTTTAAAAA AAAAAAAA AAAAAAAA AAAAAAAA 3360  
 AAAAAAAA AAAAAAAA

Name: 253

Len: 6823 Check: 1202

GGGGACAAA AGCCAGGCT GATCTCAGAA GGCAGTTCA AAGACGAGT CATCAGATG 60  
 TCATTCATCT GATCTCTCAG ATGCACATAT GATGCTATCT GAGCCTCAG ATAGTATAT 120  
 GCAASTGCG ACAGACCTA AGAGCCCAAG AAAACATAAT TATAGGAAT AAAGTGCCB 180  
 TGAAGCCTT TGTATTCTC CTCATCAGAA TCTCTCAAGA CTTCTTCTG AAAACAAAT 240  
 TAAAGCATTC AGTATTGAA AAATGAGTAC AGCTAAGCGA ACTTTAAGTA AAAAGGAAC 300  
 GGAAGAATTA AAGAAAAAG AGGATGAAAA GGCAGCTGCT GAGATTTATG AGGAGTTTCT 360



TCTGTTTTT	AAAGGAGGTG	ATGTAATATA	AGTGAAGAAG	TCTGTGAG	GGGGTGTGT	420
TAATGCACTT	AAAGAAGAAC	ATGAAACAGA	TGAAAAAAGA	GGTAAAAAT	ATAAGCCATC	420
TTCAAGATTT	GCAGATCAAA	AAAAATCTCC	AAATCACTCT	TTCAATGAAA	GACCAACAT	510
TCTTCTTGTG	ATAGAAACCA	AAAAATCTCC	ACTTAAAAAA	GGAGAGAAAG	AAAAGAAAAA	600
AAGCAATTTG	GAATCTTTCA	AAGAAGAAAT	AAAGCAAATT	CAAGAGGAAC	GTGATGAGAG	600
ACATAAAAAA	AAAGGCAGAT	TAAGTGGATT	TAAAGCTCCT	CAGTCAGATT	CTGATGGTCA	720
GGGTCTGTCT	ATGGACGGCG	CTTCAAGSAG	AAATAGATCA	TCTGTGTCT	TTGATGATTA	720
CGCAGCTGGC	TCAGATGATG	TAGGAGATCC	AAGCATCTCT	AATTTATACC	TTGGAACAT	840
TAATCTACAG	ATGAATTAAG	AAATGCTGTG	CAGAGAAATT	GGAGATTTT	GAACCTTAGC	840
CAGTGTGAAA	ATCATGTGGC	CTAGAACTGA	TGAAGAAAGA	GGCAGAGAGA	GAAATTCGCG	960
CTTTGTGGCC	TTTATGAATA	GAAGAGATGC	TGAAGAGAGC	TTAAAAAATT	TGAATGAAAAT	1080
AATGATTATG	TCTTTTGAAG	TGAAGTTAGG	TTGGGGTAAA	GCTGTACCTA	TTCTCTCAAT	1200
TCCAATATAC	ATTCCGCTTT	CTATGATGGA	ACATACGCTT	CCCCCAGCTC	CATCCGCACT	1320
GGCTTTTAAAT	CGCAGGCTTA	GAGAGCGGTT	AAAAAACCTT	AATGCTCTTA	TGTTACGGCT	1440
ACCTAAAAAC	AAAGAGGATT	TTGAGAAGAC	TCTGTGCAAA	GGCATAGTCA	AAGTGGTTAT	1560
CCCAACAGAA	AGGAATTTGC	TGCGCTGTAT	ACATCGAATG	ATAGAGTTTG	TTGTACGTGA	1680
AGGGCCCAATG	TTTGAAGCTA	TGATTATGAA	CAGAGAAATC	AACAATCTTA	TGTTCAAGTT	1800
CTTATTTTAA	AAACAGAGAC	CAGCCTCATG	TTACTATAGG	TGGAAGCTTT	ATTCTATTCT	1920
GCAGGGAGAT	TCTCCAACCTA	AATGGCGGAC	GGAGAGTTTT	CGTATGTTCA	AAAATGGATC	2040
TTTTTTGGAG	CCACCACCAT	TAAATCCGTA	CTTGCATGGA	ATGTCAGAG	AGCAAGAAAC	2160
AGAAGCTTTT	GTAGAGGAAC	CTAGTAAAAA	GGGAGCACTT	AAGGAAGAAC	AGAGGGGATA	2280
ATTGGAAGAA	ATCTTGGCGG	GATTAACCTC	AAGGAAAAAT	GATATTGGAG	ATGCAATGGT	2400
TTTCTGTCTT	AATAATGCTG	AAGCTGCTGA	AGAAATAGTG	GATTGCATTA	CTGAGTGGTT	2520
GTCCATCTTA	AAGACACCCC	TTCTTAAAAA	GATTGCCAGA	TTATATTTTG	TTTCTGATGT	2640
TTTGTACCAAC	TCTTCAGCCA	AAGTTGCTAA	TGCTTCATAT	TATAGAAAAT	TTTTTGAAC	2760
AAAGTTATGT	CAGATATTTT	CAGACCTCAA	TGCCACCTAT	CGTACAATTC	AAGGGCAATT	2880
ACAATCTGAA	AACTTTAAGC	AACGGGTAAT	GACTTGCTTC	AGAGCATGGG	AAGATTGGGT	3000
AATTTATCTA	GAACCATTTT	TGATCAAACT	ACAAAATATT	TTCTTAGCAC	TTGTAAATAT	3120
TATTGAAGAA	AAGGAAACAG	AGGATGTTCC	AGATGGAATT	GATGGTGGCC	CCATCGAAG	3240
AGAGCTTGTAT	GGTGCACCTC	TGGAAGATGT	AGATGGAATT	CCTATTGATG	CTACTCCCAT	3360
CGATGATCTT	GATGGAGTCC	CTATAAAAAA	TCTTGATGAT	GATCTTGATG	GAGTGCCTTT	3480
GGATGCAACT	GAAGACTCAA	AAAAGAATGA	GCCTATATTT	AAAGTTGCCC	CATCAAAATG	3600
GGAAAGCTGT	GATGAATCTG	AATTGGAAGC	ACAGGCTGTT	ACAACCTCTA	AATGGGAATT	3720
ATTTGACCAG	CATGAAGAAT	CAGAAGAAGA	AGAAAATCAA	AATCAAGAG	AAGAAAGTGA	3840
AGATGAAGAA	GATACTCAAA	GTTCCAAATC	TGAAGAACAT	CATTTGTACT	CTAATCCAAT	3960
CAAAGAAGAA	ATGACTGAGT	CTAAGTTCTC	TAAGTACTCT	GAAATGAGTG	AGGAAAAACG	4080
AGCCAAACTT	CSTGAAATTG	AGCTCAAAGT	TATGAAGTTT	CAGGATGAAT	TGGAATCTGG	4200
GAAAAGACCT	AAAAAACCCAG	GCCAGAGTTT	TCAGGAGCAA	GTAGAACAAT	ACAGAGATAA	4320
ACTTCTTCAA	CGAGAGAAAG	AGAAAGAGTT	AGAAAGAGAA	CGAGAAAGAG	ACAAGAAAG	4440
TAAAGAAAAA	TTGGAATCTC	GCTCCAAAGA	CAAGAAGGAA	AAAGATGAGT	GTACTCCGAC	4560
AAAGAAAGAA	AGGAAGAGGC	GACACAGTAC	ATCCCCCAGC	CCATCTCGCA	GTAGCACTGG	4680
TAGACGAGTG	AAATCCCCAT	CACCAAAATC	GGAGCGATCA	GAGCGTTTCA	AAAGATCTCA	4800
TAAAGAGAGC	TCACGGTCCA	GGTCATCTCA	CAAAGATTCT	CCTAGAGATG	TTAGCAAAAG	4920
AGCCAAAAA	TCACCATCTG	GTTCAAGGAC	ACCTAAAAGG	TCTAGGCGAT	CACGGTCTAG	5040
ATCTCTTAAA	AAATCAGGAA	AGAAGTCCAG	ATCCCACTCC	AGATCTCCAC	ACAGGTCTCA	5160
TAAAAAGTCA	AAGAAAAACA	AACACTGACG	TAAATTTTTA	AGATGCTGTC	ACTTATTGGA	5280
AATGCGATTG	GTTTTGTGCC	TGAACGGTCT	GTTTTTTTAA	AAAACAAAAA	ATCAAAATGA	5400
AGAGCAATTC	TGGGGTTTTT	TGTTTGTGTT	TGTATGCATG	TGTAACCTCA	TGAGCAACTG	5520
CATCTGTAGA	TCTGTCAATTG	TTTTATATTG	TGTAAATTAC	TTTCATTGTG	GCTATTTTTC	5640
AAGATCAAAAT	TTTTTATTGT	CTAATGGGAT	TCATCAGAAA	TGTGTATAAT	GGATCTGCT	5760
ACAGTAGTAG	TATTTTGTGTT	TAGGATGTTG	TGACTTAGCA	AAAATAATAC	AGATGTCTTC	5880
CCCCCTTTTG	TAGCTTTGAC	AAATTTGAAT	AGATTTCAAA	TAAATCTGA	ACAGAAACT	6000
ATAATGTTGT	TTTTTTGGCC	CAGTGGTGAT	ATTAAGTCCG	TTAAAGTCTT	ACTGAGTTTC	6120
ACACTACTGT	TGTGTTCTTT	ATACTGATG	CACCTTATAA	GGCCCACTGT	TCAAGTAGCT	6240
TAAAGTTTTAT	ATTACTAAG	ATGACTATCC	AAATTAAGGG	ACCTGAGACT	CCTATTTGGT	6360
GGTTTGTCTAA	CAATTTGCTT	TTGATAAGTT	TCTCTTGGGT	AATACTAATA	CCCAGATATC	6480
AAAGACTAGG	TAGATATGGC	ATGGCGTTTT	GTTAGTGGAA	TGCTGGGCTA	AAACATTTT	6600
TTACACAGAG	CAATATGATT	TCCATACATC	CAACCCATGT	TCTGAGCAAC	TACTTACTTT	6720
TAGGGGGGAAA	TTAAATATCT	TTTCATTTCC	TCTTCTATTA	TGAAAGAAGT	TTATTTGTA	6840
AACAAATTTT	CTAACAAGGT	TTGGCCATAG	AATTCTCTTG	TATGATTGTT	SACCTTTTAT	6960
AATCTTCTGT	AGGCTATCTT	TCAAAACACTG	GCATCAGAAT	ATTTTTTATA	AGTTTTGT	7080
TAAACAGCTT	AGTTGGTCCC	CCCCCCCCACT	CCCAAGAGAC	TTGGGTTTAG	TTATAGCTTT	7200
AAGTAAAAAT	TAAAAATAAA	ATGTTTTTCA	GGAAACTTCG	TATCTAATGG	TTTGTAATTT	7320

CAGGTTGAAA AAAATTTGATT TAAACCATTT GAGAGASTTGA ACTGTATTAT AAAATAAATN110  
 TTGCTACGCT ATGAGGAAGA AATAAACTT GTGTAATGTT GGTGATAATA GGTCTATATA4380  
 TATATAAAG GGTATATAG AATTGAATG ACACATATTAT TTGTGAATCT TATTATAGT4380  
 TTTTATATGA GGCATTTAT ATACTGTTT GATGGGTTTT TTTTTTCTC CTATAAAAG4380  
 AAAGTAGAAA ACTATTCTAA CAATGGATTA TTTTGATTTA GCTTGCTTTT TAAAAAATC4440  
 TTTTCAACTT GTTTTACITA ATCTTGCCTA GTCAAAAAT AAGATGTGCA GGCATGCTTT4500  
 GGAAGTTTCC TATATTAGCT GAGCAGTGAG ATACACTATT TCCAAACGGT GCACAGCTAG4560  
 AGTAGCTTTG GAAATGAGCT AATCACTGTT TTACTTAATG GTCTTTATCA GCATGCTAAT4620  
 ATTCTTTGAA AGTTATTTCC TTATTCAGTG TTTTCTTAGT CCAATTTGTT AGGAAACAT4680  
 AATTCTTAAA AATTTCTTCA GAATAATTAA AAGTGAACAT TTGCTGCTTA TACTCAAAAAT4740  
 CCTACAAATG TAGCCATTTA AAAAGTAACA TGTTTTCTC CCCTGCTCAT TCTCTGGGAG4800  
 AATGAACTT TATATACTA CTTTCTTTG CAAAAATAAC GGTCTGCTG AGTTGGTGGT4860  
 GATTTTGGCA TTCTATCTTG CACTGTTTTT TAGTATAGGC ITAGAAATTA TTGGTCAAGT4920  
 AATAATCTTT CCACTCAAGT TGCAAGGGAT GCTTATTTCT CTTCAAAAAA AGACATCTG4980  
 CGGGATTGAG TAGAAAAATT TAGGTCAAGT TTGGGTGCTT ATTTGTAATA TTTTCTTAC5040  
 TACATTGGAG TTTAGCAGTT CTTTTTTTTT GGATCCAGAT ACAAGTGTJA TGGTTTATCT5100  
 TACAGTGGGT GAAACTGACT TTCTTTTGGT TGGGTGGGTG AGGATTTCTT AGGCCTGATA5160  
 GAATATATAT TCTGTGAAGT TTGTTAATGT ACATATTAGA TTGTATTGGA TTTTCTTCT5220  
 TTGAATTGCA AATGGTATTA TTAGATAGGT TATTTCCAGT TTTACTTCAT GACAAATAC5280  
 CTAGAGTAAA CCTACTTAAT ACTCCAATGG ATTCTATGAA AGTTTAATGG GATCAGAAAT5340  
 TGCTGACTTA TAAGGGGGAA GATATTCTAC CATATTTTAA TAATAGCTTA TTATTCACT5400  
 TTTTGTCTG AAGGACACTC AAGTTACAGA GCAAAATTTT TATAGGTTGA CTAGAATGTT5460  
 CATAAGCATG GTCTTCCAGT TGCAGGAAAG ATCATGTTCT ATCTGTGGAC ACTTACTGTC5520  
 CTCTAGCACA GCTAGCTGCC AGAGTTGTTT TCCACAGTTC TTATAAAAG CATGACTTAG5580  
 GCTCTTTAGC CTCCAACITA ATGTTTATAC ACAGGGATTG TTTACTAAT TAATGACATT5640  
 TAACTGCTCT CTCTTCTGTA GGAGAGAGAA AATAAGTAAG TCTTGATCTG TTTCTTAGCA5700  
 AAGAGAGACA GACCTATGAT GGAATATGAT CACGTCTCTG AATTTTCTCT TTAACGTTAT5760  
 AATCTCTTAT TACAGATAGT AAGCATATGG GAATTTCTGA GCTATAAAT GTTGAGAAGT5820  
 TAGAAATTA AACTAACACA ACRAAAGGCG CTGAATCAAA AGATCTTTCT TTTATTTGG5880  
 CTCAGAATGT TTTTGGCTTT TCTGTCTAAG ATGGCAGAAA TTACTCTACA CAGACCTGAT5940  
 TTTTCTTTAT TGCAGACCAT TCTTGTGGGC TTACCTTGAG ACTTTTATTC CAATTAGTGA6000  
 ATCTTGGAGG GAATACTTGC TTATTTATGA CTTAGGTATT TCCCCCCAAA CTTTAATATT6060  
 CTTGAGCACT TGAAAATACT TTTGAGAAAT TTTAACTGTG ATTAATTTA GGTTTATTAG6120  
 AAATATTCTG TACACATTG CCTCCATGGT GGTGTAAGTT CTGAAAAAT ATATGACCGT6180  
 GACAATASTT TATCATCATC ATTATTGTTA TTCAAAATTA GGGTAAATTA ATCTCTGTAT6240  
 TGCCAAAGTG ACTTAACTG TTCTGATGAC CACACAGTGT GATTTCTTTA GCAGAGAAAG6300  
 TTGGTTTTAA AAATAAATAG TACCCTTTT CTAAGACTGT ACAGTTTACA AATAAGGTTT6360  
 TTTTCTTTGT GTTTTTCTC TTCTATTAAG TTTTAGTGAA AAGCCTAAT ACAGAAAAT6420  
 GTGCAGATAC TAGTGAAGAT ACTAGTATAA GTTTAAAGGA ACATGTGACT GTAAAATCTC6480  
 ACATTTACAA AGTGCTTGAT CTCCTCATAT TTTTAAAGGA TTTTAAAGGA TAGATTTTAG6540  
 GAGGTGTTTA ATTCAATTAT CTTTTGACTT AAAATTTTTG TTACCAACTT CCTAGGACTT6600  
 AGATAATATA TAAATAAGTA CAATCCCGG GGAAGTGTG GTGATGCTAG ACTAAAAGGT6660  
 GGGAAATGTC TGCTGTTCGG TGAGCTTTGT TCCATTGTTG AAAATTTGAT GGTTCAGTGT6720  
 TTATTCAGTA CCACTTCATG GAGCTTCAAT GTAAATGGAT TATATGTATA ATTGGTAATT6780  
 TGTATAGTTT TGTAGATTGT ASATTAAATG CACTCATCAT GTC 6823

Name: 254

Len: 6252 Check: EDD

GCGGGGGGCA ATGGCACTGC AGCTCTGGGC CTTGACCTTG CTGGGCTGAG 60  
 TCCCAAGCTG AGGCCCCGCA AGCTGGACTT CTTCCGCAGG GAGAAAGABO TSAACCACT 120  
 GGTCTGAGAT GAGGCTCAG GGTGGTGTG CTTGGGGGGG GTGAATGCTT TCTACCACT 180  
 GATGCGAAG CTGAGCTGG AGCAGCAGGT GGCACAGGGC TCGGCCCTTG ACAAAGAA 240  
 CTAGCTGCTG CTCTGAGG CTGAGCACTG CCAATGAGCT GAGATGACTG ACAATGT 300  
 GAGCTGCTG CTCTGAGG CTGAGCACTG CCAATGAGCT GAGATGACTG ACAATGT 360  
 GAGCTGCTG CTCTGAGG CTGAGCACTG CCAATGAGCT GAGATGACTG ACAATGT 420  
 GAGCTGCTG CTCTGAGG CTGAGCACTG CCAATGAGCT GAGATGACTG ACAATGT 480  
 GAGCTGCTG CTCTGAGG CTGAGCACTG CCAATGAGCT GAGATGACTG ACAATGT 540  
 GAGCTGCTG CTCTGAGG CTGAGCACTG CCAATGAGCT GAGATGACTG ACAATGT 600  
 GAGCTGCTG CTCTGAGG CTGAGCACTG CCAATGAGCT GAGATGACTG ACAATGT 660  
 GAGCTGCTG CTCTGAGG CTGAGCACTG CCAATGAGCT GAGATGACTG ACAATGT 720  
 GAGCTGCTG CTCTGAGG CTGAGCACTG CCAATGAGCT GAGATGACTG ACAATGT 780  
 GAGCTGCTG CTCTGAGG CTGAGCACTG CCAATGAGCT GAGATGACTG ACAATGT 840  
 GAGCTGCTG CTCTGAGG CTGAGCACTG CCAATGAGCT GAGATGACTG ACAATGT 900  
 GAGCTGCTG CTCTGAGG CTGAGCACTG CCAATGAGCT GAGATGACTG ACAATGT 960  
 GAGCTGCTG CTCTGAGG CTGAGCACTG CCAATGAGCT GAGATGACTG ACAATGT 1020

C TGAATATC TTCTACAAAGC CTTTCCACGG CGATATCCAG TACGCGAAGC AGC GCGGGG1089  
CTTCAGCAAG AGCTTCCCAT GTGGCTT33A GCACCTGCDC TATCTGCT33 GCA GCGGGA1140  
CGAGTCAJA GGCACAGTCC TGTTGCAAGG TGGAGGCGCTE AATTTACGG CCGT3AGCGT1200  
CCTCAGGAG AATCAACACA CTCTTGTCTT TCTGGGCAAC TCTATG33C GGAAGCTCAA1240  
GCTGTACCTC AATCCAGATG GCACCTCTCT AGAGTAAGAC TCTATCTCT TTSAGATAAA1300  
CAAGAGATTC AAGCGGAGCC TGSTACTGTC TGGAGAGCTE GCTAGCTCT ACGCTATGAC1360  
CCAGCAAAAG GTGTTCCGGC TGCCGCTGCA GGAGT3CCTE AATATCTCA CCT3TACCA1400  
GTGCTGCTAG TCCAGGAGCC CTTACTGCGG CTGGT3CCTE GTTGAAGGAC GAT3TACCG1500  
GAAGTCTAG TCTCCGCGGG CTTAGGAGCC CAGCTACTG GAGT3T33C GAAGTAACT1560  
CTGCTGCTAG GTCAACAGCC CCGAGGCAAG GAACATGAGC CGGCGGCTC AGG3GAGGT1620  
GCAGCT3AAT GTCAAGCCCG TCCCTGCGCT GAGCGAGGAG CAT3AAT33 TGT3CCTTTT1680  
TGGG3AATTC CCGCCACACC CCGCCCGGCT GGAGGGCGAG CTT3T3ATTT GCAACTCCCG1740  
AAGCAATAT CCGCTCACAC CGCCAGGCCA GGACACCTG GCGT3AATC TCTAGCTCCT1800  
CCTTAGAGCA GCAACATCT TCCTCAGCTC CTACCAGTAC CCGTCTATC ACT3CCGCCA1860  
GGCCATGAGC CTGGAGGAGA ACGTGCCGTG CATCTCTCTC GTSAGCAAC COT3GACCTG1920  
CCAGTGG3AC CTGCGCTACC ACSAGTGCCG GGAGGCTTCG CCAACCGCT AGGACGGCAT1980  
CGTCTGT3CC CACATGGAGG ACAGCTGTCT CCAGTCTCTG GGAACAGCC CCGT3GTGAT2040  
CCTCAT3AAC CACGAGATAG ATCT3AATCT CAAGTTCATG GAGCGGT3A CCAATGAGGA2100  
TTCTCTCTCT CAGCTGGGCA GTGACTTGCT CAAGTTCATG GAGCGGT3A CCAATGAGGA2160  
ATCTGGGAGC TTGCGCTTTT GGACCCCAA GCTGTCCAC GATGCAACG AGAGCTGCT2220  
CCTGCACTCT TACGTCAAGT CTTACGGCAA GAATATCGAC AGGAGCTCT ATGT3ACCT2280  
CTACAACTGC TCTTTTGGCC GCAGCGACTG CAGCTGTGC CCGGCGGCTA ACCCCGACTA2340  
CAGGTGTGCG TGTGCGGGG GCCAGAGCAG GTGCGTGTAT GAGGCGCTGT GCAACACCAC2400  
CTCCGAGTGC CCGCCGCCCG TCATCAACAG GATCCAGCT GAGAGGGCC CCGTGGTGG2460  
GGGCATC3CC ATCAACATCC TGGGGTCCAA TTTGGGCGTC CAAGCAGG3G ACATCCAGAG2520  
CATCTCTCTG GCGGCGCGGA ACTGCTCTCT TCAGCCGGA GCGTTACTCG TGTCCACCGG2580  
GATCTGTCTG GTGATCGAGG CTGCGGAGAC GCGTTTCAAG GCGGCTGTCT AGGTGGAC3T2640  
CTTGGG3AAA CTGGGCGGTT CCGCTCCCAA TGTCCAGTTC ACGTTCCAA AGCCCAAGCC2700  
TCTCAGTGTG GAGCCGCTAG AGGGACCGCA GCGCGGCGGC ACCCACT3A CCAACAGCG2760  
CACCCACCTG GACACGGGCT CCGAGGAGGA CGTGCGGCTG ACCCTCAAC GCTCCCGTG2820  
TAAAGTGACG AAGTTTGGGG CCGAGCTCCA GTGTGTCACT GCGCCCGCAG CGACACGGG2880  
CCAGATGCTT CTGGAGGTCT CCTACGGGG GTCCCGCGTG CCGAAGCCCG GCATCTCTT2940  
CACCTACCGC GAAAACCCCG TACTGCGAGC CTTGAGCCG CTACGAAGCT TTGCGAGTGG3000  
TGGCGCGAGC ATCAACGTCA CCGGTCCAGG CTTGAGCCCT ATCCAGAGGT TTGCGATGGT3060  
GGTCATCGCG GAGCCCGTGC AGTCTGGCA GCGCGCGCG GAGGCTGAAT CCGTGCAGCC3120  
CATGACCGTG GTGGGTACAG ACTACGTGTT CCACAATGAC ACCAAGGTCT TCTTCTGTCT3180  
CCCGGCTGTG CCTGAGGAGC CAGAGGCCTA CAACCTCAG GTGCTGATCG AGATGGACGG3240  
GCACCGT3CC CTGCTCAGAA CAGAGGCGG GCGCTTCGAG TAC3TGCCTG ACCCCACCTT3300  
TGAGAACTTC ACAGGTGGCG TCAAGAAGCA GGTCAACAAG CTCATCCAG CCGGGGGCAC3360  
CAATCTGAAC AAGGCGATGA CGCTGCAGGA GCGCGAGGCC TTCGTGGGT CCGAGCGCTG3420  
CAACATGAAG AGCTTGACCG AGACCGACCT GTACTGTGAG CCGCGGAGG TGCAGCCCG3480  
GCCCAAGCGG CCGGAGAAAC GAGACACCC ACACAACCTG CCGAGTTCA TTGT3AAGTT3540  
CGCGCTGTCC GASTGGGTGC TGGGCGCGCT GAGTACGAC ACAGGGGTGA GCGAGCTGCC3600  
CTACTGTATC TGGAGGAAGA GCGAGCAGCC CGCATGGTG GTGCTCATCG CCGTGTCTGT3660  
CTTGGAGGCG CTGGAGGAGA GCGTGCGGGA CCGCTGCAAG AAGGAATTCA CAGACCTGAT3720  
CATCGAGATG GAGGAACAGA CCAACGACCT GCACGAGGCC GGCATCCCG TGCT3GACTA3840  
CAAGACCTAC ACCGACCGCG TCTTCTTCT TCCCTGAGCC GCGCGCGCG GT3GTGGAG AGGCGCTCTA3900  
GATCAGCGCC AAGCTG3ACA TCCCTGAGCC AATTCATCC ACAGCTCTGA AGGCGCTCTA3960  
CAAGTCTCTC AACTGCTGA ACAGCAAGTC TTTCTCTATC AATTCATCC ACAGCTCTGA AGGCGCTCTA3960  
CAAGCAGTCC GASTTCGCG CCGCGCGCAA GGTCTAATTC AGGCTTTTCT TGGAGCTCTT4140  
CTTGCACCGG AACTG3AST ACTACAGGA CATAT3CAC CCGAGTCTG AGCTGTGTGT4200  
AAGAGGATG GTGGTGGGCA CTGTCCAACT CGATGCTGAT CAGTACCTCA AGGACAGTGG4260  
CGCGAGCGC CTSTACAAGC TCTTCAAGGC CATCAAAAT CAGGT3GAAA AGGCGCGCT4320  
GATGCTGTA CAGAAGAAGG CCAAGTACAC TCTCAACGAC AC3GGGCTGC TGGGGGATGA4380  
TGTGAGATC GCAACCTT3A CGGTGAGCGT GATGCTGAG GAGGAGGGAG TGGAGCGCAT4440  
TCTGT3AAG GTCTTCAACT GTGACAGCAT CTCCAGCTC AAGGAGAGGA TCATTGACCA4500  
GCTGTACCGT G33CAGCGCT GCTCTGCTG GCGCAGGCGA CTGAGCTCAC AGCGGGAGGG4560  
CTCTCTGCGC TCTACAGCGC AGATCTCTG G3AATGAG CTGAGCTCAC AGCGGGAGGG4620  
CTCTT3AAG CTCTT3AAG CCGTATGCA CTACAACTG CCG3AT3GAG CCACCTCAT4680  
CCTGT3AAG GTGGG3TCT CCGAGCAGCC GAGGAGCAG CAGCAG3AAG TGCCTGGGGA4740  
GCGCATGCG CTCTT3AGG AGGAGAAAG GGTGTG3CAC CTG3TGC3GC CGACCGACGA4800



GTAAATGTGTA GTTGGGACTA GGGGAAATGT TAACTGTGGC TGTGAGAGA GAGAGAGATT2280  
TTCAAGGAAG ACATGTCTAG GTTTACCTCT GGAAGTCTGT TTTCAGTGGT TTTTAGCTT52340  
TGCGAATGGA TGATTAATCT ATACAGAAAC TTGGGTATAG GTTAAAGAAA ATGTGAATAAC400  
CGTTTTTTTTT CATTCCAGST TTGGTGCACC TCGATTTGGA GGAAGTAGGG CAGGGCCCTT2460  
ATCTGGAAG AASTTTGGAA ACCCTGGGGA GAAATTAGTT AAAAAGAAGT GGAATCTT3A2510  
TGAGCTGCCT AAATTGAGA AGAATTTTTA TCAAGAGCAC CCTGATTGG CTAGGCGCAC2540  
AGCATGAST AAATTGATGT GGCTTCATCA GCTGTAACT CGATGTGGA TTCTAGTAA2640  
TGAAATTTCTG ACAGSTGTTT TGCAAAATAAC TCAATTTTGG TAGAGTTACA TGTCTGACT2700  
TCATAATTCG GAAAGSTGTT ACTCACTTTT GSAATATAGG TGGCTTTGGG ATTTTACTT2740  
AAATTAGGTT GAGTATAACA AGAAATTTTT TTTTCATAAT AGGGTGTICA TAGGTGGGT2820  
AGATTAAAAA GAAGGCTACT TTAAGTAGTT ACTAAATTAT GAASTTAGGG GCTTATCAAT2840  
TACCTATTTA CGTAGGGTGG TGTGATGAAT TTAGACTGTA TATTGTTTTC ASCAAGAGGT2940  
GGAATCATAA AGAAGAAGCA AGGAAATTAC AGTTAGAGGT CACAAGTGG CGAAGCCAT3000  
TCTAATTTTT TCCACCTACC CCTCTTTTTT CTGGCATCA CTAATTTTTA CTAATATCT3120  
GTTACTAATT ATAGCAAATG TCATGGATGT TATTGCAAGA TTGGATATGG TTGGAGTGGC3240  
TGCTATTCAA GCTCAGGGAT GGCCAGTTGC TCTAAGTGGG GAACTCTTGA GTTGATCTGA3300  
ACAGACTGGA TCTGGGAAAA CATTGTCTGT TTTTCATAAT AGGTGTGTTA TTTCTGTTT3360  
TATATGCAAG AAAATGTAAT GGTAAATTTAA AAACGAGTAT TTTAATGTGA TTTCTGTTT3360  
TCCCCACTTT CACCTAAAT AGTATTTGCT TCCTGCCATT GTCCACATCA ATCATCAGCC3420  
ATTCTAGAG AGAGGCGATG GGCTATTGT AAGTATATAT TTTACTTTTA TTAGAAGCAT3480  
AATGTGTAGA TTTTAGACTA CATAGCTAAA GATGTAATCA TTTGTGGTAT TTTATATAG3540  
AGGTAGCTC ATCCTATTCA GCTGGAGCTG TTTTGGGTAT TGGACAACAC ATGAAGAAAG3600  
GATCTGCTAG TATAATAAGT TAGCAGTTTA AAAGTAGTAC CAGGTTTGTG CTGAAAGCTG3660  
TTCTCTTTT CTTAGTGTG TGGTGTGGG ACCAAGTGGG GAACTGGCC AACAGGTGCA3720  
GCAAGTAGCT CTGAATATT GTAGAGCATG TGGCTTGAAG TCTACTTGA TCTACGGT3800  
TGCTCTAAG GAGCCACAAA TACGTGATTT GAGAGAGGT ATGTAATGA AAGGGTTTT3840  
TTGTCTATTG GTCTAAATA TCCTAGGTAT TGTAATTACA CTTACGTATT TAATTAAGG3900  
TGTGGAATG TGTATTGCAA CACCTGGAAG ACTGATTGAC TTTTLAGAGT GTGGAAAAAC3960  
CAATCTGAGA AGAACAACCT ACCTTGCTCT TGATGAAGCA GATAGAATGC TTGATATGGG4020  
CTTTGAACCC CAAATPAGGA AGATTGTGGA TCAATAAGA GTAAGTGTCC TTTGAAATAT4080  
GTGATCAAA TGAATTGTGT TTCCTCTTA AGAGTCTGAT ACTAATTTTT CCCCCAAAA4140  
TCCATTAGCC TGATAGGCAA ACTCTAATGT GGAGTGGCAG TTGGCCAAAA GAAGTAAGAC4200  
AGCTTGCTGA AGATTTCTG AAAGACTATA ATGTGTGTC TGACGTAGAA AAGGATGAAA4320  
GTGCAAAACA CAACATTCT CAGATTGTGG TTCCTAACAA CTTTGTCTGA AAATTGAGGA4380  
AGTAAGTTTT ATTAAGTCTG TTATATTTC TTCTAACAA CTTTGTCTGA AAATTGAGGA4380  
TCATTGTTG GTGATTTGTT TTAGGTATT TCAGTTGGTG TGATTTCAAT TAGTTAGCT4440  
ACTAATCTG AAAATTTCTT GAATCTTCAA ATAATGGCCG TCACCATTTA TAGCTTTCCA4500  
TATGAAGAA TGAATTCATG TCTCCCTGGT TGACTTAAG ACCAAGGGTC GAACTGCTCG4560  
ATAAGTGGAT TAGCAGGGCT CTTCCTCTCT TTTGACCTTT CCAGCCATGT AAATTGAAGT4620  
TAATGTTTTG CTGACCATAA ATGTGTGGCC CTGCAATGG TCTTTTAAAA CTCAGGATTT4680  
TCTTTCTCT CTCTATTAT TAGACTTAT CGTCTAATGG AAGAGATCAT GAGTGAGAAG4740  
GAGAATAAAA CCAATTTTCT TGTGGAAGAC CTTGGAAGCA GTGATGAGCT TACCAGAAAA4800  
ATGAGGAGAG ATGGGTATGT GTGAGCTCT CTTGAAGCA GATTGATTAA AACAGCTTAG4860  
GAAGGGCAAA CTTGGATCAC GAGCAGTGA TTTTTCAT ATCTGATAG GAATTTAACT4920  
TTTTCAATTC TGGGAAAT AAAGAGATCT GTGACCAAAA GTGGTCAAGC ACTGGAGTCT4980  
GAGGTTTTCA ATGTGAGTTT AATAACACAA CTTGTCTTTT AACTTAGGTG GCTGCCAT35040  
GCTATCCATG GTGAAAGAG TCAACAAGAG CGTGACTGGG TTCTAAATGG TAAATATTT35100  
AAATGAAGTA TTTTCCCCC TTAATTAACC TAGCTAGAT TCAACATGG AAAAGCTCT35160  
ATTCTGATG CTACAGATGT GGCTCCAGA GGGCTAGGT ATACAAACT CGCATTCAT35220  
GCTTGGTTT CTAGAAGATG TCAATTTAA TTTTAAAG AAAATTTAT GTTTCTTTA35280  
ACTGCAAT TTTTAAAT TTTTTCADA TAAAGGTCT GTCTTTGTG TAAGGCTA35340  
GCATGCAAT CCGAAGACT GAGGGGATG GAGGACTAG GATCGCTGG GATCGCTGG CTGCTTCA35400  
TGGATTAGAG AGGTAAAAA CTGAACGTGT GCCAGTAAT TTCAAAAGG AGAACATAT35460  
ACCTGTGCC CTAAACTGT TCTCTCCGAG GGAATAATG GAAGTTATCT CACAGTTTCA35520  
TGGCTGGTA TTTCTCTGT CCGATGTTTT GCATGACTGC CATGGTACAG CTTGTTTCA35580  
AACTGTTTAC TGTGATCTGT GGTCTTTGA GTTTCAGTGA GTTTGCTGAA ATGTGAAAG35640  
AGTAGTTCCA AACTTAATG TTTCAATGAAA TTTTGTTC AAGTTGAAAT GAGAGAGT35700  
GTTTTAAAAA GTACTAAGCC TTTTACAAAT TGSTGAGTTA CTGGCACATG AGATCTAGA35760  
CAGGAGCAAC TTCTACACAC TATGAGTAAG TGSGAAAAA AAGTCTTTG AAAGTCTCT35820  
CCTCAGCTAT ACAGTAGTGT TCATGTGAG ACCTGCCAGA GAGAGACACA TTCTCAAGT35880  
AATCCTGGCT TTTTGAAGT GCTTGCCTAG ACGAGACACA GTGCATAAAA ACAACTTTT35940  
GGGGACAGGT ATTTTTCTT GCAGCTGGG TTGTAAGGTC TTGGCAAGAC AAGCAGTGT36000

GCCTAAATTTT TGAATCTCTG ATGAATGTGT AATGCAAAAGG ACCTTCTACA TTTTTTTTCTT6180  
TCAAGGTCTT TAAATGAGG ACATGAAGAG GTTGCTGTGA AACTTTAAAT GGCTTACTG6181  
CCGAGAAATA TTCAATGAGG ACATGAAGAG GTTGCTGTGA AACTTTAAAT GGCTTACTG6182  
GCTTATTGAA CAGATATGAG TTTTGGACAGG GTTCTGCTCT GGGGTGGGGG TGATGAATTA6240  
TACAGATGAG ATGTGCTTTT TTTTTCTTTT TTCAACCTCA ATGGTATTCT TACAGGAAAT6300  
GGATAACCAT TTTAATGTGA TTTTTTTGCA GCCCTACCT TCTTGGGAAT ACAATTGTCT6360  
AACTTCTTAT TTTTGTCTG GTTGTTGTGG TGTGCAAAAC TCCGTACAT GCTATTTTGT6420  
CACACTGCAA CAGCTTACAG ATGTGGAAGA TGTGAAATTT GTCATCAAT ATGACTACCT6480  
TAACTTCTTA GAGGATTATA TTCAATGAA TGTGAAATTT GTCATCAAT ATGACTACCT6480  
CACAGATGAG AACTTTCTTA CAGCTAATAA TGTGAAATTT GTCATCAAT ATGACTACCT6480  
GCTTCTGTA GCTAATCAAG CAATTAATCT CAGCTTGTCT CAGTTGGTCT AAGACAGAG6660  
TTCAATGAG GATGACTGAT AGGAAATGTT GGTATTTAGG GTTCTACCT ATACAAATCT6720  
ATTTAATGAG TATTGGAGGG TSAGTAAAC CTTGAAGTGA AACTTTAAGC TGAAAAATT6780  
TAAAAACAT TTACGCTCTAC CATGAATAGA TCTGTTTCTT CTGTCCACAA TGATTTGT6840  
CATAGACATA ATTGATCAAT TTGCAATTGT TTTCTTGACA GGTCTTCCA GGGGTAGAG6900  
AGGCATGAG GATGACCTGT GGGACAGATA CTCTGCGGGC AAAAGGGGTG GATTTAATAC6960  
CTTTAGAGAG AGGAAAAATT ATGACAGAGG TTACTCTAGC CTGCTTAAAA GAGATTTT6020  
GGCAAAATCT CAGATGAGG TTTACAGTGC TGTAAATTAC ACCATGCTGA GCTTTGGAAG7080  
TAATTTCTG TCTGCTGGTA TACAGACCGC TTTAGGACT GGTAATCCAA CAGGAGCTTA7140  
CCAGAAATGG TATGATAGCA CTCAGCAATA CGGAAGTAAT GTTCCAAATA TGCACAATGG7200  
TATGAACCAA CAGGCATATG CATATCCTGC TACTGCAGCT GCACCTATGA TTGGTTATCC7260  
AATGCTAACA GATATTCTCC AATAAGACTT TAGAAGTATA TGTAATGTCT TGTTTTCT7320  
AATGCTCTCT TATATTGTGT GTTATCTGAC AAGATAGTTA TTTAAGAAAC ATGGGAATT7380  
CAGAAATGAG TSCAGTGAG CAGTAATTAT GGTGCACTTT TCTGCTATTT AAGTTGGATA7440  
TTTCTCTACA TTCTGAAAC AATTTTTAGG TTTTTTTTGT ACTAGAAAT GCAGGCTAGT7500  
TTTTCTCAAA AGTAAATGTA CAGTGAATTG AATGAAGGCA ATGCATGGCT7560  
TTCAATGAG AATATTGTA AGCTGAATT AGTGAAGT TGTACTTTAT TTATATAAT7620  
TCATGTAAG CTTTGTCTAA GATGGTCTGG TTTTTTTTTT GTTTTGTCTT GGTTTTTTTT7680  
TTCCATGAG ACAAATGACT GTTCTTTTTT ATTTAATTG GGAGGCGAGG GGAATCAGAA7740  
GGCCTTCTT TATAATGAGC TATTCATATT GCAGGAGTCA GAATGAATTG ATACAGGTGA7800  
ATTTTGTGTT ACAGGCTAAA TTGCATAAAA GCTT 7834

Name: 256 Len: 903 Check: 215E  
CGGCGGGGGG GACAGGACCG AGGGGCCCTTA GTTGGTGGGC AAGTCGGGGA TCCCAGAAAG 60  
AGAAGCGTGA CCGGGAAGCG GAAACGGGTG TCGTCCAG CTCCGGCTG CAGTGAGCT120  
TCTACCATCA TGGACCTATT GTTCGGGCGC CGGAAGACGC CAGAGGAGCT ACTGCGGCAG180  
AACCAGAGGG CCTGAACCG TGCCATGCGG GAGCTGGACC GCGAGCGACA GAACTAGAG140  
ACCCAGGAGA AGAAAAATCAT TGCAGACATT AAGAAGATGG CCAAGCAAGG CCAGATGGAT200  
GCTGTTGCGA TCAATGGCAA AGACTTGGTG CGCACCCTGG GTTATGTGG CAAGTTGTAG260  
TTGATGCGGG CCAACATGCA GGCTGTGTCC CTCAAGATCC AGACACTCAA GTCCAACAC220  
TCGATGCGAC AAGCCATGAA GGGTGTCAAC AAGGCCATGG GCACCATGAA CAGACAGCTG380  
AAGTTGCCCC AGATCCAGAA GATCATGATG GAGTTTGAGC GGCAGGCAGA GATCATGGAT340  
ATGAAGGAGG AGATGATGAA TGATGCGATT GATGATGCCA TGGGTGATGA GGAAGATGAA300  
GAGGAGAGTG ATGCTGTGGT GTCCAGGTT CTGATGAGC TGGGACTTAG CCTAACAGAT460  
GAGCTGTGCA AACTCCCTCT AATGGGGGGC TCGCTTAGTG TGCTGTCTGG TGGGAAAAAA720  
GCAGAGGCGG CAGCTCAGC CCTAGCTGAT GGTGATGAGC AACTGAGGGA ACGGCTTAAG780  
AACTGCGGGA GGGACTGAGT GCGCTGCGCA CTGAGAGATA ACCAGTGGAT GCGCAGATC840  
TTTTACATA ACGCTCTGT AATAAAGAG ATTTGACACT AAAAAAAA AAAAAAAA800  
AAA 803

Name: 157 Len: 1340 Check: DF4  
CGTGAACGGT CGTTGAGAG ATTGGGGGGG GTTGAGACGC CGCCTGCTG GCACCTAGGA 60  
GCTCAGCGGA GCGCGGACAG CGCCGCGGCG GCTATGAGT CCGAGAGCGA ACCCGAGCGT 120  
GTCACTCTTC TGTGAGAGAG CCGCAAGGAG GCGCAGCGG AATTGGAAGT GAGTGGCGAT 180  
CGGCGCTGGA GTTGGGGCCA CCTCAAGGCG CAGCTGAGC GGTCTACCC CGAGGCTCC 240  
CGTCTAGAGG ACCAGAGGTT AATTTATTCT GCGAAGCTGT TGTGATCA CCAATGTCT 300  
AGGGACTTGC TTCAAAGCA GGAAGAAAGG CATGTTTTC ATCTGGTGT CAATGTGAAG 360  
AGTCTCTCAA AATGCGCAGA AATCAATGCG AAGTGTGCTG AATCCACAGA GGAGCTGCT 420  
GCTTCTAATC GGGGACAGTA TCTGAGGAT TCTCAAGTG ATGGTTTAA GCAAGGGGAA 480  
GTTTCTGGA AACTTTCTTC CCGTGGATGG GAAAAATCT CAGGCTGGA AGCTGCCAG 540  
CAGGCATTC AAGGCTGGG TCTGCTTTC CTGCTTACA CAGCTATG GTGGCTTCAG 600  
GTTTCTGCT TCCAGCAGAT ATATGACAGA CAGTACTACA TGCAATATTT AGCAGGCTAG 660  
GCTGATGAG GGGCTTTTGT TCAACAGCA AATGACAGG ASATACCTGT GGTCTCTGCA 720  
CCTGCTGAG CCGCTATTCA CAACAGTTT CAGAGTGAAG ACCAGCTG CCAATCAGAA 780  
GCTGCTCTC AAGTGGTTGT TAATCCTGGA GCAATCAAA ATTTGCGGAT GAATGCACAA 840



TTTGGTCTTA 128TGGGAAGA AGATGATGAA ATAAATCGAG ATTGGTTTBA TTGGACCTAT 900  
TCAGCAGCTA TATTTCCTGT TTTTCTCAGT ATCCTCTACT TCTACTCTTC CTGAGCAGA 960  
TTCTTCATGG TCATGGGGGC CACCGTTGTT ATGTACCTGC ATCAGCTTGG GTGGTTTCCAL1020  
TTTAGACCGA GGGGGTTTCA GAACTTCCCA AATGATGGTC CTCTCTCTGA CTTTGTAAAT1130  
CAGGACCTCA ACAATAACTT ACAGGAAGGC ACTGATCCTG AAATCGAAGA CCGTAACCA1140  
CTCCTCTCAG ACAGGGATGT ACTAGATGGC GAGCAGACCA GCGCCTCCTT TATGAGCACA1200  
GCATGGCTTG TCTTCAAGAC TTTCTTTGCC TCTCTTCTTC CAGAGGGCCD CCGAGCCATC1250  
GCAAGCTGAT GCTTTTGTG CTGTAGCTGT TGGAGGCTTT GACAGGAAATG SACTGATCA1320  
CTGTACTCCA CTATGATTGG CTCTCCTCGA CATGGCAATG ATGAGITTTT AAAAACAAT1330  
GTGGATCATG ATATGCTTTT GTGAGCAAGC AAAAGCAGAA ACGTGAAGCC GTGATACAAA1440  
TTGGTGAACA AAAAATGCCC AAGGCTTCTC ATGTGTTTAT TCTGAAGAGC TTGAATATAT1500  
ACTCTACTTA GTTTAATAAG CACTGTACGT AGAAGGCCCT AGGTGTTGCA TGTATATGCT1560  
TGAGGACCTT TCCAAATAGT GTGTGTCTGC ATGTGTGTTT GTACATAGAA GTCATAGATG1620  
CAGAAGTGGT TCTGTGGTA AGATTTGATT CCTGTTGGAA TGTTTTAAAT ACATAAGTG1680  
TACTACTTTA TATAATCAAT GAAATTGCTA GACATGTTTT AGCAGGACTT TTCTAGGAAA1740  
GACTTATGTA TAATTGCTTT TTAATAAGCA GTGCTTTACT TTAAACTAAG GGGAACTTTG1800  
CGGAGGTGAA AACCTTTGCT GGGTTTTCTG TTCAATAAAG TTTTACTATG AATGACCTG1860

Name: 253

Len: 5350 Check: 193C

TTTATTGAAC AITTATTCTG TTCAAAACAT TCCCAAAGGC AACAGAGAT ACRAATAAAT 60  
CTCTGCCCAT GAAAAGGTGT GGGGGGCATT AGAAGGCGTT CTCTTGGGTG TAATGAAGTA 120  
ATGAGAGAAG AAAAAGTAGT TTGAAGCTAT GGAGTAAGGG ACTTTGAGTA TCCCAGGCTC 130  
AAAAAGTTGG SACTTGAACA GTACGGGGGT GCTGCTGAAA ACGTTTGAGG GAGGTAATGA 240  
CATGATCGAA GCTATACTTG AGAAAGGTGA ATCTGATAAA GTATGAGTGA AAAAGAGACT 300  
GAAAGTCTAG AAATTAGATT GAGGCTAATG ACAAATCCA CATAAATAGG AGGACTTGAA 360  
CGAAGGGGCA CTTAGAAGAG GACAGGAGAT AGTAAAAGGC ATTCAATGAT GAGAGCACAC 420  
ACTACAGGGG AGCATGAGGG AEGTTGGAAA AGATAATGAA AGSATTACCG AGCTTCACTG 480  
ADGATGTGTT TGAATGAGC AGGAATCTTG TAGTGATCT AATCCGTGGT TTTCTGGAGC 540  
ATTTCAAGC CTAGGAACAT ACAAGGGGGG CATCTCCCTG GAATGTAAAT TGACTAAGAG 600  
GAATCAATA ATGGTCAAT ACTCTTTTTT TCTTACTGCT GACACTAGAT GGAAAAACT 720  
ATTTCTTTA GTCTACTCAT ACTCTTTTTT GTTTTCAGTC ATTCGGTTTC CACTCCAGCC 780  
TTAATTAAAA GTATTTTACA AAATGTGCTC TCTTACTGCT TCTCTTAGTA TTCTCACCAC 840  
TGTTGTSTTG TTTTTTTGAA ATAATAATTT AAAGTAATTT TCCTTTTGCA GGATGGCATA 900  
GTCAATCCAA CAATAAGAAA AGATTTGAAA ACTGGACCGA AATTCCTACT CTGTCCAATT 960  
GAAGGCTGCC CCAGAGGGCC TGAGAGACCG TTTTCTCAGT TTTCTCTCGT AAAACAGCAC 960  
TTTATGAAAA TGATGCTGA GAAGAAGCAC AAATGTAGTA AGTGCAGCAA TTGCTACGGT1020  
ACAGAATGGG ACGTGAAGG ACATGCAGAG GACTGTGGCA AGACCTCCG GTGCACATGC1080  
GGCTGTCCCT ACGCCAGTAG AACAGCACTG CAGTCTCACA TCTACCGAAC TGGGCACGAG1140  
ATACCTGCAG ACGACAGGGA CCCACCTAGT AAGAAAAGGA AAATGGAAAA CTGTGCACAA1200  
AACCAAGAGT TATCCAACAA GACCATTGAA TCATTGAACA ACCAACCAAT CCGTAGACCA1260  
GACACTCAAG AACTAGAAGC TTCAGAAATA AAGCTAGAAC CATCTTTTGA AGACTCTTGT1320  
GGCTCTAACA CTGACAAGCA GACTCTTACA ACACCACCGA GATATCCTCA GAAGTTGCTT1380  
TTACCAAGG CCAAGTGGC TTTGGTTAAA CTACCCGTGA TGCAGTTTTT TGTCTATGCT1440  
GTCTTTTGTG CTACAGCTGA CTCCTCAGCC CAGCCTGTGG TGTTAGGTGT TSATCAGGGC1500  
TCTGCTACAG GGGCTGTGCA CTTAATGCCC TTGTCACTAG GAACCTGAT CCTGGGCTAT1560  
GATTTCAGAG CTGTCTCTCT TAAGGAGAGC CTACCTCTTT TCRAAATGG TAATCTATT1620  
GCTGTGTAGC CAATAAGTAC TGGTGTTCAA GTGAACCTTG GTAAAAGTCC ATCTAATCTT1680  
TTACAAGAAC TAGGGAAACG GTGTCAAAAG AATAGCATT CTTCATCAAC CGTGCAGACA1740  
GATCTGTCTT ATGCTTCACA AAACCTTTATA CCTTCTGCAC AGTGGGCCAC TGCTGATTC1800  
TCTGTGTGCT GTTGTCTCTA AACTGATTTG TCGTTTGATT CTCAGTGTG TCTTCCCAT1860  
AGTGTTCACA CTCAGACATT TTGCGCCAG TCTAAGGTAA CTCATCTAT AGCTGCTCAG1920  
ACTGATTCAT TTATGACAC CTGTTTCCAG TCAGGTGGGG TCTTCAGAGA AACTCAACCT1980  
AGTGGEATAG AAAGTCAAC GGATGAACAT GTACAGATGG ACCAAGGTGG AATGTGCGGA2040  
GACATTTTGT AGAGTGTTC TTTATCATAT AATGTTGCTA CAGSTAACAT TATAAGCAAC2100  
AGTTTATAGT CAGAGACAGT AACTCATAGT TTGTTACCTC AGAATGAGCC TAAGACTTTA2160  
AATCAAGATA TTGAGAAATC TGCACCAATT ATAAATTTCA GTGCACAGAA TAGTATGCTT2220  
CCTTCACAGA ACATGACAGA TAATCAGACC CAAPCCATAG ATTTTATTAG TGATTTGGAA2280  
AACATCTGT TAAGTAATCT GCCTGCCCCG ACATTGGATC ATCGTAGTCT TTTGTCTGAC2340  
ACAAATCCTG GACCTGACAC CCAGCTCCCA TCTGGGCCAG CCGAGAACCC CGGAATCGAT2400  
TTTGATATGG AAGAGTTCTT TCGGCTCCA AATATCCAGA CTCAAACTGA AGAGATGGA2460  
CTTAGACACA TGACCAACGA GCGAGTCTTG GAGTCACTGG ACATAGAGAC TCAACCGGAC2520  
TTCTTACTCG CAGATACTC TGCTCAGTCC TATGGGTGTA GGGGAAATTC TAACTTCTTA2580  
GGCCTTGA GA TGTGTGACAC ACAGACACAG ACAGACTTAA ACTTTTTCTT AGACAGTAG2640  
CCTCATCTGC CTCTGGAAG TATTCTGAAA CACTCCAGCT TTTCCGTGAG TACTGATTC2700

TCTGACACAG AGACCCAAAC TGAAGGAGTC TCCACTGCTA AAAATATACD TGGCTAGAAAT50  
AGCAAAATTC AGTTGAACAG TACAGAAACA CAGATCATGA GTTCTGGGT TGAAACCCCTG2820  
GGGAGCTTGT TCTTACCCAG CAACGAAACT CAGACAGCAA TGGATGACTT TCTTCTGGCT2890  
GATCTGBCCT GGAACACGAT GGAATCTCAG TTCAAGCTCTG TAGAAACCCA GACTTCTGGC2940  
GAACACACAC CAGTCTCCAA CTCTTAAAAA TAACGCTGGA GTCCATGCTT JAAATGGCAT3000  
CTACCATTTT CTCTGGATTA AAACCTACGGA CTGGGGACAA CAGTATTAAAT TCGATTGAAT3050  
CTGGCTGATG ATGAGTTTGC TTAGCTTCTT TGTGTTTCTT TGCCTTTTCT ACTTGTAAC3120  
AGAAATTTTC GTATAAATGT GAGTGTATTA TAAAGTTTGA GATGTTGATC TAAATTTT3150  
TTGTGTTTGC TACATTTTGC TTTTCACAGC TAGTCTTTTC ATGTTAAAAA AAAAATGTAT3140  
TTCATATCTA TAAAACTAT ATAGCCATTT AGCTGAAGCC CAGCTTACCA GGTTCAGGG3300  
TACAACTTTC TCAAACTTTC AAAACATTTT AGTCAAAAGT TAATATACTT AAACCTGAC3360  
TAAATATCTT TTGGCACTGC TTGTTAGAAA TCCTGATTC CTGTTACTAA TCACTAAAGA3420  
AACCGGATGC TGGCACCGTA GGAATTAAGC AGTAGTGCTT CCATGCTCTT AAGACTCCTG3450  
CTGGCTGGAC CTTCGTCAGC TTTGACACCT CTTTTCTGAT TTAAAGACAC CAAGGAAAA3540  
TACAACCTTC TTAGCTTTG AAGCAGTTTT CATGTAATCA TTGCCACCTC TTCGCTACAT3600  
GAACCTATAT TGATACCAGC ATACAAGTGT ATAGCACTTT ACACACAAGA GGTTTATTGA3660  
TGTAATAATTA TCGGCTAGGG AAGCAGCAGC GGGCCAGGTG TGGTGGCTTA CCCCTGTAAT3720  
CCGAGCACTT TGGAGGACA AAGCAGGACG ATCACTTGAG CCCAGGAGT CAACACCAG3780  
TTGGGACACA TAAGAAGACC GTGCTCTCTG AATTTTTTTT TTTTTTAAT AGCCAGGAC3840  
AGTGGCATGC GCTGTGATC CCAGCTACTT GGAAGGCTGA GGTGAGAGGA TCACTCGAG3900  
AGATTGGGGC TCCCATGAGC CATGGTCTTG GCACTGTACT CCAACCTGGG TAACAGGGCA3960  
AGACCCATAT TCAAAAAAAA AAAAAAAGT CGCCAGCAAC AAGCACGTAG TGTAGTGTTC4020  
CTGCTAAATG AGCATAGGTT ATCCAAACCT TGGGAACAGG GAGTTATGSA AACGTGCCTA4080  
TCACTTCATC TTGGGGTGTG TCCTATGAAG ATCCTTTCTG GTCTCCACAG TAGGCCAGAG4140  
TTGGGGGCTC TGGAGCTGTT TCCCAAGTG CATCCACAAG CTGGATCTGA GTTTTGTAC4200  
TCTAAATATTA AACAAGAAAA AAAGTGGGAA AAGGGCATCC CAATTATTTT AAAGTGAATT4320  
TGCATCTCTA CTAAGCTTGA TAGGGCAGGA GTGCAATCTA AAAAGTATCT AGCAAGGATA4380  
TCTCTCATTT CACCATTTCT TATCTTTTCT GCAATTATAG GATAGATTCA TCTAAAATAT GGTATTCTGC4440  
TTACTTGTGC CTGAGGCTA GCAATTATAG CCAGTCTTCA AAGAAAACAA GGTGAAGACC4500  
ATTTTGTCTT TTTTCTTAA GTGAATAATA TGTTTTGAGG TAGGAGCATG ATCAAGTATG4560  
TATTGCTTCA ATAATCAAGA ATGCTTTGTG TGGATTCTTA ATTGTTGGCT AAGTTCCAGT4620  
CTTTGGGGAT TTTCTGTATT TAGGAGATCC CTGTAAGTTC TCCACATTGA CACACACACA4680  
CAAGTASGAA TCACTGCAGC CTGTAAGTTC GTGCCACATG CCTGTATTAC TGAAAGCTAA4740  
CACACACACA CACACGACAT GCTCCTTTCT GTGCAATAAG TAAATTGATG GTTTTGTAC4800  
ATCCTCAAAA CCTAGTAAGG GGACCAATGA TTCATTAAG TAATGGATAA ATAACATATC4860  
TAATTCCTAT CCCATACATT TGACACAAAA GAAGTGTGG TGGTCACAGT TGCCTATGAG4920  
CCGGGACAGT GAGCTCAACC TAGTAGGTAA GAGTTTGGTT TCAATTATGT TTAGAATCAT4980  
TGTGGGTTTC AAAAGAAAAA TAAAGCCTTA ACTTAGAATT TCATTATGTT TTAGAATCAT4980  
CACTGCTTAA ATATTCAAGC ATCTATTTAA GTCCTAATAA AGGAGAAATG CATGTTTATG5040  
GCTTTTTTGT AAATATAAAT GCAGTGATCT ATGGCTTAAA AAATTTGTTT CTGTGACAA5100  
GTTTGTAAT CTAGCCAATA GAGTCATTTA CAGAAGAAAA ATGAGCATGT AATAATACAA5160  
GAACCTTTTC CCCCCTAAAA CCTGAACCTG AATTATTTGT AAAAACTGAA ATTTAATGAT5220  
TAAAGGAAAG CAGAAATGT ACCTTTTTTT GTGAATCTT GAACGTACTC ATAAATATGA5280  
CTTATTCTAT TGCCTTAAGT TTTCACTCAT TGTCTTTTGA AAGCCATATG ATAAATGAT5340  
TTTATCTTAT 5350

Name: 259 Len: 3497 Check: 233D  
CTGTGGGATC AGAGGGCAGC CCTATTACAA CCAGAAAACT ACAAGTATAA CAGCGAGGAT 60  
GGATGAACAG GCTCTATTAG GCTTAAATCC AAATGCTGAT TCAGACTTTA GACAAAGGGC 120  
CTTGGGCTAT TTTGAGCAGT TAAAAATTTT CCCAGATGCC TGGCAGGTGT GTGCAGAAGC 180  
TCTAGGCTCAG AGGACATACA GTGATGATCA TGTGAAGTTT TTGTGCTTTC AAGTACTGGA 240  
ACATCAAGTT AAATCAAAAT ACTCAGAACT AACCCTGTT CAACAACAGC TAATTAGGGA 300  
GACCTCTATA TCATGGCTGC AAGCTCAGAT GCTGAATCCC CAACGAGAGA AGACCTTTAT 360  
ACGAAATAAA GCGGCCCCAAG TCTTCGCTT GCTTTTTTGT ACAGAGTATC TCACTAAGT 420  
GCCCCAATTT TTTTTTGACA TTCTCTCAGT AGTGGACCTA AATCCAGGG GAGTAGATCT 480  
CTACCTGCGA ATCCTCATGG CTATTGATTC AGAGTTGGTG GATCGTGATG TGGTGCATAC 540  
ATCAGAGGAG CCTCGTAGGA ATACTCTCAT AAAAGATACC ATGAGGGAAC AGTGCATTC 600  
AAATCTGCTG GAATCATGCT ACCAAATATT ACAAATTTAT CAGTTTACTA ATTCTGAAT 660  
GAGGTGTGAG TGCCTTTGAAG TAGTTGGGGC TTATGTCTCT TGGATAGACT TATCCCTTAT 720  
AGCCAATGAT AGTTTATATA ATATGCTGCT AGTGCATATG TCAATAGAAG TTCTACGGGA 780  
AGAAGCATGT GACTGTTTAT TTGAAGTTGT AAATAAAGGA ATGGACCTG TTGATAAAAT 840  
GAAACTAGTG GAATCTTTGT GTCAAGTATT ACAGTCTGCT GGGTTTTTCA GCATTGACCA 900  
GGAAGAAATG GTTGAATTC TGGCCAGATT TTCTAAGTTG GTAAATGGAA TGGGACAGTC 960  
ATTGATASTT AGTTGAGTA AATTAATTA GAATGGGGAT ATTAAGAATG CTCAAGAGGC1020



ACTACAAGCT ATTGAAACAA AAGTGGCACT GATGTTSCAG CTACTAACTT ATBNSBATGAI1000  
TATATTTTCT TCTAATAFTA TTGSAATTTT TTACSAITAT CTTCATATTT TBRACAGCT1140  
TACASTGCTT TCGSATCAGT AAAAAGCTAA TGTAGAGGCA ATCATGTTGG CCTTATGAAL100  
AAAAITBACT TAIGATGAAG AATATAACTT TGAAGTTACT GTTGGACAGG GTTGTCTCAAB TTTCACTAGAI1300  
TGTAGAATAT AGAAAAACAAC GCAGAGTTTT TAGTTCTACA CTGCAGAATT GGTAGACTAC1380  
GTTACTACTG GCTCTCTGTC GCAGAGTTTT TAGTTCTACA CTGCAGAATT GGTAGACTAC1380  
AGGTTTTATG GAAGTTGAAG TAGCAATAAG ATTGCTGTAT ATGTTGGCAG AAGCTCTTCC1440  
AGTATCTCTT GGTGCTCACT TCTCAGGTGA TGTTCACAAA GCTAGTGTCT TGAGSBATAT1500  
GATGCGAAT CTGTAACAT CAGGAGTCAG TTTCTATCAG CATACTCTG TGACATTBGA1560  
GTTCTTCGAA ACTGTTGTTA GATATGAAAA GTTTTTCACA GTTGAACCTC AGCAGATTC1620  
ATGTGTAATA ATGCTTTTCT TAGATCACAG AGTCTGCGG CATTCCAGTG CAAAAGTTCG1680  
GAGCAGGAGG GCTTACCTGT TTTCTAGATT TGTCAAATCT CTCAATAAGC AAATGAATCC1740  
TTTCATTGAG GATATTTTGA ATAGAATACA AGATTTATTA GAGCTTTCTC CAGCTGAGAA1800  
TGGCCACGAG TCTTACTGTA GCAGCGATGA TCAACTTTTT ATTTATGAGA CAGCTGGAGT1860  
GCTGATTCTT AATAGTGAAT ATCCGGCAGA AAGGAAACAA GCTTAATGA BGAATCTGTT1920  
GACTCCACTA ATGGAGAAGT TTAATAATCT GTTAGAAAAG TTGATGCTG3 CACAAGATGA1980  
AGAAAGGCAA GCTCTCTAG CAGACTGTCT TAACCATGCT GTTGGATTG3 CAGTCCGAAC2040  
CAGTAAAGTT TCCAGCAACA AACAGACTGT GAAACAATGT GCTGTTCTG3 AATTTTATCT2100  
GGACTGTTTA CAGACATTCT TGCCAGCCCT CAGTTGTCCC TTACAAAAGG ATATTCTCAG2160  
AAGTGGAGTC GGTACTTTCC TTCATCGAAT GATTATTTGC CTGGAGGAAG AAGTTCTTCC2220  
GTTCAATCCA TCTGCTTCAG AACATATGCT CAAAGATTGT GAAGCAAAAG ATCTCCAGGA2280  
GTTCAATCTT CTTATCAACC AGATTACGGC CAAATTCAAG ATACAGGTAT CCCCCGTTTT2340  
ACAACAGATG TTCATGCCCC TGCTTCATGC AATTTTTGAA GTGCTGCTCC GGCAGCAGA2400  
AGAAAATGAC CAGTCTGCTG CTTTAGAGAA GCAGATGTTG CGGAGGAGTT ACTTTGCTTT2460  
CCTGCAAAACA GTCACAGGCA GTGGGATGAG CGAAGTTATA GCAAAATCAG GTGCAAGAA2520  
TGTAGAAABA GTGTTGGTTA CTCTTATCCA AGGAGCAGTT GAATATCCAG ATCCAATTGC2580  
ACAGAAAACA TGTTTTATCA TCTCTCAAA GTTGGTAGAA CTCTGGGGAG GTAAAGATGG2640  
ACCAGTGGGA TTTGCTGATT TTGTTTATA GCACATTGTC CCGCATGTT TCTAGCACC2700  
TTTAAACAA ACCCTTGACC TGGCAGATGC ACAAACAGTA TTGGCTTTAT CTGAGTGTGC2760  
AGTGACACTG AAAACAATTC ATCTCAAACG GGGCCAGAA TGTGTTCAAG ATCTTCAACA2820  
AGAATACTTG CCGCTCTTGC AAGTAGCTCC AGAAATAATT CAGGAGTTTT GTCAAGCGCT2880  
TCAGCAGCCT GATGCTAAAG TTTTAAAAA TTAATTAAAG GTGTTCTTCC AGAGAGCAA2940  
GCCCTGAGGA CTGGATTTC CTGTGCCTAC TTCATGATCA TGAATCCAG TTAATTATA3000  
AAGAGGCGAT TTTTGTGTGC CATTACACT GGTCTTTTTC ACATTGTTTT GAGCTTATG3060  
CAGTATATCT TTTGGGATTT TTCTGTAAAA TGGGTGTAAT TTTCTAATA CAGGTATGT3120  
ACAACAAAAG AASTTGCTG CATGCCGGTC CAAATTGTT TGTATAAGA TGCTCTTAAA3180  
AGACACAAGA GTTATCCTAG AACCTTAATT CTTTTTTAT TGAATTTTA AGTCAAGTCC3240  
TTTATAAAGA CCAATAGCAGT GGAAAACAGT GTACTTTTTA AAAAATTGCT GAATATAAAA3300  
TCTTTGAAAA TTTCTTTTAT GTGTGAAGAC ACAAAGTATG GGGGAAGACA GCAATCAAAA3360  
CTAACTTTTT GTAGATAGCC ATTTCAITTC TTTAACTGT TTCAACGCCA ATATGTATTC3420  
TACAAAAGAG AATGTTTTTA GGCTCCAGTG TTATACTTTT TTTTATATAT ATATATAAAA3480  
ATAAACTTTA CBTAGT3 3497

Name: 16 Len: 620 Check: 355  
AATTCGGCAT GAGGGGGCAC AGAGCCATCT TCTTCAATCG GATCGGTGGA GTGCAAGCAG3 60  
ACACTATCTT GGGCGAGG3C THTCACTTCA GGATCCCTTG GTTCCAGTAC CCGATTATCT120  
ATGACATCTG GGGCAGACCT CGAAAAATCT CCTCCCCTAC AGGCTCCAAA GACCTACAGA180  
TGTTGAATAT CTGCTGCGA GTGTTGTCTC GACCCAATGC TCAGGAGCTT CCTAGCATGT240  
ACCAGCGCTT AGGGCTGGAC TACGAGGAAC GAGTGTGTC GTCCATTGTC AAGGAGTGC300  
TCAAGAGTCT GTTGGCCAAAG TTCAATGCTT CACAGCTGAT CAGCCAGCG3 GGGCAGGTAT360  
CGCTGTTTAT CCGCGCGGAG CTGACAGAGA GGGCCAAAGGA CTTGAGCTC ATCTGAGT420  
ATGTGCGCAT CACAGAGCTG AGCTTTANCC GAGASTACAC AGCTGTSTA GAAGCCAAAC480  
AATGCTTCA CTAGGAGGCG AGCCGAAAT TCTTGGTAGA AAAANCAAN AGGAACAGC540  
GCAGAAATG TTAGGCGGAG GTGAGCGAGC TGCAAGATGC TTBAGAACAT GANAAGAAAC600  
TGGCTAATA ACTTGCAGA 620

Name: 260 Len: 5238 Check: 1685  
GAATTCGCA CBAATCTTCT CTGTCCCGGA GCTACCAGCG GCTGCGCGAT GCTGTAG35 60  
GCTCTCTGCG AGTGTCTTCT CCTCTCAGAT ACAGCTTCAC CTATGTGCCC ATCTGCGC3 120  
CTCAGCTGCT GAGAGTCTCT AGCACACCCA CGCCCTTCAT CATTGGGCTC AAGCGCGCT 180  
TCCAGGCGA GACCCAGGAG CTGCTGATG TGATTTGTC TGATCTGGAT GAGGGAGCG 240  
TCACATCTC TGATGTGTG CACATTCCAC CTTTGCCAGA GCACTGCGAG AGTCAGACG 300  
ACAGTGTCTT GAGCATGCT CTGAGCCCG AGCTGGAGTT GCTGAGCTC GCTTCCCTC 360  
CGCCCAAGAC ATCCACCTCC TCCCTGAAGA TGCAGGACAA GAGCTGCGC GGGGTCTTC 420  
TGCCTGCTT CGCTCAGTCT CTGACGGGCT ATCGCTGGTG CTTGACGCTC GTGCGCATCC 480

[illegible]

CTAATG00  
Name: 201

Len: 6450 Check: 313

2. 2

[illegible]



Name: 462 Len: 4611 Check: 650

GTGTGGGTCG GTTTTGTGTA GCTGTCTCTT CCTCTCTCTT CCGCTTCTCT TCTCTCTGCT 61  
TCCCTCTTIG GACCTGAGGG TACGCACCTG CCGGGGGGGG GCTCCTCTCT TCTCTCTCTT 121  
CCCTCTCTTTC GGTCTGAGGG GCGGGAGGCT CBTGGCTGCG TACCGGGGGG CCGGGGAGAG 180  
AAGATGGAGA TGGGGGAGGA AGACATATST AGAGTGTGTC GTACGAGAGG AACAGCTGAG 240  
AAAGCGGTTT ATCATCTCTG TGTATGTACT GGCAGTATTA AGTTTATCCA TCAAGAAATGT 300  
TTAGTTTAAAT TCTGAAATA CAGTCGAATA GAATACTGTG AATTATGCAA GGCAGATTTT 360  
GTTTTTAAAG TAATTTATT TCCAGATATG CCTTACGGG TCCCAATTCA AGACATATTT 420  
GTTTAAATTA TTAAGATAT TGGCACTGCA ATACATATT GCTTCTCAA STBCTTGTTT 480  
GTTTTTAAAT TTTAAAGTAT TGGCACTGCA ATACATATT GCTTCTCAA STBCTTGTTT 540  
GTTTTTAAAT TTTAAAGTAT TGGCACTGCA ATACATATT GCTTCTCAA STBCTTGTTT 600  
ACTGCTCTCT TTAGCTCACT ACTGACCTGT CCATTAGATA TGGTGTCAA GGAATAATTG 660  
TTGAGAGATT GTTTTCAAGG TTGTTTTTGT GTGAGCTGCA CAATTGTGCT ATTCTATCAG 720  
CTGCTGTGCT TGAGAGAGCA GATAGTCCAT GGGGGAGGAG CAATTGTGCT ATTCTATCAG 780  
GCGGACCGCT TCAATGTCTG GGGGCATCAC AAAAAAGG CTCCAGTCTG AGGAAATGCT 840  
GCAGAAAATG TGTCTGCTGA TCAGCTCTCT AACCACCCAG CTGAGAAGCT AGTGGTGGGG 900  
GAAAGACCTG ATGCGGAGGA TGACCGAGCA GAAGAGGAGG AGGAGGACAA TGAGAGGAA 960  
GATGAGCTGT GTGTGGAGGA TGGGGCAGAT GCTAATAAGG GAGCGGAGGA TGAATGAAT 1020  
TGAATGCTGT TGAATGGGA CCGAGCTCTT GAAAGCTTA CATGGGAAAG AATGCTAGGA 1080  
CTTGATGAT CACTAGTTTT TCTGGAACAT GTCTCTGGG TGGTATCTTT AAATACACTG 1140  
TTTATCTCTT TTTTGTGATT TTGCCCTTAC CATATTGGT TTTGAAGGC TAATCACAAG CATAGTTGGG 1200  
GGATTGGAAG AACAGCTCCA AGCATCTCAT TTTGAAGGC TAATCACAAG CATAGTTGGG 1260  
TATATACTTT TAGCAATAAC ACTGATAATT TGTATGGCT TGGCAACTCT TGTGAAATTT 1320  
CATAGATCTG GTCGCTTACT GGGAGTCTGC TATATTGTT TTAAGGTCTT TTTGTTAGTG 1380  
GTGGTAGAAA TTGAGTATT CCTCTCTATT TGTGGTTGT GGCTGGATAT CTGTTCTTT 1440  
GAAATGTTTT ATGCTACTCT GAAAGATCGA GAAGTGAAG TTCAGTCTGG CTCTCTCTT 1500  
ACCATGTTTT TGGCTTGGCT AGTGGGAATG GTATATGCT TCTACTTTCT CTCTCTCTT 1560  
CTACTACTTA GAGAGGTACT TCGACCTGGT GTCCTGTGCT TTCTAAGGA TTTGATGAT 1620  
CCAGATTTTA ATCCAGTACA GGAAATGATC CATTGTCCAA TATATAGGA TCTCCGAAGA 1680  
TTTATTTTGT CAGTGATTGT CTTTGGCTCC ATTGTCTCC TGATGCTTT GCTTCTTATA 1740  
CGTATAATTA AGAGTGTGCT GCCTAATTTT CTCCATACA ATGTCTGCT CTACAGTGA 1800  
GCTCCAGTGA GTGAAGTGT CCTCGAGCTG CTTCTGCTT AGGTTGTCTT GCGAGCATT 1860  
CTCGAAGAGG GACACAGAG GCAGTGGCTG AAGGGGCTGG TGCGAGCTG GACTGTGACC 1920  
GCGGGATACT TGCTGGAICT TCATTCTTAT TTATTGGGAG ACCAGGAAGA AATGAAAAC 1980  
AGTGCAAAAT AACAAAGTTAA CAATAATCAG CATGCTCGAA ATAACAAGC TATTCCTGT 2040  
GTGGGAGAAG GCTTCATGC AGCCCAACCA GCCATACTCC ACAGGGAGG GCTGTTGGC 2100  
TTTCAGCCTT ACCGCGAGC TTTAAATTTT CCACTCAGGA TATTTCTCTT GATTGCTCT 2160  
ATGTSTATAA CATTACTGAT TGCCAGCCTC ATCTGCCTTA CTTTACCAAT ATTTGCTGG 2220  
CGTTGGTTAA TGTGTTTTG GACGGGACT GCCAAAATCC ATGAGCTCTA CACAGCTGT 2280  
TGTGCTCTCT ATGTTTTCTG GCTAACCATA AGGGCTGTGA CGGTGATGCT GGCATGGAT 2340  
CCTCAGGGAC GCAGAGTAT CTTCCAGAAG GTTAAAGAGT GGTCTCTCAT GATCATGA 2400  
ACTTTGATAG TTGCGGTGCT GTTGGCTGGA GTTGTCCCTC TCCTTCTGG GCTCTGTTT 2460  
GAGCTGGTGA TTGTGGCTCC CTTGAGGGT CCGTTGGATC AGACTCTCT TTTTATCCA 2520  
TGGCAGGACT GGGCACTTGG AGTCTGCTAT GCCAAAATCA TTGCAAGTAT AACATTGAT 2580  
GGTCTCTAGT GGTGGTTGAA AACTGTAAT GAACAGTTT ACSCAAATGG CATCCGGA 2640  
ATTGACCTTC ACTATATTGT TCGTAAACTG GCAGCTCCCG TGATCTCTGT GCTGTTBCT 2700  
TCCCTGTGTS TACTTATGT CATAGCTTCT GGTGTTGTT CTTTACTAGG TGTACTGCT 2760  
GAAATGCAAA ACTTATGCTA TCGGCGGATT TATCCATTT TACTGATGCT CGTGGTAT 2820  
ATGGCAATTT TGTCTTCCA AGTCCGCCAG TTTAAGCGCC TTTATGAACA TATTAATA 2880  
GACAAGTACC TTGTGGTCA ACGACTCTGT AACTACGAAC GTTGTCTCAA CAACTTGA 2940  
TCATCTCCAC TACCTCCACA GTCATCCCAA GAATAAAGTA GTTGTCTCAA CAACTTGA 3000  
TTCCCTCTTA CATCTCTTT TTTGTGGAAT TCTCTCTTT GAGATTTTTC CCACTGAT 3060  
CTCAGGCTG TTTTAAAGT AAAIGTATT GACTTGTGT CTSASCATTC AGAGAGCA 3120  
GGTGTAAAT TCTGCTGTT TCCCTGGATC TTCTGACATT ACTGCTGTCT GAGATTGTA 3180  
TATGTGTAAA TACAAGTTCC TTSATACCTT AAAACCTTGG ATTAACAGA ATGTGCA 3240  
TACATCTTTA AACAAAATGT ATATTAATT ATTAATCTA GTTGTCACTT TATTTTGA 3300  
CTGCTGTGAT CTGACAGGA AACGTGCCAC TCTCACTAAG GGAAGTGA 3360  
GTGAGGCTT GTGGAACGCA GTTCATGAT CCAAGAAGCT TAAAGGAAA AAGTAGAA 3420  
ATTCTTTCTT TCTTGGCTAT TCAGACCTTA TGAACCTTAT GCTTCACTGT TAGTTG 3480  
CAGCAGTGGG GTGTCTGTG TAAGAAAACA TGAACCTTAT GCTTCACTGT TAGTTG 3540  
TGGAGTTTAT TTTGTATAAC ACCAAAGCTG TTGTACATT CTTACTGCTT GATTTTT 3600  
ATGTGTCTGT GTTGTATAA TGTATAGTA TCTTGTGCTA GGTGAGGAAA AGTGGGCT 3660  
TTTTGATAAT TTAATATTC TAGTGTGAT AGCATTGGGA GTTGGGTTTC CCCCCG 3720  
GTCTATACTT AGAGAAAAAA AGTCCAAATG AAGATTTTCA TGATCAGCC CCCCCG 3780

Name: 263

Len: 3074 Check:

36A

GCACACACAGG	AGCGGAGGCT	ATGGTTCGCT	Len:	3074	Check:	59
Name: 263						
CGGCTCTGCG	CTGCGGSGGA	GGCCATGGCG	GAACCTTTCG	AGGCTTCGAG	CCCGGCCCCC	120
GCTGTCGAGC	CGCGGGGCGT	TCAGTCCGCA	GGCCCTGCGC	CAACTCTGAG	TCCTGACCCG	130
AAGCGGGGCTT	CAGCCCGCAT	TCCGACTCCG	ADCCCGGCAC	CAGCGCCCTG	CCCAGCTGCA	140
GGCGGAGCGG	GTAGCACAGG	GACTGGGGGG	CCCGGGGTAG	GAGGTGGGGG	GGCGGGGAGC	150
GGGGGGGATC	GGGCTCGGCC	TGGCCTGAGC	CAGCAGCAGC	GGGCGAGTCA	GAGGAAAGCG	160
CAAGTCCGGG	GGCTGCCCGG	CGCCAAGAA	CTTGAGAAGC	TAGGGGTCTT	CTCGGCTTGC	170
AAGGCGAATG	GAACCTGTAA	GTGTAATGGC	TGGAAAAACC	CGAAGCCCGC	CACTGCACCC	180
CGCATAGATC	TGCACGACGC	AGCTGCCAAC	CTGAGTGAGC	TGTGCGCGAG	TTGTGAGCAC	190
CGCTTGGGCT	ACCAAGTATC	CCACTTGGAG	AATGTGTGAG	AGGATGAGAT	AAACCGACTG	200
CTGGGATGCG	TGGTGGATGT	GGAGAATCTC	TTCATGTGTG	TTTACAGGCA	AGAGGACACA	210
GACATCAAGC	AGGTCTATTT	CTACCTCTTC	AAGCTACTGC	GGAAATGCGT	CGTGCAGATG	220
ACCTGGGCTG	TGGTGGAGGG	GTCCCTGGGT	AGCCCTCCAT	TTTGAAGAAC	TAATATTGAG	230
CAGGCTGTGC	TGAACCTTTG	GCAGTACAA	TTTAGTCAAC	TGGTTCGCGG	GGAGCGGCAG	240
ACGATGTTCG	AGCTCTCAAA	GATGTTCTTG	CTCTGCCTTA	ACTACTGGGA	GCTTGAGACA	250
CCTGCCCACT	TTCGGCAGAG	GTCTCAGGCT	GAGGACGTGG	CTACCTACAA	GGTCAATTAC	260
ACCAGATGCG	TCTGTTACTG	CCACGTGCCG	CAGAGCTGTG	ATAGCCTCCG	CCGCTACGAA	270
ACCACATG	CTTTTGGGCG	AAGCCTTCTC	CGGTCCATTT	TCACGCTTAC	CGCCCGGCAG	280
CTGCTGGAAA	AGTTCCGAGT	GGAGAAGGAC	AAATTGGTGC	CCGAGAAGAG	GACCCCTCATC	290
CTCACTCACT	TCCCCAAATT	CCTGTCCATG	CTGGAGGAGG	AGATCTATGG	GGCAAACCTCT	300
CCAACTCTGG	AGTCAGGCTT	CACCATGCCA	CCCTCAGAGG	GGACACAGGT	GGTTCGCCCG	310
CCAGCTTCAG	TCAGTGCAGC	GGTGTGTTCC	AGCACCCCCA	TCTTCAGCGC	CAGCATGGGT	320
GGGGGGCAGC	ACAGCTCCCT	GAGTCTGGAT	TCTGCAGGGG	CGGAGCCTAT	GGCAGGCGAG	330
AAGAGGAGCG	TCCAGAGAAA	CCTGACCCCT	GAGGATGCCA	AGCGGTTCGG	TGTGATGGGT	340
GACATCCCGA	TGGAGCTGGT	CAATGAGGTC	ATGCTGACCA	TCAGTGAACC	TGCTGCCATG	350
CTGGGGGCTG	AGACGAGCCT	GCTTTTCGGC	AATGGGGCCC	GGGATGAGAC	AGCCCGCCTG	360
GAGGAGCGCT	GGGGCATCAT	CGAGTTCCAT	GTGCTGGCGA	ACTCACTGAC	GGCCAAAGGC	370
AACCGGGGGG	TGTTGCTGTG	GCTCGTGGGG	CTGCAGAAAT	TCTTTTCCCA	CCAGCTGCCG	380
CGCATGCCCTA	AGGAGTATAT	CGCCCGCCTC	GTCTTTGACC	CGAAGCACCA	GACTCTGGCC	390
TTGATCAAGG	ATGGGGGGGT	CATCGGTGGC	ATCTGCTTCC	GCATGTTTCC	CACCCAGGGG	400
TTCACGGAGA	TGTTCTTCTG	TGCTGTCACT	TCCAATGAGC	AGGTCAAGGG	TTATGGGACC	410
CACCTGATGA	ACCACCTGAA	GGAGTATCAC	ATCAAGCACA	ACATCTCTTA	CTTCTCTACC	420
TACGGCGACG	AGTACGGCAT	CGGCTACTTC	AAAAAGCAGG	GTGTTCTCAA	GGACATCAAG	430
GTGGCCGAGA	GGCGCTACCT	GGGCTACATC	AAGGACTACG	AGGGAGCGAC	GCTGATGGAG	440
TGTGAGCTGA	ATGCTCGCAT	TCCTCTACAG	GAGGCTTCTC	ACATCATCAA	GAAGCAGAAA	450
GAGATCATGA	AGAAAGCTGAT	TGAGCGCAAA	CAGGCGCAGA	TGGGCAAGGT	CTAGCCCGGG	460
CTCAGCTGCT	TCAAGGAGGG	GTGAGGCGAG	ATCCCTGTGG	AGAGGCTTCC	TGGCATTCAG	470
GAGATCAGGT	GGAAAGCATT	GGGGAAGGAG	AAGGGGAAGG	AGCTGAAGGA	CGCCGACGAG	480
CTCTACACAA	CCCTCAAAAA	CCTGCTGGGC	CAAACTCAAG	CTCAGCTTAG	CGCCTTGGCC	490
TTTATGAGAG	CTGTGAAGAA	GTGCGAGGCC	CCTGACTACT	ACGAGTTCAT	CCGCTTCCCC	500
ATTGACCTGA	AGACCATGAC	TGAGCGGCTG	CGAAGCCGCT	ACTAGTTCAC	CCGGAAGCTC	510
TTTGTGGGCG	ACCTGCAGCG	GGTCACTCGC	AAGTCTGGCG	AGTATAAGCC	CCCGGACAGC	520
GAGTACTGCG	GCTGTGCGAG	CGGCTCTGAG	AAGTCTTCTT	ACTTGAAGCT	CAAGGAGGGA	530
GGGCTCATTG	ACAAGTAGGC	CCATCTTTGG	GGCGCAGCCC	TGACCTGSA	TGTCTCCACC	540
TGGGATCTTG	ATCTGATCCT	TAGGGGGTGC	CCTGGCCCCA	CGGACCCGAC	TCAGCTTGA	550
ACACTCCAGC	CAAGGGTCTT	CGGACCCGCA	TCTTGAGCTT	CTTTCTGAGC	CTTCAGGCAC	560
CGCTAAGCGT	GCAGCTCTGT	CCCAGCCTTC	ACTGTGTGTG	AGAGGTCTTC	TGGGTTGGGG	570
CCGAGGCGCT	CTAGAGTAGC	TGGTGGGCG	GGATGAACCT	TGCGGAGCGG	TGGTGGCCCC	580



CAGGCGCTGGT CCGCAAGAGC TTGGGAGGCT TGGATTCTCT GGGTGGGCTT AGGTGGCTGT2881  
TTCTCTGAGG ACCAGAACTG CTATTTTATG CTTGAGTAT GGGCTCAGG GTTGGAAAGT2947  
CAGCTCAAAAC TGAAGGGGGG CATGCCCTGT CCAGCACTGT TCTGTAGT TCCCGCAG3330-2  
GTGGGGGGTA TGGGGACCAT TCATTCCCTG GCATTAATCC CTTAGAGGGA ATAATAAAG33060  
TTTTTATTTT TCTG 3074

Name: 264 Len: 6184 Check: 7A5

GGCGAGGGGT	GCACGGCGGC	CACCTGAGTG	GCGCGGCGGT	GTCAGGTTCT	TGCTCAAGTA	60
CCAACTCTAT	GGACCCAGGA	CAGTTTTSTC	CCATGACCTG	CTGTGAACAG	TGTGTTGTCT	120
BATABAAAT	TGGTTTGGCA	AACCATCTCT	CTATTGCTTT	ACAGAGCAAG	CALASAAGAT	180
GGATTGATTG	AAGAGCCATC	TGACTGTGTG	CTTTCTACCT	TCTGTGCTCT	TTTAAATGCT	240
AGTATCCACT	CTAGCCACCG	CTAAGAGTST	GACTAACAGC	ACTTTAAATG	GCACTAACGT	300
GGTCTTGGGC	TCTGTGCTCG	TAATCAITGC	CAGAACTGAC	CATATCATAG	TCAAGGAAGG	360
GAACAGTGCC	TTGATTAACT	GTAGTGTTTA	TGGCATCCCT	GACCCACAGT	TCAAGTGGTA	420
TAATTCATT	GGCAAGCTGC	TGAAAGAAGA	AGAGGATGAG	AAGCAGAGAG	GAGGAGGAAA	480
ATGGCPAATG	CACGACAGCG	GCCTCCTGAA	CATCACCAAG	GTATGCTTCT	CAGACCGAGG	540
TAAATACACG	TGTGTGGCTT	CTAACATCTA	CGGACCCGTG	AACACACCGG	TGACCTTGCG	600
CGTCATCTTC	ACTTCTGGAG	ACATGGGTGT	CTACTACATG	GTCGTGTGCT	TGCTGGCCTT	660
CACCATGCTC	ATGTCCTCA	ATATCACCTG	CCTGTGCTATG	ATGAGGAGTC	ATCTAAAGAA	720
GACTGAGAG	GGCATCAATG	AGTTCTTTAG	GACCGAAGGT	GCAGAGAAAG	TGCAGAAAGG	780
ATTTGAGATC	GGCAAGCGCA	TCCCCATCAT	CACCTCCGCC	AAAACTCTAG	AGCTTGCCAA	840
AGTCACCCAG	TTCAAAAACA	TGGAGTTCGC	CCGCTACATC	GAAGAGCTTG	CCAGGAGCGT	900
GCCTCTGCCG	CCTCTCATT	TGAACTGCAG	GACTATCATG	GAGGAGATTA	TGGAGGTGGT	960
TGGGCTGGAG	GAGCAGGGGC	AGAATTTTGT	GAGGCATACT	CCAGAGGGGC	AGGAGGCCGC	1020
AGACAGGGAT	GAGGTCTACA	CAATCCCCAA	CTCTCTGAAG	CGGAGCGACT	CCCCTGCCGC	1080
TGACTCGGAC	GCCTCATCGC	TGCACGAGCA	ACCTCAGCAA	ATTGCCATCA	AGGTGTGAGT	1140
TCACCCBCAG	TCCAAAAAAG	AGCATGCAGA	TGAOCAAAGAG	GCTGGACAST	TTGAGTCAA	1200
AGATGTAGAG	GAGACAGAAC	TGTCGGCGGA	ACATTCOCCC	GAACTGCGAG	AACCTTCTAC	1260
CGATGTACAG	TCCACCGAGC	TAACATCTGA	AGAGCCAAACA	CCTGTGAGG	TACGAGATAA	1320
GGTACTGCGG	CCAGCTTACC	TGGAAGCCAC	AGAGCCAGCA	GTACACATG	ACAAAAACAC	1380
CTGCATTATT	TACGAAAGCC	ATGTCTAATA	CCAACCCCGA	AAAGCTATGC	ATATCAAGAA	1440
AATCAGGGGC	TGCTCCTTGT	AATACAGATG	TAGTACGCAC	TTGCCGCTAA	GCCTTACCAG	1500
GAGACTCTCA	TCCCTTAGGT	AGGAGTGATG	CCACTTTAAA	AGGAGAAACA	CCTGCCTGCA	1560
TGGAATGGGA	CTGGAATTTT	CCCAGTAGAG	AAGGGTGCGA	GAAACATCAG	GGTGCAGAA	1620
TGATACCAGA	CAGAAGGTGT	CTATGTGATA	ATGAGTTTCA	GAGGCTGATC	TCTGCCAAAT	1680
ACCTTAATTG	GTGATGCCTT	CTTGGCAAAG	AGTACACCAC	TGTAAGATAT	TCTGAGTTCA	1740
AGAACCTGT	CCAGTGCCCC	CTGCATTGCT	TTTCCTTTTA	AAAAGTATAG	GTCTGCTACA	1800
ATAGCAAATG	CACGTACGTG	GGTTTTTTGC	AGTTTCTTCT	CAGTTTTAAT	TTTGCTTTTC	1860
CTTTATAATG	GGGTCAATGT	TATTAATACT	AATTGTTCTT	TCTGTTTAG	TCCTCATTGC	1920
CACTTTTGTC	CTTATGTTTC	CCTAGAACAC	GTACCTCAGA	GACTTTGGTA	TCAGTCACCA	1980
GTACCAGGGC	TSATATCTAC	AAGTCACATT	ACATTTGTCA	TGTTCCAAAG	TAGTTACGAG	2040
GCTTGTATT	TTTTTTTCAT	TCCCCAGGOC	TATTTCCATA	GATAGCTTTT	TTTGTTTGT	2100
TCCAACGAAG	CTGCTGTTAA	ACGAAACTGA	GAAAACTTT	GCTGGGAAT	AGCACTTTAA	2160
TAGTCAAAAA	TGTGTTTACC	TGTCTGATTG	AGTGAGCCTT	TTGCTGAGCT	CAGCTGAGAT	2220
GTAGAGGGAG	ATTGTAAGAG	GTTAAATATA	CCCACACAC	CCATGAAAGT	CAGTGTTTAA	2280
BTACATCAT	CCTCCAAATA	AAGACTGATT	CTTTACCTGG	AAAATATATT	GCTTCCAAAG	2340
ACATCAGATT	CAGTGGATTG	CTGTAGGTTA	TAGAATATTG	GCTTCCAAAC	AGGCTTGCA	2400
GGACCATATG	CTGTTGGATG	ACATATAACC	AGTCCCACTT	TTATGAACTG	CATAGCTGAC	2460
TTGGTTGTCC	TTAAAGAGGA	AAGCGAAAGG	TTAGGGTAAT	AGCAAAGGGA	ACTGTGCCAT	2520
CAGATTTTAT	GCCAAAAGTG	TTGAATAATT	ATGCACTCCT	GCAAGAAAGT	GGTTATATGT	2580
GAGGTGCGTG	ATGTTATGGA	AAGAAGACAA	AATTAGTCAT	CCAAAGGCTT	AATACCCACT	2640
BTGCCAATAA	CCAGCTGCTT	GGCTTTGGAC	AAGTCTGGAC	CTCAGGCTCC	TTATCTGTAG	2700
AAGGGGCAGA	TGACATGAGC	TCTGAGCACT	GTTGAAATGG	TATCACTGTC	ACACAGAACC	2760
AAACCAATAT	TCACATCCTT	GCTCCTTTTC	ACATGACTTT	TAAAGATTTT	TGCTTTTCAT	2820
TCTTGGTCCA	CCTAACATTT	TCATGCTTCA	TTACTTAAAT	AAGAATGTTG	GTTTTGAGAA	2880
ATAGCAATTT	AAACAAATTG	TGGATCTTCT	CCTTCCAAAA	AAACCAATTAG	GACCACATCT	2940
GCAATTAAGA	TTTAATATTG	GTGAGAATGA	GTGTTTTTAT	TTAATTTTCC	CTTAAAAGCA	3000
AAGGAGACAG	TAATCTTAAT	AAATTCATAG	GGCCCGTGCC	CACATCAGGT	AATGGGGTTA	3060
TGATGTCCAA	GATTGCATGG	ATCACATTGG	TGATGAGAGC	AGACCCAGAT	GTTTAGTCTCT	3120
CACCTCTGTCA	CCATCTGAGG	AGGTGACCTT	GGACAACCTC	CTTCTCTCTC	CTGGGATTTA	3180
ATCTTTTTTCA	TCTGTAAAT	ATGCAGGTAG	TACTCGAGGG	TCTACAGGAT	CCCTTCTAGT	3240
TGAAACATTT	ATAGTTTACA	GAAAGTTTSC	AGTCTTCCAG	GATAACCAAC	CCCCGTTGCA	3300
TGAGACAAGC	AAAAATGGG	TCCATGAAAT	TGGATACTTT	TGCCATCCAA	ACTTTACAAC	3360
AAACATTATC	TGGCTCTGTA	ATTGAGAGCA	GTGGGCTTGG	TTTTAAACCT	AGCCTTGATT	3420

AGTTTCTTTA TAGATAACTG TTGTGGAAGG T-ATAGAACT AGTCATGSAJ TTTGATGAGA344  
 CATTTCTTTA AAAGGACTGA ACTGTTGACT TCTGGTTAGA AGTGCTTTGG GCAGTCACAT354  
 AAAGAAATGA GCASTGAGAA ATCAGGAGAA AITATGACTC CTGTTGGGGT TTCTGGACTA360  
 GCATTGTATG TTTTGGGGT GCAGAAAAGT TTTAACASCA CCTCTTAGAA TATAAAAAATT366  
 TTCCASTTGT CATGGAGGTC CACAGATTCA TTACCATGGG TTTATATGCT CAAAGCAACA372  
 ACAAGAGGACT TAAGTTCATT TTGTGATACT GTATGGATGT TACCCCATCC TATTGAGTTG378  
 TCAFTTCCAC CAAACCCATG TGTAGGTTTC CACATGGAAA GGAGAAGBCA TCCATTCCAC384  
 CTAGACATTG AATAGTGATA ATAAGCTAAA AGTGGGCAGA TTTTCAGTGG AGCAAGAGCA390  
 GAAATATGCG GCCAAAGAAT GTTCTCTGAT TGGTTTITCT GCTTTTAGAT GCAGTGGGGA396  
 GAGCTTATGT AGATTTTCAA AACTTTCTCC CTCTTTAAGG CATCATAATG CTCTGGTTT402  
 TGATAACAACT TGACATAAAG GGAGGTTGAC TTAATAATGGG AATTTCTCCT TCCAAAAATG408  
 CTACACTCTT CCTATCCATC CTACAGCTTC ITTATGAAAT GAGAGGCCCT CCTGCTAGAA414  
 TATGAAATGC AGAAGACCTC ATGACTTTCA GCTGATTTT CAAAGATAAA GTGAAGTGT420  
 CAGCTTCATA GAAATTCATG CGAGTGTGAC TGAACGTGTG TGCATACACA CTCGTGCACA426  
 TTGGACTCAT TTGGGCAGTT TTAAGGCTT CACACTAAAT CCAAAGCCTC GTCCTTTGGG432  
 TCGTATGTAG TCGTTTGTAA AATCAATTTT TGGCTTCTGA GTCATCCTGG TCATATCTCT438  
 AGCAATGTTT TTCTTGAAT TCTGAAAATG ATTACATAT GTGTGTACAT TTAATTCACT444  
 TAGATCATCT GTAAACTTGG ATGGTATTTA TTCTAAATGG GGAAAACAA TTTATATGGA450  
 AAAATCTATG TAATTTATAA TGGTTTTGTT TTATATATTA TATTTTCATA TCTCTAGGCG456  
 ACATCTATCC TCATCTTTTT GTATACCATA CTTAGCAAAA AGAAATACTA ATACTTGACT462  
 AAAATCTCTA GGAACCAAAAC GTGATACATG TGATATATAG CTTCTAGAAA TCGCTCTAAA468  
 AATCTCTGAA TGTCTCATCC ATCCCAAGCA TTATTGTGCT GTGTCAATAT GTCCAGAATG474  
 ATTTCTCTTG GATGCTTATG AGCATTTGTT TTTCACAACT AAGGTTGAAA GACCTGACAT480  
 CTCACACAAT GGGGTTCTGG AATTCCTCTT TCCTCCTTTA TCTGTTTTTA TTGTTTGT486  
 CATTTTCTAAT TGCACCACTC TATGTTGTGG AAACCTTTGTT TTGAAGGGCA AATGTGAGAT492  
 AACAAAGAAAG CAATGTGTATG GAAAGACTGG ATGAATTTAC CTATGGCTAT GTAAATTTAT498  
 TTAATGSACT GATAAGATGT TTCAAGTCTC ATGCTTGGAT CTTTATTTAT TGGTGAATTA504  
 GGATCTGCTC AGCTCTTTAG CACATGAAGA AAATCAGGTA AACTTGACTG TAGAAACACC510  
 GGAACAGCAT GCTCTAAGCC CCGTGCAGCC AACACAAATT AGATACCTTT TATTCTGCCC520  
 AATTCCAGCT GCTGGAAGAA ATGGTTTAGA AAGGCAAAACC AGATACCTTT TATTCTGCCC520  
 TAGGAATATC AGTGTGTATC AGTGCTAAAA CTCTTCAGTG GCAGTCACTG TGGTCTTTT528  
 AACTGGGGAT TTCTTTTCAG TGTTTCATTT GGTACCAAAA CAGAACATTT ACCTTACATT534  
 TCAGATACTC TGTTTTCTCA GCATTGTTCA GATACTTTCC TTTACCGCTC TTCACGTACC540  
 CTTTTGGCAT TGASTAATTC TATAAATGTT TCTATCCTTG GTTTTTAAAC CAAGTTATT546  
 ATACTCTTAA AATATCTACC AAATCTCATT GTATTTTCAC ATATTTTGAG CATCAAGATA552  
 CTGGTCAATTT TAAAAAATCC TTCAGTAAAT AGCACAGTTT ATTTTCCTAA TGACATTTT558  
 AGGGTTTCTT CATTSATCAA CCAGGTTTGG GTTACACAAA TCAATTGTGG GGGAAAAATC564  
 AATATTAACA ATTGCTTATT ATATTTTCCA AAGGACTGAG CATTTATCTT TTATTACGA570  
 AGATATCATA TGAGGATGAT AATGATCTTT AACAGATTTT TTAGAGATAG AATTTATAAA576  
 GAGGCTGATA CTAAGAATAC TACAATCAAA ATTGAAGCTA GAGAATGTAA AAATAGAAAG582  
 TAAATAGTTC TAAGAATATT CTGGCATAAA TTATTTTAT TTAGCCAATA AAATAGCCTC588  
 CAAATGTATA TCTCAGACAC CATAGAGCTG CTAACAATGA GAATCAAGGA AGATGCTTGC594  
 ACTTAGATTT CGTTTGTGTT ATTTTCAGTAG TTCTGGATGT CTTTGTGTA AATTGGAAAA600  
 TGGAAAAATG TCTCGACAGA AATGTCAATC TGGTGATTCT GCGAACTGTA AAATGTTTAC606  
 TTTTAAAAAT AAAGTTGTAA ACAAGTTACT CATATAAGTT GGTATTACAG TAGCAAAAAC612  
 AAAAAACCAT CTGATCCATC CTGTATTTTG ATTGATGCTT TAATAAAGG TTTGCACAGC618  
 TGTG

6134

Name: 245

Len: 4952 Check: 2395

GAGGTGGGGA CTTACAGATC CTGATGGGCC TCGTTCTGCA GGCTGGGCGG AACACATGGA 60  
 ACGAGCTGGG AGCTTTGACT TTGATTTTCG AATATAGAT GATGAACGG GTTACCGAAG 120  
 GCTTGGGCTT GAGAGTGGGA GCATAGATGA TGACAGGGAT AGCTTGGGCC AATGGTGGCT 180  
 AGAGGATGCT GAAGAAGAAA TGGGTACATT TGAATCATCT GGAGCATTC TTTCTGTAAA 240  
 AAAAGTACAG AAAGAGGCTA TTCCAGAAGA GCAGGAGATG GACTTCCGGC CTGTGGACGA 300  
 AGGGAGAGAG TCTCTGACT CTGAGGGTAG CCATAATGAA GAGGCAAAA AACCCGATAA 360  
 GACAAATAAG AAAGAAAGAG AGAAAAAGAG ATAGATAGGA GTTGAAGCTA GTGAGGAAAC 420  
 TCCCCAGACG TCAATCATCT CTGCTAGACC AGGTACTCCT TCAGACCATC AGTCTCAGGA 480  
 AATATCATAG TTTGAGAGGA AAGATGAACC AAAAAGTGA CAAAGCGAAA AAGCTGAAGA 540  
 GGAGACTGGG ATGAAAATA GTCTACCAGC CAAAGTGGCC AGCAGAGGGG ATGAAATGGT 600  
 TCTGTATGTC CAGCAGGCCC TGTCGCAGAT TCCTTCAGAT ACAGCCTCTC CTCTTCTCAT 660  
 ACTTTCACCT CTCTTTCCCA ATCTAGTCC TACTCTCCGG CCAGTTGAAA CACCAAGTGT 720  
 AGGTCTCTCT GGTATGGGCA GTGTTTCCAC AGAACCTGAT GATGAAGAA GTCTCAACA 780  
 TTTGGAGCAG CAACTGAGA AAATGGTGGC TTATCTCCAA AACAGTGCAC TAGATGATGA 840  
 AAGATTGGCA TCAAAATGCG AAGAGCACAG AGCTAAAGGA GTGTGATTC CATTGATGCA 900



TCACAGCAATG	CAGCAAGTGGT	ATTACACAGA	TGCTCAGGGA	GAATTCAGG	GTCTCTTCAA	760
TAATCAAGAG	ATGTCAGCAAT	CGTTTTCAGGC	GGGTATTTTT	ACTATGTCCT	TATTGGTGAA1020	
GAGAGCTGTT	SATGAAAGGT	TCCAACTCTCT	TGGCGATATC	ATGAAAAATGT	GGGGAGGGGT1030	
TCGCTTTTCT	CCAGSTCCAG	CTCCCTCTCT	TCATATGSGA	GAGCTGGAAC	AGGAACGACT1140	
GACCAAGCTAG	CAAGAATCTA	CAGCGTTTATA	CCAGATGCGAG	CACCTGCAGT	ACCAGCAGTT1260	
TTTAAATACAA	CAACAATATG	CACAGGTTTT	GGCCCAACAG	CAGAAAGCAG	CACTGTCTTC1380	
CCAGCAATAG	CAGCAGTTGG	CACCTTTCTCT	TCAACAGTTT	CAGACCTTGA	AGATCAGAA1130	
ATCTATCTAG	AACATCATTC	CTCAATATAC	TAGTCTCTGT	TCCGTGCCAG	ATACTGGCTC1390	
TATCTCTGAG	TTTCAGCCAA	CAGCTTCAGA	GCTTACASTT	TGGAAAGGTG	GTAGTGTAT1440	
GGATCTTCTCT	CTGACACCCA	CGACACCCAG	CCCTGCCCTG	GAACAAGTTC	AGCAGCTAGA1500	
GAAGCCCAAA	GCTGCAAAAG	TAGAGCAAGA	GAGAAAGAGAG	CAGCAAAATGA	GGGCAAAACG1560	
GGAAAGAGAA	GAGCGAAGAA	GGCAGGAAGA	ACTCCGAAGA	CAACAGGAAG	AAATTTCTTCG1620	
GCGATAGCTAG	GAAGAAGAAA	GGAAAAGGCG	AGAGGAAGAA	GAACTTGCCC	GAAGGAAACA1680	
GGAAAGAGCT	CTGCTCTGCC	AGCGGGAGCA	AGAAATTGCA	TTAAGGCGAC	AGCGAGAAGA1740	
GGAAAGAGCA	CAGCAGCAAG	AAGAAGCTCT	TAGAAGACTG	GAAGAGAGGA	CAAGAGAAGA1800	
GGAAAGAGAG	CGGAAGCAGG	AAGAATTGTT	ACGCAAAACAG	GAAGAGGAGG	GTGCAAAATG1860	
GGGCTCTGAA	GAAGAAGAA	CCGAGCTCTG	ATTAGAGGAG	AACCGGCTGG	CTGAGGAAGA1920	
GGAGCTAGCT	AGACTCTGGG	ATGAGGAAGA	AGAACGGGAG	AGAAGGGAGG	TGGAGGTCCA1980	
GCGGCAAGAG	GAGTTAATGC	GCCAGAGGCA	GCAGCAGCAA	GAGGCTCTCC	GGAGTTTGCA2040	
GCAGCAGCTAG	CAGCAACCAAC	AGCTGGCGCA	GATGAAGCTT	CCTTCTCTCT	CAACGTGGGG2100	
CCAGCAGCTCC	AATACAACAG	CATGTCTAGTC	CCAGGCCACG	CTGTCTGTTG	CTGAAATCCA2160	
AAAACATAGAG	GAAGAACGAG	AACCGCAGCT	TCGAGAAGAG	CAAAGGCGCC	AGCAGAGGGA2220	
GTTCATGAAA	GCTCTTTCAGC	AGCAGCAGCA	ACAGCAACAG	CAGAAACTCT	CAGSTTGGGG2280	
GAATGTCAGC	AAACCTTCAG	GTACCACGAA	ATCTCTTCTG	GAGATCCAGC	AGGAAGAGGC2340	
CAGGCAATAG	CAAAAGCAGC	AGCAGCAGCA	GCAGCAACAC	CAGCAACCAA	AGCAGGCTCG2400	
TAACAATAGC	CATTCCAAAC	TGCACACCA	CATTGGGAAT	TCTGTTTGGG	GCTCTATAAA2460	
TACTGCTGCT	CTTAACCACT	GGGCATCTGA	CCTAGTCAAT	AGTATTTGGA	GTAAATGCTGA2520	
CACTAAAAAC	TCCAACTATGG	GATTCTGGGA	TGATGCACTG	AAAGAGGTGG	GACCTAGGAA2580	
TTCAACCAAT	AAAAATAAAA	ACAACGCCAG	TCTCAGTAAA	TCTGTAGGTG	TGTCTAACCG2640	
GCAGAAATAG	AAAGTAGAAG	AGAAGAAAA	GTTGCTGAAG	CTCTTTCAGG	GAGTAAATAA2700	
AGCCCAAGAT	GGATTTACGC	AGTGGTGTGA	ACAGATGCTT	CATGCCCTTA	ATACGGCAAA2760	
TAACTTGGAT	GTTCCCAAT	TTGTTTCTTT	CCTGAAAGAA	GTAGAATCTC	CTTATGAGGT2820	
CCATGATTAT	ATCAGGGCCT	ATTTAGGAGA	TACTTCTGAG	GCCCAAGGAT	TTGCCAAGCA2880	
GTTCCTTGAG	CGCGGTGCCA	AACAGAAAGC	CAACCAGCAG	CGTCAGCAGC	AGCAGCTGCC2940	
ACAGCAGCAG	CAGCAGCAGC	CGCCACAGCA	TTCAGTATTT	CAGCCACAAC	AGCAGGACTC3000	
TGTGTGGGGG	ATGAACCACA	GTACACTCCA	TGGCAAGAAG	CAGACCAATC	AAAGCAACAA3060	
CCACAAATCC	AATTTTGGAG	CTGTGCAGAG	AGTCAATGCA	AAGAAAAAGC	AGGAAGATGGT3120	
CCGACAGATC	CCCACTTTAT	TAGGATTTTC	AGTCAATGCA	TCATCGGAGC	GACTCAACAT3180	
GGGTGAAATC	GAGACGTTGG	ATGACTACTG	AGCACCTGCC	AGTGGACTGC	CCATCCCTCT3240	
CCTGTCTGCC	GACTATGGAG	TCTCCACCTT	TGGACACAAC	ACTTACTCAC	CATTTACTCT3300	
TTATCACTCT	GCAACAAATC	ACAGAACCGA	TCATCTCAGG	CTTTTCTCTC	TGGCCCTTTG3360	
TGTCCAGAT	TCTTTAATCC	ATTTTTGTTG	GTGAACATCT	CAGACTATAG	ATAAGTGGAC3420	
TGGACCTTGT	GTCTTGGGGG	TGGCAGTTGG	GATTACTCCC	CAACAAGGCT	GATTTTAGGC3480	
AGCATGTGTT	CACCTGTGCTG	TGATTTGATC	TACTGTCTCC	CAGAAAGTGT	GTTGGGATCG3540	
GCCATTAGCA	GCTTGGCTTC	TCTTGTCACT	TTTTTCTCTC	TATTTTGTTT	TTTCTTCTTC3600	
TTTTTCCCCC	CCTCAGGGCA	AATGGTCTAA	CTGGTGCAAT	CATGAAGAGA	GTTAATGGTT3660	
AACAGATATT	GGCCAATAAC	AAAACACCCC	ATGGACTGTG	ACTCGAGTAT	CCACAGGGCA3720	
GTCAGAGCTC	TCCCGGTCTG	AAAGTTGCAT	TGCCACTGCT	AACGTTGGGA	TTGCATCAGA3780	
CAGCCCTCTGA	GTGGGGTTGA	GATGAGGTTG	GTTTGGTTTG	AGCTTTACACA	CTCCTCACCT3840	
GTTCTTCTCT	AGTGTCTCTT	CTCTGAAAGG	ATTTATGTTT	TTCTTCGTTA	GATAGTGAAT3900	
TCTGAGCAAG	CTGATCTCTC	CTGCAATGCT	CCAACCTGAT	TGGACAAAGG	AAGCTCTATG3960	
GCTCTGAGAA	GAGACTATCC	TTAATTTTTT	TTTCTTACAA	AAACTGATTG	TTCCCATAAA4020	
TATTTTAACT	TGAGAGGACT	AGGACCATTT	TGTTTTGGGC	CCTCTCTCTG	AAAATTTGTC4080	
TGTTTTAAGA	GGCAGCTAGA	ATCTTTACCA	TATGTATGAA	TTTGTATAAT	TTCAATTTTG4140	
GATAGAGGATA	AACTTTTGCT	TCTGATAAAA	CCCTGGAATT	TCATCTGGTC	CTCAGAGCAT4200	
TGCTGTCTGT	TCTTGTCTGT					

TTTATTATTY TCGATCAACCA TTCTCCCTAT CCGTTCTTGG TCCCTCCCTT TCTAAACATG4740  
 TGTAACTACT ATACAGAGAC TGCTACAAAA TTGTATATAG TTTTGTGATC AAATAGCATG4810  
 AGGGGAGAGG AAACATTATA AAGTTGGGGC TCTACTCTC CTTTGTCTTG TAAATTCAAA4860  
 AGTTTGGGAT GCGTAAGAGG GATAGTTAAA ATGTTTACAA AACTTTAGTC TCCCTCGGAA4920  
 CTTTTGCTAG TGTGGAGGAA AATAAAAAAG AACTTAAAT 4959

Name: 266

Len: 5676 Check: 1D2F

GGATCTTTGA	GAGCACTGGT	GCGACTTTCA	GGTGAGSTCT	TAGCAGATGA	AAAGGGCTGG	60
CTGTCTCTGG	CGCTAGTAGT	GCCTTCTGCT	CGCACTCGGC	CGTGAGCTAG	GTGTGCAACG	120
GGATCTCTGG	CGAGGCTCGC	GCCTGCTAGC	TGCACTGCGC	AGAGGCGGAA	GGCGGCTGAT	180
CGGATCTAGG	CTCTCAGAAG	AGCCTTGTGG	AGGCGGAGAA	CGGGAAGGCG	CTGGGCGCAT	240
CTTGAATCTT	CACTCTCCAT	CCCCGAGGCT	TTGCTCTGTC	CGGCGGCGGC	CTTGTCTGCT	300
CGGAGGCTCA	CTCTGCTAAA	AGGGGAGGAC	GTGAGGAGCG	CGGCGGCTGG	CGGGAGAGAG	360
AGCTGGGAG	AGACATGGCA	GGGTGCGAGC	CGGCGCTGCG	CGTCTGTGAC	TGAGCATCCT	420
CTTAGGCTTT	TCCACGCCCC	CCCCCTGCCC	GAGGGGCGGG	GCTGACGGCT	CTGGTACCCG	480
GAGTGGGCTC	CGGGGGCAGG	GGCGGCGCCC	TGCAGAGTGG	GGACCCCACT	GGGCTGTGCC	540
ATGCTGACCG	GAGACCAACG	AGGCGGGAGA	CAGAGCGGCG	CGAAGAGCCA	TTGAGTGGTC	600
ACCCAGTAGC	CGGCGCGCGC	GCCGCTCGCG	GAAGCTTGCC	ACCCGCTAGG	AGGGAAGATG	660
AAGGAGATTT	CGAGGATCTG	TGCGGAGAG	CTGTGTGAAA	ACGAGCGGCG	CTGATCTCTC	720
CACAGGCGCT	CGAAGCTCAA	TCTCCAGGTT	CTGCTTTGCG	ACGTCTTGGG	CAAGGATGTC	780
CCCCGCGATG	GCAAGGCCGA	GTTGCTTGGC	AGCAAGTGTG	CTTTCTATGT	TGATCGAATC	840
TATCGATTGG	ACACAGTTAT	TGCCCCGATT	GAAGCGCTTT	CTATTGAGCG	CTTGCAAAAG	900
CTGCTACTGG	AGAAGGATCG	CCTCAAGTTC	TGCATTGCCA	GTATGTATCG	GAAGAATAAC	960
GATGACTCTG	GCGGGGAGAT	CAAGGCGGGG	AATGGGACGG	TTGACATGTC	CGTCTTACCC	1020
GATGGAGAT	ACTCTGCACT	GCTCCAGGAG	GACTTCGCGT	ATTGAGGCTT	TGAGTGCTGG	1080
GTGGAGAATG	AGGATCAGAT	CCAGGAGCCA	CACAGCTGCC	ATGGTTCAAG	AGGCCCTGGA	1140
AAGTCAACCA	GGAGATGCCG	TGGTTGTGCC	GTTTGTGGGG	TTGCTGATTC	TGACTATGAA	1200
GGCATTGTGA	AGGTACCTCG	AAAGSTGGCC	AGAAGTATCT	CTGCGGCGCC	TTCTAGCAGG	1260
TGGTGGACCA	GCATTGTGAC	TGAAGAACCA	GCGTTGTCTG	AAGTTGGGCG	ACCCGACTTA	1320
GCAAGCACAA	AGGTACCCCG	AGATGGAGAA	AGCATGGAGG	AAGAGACGCG	TGGTTCTCTC	1380
GTGGAATCTT	TGGATGCAAG	CGTCCAGGCT	AGCCCTCCAC	AACAGAAAGA	TGAGGAGACT	1440
GAGAGAAGTG	CAAGGGAAGT	TGGAAAGTGT	GACTGTTGTT	CAGATGATCA	GGCTCCGCAG	1500
CATGGGTGTA	ATCACAAGCT	GGAATTAGCT	CTTAGCATGA	TTAAAGGTCT	TGATTATAAG	1560
CCCATCCAGA	GGCCCCGAGG	GAGCAGGCTT	CGGATTCCAG	TGAAATCCAG	CTACCTGGA	1620
GGCAAGCCTG	GGCCTAGCAT	GACAGATGGA	GTTAGTTCCG	GTTTCTTTAA	CAGGTCTTTG	1680
AAACCCCTTT	ACAAGACACC	TGTGAGTTAT	CCCTTGGAGC	TTTCAGACCT	GCAGGAGCTG	1740
TGGGATGATC	TCTGTGAAGA	TTATTTGCCG	CTCCGGGTCC	AGCCCATGAC	TGAAGAGTTG	1800
CTGAAACAAC	AAAAGCTGAA	TTACATGAG	ACCACTATAA	CTCAGCAGTC	TGTATCTGAT	1860
TCCCATCTGG	CAGAACTCCA	GGAAAAATC	CAGCAAACAG	AGGCCACCPA	CAAGATTCTT	1920
CAAGAGAAAC	TTAATGAAAT	GAGCTATGAA	CTAAAGTGTG	CTCAGGAGTC	GTCTCAAAAG	1980
CAAGATGGTA	CAATTGAGAA	CCTCAAGGAA	ACTCTGAAAA	GCAGGGAAAG	TGAGACTGAG	2040
GAGTTGTACC	AGGTAATTGA	AGGTCAAAAT	GACACAATGG	CAAAGCTTCG	AGAAATGCTG	2100
TACCAAGGCG	AGCTTGGACA	ACTTCACAGC	TCAGAGGGTA	CTTCTCCAGC	TCAGCAACAG	2160
GTAGCTCTGC	TGATCTTCCA	GAGTGCTTTA	TTCTGCAAGC	AACCTGAAAT	ACAGAAGCTC	2220
CAGAGGGTGG	TACGACAGAA	AGAGCGCCAA	CTGGCTGATG	CCAAACAAAT	TGTGCAATTT	2280
GTAGAGGCTG	CAGCAGACGA	GAGTGAACAG	CAGAAAGAGG	CTTCTTGGAA	ACATAACAGG	2340
GAATTGGGAA	AAGCCTTGCA	GCAGCTACAA	GAAGAATTGC	AGAATAAGAG	CCAACAGCTT	2400
CGTGGCTGGG	AGGCTGAAAA	ATACAATGAG	ATTGGAACCC	AGGAACAAAA	CATCCAGCAC	2460
CTAAGCCATA	GTCTGAGTCA	CAAGGAGCAG	TTGCTTCAGG	AATTTGCGGA	GCTCTACAGG	2520
TATCGAGATA	ACTCAGACAA	AACCCCTGAA	CGAAATGAAA	TGTTGCTTGA	GAAACTTCGC	2580
CAGCGAATAC	ATGATAAAGC	TGTTGCTCTG	GAGCGGGCTA	TAGATGAAAA	ATCTCTGCTG	2640
CTAGAGAGAG	AAGAAAAGA	ACTGCGCCAG	CTTCTCTCTG	CTGTGAGAGA	CGGAGATCAT	2700
GACTTAGAGA	GACTGGGCGA	TGTCTCTCTC	TCCAAATGAA	CTACTATCCA	AAGTATGGAG	2760
AGTCTCTCTA	GGGCGCAAGG	CCTGGAAGTG	GAAAGATTAT	CTACTACCTG	TCAAAAGCTC	2820
CAGTGGCTGA	AAGAAGAAAT	GGAAACCAAA	TTTAGCCGTT	GGCAGAAAGG	ACAAGAGAGT	2880
ATCATTCAGC	AGTTACAGAC	GTCTCTTCAT	GATAGGAACA	AAGAAGTGGG	GGATCTTAGT	2940
GCAAGCACTG	TCTGCAAACT	TGGACCAAGG	CAGAGTGAGA	TAGCAGAGGA	CTGTGTGCCG	3000
CGTCTACAGC	GAAAGGAAAG	GATGCTGCAG	GACCTTCTAA	GTGATCTAAA	TAAACAAGTG	3060
CTGGAACADG	AAATGAGSAT	TCAAGGCCCT	CTTCACTCTG	TGAGCAACCG	GGAGCAGGAA	3120
AGCCAAAGCT	CTGCAGAGAA	GTTGGTGCAA	GCTTAAATGG	AAAGAAATTC	AGAATTACAG	3180
GGCCCTGGGC	AATATTTAGG	AGGGAGAGAG	TCCCTGATGT	CCCAAGCACC	CATCTCTAAC	3240
CAGCAAGCTG	AAGTTACCCC	CACTGGCCGT	CTTGGAAAAC	AGACTGATCA	AGGTTCAATG	3300
CAGATACCTT	CCAGAGATGA	TAGCACTTCA	TGACTGCGA	AAGAGSATGT	CAGCATACCC	3360
AGATCCACAT	TAGGAGACTT	GGACACAGTT	GCAGGGCTGG	AAAAAGAACT	GAGTAATGCC	3420

AAAAAGAAAT TTGAAGTCAT GGCTAAAAAA GAAAGAGAAA GTGAGAT GAA ACTTTCTGCT3480  
 CTAGAGTCCA TATGCTGT GCAGGAAGAA GAGTGCAGG TGCAGGCT30 T3ATATGGAG3540  
 TCTTTGACCA GGAACATACA GATTAAAGAA GATCTCATAA AG3ACCT3CA AATGCAACT3360  
 GTTGAAGCTG AAGACATACC AGCTATGGAA CGCTGACCC AG3AAGTCTT ACTTCTTGG33660  
 GAAAAAGTTG CTTAGTAGA ATCCGAGGT CAAGAAATTT CABGAAACCG AA3ACAACAG3720  
 TTGCTGCTGA TGCTAGAAGG ACTAGTAGAT GAACGGAGTC GGTCAATGA GGCCTTACAA3780  
 GTAAGAGAGC AGCTCTATAG CAGTCTGCTG AAGTTCATG CCAATCCAGA GAGCTCT3AG3840  
 AAGAGCGAA CTCTGAGGT GGAAGTGGAA GGGGCTCAGG TGTACGTA TCGCTAGAA3900  
 GAAATTTCTG GAAGAAGCTT GGAGCGTTA AAGAGGCTGG AGACTT3AG CCGCATT3GA3960  
 GGTGCAAGCT CAGCGGATGA CACCBAAGAT ACAAGCACTG AGTCACTJA CABTATT3AG4020  
 GAGAGAGCTG CACACCATAG TCACGAGCAA CTATAGCTTC AGAAGTATT TTACTTGA4080  
 GAGATGAGC ACATTECCCT TGGGCTTTT GTAACTGAAA CGCACTAGAG AAGACAGGGA4140  
 GTGATGAAAG GGTGCTCGG GGAGGTGGCA GGGCGGAGGA COTGCTTGGG AAGAAACTCC4200  
 AAGAAGATTG GAATGCTTCC AAAGCAAGAA TCTTTCTCAG TGAATCTCA TTATACAAAG4260  
 AGAAGCTTAT GCAACTGAC AAACCACTGA GGTCATGGTG ACTCAGT3AT CAGCAGATGG4320  
 TACTTCAACA GCAATCCCT GTCAAACCTC AGAAGTGGAG GCTGAAACAT T5CTTCCACC4380  
 CACCATCAAT GAAGATGTAA CTAGCATGTT ACAAGAGTGA ATAATCTGGA CTTCAGAGAT4440  
 TAAGTCACTA ATAGT3ATCT CACAGTACT CACCGGAAT CCTATAT3T CT3CACTTT34500  
 TCCATGCAAT TTAGCAATCT CATCTCCTAA ATGGACTGT3 CCTATGATTC TTAAGGAGAA4560  
 AGTGAATCAT TGGTAGATAT CCTGCACAAG CAGCTGGACT TTCCAGTAAT AGCTTTCTTG4620  
 GGGCTATTAG GAAAAATTAA CAAGAAATGA GGCCTTTCTGG GTCTGCTGT AT3TCTTCTG4680  
 CATAAGACCA A3AAGAGACA TCGAATCAAC CAATAAGAAG AGCCCAATA AGCATCCTCA4740  
 AATCTTTTGG GATTGGCAC TTGGGGACAT GAGTAGTTGT CTGGGATACG TCATATTCTC4800  
 AACAGTTTCT TTGTAGTAGT AGGATCACCT TCTTATAATA GATCACTCTT CTGTGTGCTA4860  
 TAGCTGTACG CGACCTTCCC TTCTCCCTTG AGTGCTTGCA T3AGCT3CA3 TTTTCCCTTT4920  
 GCTTGAGCAG CTTCTCCTGA GTCTCTCTTA CCGATGGTTG T3ACTTTAAT TATATACATC4980  
 TCTGTCCCTC CAGACAGATC CCTCTGTCTT CACTCTCTGA TTTTATT3AG GATCTTGGGT5040  
 GAGAGAGAGG GACCTGCAGG ATGAACAAAT GTCTACTCTA A3ATAGCTAG ATTGGGAGGT5100  
 TGGCTGGTCA CTGATGGTTA TAATGACTGT GGGACAGGAT T3ACTT3AGA ATAAATGAAC5160  
 AGGAGACACA GATATGAAGA AAGTTTCTGA TTGATATGGT CTGAAGTACT CCTGGTATTG5220  
 CAAGTCATTT GCTCTAATTC TCAATTGTAG GCAAACTGAT TTGTAAATTT CTTCTTTCAG5280  
 CCTTCTTTCT TGTAGCCTAG CATGGAGAAT CTGACCAGAC CCTATTTTGA GAAGGTGAGC5340  
 CTACACTGGA ATGAACCTTT TACATTAGGG CATTTGTATT TCCCTCACAA TACTTGCCAC5400  
 ATTACTTGGC ATAGGAGAGA TGCTTAGTGT AATTATAAGT TAACAAGCCT TTGGATCAGG5460  
 GCTTGACTCA TGATAGACAA AGTATATGCC TGCTGGATGG AAGAACTCTT TGGGCGAGCA5520  
 CCATTTTTCT TTCCATCACC TTTCCCTTGA AATATATCTT CAGCTTTGGG TAGGAGGAAT5580  
 CTTGGTGTAT GAAATCATTG CAAATTTACT TCATCTTTTC TGGAGTTTGA AGTTGTGACT5640  
 CTCCTGCTAC CAATTAAATA AAGCTTACTT TGCCAT 5676

Name: 267 Len: 2483 Check: C86  
 TGGAGTTTGA CTATTCTGAG GACAAGAGTA GTTGGGACAA CTAGCAG3AA AACCCCCCTC 60  
 CTACCAAAAA GATAGGCAAA AAGCCAGTTG CCAAAATGCC CCTGAGGAGG CCAAGAGTGA 120  
 AAAAGACACC CGAGAAACTT GACAACACTC CTGCCTCACC TCCAGATCC COTGCTGAAC 180  
 CCAATGACAT CCCCATTGCT AAAGGTACTT ACACCTTTGA TATT3ACAAG TGGGATGAAC 240  
 CCAATTTTAA CCCCCCTTCT TCCACCTCAA AAATGCAGGA GTCTCCAAA CTGCCCAAC 300  
 AATCATACAA CTTTGACCCA GACACTCTGT AT3AGTCCGT TGACCCCTTT AAGACATCC 360  
 CTAAGACCCC CAGCTCACCT TCTAAATCCC CAGCCTCCTT TGAGATCCCA GOCAGTGCTA 420  
 TGAAGGCCAA TGGAGTGGC GGGGATGGG TAAACAAGCC CGCCAAAGAG A3AAGACGC 480  
 CCTAAAGAC TGACACATTT AGGGTGA3AA AGTCCGCAAA ACGGTCTCTT CTCTCTGATC 540  
 CACCTTCCCA GACCCCAACC CCAGTTGCTA CACCAGAAAC ACTACAGTG ATCTCTGCGG 600  
 TGGTCCAGGC CACAGATGAG GAAAAGCTGG CGGTCAACCA CCA3AAGTGG AGTGCATGA 660  
 T3GTGAGCT AGAGGCTGAC AAACAG3ACT AOCOC3AGCC CTG3GACTG T3CACTTT3 720  
 TAAACGAGAC CAAATTCAGT T3AGCCAGTG AG3AGTT3GA TTACAGAAAC T3CTATGAAA 780  
 TTGAATATAT GGAGAAAATT GGCTCCTCCT TACCTCAG3A C3AG3ATGCC C3AAGAAGC 840  
 AGGCCTTGTA CTTATGTTT GACACTTCTC AGGAGAGCCC T3TCAAGTCA TCTCCCGTCC 900  
 GCATGTGAGA GTCCCGCAGC CGTGTCTCAG GGTCAAGTTT TGA3AGACT GAAGCCCTT3 960  
 TGAACACTGC T3CGAAAAAC CAGCATCCTG TCCCAGGAG ACTGGCCCTT AACCAAGAGT1020  
 CACACTTGCA GGTGCCAGAG AAATCTTCCC A3AAGGAGCT G3AG3CCATG G3TTTGGGCA1080  
 CCGCTTCAGA AGCGATTGAA ATTACAGCTC CCGAGG3CTC CTTTGGCTCT GCTGACGCC1140  
 T3CTCAGCAG G3TAGCTCAC CCGTCTCTC TCTGTGGTGC ACTTGACTAT CTGGAGCCCG1200  
 ACTTAGCAGA AAA3AATCCC CCACTATTGG CTCAGAAACT CCA3AG3AG G3TGTTCAGC1260  
 CAACAGAGCT CT3CATCTCC AAAACAG3CT T3TACTCCCG CATGG3GACC G3TGAGGTGG1320  
 AGAAACCTGC AGGCCTTCTG TTCCAGCAGC CCGACCTG3A CTCTGCOCTC CAGATCGCTCA1380  
 GAGCAGAGAT CATAACCAAG GAGAGAGAG TCTCAGAAAG GAAAGATAAA TATGAAGAAA1440

ACATGCGGGA AGTGTATGGA ATGAGGAAAA TAGTGGGGA ATATTAAAG ACCATGCTCTC150  
 AGATGATAGA GWAGGAACAG AGAGAGAACT CAGTCTCCHA CCAGACGCTG CAGCAGCTGG1560  
 TTCTGGAGAA GGAGTAAGCC CTGGGCGACC TGAAGCTCGT GGAGAAGTCT CTGGGCGACC161  
 TTTTCAGAAG ATATGAGAAG ATGAAGGAGG TCCTAGAAAG CTTCGCGAAG AATGAAGAGG1640  
 TGTGGAAGAG ATGTGCGCAG GAGTACCTGT CCGGGGTGAA GAAGGAGGAG CAGAGGTACG1740  
 AGGCGCTGAA GSTGCACGCG GAGGAGAAAC TGGACAGGCG CAATGCTGAG ATTGCTCAGG1800  
 TTGAGGCAAA GGGCCAGCAG GAGCAAGCCG CCGACCGAGG CAGGCTGCGG AAGGAGCAGG1860  
 TGGAGTGGAA CCGGCTGGAA AGGAAGCTGG AGCAGAGAA TAAAGAAATA GAAAGAACTC1920  
 CCAAGATTTC TGAGGAACTG ATTGGCAAAA TGGGGAAGAG TAACTCTGA ACCGAACTG1980  
 TTBGACTTAA CTGTTGCGGC AATATGACTG TGGGACACT GCTGTTCTG CAGTTCCATG2040  
 GACAGGTTCT GTTTTCACTT TTTCTATGCT ACTACTGTAT TCGCTTTCTA AATAAAAT112100  
 AITTTGATTGT ATGAGTACT AAGGAGACTA TCAGAAATTC TGGCTATTGG TTTGCAATTT12160  
 CCTAGTATAA TTGATAGCAA GTTGACCTCA GAGTTCTCTG ATCAGGAGCA TTGCTGATT2220  
 CTCTAATAAA AGACACATTG CTGACCTTGG CTTTGCCCTT TGTACACAG TTCCGAGGGT2280  
 GAGCAGCTTT TGGATTTAAT ATGAACATGT ACAGCGTGCA TAGGGACTCT TGCCTTAAAG2340  
 AGTGTAAACT TATCTGCAAT TTGCTGATTT GTTTTTAAAA AAACAAGAAA TGCATGTTT2400  
 AATAAAATTT CTCTATTGTA AATAAAATTT TTTCTTTGGA TCTTGAAAAA AAAAAAAA2460  
 AAAAAAAA AAA

Name: 268 Len: 4143 Check: 23CF  
 GCTGATGCT GACTGGTGGC CAATGCAGAT ACTAATTAAG TGCCCTAATC AAATTGTGAG 60  
 ACAGATGTTT CAGGCTTTGT GTATCCATGT GATTGAGAGG CTGAGACCTG TGCATGCTCA 120  
 TCTCTATTTC CAGCCAGGAA TGGAAGATGG GTCAGATGAT ATGGATACCT CAGTAGAAGA 180  
 TATTGGTGGT CGTTCATGTG TCACTCGCTT TGTGAGAACC CTGTTATTAA TTATGGAACA 240  
 TGGGTAAAAA CCTCACAGTA AACATCTTAC AGAGTATTTT GCCTTCCTTT ACGAATTTGC 300  
 AAAAAATGGG GAAGAAGAGA GCCAATTTTT GCTTTTCATTG CAAGCTATAT CTACAATGTT 360  
 ACATTTTTCAT ATGGGAAGAA AAGGACCTGA AAATCTCTCA GTTGAAGTGT TATCAGAGGA 420  
 AGAAGGGGAA GAAGAAGAGG AGGAAGAAGA TATCTCTCTT TTGGTTGAAC AGTCTGATC 480  
 GGCAGCTGCC CTTGAAAAGA TGATAGCTTT AGTTGCTCTT TTAACAGGAG GAAAGGGATT 540  
 AGAAGGGCAT TTGACATTAT CACAGACTGA CATGCGAGCA TTAACAGGAG GAAAGGGATT 600  
 TCCCTTCTTG TTCAACATA TTCGTGATGG CATCAATATA AGACAACTT GTAATCTGAT 660  
 TTTCAGCCTG TGTCGATACA ATAATCGACT TGCAGAACAT ATTGTATCTA TGCTTTTCAC 720  
 ATCAATAGCA AAGTTGACTC CTGAGGCAGC CAATCCTTTC TTTAAGTGTG TGACTATGCT 780  
 AATGGAGTTT GCTGGTGGAC CTCCAGGAAT GCCTCCCTTT GCATCTTATA TTCTGCAGAG 840  
 GATATGGGAG GTGATTGAAT ACAATCCTTC TCAGTGTCTA GATTGGTTGG CAGTGCAGAG 900  
 ACCCCGAAAT AAAGTGGCAC ACAGCTGGGT CTTACAGAAT ATGGAAAACT GGGTCGAGCG 960  
 GTTTCTTTTG GCTCACAAAT ATCTAGAGT GAGGACTTCT GCAGCTTATC TTCTGGTGTCT1020  
 CTTTATACCA AGCAATTCAT TCCGTCAGAT GTTCCGGTCA ACAAGGTCTT TGCACATCCC1080  
 AACCGGTGAC CTTCCACTCA GTCCAGACAC AACAGTAGTC CTACATCAG TCTACAACGT1140  
 GCTCCTTGST TTGCTCTCAA GAGCCAACT TTATGTTGAT GCTGCTGTTT ATGCACTAC1200  
 AAAGCTAGTG CCTATTTTA GCTTTATGAC TTACTGTTTA ATTTCCAAA CTGAGAAGCT1260  
 GATGTTTTTC ACATATTTCA TGGATTTGTG GAACCTTTTC CAGCCTAAC TTTCTGAGCC1320  
 AGCAATAGCT ACAAATCACA ATAAACAGGC TTTGCTTTCA TTTTGGTACA ATGTCTGTGC1380  
 TGAATGTCCA GAGAATATCC GCCTTATTGT TCAGAAACCA GTGGTAACCA AGAACATTGT1440  
 CTTCAATTAC ATCTTTGCTG ACCATGATGA TCAGGATGTG GTGCTTTTTC ACCGTGGGAT1500  
 GCTGCCAGCG TACTATGGCA TTCTGAGGCT CTGCTGTGAG CAGTCTCTTG CATTTCACAG1560  
 ACAACTGGCT TCTCACCAAG ACATCCAGTG GGCCTTTAAG AATCTTACAG CACATGCCAG1620  
 CCAATACGCT GGAGCACTAG AAGAAGTGT TAACCTGATG CAGCTGTTTA TAGCTCAGAG1680  
 GCCAGATATG AGAGAAGAAG AATTAGAAGA TATTAAACAG TCAAGAAAA CAACCATAG1740  
 TTGTTACTTA CBTGCTTAG ATGGCCGCTC CTGCTGGACT ACTTTAATAA GTGCTTCAG1800  
 AATACTATTA GAATCTGATG AAGACAGACT TCTTGTGTGA TTTAATCCAG GATTGATTCT1860  
 AATGACAGAG TCTTTCAACA CTTTGCACAT GATGTATCAC TTTGCTTTTC GTTTGAGT CTACACGCTC1920  
 GACTGGAGAT TTAGTAAAC TTCTGTCAAT ATTTCTTTTC TGGCAGGAGC GAATTGAATT2040  
 TTATCTTCAG AAAAAAGATG TGAACAAGC ATTAATCCAG CTATAGTCCT CCAGAACTTA GAAATGCTC2100  
 TGCCCATAAA CTGTTAACTC TTCTTAATTC GAGTCCCAT GATTTTCTTC ATACTGTGT2160  
 TATAGATGTC CTCGAAGAAC TTGTACTTTT CCATCACAGT AATATACCAA TGTCTCTTGG2220  
 TCCCTTTCTA CAACACAACC ATTGTACTTA GCTAATAGGA GGGAAAAACA ATATTGCGCT2280  
 ACCTTATTTT CCTTGTGAG AAAATATCAA GCTAATAGGA GTGAAAAACA GTAAGGGCA2340  
 TCCCGGCGCT SAAGTCAATA TGTGCTCTT GCCACAAATG TCTTATCATC AGTTTATCCA2400  
 AGATGAAGTT TATGATCGTA TGCTGCTAGA CTACTTCTTT TAAACATTAG TTAAGCTGAG2460  
 TCTATTATGC CGAGTTGCAA TCAACTGTGA AAAATTTACT CTGTTCCCA AACTTTGGAC2520  
 TGTCTAGTT CCGTATGAAG GTTTGCCACT TCATCTTGCA ATCAAGCTTT TGTGTGAAGA2580  
 TGAGCTATGC CAGACTCAG CTGCTATGTC AAAAACTGC TCTAATGGAT GAAAGAAGTT TTTTAAACAA2640  
 TCTGTTTTTC CCAGAAATA



Name: 17 Len: 2493 Check: 1B10

3300000000	GGGCTTTTGA	GGAAATGGCA	GACGATATTG	ATATTGAAGC	AATGCTTGGG	60
3000000000	AAAAGGATGA	GAACAAAGTT	AGCAGTGCCA	ACGGGCGATG	AAGAGGATGG	120
AAAAAGAGGA	AAAAAGATGA	GAGCAGAAAT	CGTAGTCATG	AAAGAAAGAG	AAGCAAAAGT	180
AAGGAAAGGA	AGCGAAGTAG	AGACAGAGAA	AGGAAAAAGA	GCAAAAGGCG	TGAAAGAAAG	240
CGAAGTAGAA	GCAAGAGAGG	GCGACGGAGC	CGCTCAAGAA	GTCGAGATCG	AAGATTTTGA	300
GGGCGGTACA	GAAGTCTTTA	CTCGGAGCCA	AAATTTAACA	GTCTCATCCG	AGGAAAGATT	360
GGGTTGGGTC	ATAGCATCAA	ATTAAGCAGA	CGACGTTCCC	GAAGTAAAG	TCTATTGAGA	420
AAGGACAGAA	GCTCTGTGAG	AGAACTTATT	GATAATTTAA	CTCTTGAGGA	AAGAGATGCA	480
AGGACAGTCT	TCTGTATGCA	GCTGGCGGCA	AGAATTCGAC	CAAGGGATTG	GGAAGAGTTT	540
TCTGTATCAG	TAGGAAAGGT	TGAGATGTGT	AGGATGATTT	CTGACAGAAA	TTCAAGAGCT	600
TGCAAGAGAA	TTGCTTATGT	GGAGTTCGTC	GATGTTAGCT	CAGTGCCTCT	AGCAATAGGA	660
TTAAGTGGCC	AACGAGTTTT	AGGCGTGCCA	ATCATAGTAC	AGGCATCACA	GCGAGAAAAA	720
AACAGAGCTG	CAGCAATGGC	AAACAATTTA	CAAAAGGGAA	GTGCTGGAAC	TATGAGGCTT	780
TATGTGGGCT	CATTACACTT	CAACATAACT	GAAGATATGC	TTGCTGGGAT	CTTTGAGGCT	840
TTTGGAAGAA	TTGAAAGTAT	CCAGCTGATG	ATGGACAGTG	AAACTGGTCC	ATCCAAAGGA	900
TATGATTTTA	TTACATTTTT	TGACTCAGAA	TGTGCCAAAA	AGGCTTTTGA	ACAACTTAAT	960
GATTTTGAAC	TAGCAGGAAG	ACCAATGAAA	GTTGGTTCATG	TTACTGAAAG	TACTGATGCT	1020
TGAGTGTCTA	GTTCATTTTT	GGACAGTGAT	GAAGTGGAAA	GGACTGGAAT	TGATTTGGGA	1080
ACAACTGGTC	GTCTTCAGTT	AATGGCAAGA	CTTGACAGAG	GTACAGGTTT	GCAATTTCCG	1140
CCAGCAGCAC	AGCAAGCTCT	ACAGATGAGT	GGCTCTTTGG	CATTTGGTCC	TGTGGCAGAA	1200
TTCTCTTTTT	TTATAGATTT	GCAAACAAGA	CTTTCCCAGC	AGACTGAAAG	TTCAAGCTTT	1260
GCTGCAAGCT	CCTCTGTTCA	GCCACTTGCA	ACACAATGTT	TCCAAGCTCT	TAACATGTTT	1320
AAGCTCAGAA	CAGAAGAAGA	AGTTGGATGG	GATACCGAGA	TTAAGGATGA	TGTGATTGAA	1380
GAATGTGATA	AACATGGAGG	AGTTATTCAT	ATTTATGTTG	ACAAAAATTC	AGCTCAGGGC	1440
AATGTGTATG	TGAAGTGGCC	ATCAATTGCT	GCAGCTATTG	CTGCTGTCAA	TGCAATGCAAT	1500
GGCAAGTGGT	TGCTGTGTAA	AATGATAACA	GCAGCATATG	TACCTCTTCC	AACTTACCACT	1560
AAGCTGTGTC	CTGATTTCTT	GACAGCAACA	CAGCTACTGG	TTCCAAGTAG	ACGATGAAGG	1620
AAGATATAGT	CCCTTATGTA	TATAGCTTTT	TTTCTTTCTT	GAGAATTCAT	CTTGAGTTAT	1680
CTTTTATTTA	GATAAAAAAA	AAGAGGCAAG	GACTACTGTT	CATTTGTATG	CAATTTCTCT	1740
TTACCTTGAA	AAAATAAAAA	TGTTAACAGG	AATGCAGTGT	GCTCATTCTC	CCTAAATAGT	1800
AAATCCCACT	GTATACAAAA	CTGTTCTCTT	GTTCTGCCTT	TTAAATGTTT	CATGTAGAAA	1860
ATTAATGAAC	TATAGGAATA	GCTCTAGGAG	AACAAATGTG	CTTTCTGTAA	AAAGGCAGAC	1920
CAGGGATGTA	ATGTTTTTAA	TGTTTCAGAA	GCCTAACTTT	TTACACAGTG	GTTACATTTT	1980
ACATTTCACT	AATGTTGATA	TTTGGCTGAT	GGTTGAGCAG	TTTCTGAAAT	ACACATTTAG	2040
TGATGGAATA	TACAAAGACAG	CTAAAGGGCT	GTTTGGTTAG	CATCTCATCT	TGCATTTGAT	2100
TCAATGGGCA	AGAAAGGGAG	ATTTCAAAAT	TATATTTCTT	GATGGTATCT	TTTCAATTAAT	2160
TGATCTGTA	AAAGTTTCTT	TGTAAATACT	ATGTGTTCTG	GTGTTGTCTT	AAATTCACAA	2220
CAAAATGATC	CTGCAATTTT	CTGAAGATGT	TTAAACGTGA	GAGTCTGTTA	GGCAAGCAGC	2280
TCTGAGAAAG	AAATAGGAAA	TGCAGAAATA	GGTTTGTGCT	GGTTGCATAT	AATCTTTGCT	2340
CTCTTCAAGC	TCTGTGAGCT	CTGAAATATA	TTTTTGGGTT	ACTTCAGTGT	GTGAGCAAGG	2400
AAAGCTTGAAT	ATTTCTATCA	AACAAATGAC	TTTCATATTG	CAACAATCTT	TGTAAGAACCT	2460
AUTCAATGAA	AAATCTCTTA	AAAAGGCC				2498

Name: 171 Len: 1769 Check: 15BD

3000000000	ATTAGCATTG	CTTACGTAGA	TAATTTCTTA	TGCTAGTTA	TTATACATAT	60
TAATTTTAA	GATATACATT	TAAATACAC	AATTTTTCAT	TGTGTTTTGT	ATGCGAGAA	120
GTGTTGTGTT	TTTTAAAGGA	TGCATAATAG	CTGAATGTAT	GCATGACTTT	GAAAGAAGTT	180
AAAAATGGTA	TTTTTTTTCA	CCTCTTGATC	ATTTTAAAC	CAGGCGCAAT	CTATTTGCCA	240
AGCAGTGTAT	CACATAAAG	AAAAGCAGTT	TTTCTTTT	TTGCASTTTT	TGTTTTATCT	300
CCATAGAAAT	TCTTTATACT	GTGGTTTGT	ATTACTCAAG	ATTAGCTATT	TGCTGTGTAT	360
TACATCTTTT	TAAAAGGCTA	TTATAACATG	GTTAGCCTAT	AAGGTAGTGT	TGTTGCTCTT	420
CTAATATTGG	CTTCATAAAG	GGTTTCCACT	GTAATTTCCG	CATATTACTG	TGTTGTTGTT	480
TGCTTTTGTG	GATATATAAG	TAAATTGAGC	TTGGGTTGAT	TTTATGGAAG	CAATAATTAG	540
ACAATACTGT	ATAATTAGTT	TTACTTAATA	GATTATCATC	TTGTGAGAAG	AGATGTTTAA	600
ACGTGGTAAA	TCACTTCATA	TTACAAAACA	GTTTTACACT	TAATATGTTA	ACATTGGGTG	660
CAATAATTTA	GTAGCAATTAG	CTTTAGTTAC	AAATATAACT	GGATCTTTCT	GCTGACAACT	720
TAGGTTGTAT	GAGTTATGCT	TAAAGCTTT	AAATCTGATG	TTTCTGTAC	CTGOCACACT	780
ATGTTAGAAT	GTGCTCTTCA	AACATATGCT	CCTGCAACTT	CTGAAACTGT	ACTAAATTGA	840
TATTTCTTGA	AGTCTAACTC	TGTGCTAACA	GATCTCCATT	TTAAATAGAA	TACGGTTTTA	900
ATTTTTGATA	AGCTGCTGAA	TTTTAAAGAG	AGTTTTTTGG	GGCCACCAAA	TATTTTGGAT	960
CATGCAGAGA	ATATATATTG	TACTGTAGTA	ATTTTGTATT	TACATTTGTA	TGATGTGACA	1020
TAATAGATGT	GAATGTTAAT	CAGTGTCTGA	CTATGTTAAT	AAAGTTGTTT	AACTATAAAA	1080
AAAAAATAAA	AACCAAGCGT	CCTTCAGATC	AATCCATCTA	TGCAAAATTA	TGGGGAAAAA	1140



TTTTCTTTTA AATTAAATTT CCAATACCCA AGGCTTAAAA TTGATGGATG TGAACCCAGG1200  
 TATTC TCTT AATCTTTGCT CCCCCTAAAC AGGCTATAGC ATAGATGGT3 330T33AACA1240  
 CTTCTACCTT CTTCTATTCT CAGAAAGCCT CCGCTT3AGG TGTCTT330T AGCTCCCTAG1310  
 TTTCTCTTTA CTATACCTGG CCACGCTCTT CTACCTAAGG CCGCTG330T AACCTTAGGG1340  
 GTAGGCACTG TTATATCAGA CCCAGACCTT CTCATCCAC CCTCATCATA TCCGGGAGAG1440  
 GGGACTCTAG GGGCGGGAAG GCAGGCGTCT CTCCATTTGG CCAGGGTGG3 CCGCGAGGAG1500  
 GGGCTCACTG TGCAGGAACA CTGAGCTCTG AACAGCTCTC GCTGCTGCTT TCCCTCACAC1540  
 CTTCTCTATT CCGCTTTTCC TCTGTTGGGG GAGGGGTTT GT3AGGG3AA TATTAGATT1620  
 CATTCTTCTA TTCTGAAAGC CCGCTGCTCT CCGCTGCTCAC AGGAGGTTG 33GGGTTG1680  
 GAGGGAAGT CATTGATTGG CCAGAACTGG GGGAAAAACA AAAGGAAATG AGAGAAAGAG1740  
 AGAGGCTGTA CCAAAAAAAA AAAAAAAA 1760

Name: 172 Len: 5541 Check: 3F4  
 GTCTAGAGTG GCAGTAAAGG AGGAAGATGG CCGGCTGCGAG GG3GTCTCTG TGCTGCTGCT 60  
 GCAGGTGGTG CTGCTGCTGC GGTGAGCGTG AGACCCGCAC CCGCGAGGAG CTGACCATCC 120  
 TTGGAGAAAC ACAGGAGGAG GAGGATGAGA TTCTTCCAAG GAAAGACTAT GAGAGTTTGG 180  
 ATTATGATCG CTGTATCAAT GACCCTTACC TGGAAGTTTT GGAGACCATG GATAATAAGA 240  
 AAGCTGGAAG ATATGAGGCG GTGAAGTGA TGGT3GTGTT TCCCATTTGA GTCTGCACTG 300  
 GCTGCTGGG TCTTTTTTGT GACTTTTTTG TCGGACTCTT CACCCAACTC AATTCGGAG 360  
 TGTACAGAG ATCGGTGGAG GAGTGCAAGC AGAAAGGCTG CCGCTGCTCT TCTCTCCTTG 420  
 AACTCTTGGG TTTTAACTC ACCTTTGTCT TCCTGGCAAG CCGCTTTGTT CTCATTGAGC 480  
 CCGT33CAGC AGGTTCCGGG ATACCCGAGG TCAAAATGCTA TCTGAATGGC GTAAAGGTGC 540  
 CAGGAATGCT CCGTCTCCGG ACCCTGCTCT TCGAGGTCTG TGGAGTGGTG TCCAGTGTGG 600  
 CTGGAGGGCT CTTCTGTGGG AAGGAAGGCC CCATGATCCA CAGTGGTTCT GT3GTGGGAG 660  
 CTGGGCTGCT TCAGTTTTAG AGCATCTCCT TACGGAAGAT CCAAGTTTAA TCCCTATT 720  
 TCCGAAGCGA CAGAGACAAG AGAGACTTTG TATCAGCAGG AGCGCTGCT GGAGTTGCTG 780  
 CAGCTTTCTG GCGCCCAATC GGGGCTACCT TGTTCAGTCT AGAGGAGGCT TCCCTCTCT 840  
 TAAATCAAGG GCTCAAGTGG AAAGTGCTCT TTTGTTCCAT GTCTGCCACC TTCACCTCA 900  
 ACTTCTTCTG TTCTGGGATT CAGTTTGGAA GCTGGGGTCT CTTCCAGCTC CCGGATTGC 960  
 TGAAGTTTGG CGAGTTTAAAG TGCTCTGACT CTGATAAAAA ATGTCATCTC TGGACAGCTA1020  
 TGGATTGGG TTTCTTCGTC GTGATGGGGG TCATTGGGGG CCGCTGGGA GCCACATTCA1080  
 ACTGCTGAA CAAGAGGCTT GCAAAGTACC GTATGCGAAA CCGTCAACCG AAACCTAAGC1140  
 TCGTCAGAG CTTAGAGAGC CTCCTTGTGT CTCTGSTAAC CACCGTGGTG GTGTTTGTGG1200  
 CCGGATGCT GTTAGGAGAA TGCCGACAGA TGTCTCTTC GAGTCAAATC GGTAATGACT1260  
 CATTCCAGCT CCAGGTCACA GAAGATGTGA ATTCAAGTAT CAAGACATTT TTTTGTCCCA1320  
 ATGATACTA CAATGACATG GCCACACTCT TCTTCAACCC GCAGGAGTCT GCCATCCTCC1380  
 AGCTCTTCCA CAGGATGGT ACTTTTCAGC CCGTCACTCT GCGCTTGTTC TCGTTCTCT1440  
 ATTTCTTCTT TGCATGTTGG ACTTACGGCA TTTCTGTTC AAGTGGCCTT TTTGTGCTT1500  
 CTCTGCTGTG TGGAGCTGCT TTTGGACSTT TAGTTGCCAA TGTCTTAAA AGCTACATTG1560  
 GATTGGGCTA CATCTATTGG GGGACCTTTG CCGTGATTGG TGCAGCGGCT TTCTTGGGCG1620  
 GGGTGGTGG CATCTATTGG AGCCTCACGG TCATCTGAT CAGTCCACC AATGAGATCA1680  
 CTTACGGCT CCGCATCATG GTCACACTGA TGGTGGCCAA ATGGACAGGG GACTTTTTCA1740  
 ATAGGGGCT TATGATATC CACGTGGGCC TGCAGGGCGT GCGGCTTCTG GAATGGGAGA1800  
 CAGAGGTTGA AATGGACAAG CTGAGAGGCA GCGACATCAT GGAGCCCAAC CTGACCTACG1860  
 TCTACCTGCA TACCGGCTATC CAGTCTCTGG TGAGCATCTT GCGCACACG GTCCACCATG1920  
 CTTCTTGGT GTTCACAGAG AACCGCGGTA ACGAGAAGGA GTTCATGAAG GGCACACAGC1980  
 TCTACAGCAA CAACATCAAG TTCAAGAAAT CAGCATCTT CACCGGGGCT GCGGAGCAGC2040  
 GCAAGCGAG CAGTCTATG AAGTCTTACC CATCCAGGGA GTACGGGAC ATGTGTGATG2100  
 AGTACATGCT CTCTGAGGAG CCAGCGGAGA AGGAGGACT CCGTGCAGCAG ATGCTGGAAA2160  
 GGAGATACAC TCCCTACCC CACCTATACC CTGACCACTC CCAAGTGA GACTGAGCA2220  
 TGGAGGAGG GTTCGGGCT CTGACCTCTC ACGGCTGAT CCGTGGGCT CAGCTTGTCA2280  
 CCGTCTTTGT CCGAGGAGTT TGTTACTCTG AAAGCGAGT GAGTGGCAGT CAGCGCGGCC2340  
 TCTCTATGCT CAGATGGCT GAGGACTACC CCGGTAGCT CAGCATCTAC GAGCTGGACC2400  
 TGAAGTTCT CAACCCGCTC ATGATGCTGG ATCTCACCC ATACATGAAC CCGTGGCTT2460  
 TTAGCTCTC GCGCAACACC CAGCTCTCTC AAGTCTTCAA CCGTTTCA GCBATGGGCC2520  
 TCGGCTATCT GCGCTGCTG AACGCTGTGG GAGAGATCT GGGGATCATC ACACGGCACA2580  
 AACTCACTA TGAATTTCTG CAGGCGCGGC TGAGGCAAGC CTACCAAGC ATCTGACAGC2640  
 CCAAGCTGCT CTCTCTGCT GCTGCTGGG GAGGCAATC ATGCTCACT CCGCGGGCAC2700  
 AGCTGGGCTG GCGTGTTCG GGGCATGGAA GATTCCAGT TACCACTCA CTGAGAAAGC2760  
 CCGGAGTTAT CCGACACCTT GCTGGTCAAG GGCCCTGGGG GTGGTTTTGA ACCATCAGAG2820  
 CTGCACTTT TCTGACTTCT CAGCAAGGA TCTTCCACT TCTGCTCTC TGTGTTCCCA2880  
 CCGTCACTG TGGGACAGG CCGACCCCTG GCTCCACCAG AGCCAGAGC AGAGGTAGAA2940  
 TTAGGCTGCT CCGGGGCTGC ACTCCGAGCA GTGTTCTG GATCTTTTG TACTTTCTTA3000  
 GAGAAGCTGG CTGTTGCTT AAATGTGTGA GAGGGACTTG GCCAAGGCAA AAGCTGGGGA3060

GATGCGAGTG ACAACATACA GTTCATGACT AGGTTTAGCA ATTGGGCACT GAGAAAATTC31  
 TCAATATTTT AGAGAGTCTT TCCCTTATTT GGGACTCTTA ACACGGTATC CTGCTAGTT314  
 T3TTTTAAAG GAAACACTCT GCTCTTGGGT GTGAGCAGAG GCTCTGCTCT TGGCTGTGG324  
 TTTGACTCTC CTTAGAACCA CCGCCCAACA GAAACATAAA GGATTAAAT CACACTAATA3300  
 ACCCTTGGAT GGTCAATCTG ATAATAGGAT CAGATTTACG TCTACCTTAA TTCTTAACAT3360  
 TGGAGCTTTT TCTCCATCTG CAGATTATTC CCAGTCTCCC AGTAACACGT TTCTACCCAG3420  
 ATCTTTTTTT ATTTCTTTAA GTTTTGTCTT CCGTCTTCTT GATGAAGCAG GCAGAGCTCA3480  
 GAGGATCTTG GCAATGACCA CCAAAAGTTA CTGAAAGCAG GGCACCTCTG GATAAAAGCAG3540  
 CTTCACTCAA CTCTGGGGAA TGCTACCATT TTTTTTCAA AGTAGAAGG AAGCACTTCT3600  
 GAGCCASTTA CCACTGAAAG GTATGTCTTA TGATAAAGCA BATGGCTTAT TTGAGGAAGA3660  
 GGGTGTCTTC CCTTCACAAA CACCTCTCTC TCCCTTGCAE TAGCTGTCTC AAGCTTACAT3720  
 AGAGAGGCTC TTCAGGAGGG CCTCTGTCTC CGCAGGGAGG GTGGCTGGGG AAGATGCTTC3780  
 CTGCCAGCAC GTGCTGAAG GTTTCACATG AAGCATGGGA AGCTCAGCTC GTCGTTCAST3840  
 GAGTCTATTC TTCTCCAGGC TGGCCCGCTC CCTCTGACTA GGCACCCAAA GTGAGCATCT3900  
 GGGCATTTGG CATTCATGCT TATCTTCCCT CACCTTCTAC ATGGTATCAG TCCAGCAGG3960  
 CATCTCTGGG GCAGAGCTGC TTTGGCTCAA GATGGCTTCT ATTTACGTTT AGTTTTTTTT4020  
 AAAACCTGTG AGGTTGCCCA CGGGCTCTGG CACCTGGCTC TGGCAGCACA GCTCTCAGGC4080  
 CTAGCTCTGG GGCACCTCTT TGGCCAACTT TGCCTTTCAE CTTGGGGTGA GCATCAGTCC4140  
 TGGCTCTGCT GGTCCAGATC TTGCGCTCAG CACACTCTAG GGAATAATTC CACTCCAGAG4200  
 ATGGGGCTTC TTCAAGGTCT TTTCTAGCTG ATTGTGGCCC CTCCATTTCT4260  
 TATCTCTCTG ACCAAAATTG CTTTGACTTC TAAATGTTTC TGCTTCCAG AATGCACCTG4320  
 ACTTATGAAA TGGGGATAAT ACTCCAGGA AATAGCGCAG GACATCAAAA GGACCAAAAA4380  
 GGAATTTCTT ATTTAAATGT TACTATTTGG CCAGCTGCTG CTGTGTTTTA TGGCAGTGT4440  
 CAGAGCTTGA TCACGTTATT TCTTCTTTTT ATTAAGAAGG AAGCCAATTG TCCAAGTCAG4500  
 GAGAATGGTG TGATCACCTG TCACAGACAC TTTGTCCCTT CTCCCCGCTC CTTCCTGGAG4560  
 CTGGCAGAGC TAACGCCCTG CAGGAGGACT CCGGCTCTCT GAGGGCTTGA TCAGCAGCCG4620  
 CTTGCCCTGA GGCTGCCCGG GTGAATGTTA TTGGAATTCA TCCCTCTGTC ACATCCTGTT4680  
 GTTTTTAAAT CACCAGATAT TTTGTTCCCA TCAGTTTAGC CCAGAGATAG ACAGTAGAAT4740  
 GCAAAATACCT CCTCTCCCTA AACTGACTGG ACGGCTGCCA AGGAGGCTCC AAACCCAGGC4800  
 CCAATGCAAA GGCACGTGGT TTCCTTTTCT CCTCTCTCTG CATCTGCTCT TTCCAGATAA4860  
 GCCCAAAGAC AGCAACTTCT CCACTCATGA CAAATCAACT GTGACCTCTG CTCCTTCCAT4920  
 TTCTGTCTAT TAGAAACAG CCTTTTCAGC ATCTCACCCA TTAGCAGCCC CATCACCCAG4980  
 TGATCAGTCG CCTCAGTAAA GCAGATCTGT GGATGGGGAG CCTACGGGTG GTAAGAAGTG5040  
 GTGTTTTGTG TTTTATCTCC AGCTTGGTGT TCCATGGCCC CTAGGCGAGG TGATCAGGGA5100  
 GTGGGGCCAA TGGGCCCCCG GCCCTGGCTT TGGGACCTTG TGCTGAGGGA TGATTTGCTC5160  
 CTGACCTTGA TTAACCTAAC AGTTCCCAGC TGGGAAGGGAC ACTTTCAGGA CCCAGTCCAC5220  
 TGTATGGCAT TTGTGATGCA GAATTATGCA CTGACATGAC CCTGGGTGAC AGGAAAAGCT5280  
 TTGAGAGAGG CCAAGGTGGC CTCGCCAGCC CTGCAGTATT GATGTGCACT ATTGCAACCA5340  
 AGCTCTGCGG ACCTTGGCCA TTGCCGAGT CGCAGCTTCC TTTTCTCTGT TTGCACTGTT5400  
 TGTTTTGTAT ATGTTAGCTA ATTCACCTGT GTATATAAAT TGTATTTTTT TTAATTTGTA5460  
 AAATGCTATT TTTATTTGAA CCTTTTGAAC TTGGGAGTTC TCATTGTAAC CCTAACATGT5520  
 GAGAATAAAA TGTCTTCTGT C 5541

Name: 273

Len: 5047

Check:

2512

CTGTTGCTGT	GGCGCTTGGT	GTGCGGGGCT	CTGTGCGCTG	AGGAAGGCGC	GGGCGAGCCG	60
GAGCAGAAGA	AGGAGGAGG	GAGCCTAGCC	CTGCAGCCAC	CACCCCCACC	ATGTCTTACC	120
AAGGCAAGAA	GAACATCCCG	CGGATCACTA	GTGACCGTCT	CCTTATCAAG	GGAGGCAGAA	180
TCTCAATGA	TGATCAGTCC	TTTTATGCTG	ATATTTACAT	GGAAGATGGC	TTAATAAAAC	240
AAATTTGAGA	CAATCTGATT	GTTCCTGGA	GAGTGAAGAC	CATTGAAGCC	AATGGGAAGA	300
TGGTGATCCC	TGGAGGCATC	GATGTCCATA	CTCACTTCCA	GATGCTATAT	AAGGGAATGA	360
CCACASTAGA	TGACTTCTTC	CAAGGGACAA	AGGCGGCTTT	AGCAGGTGGC	ACCACCATGA	420
TCATTEATCA	TGTGGTGGCT	GAGCCTGAST	CCAGCCTCAC	TGAGGCTTAT	GAGAAAATGGA	480
GAGASTGGGC	TGATGGGAAG	AGTTGCTGT	ACTATGCTCT	GCATGTGGAC	ATCACCCACT	540
GGAATGAGAG	CGTTAAGCAG	GAAGTGAGGA	ACCTCATCAA	GGACAAAGGG	GTTAACTCCT	600
GCATGGTTTT	TATGGCTTAT	AAGGATTTGT	ATCAAGTATC	TAACACAGAG	CTCTATGAGA	660
TTTTGACCTG	CCTGGGAGAG	CTGGGGGCCA	TGCTCAAGT	TCATGCTGAG	AATGGGGATA	720
TCATTTGCCA	GGAGCAAAAC	CGCATGTTTG	AAATGGGGAT	AACTGGGCCA	GAAGGCCATG	780
TACTGAGCAG	GCCAGAGAG	CTGGAAGCTG	AGGCTGTGTT	CGCTGGCATC	ACCATTGCCA	840
GCACAAACAA	TTGCCCTCTC	TACGTACCAA	AGGTCAATGAG	CAAGAGTCCA	GCTGACCTCA	900
TCTCACAAAG	CAGSAAAAAA	GGAAATGTAG	TCTTTGGTGA	GGCCATCACT	GCCAGCCTCG	960
GCATAGATGG	AACCCATTAT	TGGAGCAAGA	ACTGGGCCAA	GGCGGCTGCA	TTTGTGACAT	1020
CCCGACCTCT	GAGCCTTGAC	CCAACTACTC	CGGACTACAT	CAACTCCTTG	CTGGCCAGCG	1080
GGGATCTGCA	GCTATCTGGG	AGTGCCCACT	GCACCTTCAG	CACTGCCGAG	AAAGCAATTG	1140
GGAAGGACAA	CTTCACAGCC	ATTCTGAGG	GCACCAATGG	TGTGGAGGAG	CGGATGTCTG	1200



TAATTTGGW. CAAGGCTGTG GCCACAGGSA AAATGGACGA AAACCASTT3 GTGGCTGTGA1281  
CAAGCACAAG CGCTGCCAAG ATCTTCAACC TGTATCCCCG CAAAGGAAGA ATATCTGTGG1310  
GTTCTACAG CGACCTGTG ATCTGGGATC CAGATGCTGT GAAGATCCTC TCTGTCAAGA1380  
ACGACCAATC TGGGGCAGAG TACAACATCT TTGAAGGGAT GGAGCTGC30 GGGGCTCCTC1440  
TGGTGTGCAT CTGCCAGGGC AAGATCATGC TGAAGATGG CAACCTGCAC GTGACCCAGG1500  
GGGCTGGGCG CTTCATAACC TGCAGCCCTT TCTCOGACTA TGTCTACAA3 CGCATTAAG1560  
CAGGAGGGA GATGSCAGAT CTGCATGCTT TCCCAAGGGG CATGTACGAT GGGCTGTGT1620  
TTGACCTGAG TACCATCCCT AAAGGTGSCA CCCCCGAGG CTCTGTCTG3 GGGCTGTCTA1680  
CTGCTGTGAA CCGACCTGTG AGGAATCTTT ATCACTCGGG ATTTAGCTTG TCAAGCACTT1740  
AAGTGGATGA GGGGCTTCTC TAAGCCAGGA AGGGCATCTT GGGGCTTCA GGGCTGCTT1800  
CTAATATGAC ATCTCTGAT TAAGCAAGCC TTCTCAAG AGAGGGGAG AAAGCAAGA1860  
AGATTGTTTT GAAGCAAAA TGSTACACC ATATTAAAG AGGAAAGGSA ATCCAAAG1920  
TTGTGATCTA AAGAATCAAT AAGCCTCAAG CTTATGTTT CTCAATGTT ACGCTGCTT1980  
GGCTAGCTTT ACGAATATTG CTTTGTTTT TGTATGCA TAGCTTGAT TTGTTTGACT2040  
CGCTCTCCCT CATTTACATG CATGCAATCA GACAGGCCAC TAAGGTAAAA GASTCTGCT2100  
TATCATAGT3 TTGAGAGCGT GTGTAGTGT GCATCTTATG ACAAGGGGAC AGACAAGCT2160  
GGACCTCAGG GAAATGAACA AAAGGGACGC AGGTATTTG GGGTGAGTGG GTGGTGGGAG2220  
CCTGAGGAA GGTGAGGCT GCAGAGGGCT TGGGTAGGG CATGTAGGAG GAGGTGGGT2280  
GGGTAGGT3 AGTGAAGG GTGTTTATA TTGTGTTGAT GACGTACGTT ATTTCCATGG2340  
AAGATAGCTT CTGTGGCAGC TGTCACATCA CCACAGCTCC CTAGGGTCTG CCGAGAAAG2400  
AGGCACTCTT TGGTCTCT3T TCTTTGTGAC GTCCCTTACA AGTAAATTTT GTTCTTTGA2460  
ACGTTTTATTA AAATGCCAAG ACCCAACCAT TTCTTCCACC TGCTTGATT3 TGCCAGTGT2520  
TGCTCAGGCT TCTTTCTTAG TGTGCTTTT AAATCCTTCT CTTTCTCTGG TTGGAAGGC2580  
CAGGCTAGG3A CAGAGCAAA TACACTTCTT TTCTCTTTCG CTTCTCTGCT TCTTTGGTGC2640  
TCTTAAAGG CAGCACT3A GAACATAGCA CAGGCCACG TGSTAGGGC ACCACAGCT2700  
TAAAGACGCT TCTTCTTAA CACGGGAGG TCACCTCTCA CTCTTCTGT TTTGCAACCT2760  
GAGAGAGT3 GCATGCTTCT GGCATCCCCA GTCAGGATTT TAGCTCAGAT GAGGCAGAAT2820  
GAAGGGCTCT TCTTACAG3C AGTTTGTGT TGAATCTCTC GATCTGGA CATCCATGAT2880  
AAATAGGAGT TTTTGAAGT TGGTTTTAT AGGTGTTCCC TAATTTTTT CCGTAATAGG2940  
CATCTCAGCT TATATGAAAG TCAAGTGGG AACTGGGAAA GCCAAAGTCA GTCTTGAGCA3000  
GAGGGAGCAT ATTTTGTG3A CCTGGTTCCA CTTTCCATT CCAAACCACT TGTTCCTCT3060  
TCCATTAGCA GAAACTCTGG GGAACCTTT TGTCTCAGTC CTAGAATCT3 CCAAGTGAG3120  
TGGAAGTGAC ATGATGCAST CTCTCTCAT GGGCACCTGA AAGAAATTAG TGTGGGTGCT3180  
TCGATCTACC TTGTCTGTCA GAGTTGAATA TCTCTTTCCC TATCATGCT3 CTTCTGAAA3240  
TTCAGTTTTG GAGCAAGTCC TGTGAGCAAG ATAAGAATCT CTCTGGGGAA TCCAAGTGGT3300  
TTCAGAAGAA ATATGTTTCA CCTGGGATCA GACTTCCATG CTCTGGGGAA TCCAAGTGGT3360  
AGCACCTGTA ACCCTGTGTA CTAAGTGCT TGAAGAGAAG AGCAGGCCTC AGACACCTTT3420  
TAATTTGTTA GGAGAAACCA TTGTCTCTCA CTGCAGGTTT GAATAAGTT3 AAGACCAGAG3480  
AAAAGTACAC ACTGGGCTAC AAAGGAATTT GGAGATAGCC AAGGAACAGG ATTTCCCTCA3540  
GCAAGCTACC TTCTGTTTCA ATCATGAAA AAGACTATTT CCGCTTAGAA TAGGGAAGCT3600  
TGCTATTTTA AAGCTCTTST AGTCTTTT3 TTTTAAAGGA GATGTAGTAA AAGGGAAAT3660  
GTAGCTCTTA GTTTACACTT CAAAGATGT3 GGGGTCTTTC AGAGAACTAA GAATAACAGT3720  
TTTATGTGCA GAGAGAGTTT GCCAGATCTG AAGCATATAC CTCATTGACT AGGCTGTTAC3780  
TTTGGGATAG GTTGCACTAC CAGCTACAG CAGCAGATAG AGGAAAAGAC ACACATAAAC3840  
TGGTCTCT3A GGTCTCACTT CTGCACTCT3 TGTCTGTCTG TTAATCAGCT CCTGAGTCTG3900  
ACTCATCTCT GCACAACCTC TGTGTGCTAT GAAGATAAGT CTTCATGCT CCAATGGGT3960  
ATCCGCACT3 CCTTGGGAC TTCCGAAGT3 AACCATTCCA CCAGAACTTT TGATTCTGCA4020  
CAAGATTTCT TTGCTCTG33 AACAAACCTC AAATGCCCTT GGGAGGAATA ACATGAGCT4080  
AGGAAGCTCT TCTTTCTTCA CTTAACCATTA CTAACCTCTC AAGCATAGAA ATCCCTGGGA4140  
ATTGCGAGAA TAACCTCTAC TATTTTAAAA TTTATATTCA GATTTGTTTC GTTTCATAAG4200  
ACACATCAAA CAGGCTATA CAAAAGGTTT AGGAAAAGAA AACAAATG3T3 AGTCCGCT4260  
CTCTGGAAT TCACTGGGAC CTATGCAAG TGTAGGAAG CAGGCTGGAT CGTCTATCT4320  
ATTGAAAAGC TGTCTTTG3 CATCTCATCT CTTGGCTGCT CCGCAACCTC TGAGGATGCT4380  
CCTGCTATCC CCGCAACCTC CTCATATTG3 CTCTGAACCC AGATGGCAAT CCAATCCGCT4440  
TCTCTCTGAG GGCCACGGG3 ITGGGTAGT3 GAAAGGGTGT TTGGGAAAT3 GTTAAATCA4500  
TTACCTCTAG TAGAGCTATT TCTTCTACTT CTAAGTTTTT TAGAAGTG3A AGGATTSTAG4560  
TCATCTTGAA AATGGGTTTA CTTCAAAAT3 CCTCAGCCTT GTTCTTCAAG ACTGTCTATA4620  
CTGAGAGTGT CATGTCTTCA CAAAGGGCTG ACACCTGAGC CTGSAITTT3 ACTCATCTCT4680  
GAGAAGCTCT TTCCAGTAG3 GTGGGCAATT CCAACTTCC TTGTCACAAG CTTCAGGCT4740  
TTTCTCCCTT GGAAGACTCT AGCTTGAAGT3 CCAGATACAC TCATGGGCT3 CCGTGGGCA4800  
CCAGCATTTA TTGTAAGTT3 CTTCTTTGAA AACTGGTGTG TGGGTGTTCA GTTCTGTGT4860  
TGSTGCTAT GGACAGACAG TAATCTCTG3 TGATCTGTGC TAGCTGTGAG GCAGCTCTG4920  
AACGTGAAGA GCTGTTTTGT TTGAACCTG3 AACAAACTG TGTTTTGA3T TTAGCTGACA4980

TTAAAGAAAA A TTATTA CTTAAGTTT AATGTAAGC DGGTTATTAA AATAACTATG5041  
AAATTAT  
Name: 274 Len: 1201 Check: 18CE 5047

GACAAATATGG	CCACACTTGGG	GGTACAGTA	AATGCTCTC	DGGTCAAGGG	AAACCCAGTC	67
CCGGTGGGGG	CCCAAGCTT	AGTTCCAGC	CCAACGCCAG	CACCCGGTTC	GGCTCCGGTT	120
CCCGCTGGGG	CTCCAGCTC	ATCCTCAGAC	CCTGCGGAG	CAGCGGGTTC	AACTGCGGCT	150
CCTGGGCAATA	CTCGGGCTC	AGCGCAAGTT	CCAGCGGAGA	CCCGAGCGCT	CGCTCTGGCT	240
GGTCTCTTTC	TTTAAAGGG	CITGCTGGG	GGTGGGGTGG	TCAGCTTCCA	CCAGTCTATT	280
TTGGCTTTTA	TTTGGGAGG	CTAGGAGAGA	CGAAGGAGG	TTGTTGGGG	AGTTATGGGG	300
AGCTCTTTTG	GAATTTTGA	CAACACTTCA	GTGGAGGTC	CCAATTGGTT	TTCACTGGGG	400
CACAAATGAT	CAGAAGATGA	AGTGGCTGTT	GACATGGAAT	TTGCTAAGAA	TATGTATGAA	480
CTGCATAAAA	AACTTTTCTC	AAATGAGCTC	ATCTGGGGCT	GGTACGCTAC	GGGCTCATGAC	540
ATCACAGAGC	ACTCTGTGCT	GATCCATGAG	TACTACAGCC	GAGAGGGGCT	CAACCCCATC	600
CACCTCACTG	TGGAGACAAG	TCTCCAGAAC	GGCCGCTATG	GCATCAAACT	CTAGCTCAGC	660
ACTTTAATGG	GAGTGGCTGG	GAGGACCATG	GGAGTGATGT	TCAGCGCTCT	GACAGTGAAA	720
TACGGCTACT	AGGACACTGA	ACGCATCGGA	GTTGACCTGA	TCATGAAGAG	CTGCTTTAGC	780
CCCAACAGAG	TGATTTGACT	CTCAAGTGAC	TTGCAGCAAG	TAGGAGGGGG	ATCAGCTCGG	840
ATTTAGGATG	CGTTGATGAC	AGTGTGGA	TTTGTAGAGG	ATGTACTGTT	TGGAAGGTTG	900
TCAGCTGACA	ATACTGTGGG	CCGCTTCTCT	ATGAGCGCTG	TTAAGCAAGT	ACCGAAAAATA	960
GTTCCCGATG	ACTTTGAGAC	CATGCTCAAT	AGCAACATCA	ATGAGCTTTT	GATGGTGACC	1020
TACCTGGGCA	AGCTCACACA	GTCACAGATT	GCACTCAATG	AAAAACTTGT	AAACCTGTGA	1080
ATGGACCCCA	AGCAGTAGAC	TTGCTGGTCT	AGGTATTAAC	CCGAGGACTC	AGAAGTGAA	1140
GAGAAATGGG	TTTTTTTGGG	TCTTGAGTCA	CACTGAGATA	GTCAGTTGTT	TGTGACTCTA	1200
ATAACCGGAG	CTTACCTTTT	GTAAAAAAA	A			1261

Name: 275 Len: 8363 Check: 1FA2

GGGATCGGGG	GGGAGGGGG	CGGTCACTGG	TCACCGGTGG	CTCTCAGGAA	CAGCAGCGCA	60
ACCTCTGGCT	CTTGGCTGGC	CTCCCGCGGG	CCTAGGTGGC	TGGGACTTTA	ATTAAAGGGC	120
GGTCCCTTGG	CTGAGGCTGG	AGCACCGGGG	CCCGGCTTTC	TCGCGGCTCA	AAATGAGTAG	180
CTCCCACTTT	CGGGCGGGGG	AGAGCGGAGG	AGGGCGGCT	CCGGGGGGGG	GGGTGGACAC	240
GGGGAGCGCC	CAGATGGCGG	CCACCGAGAA	GGACCTGGCG	GAGGAGCGCC	CGTGGAAGAA	300
GATCCAGCAG	AACACTTTCA	CGCGCTGGTG	CAACGAGCAC	CTGAAGTGCG	TGAGCAAGCG	360
CATCGGCAAC	CTGCAGACGG	ACCTGAGCGA	CGGGCTGGGG	CTTATGCGCC	TGTTGGAGGT	420
GCTCAGCCAG	AAGAAGATGC	ACCGCAAGCA	CAACCGAGCG	CCCACTTTCT	GCCAAATGCA	480
GCTTGAGAAC	GTGTGGGTGG	CGCTCGAGTT	CCTGGACCGC	GAGAGCATCA	AACTGGTGTC	540
CATCGACAGC	AAGGGCATCG	TGGACGGGAA	CCTGAAGCTG	ATCCTGGGGC	TCATCTGGAC	600
CCTGATCTTG	CACCTACTCA	TCTCCATGCC	CATGTGGGAC	GAGGAGGAGG	ATGAGGAGGC	660
CAGGAAGCAG	ACCCCAAGC	AGAGGCTCCT	GGGCTGGATC	CAGAACAAGC	TGCGCGAGCT	720
GGCCATCAAC	AACCTCAGCC	GGGACTGGCA	GAGCGGCGGG	GGGCTGGGGG	CGCTGGTGGA	780
CAGCTGTGGC	CGGGGGCTGT	GTCTGACTG	GGACTTTTGG	GAGCGGAGGA	AGCGCGTTAC	840
CAATGGGCGA	GAGGCGATGC	AGCAGGCGGA	TGACTGGCTG	GGCATCCGCT	AGGTGATCAC	900
CGCTGAGGAG	ATTGTGJACC	CCAACGTGGA	CGAGCACTCT	GTCTGACTCT	ACCTGTCCCA	960
GTTCGCGAAG	GGCAAGGTGA	AGCCAGGGGG	TCCCTTGGCG	CCCAAACTGA	ACCGGAAGAA	1020
AGCGGGTGGC	TAGGGGCTAG	GCATCGAGCC	CACAGGCAAC	ATGGTGAAGA	AGCGGGCAGA	1080
GTTCAGCTGT	GAGACCAAGG	GTGCTGGCCA	GGGAGAGGTG	CTGGTGTAGG	TGGAGGACCC	1140
GGCGGGACAC	CGGAGGAGG	CAAAAGTGAC	CCCAATAAAC	GACAAGAACT	GCACCTTCTC	1200
CGTCTGGTAT	CTCCCGGAGG	TGACGGGGAC	TCATAAGGTT	ACTGTGCTCT	TTGCTGGCCA	1260
GCATATCGGC	AAGAGGCTCT	TCGAGGTGTA	CGTGGATAAG	TCACAGGGTG	ACGCGAGCAA	1320
AGTGACABGC	CAAGGTGCGG	GCCTGGAGCC	CAGTGGCAAC	ATCGGCAACA	AGACACCTA	1380
CTTTGAGATC	TTTACGGGAG	GAGCTGGCAC	GGGCGAGGTC	GAGGTTGTGA	TCCAGGACCC	1440
CATGCGACAG	AAGGGGACGG	TAGAGCCTCA	GTTGGAGGCG	CGGGGGGATA	GCATATACCG	1500
CTGCACTTAC	TAGGGGACCA	TGGAGGGCGT	CCACACCGTG	CAGCTCACTT	TGGCGGGGCT	1560
GGGCACTGCT	CGGAGGCTCT	ACACTGTGAC	TGTTGGGCAA	GGCTGTAACC	CGAGTGGCTG	1620
CGGGGGGGTT	GGGGGGGGCC	TCGAGCCGAA	GGGTGTGGGG	GTGAAGGAGA	CAGCTGACTT	1680
CAAGGTGTAC	ATAAAGGGCG	CTGGCAGTGG	GGAGCTGAAG	GTCAAGGTGA	AGGCGCCCCA	1740
GGGAGAGGAG	GGGTGGAAGC	AGAAGGACCT	GGGGGATGGC	GTGTATGGCT	TCCAGTATTA	1800
CCCATGCTGC	CTTGGAACTT	ATATCGTGAC	CATCACTGGG	GGTGGTCAGA	ACATCGGSCG	1860
CAGTCTCTTC	GAAGTGAAGG	TGGGCACCGA	GTGTGGCAAT	CAGAAGGTAC	GGGCTGGGGG	1920
CGCTGGGCTG	GAGGGGCGCG	TGGTTGGCAA	GTCAAGGAGC	TTTGTGGTGG	AGGCTATGGG	1980
GGAGGAGGCT	GGCAGGCTGG	GCTTCTCGGT	GGAGGGGCGA	TGGCAGGCTA	AGATCGAATG	2040
TGAGGAGAA	GGGAGCGGCT	CCTGTGATGT	GGGCTACTGG	CGGAGGAGGG	CTGGCGAGTA	2100
TGGGCTTCAC	GTGCTGTGCA	ACAGCGAAGA	CATCGGCTCT	AGGCGCTTCA	TGGCTGAGAT	2160
CGGTGAGGCG	CCCGAGGACT	TCCACCCAGA	CAGGGTGAAG	GCAGGTGGGG	CTGGATTGGA	2220
GAAGAGAGGT	GTGGCTGTCA	ACAAGGCCAG	AGAGTTTACA	GTGGATGGCA	AGCACGGTGG	2280

TGAGTCTGA	TGGGGGTCC	AAGTCACAGA	CAATGAAGGC	TGCCCTGTAA	AGGCTTGTTGTTA
TAATGACAA	GATATGGCA	CTTACAGCTG	CCTCATCGT	CCAGGAAGC	GGGTGAAGCA2400
CACAGGCA	GTATTCTGG	GAGGGCTG	CATCCCACA	AGCCCTTTA	GGGTAAATGT2460
GGAGGCTGG	ATAACCCCA	ACAAGGTCAA	AGTATAGGG	CCCCGAGTAG	CCAAATAGAG2520
GCTCACGGC	CATBAGCCA	CCTACTTCA	TGTGGAAGTC	CCCCGAGGCTG	GCTAGGGGGA2580
CCTCAGCAT	GTCATCAAGT	GTGCCCCGTG	ASTGGTAGGC	CCCCGCCAAA	CTGATATCSAD2640
CTCCGAGAT	ATCCCAATG	ACAATGACAC	CTTCACGGTG	AAGTACACG	CCCCGGGGGCT700
TGGGAGCTAG	AAATTTATGG	TCTCTCTTTG	TGACCAAGGC	AGCCCCACCA	GCTCATCTCC3270
AGTCAGGCT	GAATCTATT	ATGACCTGAG	TAAGGTGAAG	GTCGAGGCT	CTGGCTCAG2420
TGGGACTGCT	GTGGAGCTTG	GCAAGCTCAC	CCACTTCAAA	GTAATATCCA	AACTGTGCTGG2890
CAAGAGGCA	CTGGAGCTCC	AGTTCTCAGG	ACTCACAAAG	GGGGAATGCA	TGCTAGATGT2940
GGACATCAT	GAACAGCATG	ACAACACCTA	CACAGTCAAG	TACAGGCTTG	TCCAACAGGG3000
TCCAGTAGGC	GTCAATGTCA	CTTATGGAGG	GGATCCCATC	CCTAAGAGCC	CTTTCTCAGT3060
CGCAGTATCT	CTAAGGCTTG	ACCTCAGCAA	GATCAAGGTG	TCTGGCCTTG	GAGAGAAGGT3120
GGACGTTTGG	AAAGACCAGG	AGTTCACAGT	CAAATCAAAG	GGTGCTGGTG	GTCAAGGCCAA3180
AGTGGCATCC	AAGATTGTGG	GCCCTCTGG	TGCAGGCGTG	CCCTGCAAGG	TGGAGCCAGG3240
CCTGGGGGGCT	GACAAACAGT	TGGTGCGCTT	CCTGCCCCGT	GAGGAAGGGC	CCATGAGGT3300
GGAGGTGAT	TATGACGGGG	TGGCGGTGG	TGGCAAGCCG	TCTCTCTGG	AACTGTGTGG3360
CCCCACCCAG	CCTAGCAAGG	TGAAGGGCTT	TGGGCGGGGG	CTGCAGGGAG	GCAGTGGGG3420
CTCCCCCGCT	CGCTTCAACA	TGGACACAAA	GGGCGCCGGC	ACAGGTGGCC	TGGGCTGAC3480
GGTGCAGGG	CCCTGTGAGG	CGCAGCTCGA	GTGCTTGGAC	AATGGGGATG	GCAATGTTC3540
CCTGTCTTAC	GTGGCCACCG	AGCCCCGGGA	CTACAACATC	AACATCCTCT	TGCTGACAC3600
CCACATCTCT	GGCTCCCCAT	TCAAGGCCCA	CGTGGTTCCC	TGCTTTGAGC	CATCCAAAGT3660
CAAGTGTCTA	GGCCCCGGGC	TGGAGCGGGC	CACCGCTGGG	GAGGTGGGCG	AATTCAAAGT3720
GAAGTGTCTG	AGGGGGGGCA	GGCGGGAGCT	GACCATTGAG	ATCTGTCTGG	AGGGGGGGCT3780
TCCGGGCGAG	GTGTACATCC	AGGACACCGG	TGATGGCACG	CACACCATTA	CTTATTTCC3840
CCTGTGCGCT	GGGGGCTACA	CGCTCACCAT	CAAGTACGGC	GGGCAAGCCG	TGCCCAACTT3900
CTCCAGCAAG	CTCGAGGTGG	AAOCTGCGGT	GGACACTTCC	GGTGTCCAGT	GCTATGGGGC3960
TGGTATTGAG	GGCCAGGGTG	TCTTCCGTGA	GGCCACCACT	GASTTTCAGT	TGGACGCCCG4020
GGCTCTGACA	CAGAACGGGAG	GGCCGCACGT	CAAGGCCCGT	GTGGCCAACC	CCTCAGGCAA4080
CCTGACGGAG	ACCTACGTTT	AGGACCGTGG	CGATGGGATG	TACAAAGTGG	AGTACACGCC4140
TTACGAGGAG	GGACTGCACT	CGGTGGACGT	GACCTATGAC	GGCAGTCCCG	TGCCCAGCAG4200
CCCTTTCCAG	GTGCCCCGTA	CCGAGGGGCTG	CGACCCCTCC	CGGGTGCGTG	TCCACGGGCC4260
AGGCATGCCAA	AGTGGCACCA	CCAACAAGCC	CAACAAGTTC	ACTGTGGAGA	CCAGGGGAGC4320
TGGCACGGGC	GGCTTGGGCC	TGGCTGTAGA	GGGCCCTTCC	GAGGCCAAGA	TGTCTGTCAT4380
GGATTAACAAG	GACGGCAGCT	GCTCGGTGGA	GTACATCCCT	TATGAGGCTG	GCACCTACAG4440
CCTCAATCTG	ACCTATGGTG	GCCATCAAGT	GCCAGGCAGT	CCTTTCAAGG	TCCCTGTGCA4500
TGATGTGACA	GATGCTGCA	AGGTCAAGTG	CTCTGGGCC	GGCCTGAGGC	CAGGCATGGT4560
TGCTGTCAAC	CTCGCTCAGT	CCTTCCAGGT	GGACACAAGC	AAGGCTGGTG	TGGCCCCATT4620
GCAGGTCAAA	GTGCAAGGGC	CCAAAGGCCCT	GGTGGAGCCA	GTGGACGTGA	TAGACAACCG4680
TGATGTCAAC	CAGACCGTCA	ATTATGTGCC	CAGCCGAGAA	GGSCCTTCA	GACTCTCAGT4740
ACTGTATGGA	GATGAAGAGG	TACCCCGGAG	CCCCCTTCAAG	GTCAAAGTTG	TGCCCTACTCA4800
TGATGTGAGC	AAGSTGAAGG	CGAGTGGCCC	CGGGCTCAAC	ACCACTGGCG	TGCCCTGCCAG4860
CCTGCCCTGT	GAGTTTCAACA	TGATGACAAA	GGACGCCGGG	GAGGGCCTGC	TGGCTGTCCA4920
GATCATGAT	CTGGAAGGCA	AGCCGAAGAA	GACACACATC	CAAGACAACC	ATGACGGCAC4980
GTATACAGTG	GGCTACGTGC	CAGACGTGAC	AGGTGGCTAC	ACCATCCTCA	TCAAGTACGG5040
TGGTGATGAG	ATCCCCCTTCT	CCCGGTACCG	CGTGGGTGCC	GTGCCACCCG	GGGAGGCCAG5100
CAAGTGTACT	GTCAACAGTG	CAATCGGAGG	TCACGGGCTA	GGTGGTGGCA	TGGGCCCCAC5160
CATTCAATAT	GGGAGGAGA	CGGTGATCAC	TGTGGACACT	AAGGGCGGCA	GCAAGGGCAA5220
AGTGAATGTC	AGCGTGTGCA	CGCTTATGG	CTCAGAGGTC	GATGTGGACG	TGGTGGAGAA5280
TGAGGAGGCG	ACTTTTGACA	TCTTCTACAC	GGCCCGCCAG	CCGGSCAAAT	AGCTTATCTG5340
TGTGCGTTTT	GGTGGGAGC	AGSTGGCCAA	CAGCCCTTTC	CAAGTGCAGG	CTCTGGCTGG5400
GGAGCAAGCT	TGGGTGCAAG	CCCTCTAAG	GTCTCAGCAG	CTGGCCCCAC	AGTACACCTA5460
GGGCAAGGG	GGGAGGAGA	CTTGGGGCCC	GGAGAGGCCC	CTGGTGGGTG	TCAATGGGCT5520
GGATGTGAC	AGCTTGAGGC	CCTTTTGAAG	TGTCATCCCC	TTCACCATCA	AGAAGGGCGA5580
GATCATAGGG	GAGGTGGGA	TGCCCCCAGG	CAAGGTGGCG	CAGCCCCACA	TCACTGACAA5640
CAAGAGGCG	ACCGTGAAGG	TGGGGTATGC	ACCCAGCGAG	GCTGGCTTGC	ACAGATGGA5700
CATCCGCTAT	GACCAACATG	ACATCCAGG	AAGCCCTTTC	CAGTTCTATG	TGGATTACGT5760
CAADTGTGGC	CATCTCACTG	CCTATGGGCG	TGGCCTCACC	CATGGAGTAG	TGAACAAGCC5820
TGCCATTTG	ACCTGCAACA	CCAAAGGATG	AGGAGAGGGG	GGCCTGT	

```

AAAGGCTGCGG TATNTGCGG ACATGCTGAT CAAGATCTCA TACGAGGATC TACGCTGCTT-120
GAGGGGAGCT GTGCTGCGG CTTGCGGCGG GAGGAGGCT TCTTTGCTGA AGCGGCTGCG-130
TAATGCTGAC GTGCGGATTT CATTTGCTGT CAAGGAGAGG GGGGAGGAGC TGGTGCATGT-140
GAAGGAAAAAT GGCAGGAGG TGGGAGGAG CCGCATGCGG GTGGTGAACA GCGAGTGGGA-150
AATTGGGGAT GCGAGTGTG TTGGGCTGT TGGTCAAGGG CTTCAAGAA GGTACACCTT-160
TGAGGCTGGA GAGTTTATCA TTGATAACCG CGATGCAGGC TATGTTGGG TACGCTGTG-170
CAITGAGGTC CCGAGGAAAG TGGACATCAA CACAGAGGAG CTGGAGGAG GAGGCTGAG-180
GCTGAGTAC TGGGTCAGG AGCGAGGAA CTACATCATC AACATCAAT TGGGAGCA-190
GTAATGTGCT GCGAGTGTG TTTTGTGAA GTGAGAGG GAGGGGCGG TGAAGGAG-200
CATGCTGTC AGGCTGCGG CTTCTGAGT GGCACACCTT GGTATCAT TGGAGTCA-210
CTGAAATTC CCGGAAATTA GATGAGGA TATGAGAGC CAGGTGAGCA GCGCATCG-220
CAAGAGGAT GAGGCGGAGA TGGTGAAGG GAGAGAGGAG ACCTACTGCA TCGGCTTT-230
TCCGCTGAG ATGGGACAC ACACAGTCA GGTCAAGTAC AAGGGGACAG AGGTGCGT-240
GAGGCTGTC CAGTTTACCG TGGGCGGCT AGGGGAAGGG GGAGGCGACA AGGTGCGAG-250
TGGGCGGCT GCGCTGAGGA GAGCTGAAG TGGAGTGCCA GCGGAATTC GTATCTGG-260
TGGGGAAGCT GTGCTGGAG GCCTGGGCT TGGTGTGAG GCGGCGAGCA AGGCTGAG-270
CTCTTTTGAG GAGGCGAAGG ACGGCTGCTG TGGTGTGAG TATGTGGT AGGAGGCG-280
TGAATGAA CTCTGAGTCA AGTTCAAGCA GAGAGAGAT CCGGACAGCT CTTTCTG-290
GCTGTGCTG TCTGCTGTG GCGAGCGCG CCGGCTCACT GTTTCTAGCT TTCAGGAG-300
AGGGCTAAGG GTCAACAGC CAGGCTCTTT TGCAGTCAGC CTGAACGGGG CCAAGGGG-310
GATGATGTC AAGGTGCACA GCGGCTCAGG AGCGCTGGAG GAGTGTATG TCACAGAA-320
TGAGCAAGAT AAGTATGCTG TGGGCTTCAT CCTCGGGAG AATGCGCTT AAGATCCG-330
CGTCAAGTTC AAGGCTACCC ACATGCTG GCTTGGTGTG TGCTTACGGA GCAGGTCTG-340
TGGGCTGGA GGGGAGCGAG GCTTGGTGTG TGCTTACGGA GCAGGTCTG AAGGCGGT-350
CACAGGGGAG CAGGCTGAG TGGTGTGAA CAGGAGCAAT GCGGGAGCTG GTGCCCTG-360
GCTGAGCAT TGGGCGGCT CCAAGGTGAA GATGGATTG CAGGAGTGC CTGAGGCTA-370
CTGGCTGAG TATAGGCGCA TGGCAGCTG CAGCTACCT ATCTCCATCA AATACGG-380
GCGCTAGGAG ATTGGGCGCA GCGGCTTCAA GGCCAAAGT ACAGGCGGCG GTCTCGT-390
CAAGGAGAGC CTCCAGGAGA CATCATCAGT GTTGTAGAC TCTCTGACCA AGGCCAC-400
TGGGCGGAG CATGGGGGCG CCGGCTCTG GCGTGTGAG GCGGAGCAAG AGCTTCACAG-410
GGGCTGAGG CTGAGCAAGG CCTACGTAG CCAGAAGAG AGCTTCACAG TAGACTGC-420
CAAGGAGAGC AACAACATGC TGCTGGTGG GGTTCATGG CCAAGGAGC CCTCGGAG-430
GATGCTGCTG AAGCAGGTG GCAGCGGCT CTACAGCGTG TCCTACCTG TCAAGGAC-440
GGGGGAGTAC AACTGCTGG TCAAATGGG GCACGAGCAC ATCCGAGGCA GCGGCAAG-450
CGTTGTGCTG CCGTGAATCT GGGGCGGCTG TCCCGCTCAA CCGCGGCGCA GCGGCG-460
ACCGAGGAG CCGCGGCTG TCCCGCTCAA CCGCGGCGCA GCGGCGGCTG GCGGCGG-470
TGTCACTGCA GCTGCGGCTG CCGTGTGCGG TGCTGCGCTC ACCTGCGCTC CCAGCC-480
GCTGAGCTCT GCGCTTTTAC TTGGGCGAG GAGGCCATT GTTGTCTTCT-490
TTGGTTCTGG GAGGGGTGAG GGATGGGG
8368
Name: 276 Len: 4803 Check: FF4
GCGGCTGCTT AGTTGACGCA CCGATTGAGT CGCTGGGCTT TTTGAGGCG TTCAGCGTTT 60
TCCGCTGAGG GCGGCTTCCA TCGTTGAGG CCGTAGTGGG TGGGAGAGA GAGCGGGAGC 120
CGCGGAGAGA GAGGCTGCGG CAATTGAGG CCGACTCTGG GTGGGACTG TGGGAGCTGA 180
CTCTGCTGAG GCGGCTGCGG GTGGCTGGGG AGGCGAGGCG GAGCGCACCT CTGTTTGGGG 240
GCTCTGAGAG ATTAATGATT CATCAAGGGA TAGTTGACT GTTCTCGTGG GAATCACTTC 300
ATCATGCGAA ATCTGAAATT ATTTGCGACC CTGGAATTC GGGATATTC AGGTCCAGGG 360
AATGCTGAGT GCTTCTCTCT CCGAATGAA CAGGGGACGG TGCTCATTGG TTCAGAACAT 420
GGCTGATAG AAGTAGACCC TGTCTCAAGA GAAGTGAAAA ATGAAGTTTC TTTGGTGGCA 480
GAAGGCTTTT TCCAGAGGA TGGAGTGGC CCGATTGTTG GTGTTGAGGA CTTGCTGGAT 540
TAGGAGTGTG TGTGTGTGGC CACAGCTCTT GAGAGGTCDA TACTCTGAG TCTCAGACA 600
TAAGAGTTGG AGTGTGTGG GAGTGTAGCC AGTGTATCT CTGTTATGAG TTGGAGTCTT 660
TAGCAAGAGG TGTGTGTGG TGGCAGAGT CAACAGACCC TGATTATGAT GACAAAAGAT 720
TTTGAAGCAA TGTGTGTGG TGGCAGAGT CAGGATGATT TTGGTGAAG CAAGTTTATC 780
ACTGTTGGAT GGGGTAGGAA GGAGACACAG TTCCATGGAT CAGAAGGCGA ACAAGTACC 840
TTTCAGATGC AAATGCATGA GTCTGCTTTG CCGTGGGATG ACCATAGACC ACAAGTTACC 900
TGGGCGGGGG ATGAGAGTT TTTTCTGTG AGTGTGTTT GCGGAGAAC AGGGGCTCGG 960
AAGGCTGAGG TGTGGAACCG AGAGTTTGT TTGCAGTCAA CCAAGTGAAG TGTGGCAGAA 1020
CTGGGAGGAG CCGTGGCTTG GAAATCTCA GCGAGTTTGA TTGATCTAC ACAAGATAAA 1080
CTCAAGAGG AGGATATTGT GTTTTTTGAG AAAAATGGAC TCCTTCATGG AACTTTTACA 1140
CTTCTCTTCT TTAAGATGA GGTAAAGTA AATGACTTGC TCTGGAATGC AGATTCTCTT 1200
GTCTTGTGAG TGGGCTGGA AGACCTTCAG AGAGAAAAAA GCTCCATTCC GAAAACCTGT 1260
CTTCAGCTCT GAGCTGTTGG AAATATCAC TGGTATCTCA AGCAAAGTTT ATCTTCAGC 1320
ACCTGTGGGA AGAGCAAGAT TGTGTCTCTG ATGTGGGACC CTGTGACCCC ATACCGGCTG 1380

```

ATGTTCTCTT GTGAGGCGTG GCATTACCTC GCGTATCAAT GGCAGTGGAG GATTGAGGAG 1440  
 AGCGTGGGAG ATAATTCAAG TCACTTCTTC AATCTGGCTG TCATTGATGG AAACAGGCTG 1450  
 TTGGTGACAG TCTTCTGGCA GATCTGGGTT CCGCTCTCCA TGTGCACCTA CCAATGCTG 1460  
 TTCTCACACC CTGTGAATCA AGTCACATTC TTAGCACACC CTCAAAAGAG TAATGACCTT 1470  
 GCTCTTCTAG ATSCCASTAA CCAGATTCTT GTTTATAAAT GTGGTGAATG TCCAAGTGGT 1480  
 GACCTACAG TGAAACTGGG AGCTGTGGGT GGAAGTGGAT TTAAAGTTTG CTTAGAACT 1490  
 CTTATTTTG AAAAGAGATA CAAAATCCAG TTTGAGAATA ATGAAGATCA ASATGTAAC 1500  
 CCGTTGAAC TAGGCTTCTT CATTTGGATT GAAGAAGAGC TCTTCTGCTC TGTAGGCTAC 1510  
 AGTGAATTC GCGCTCTCTC TGTATTTCAD CATTISACTG CAGCTTCTTC TGGATGGAT 1520  
 GAAAGACAT GACAGCTTAA TGTCAGTTCA TCTGAGCGG TGGATGGGT TGGATGGT 1530  
 CTATGTTGCA ATTCCAAGAC CAATTCAGTA GTATTACAGC TGGCTGATGG CAGATAAT 1540  
 AAGTACCTTT GGGATCCACC TTCTCTGGCT ATTAACCAT GGAAGAACTT TGGTGGAT 1550  
 CCTGTTGGGT TTCTTATCC ATGCACCCAG ACCGAATTGG CCAATGATTT AGAAGAGGA 1560  
 TGTGCTCTTG GTCTGACTGA CAGGTGTGCG TTTTTCATCA ATGACATTTA GGTTCGCT 1570  
 AATATCACGT CATTTCAGT ATATGATGAG TTTTATTGT TGACAACCA TTCCCATAC 1580  
 TGCCAGTGT TTTGCCGTGAG GGATGCTTCA TTTAAACAT TACAGGCGCG COTGAGCAG 1590  
 AATCATGCTT CCTATGGGGA AGTTCTGCGG AAAGTGGAGA GGGGTTCAAG GATTGTCACT 1600  
 GTTCTGCTCC AGGACACAAA CTTTCTATTA CAGATGCCAA GGGGAACTT AGAAGTGT 1610  
 CATCATCAG CCGTGGTTTT AGCTCAGATT CCGAAGTGGT TGGACAACT TATGTTAA 1620  
 GAGGCAATTT AATGCATGAG AAAGCTGAGA ATCAATCTCA ATCOGATTTA TGATCATA 1630  
 CCTAAGGTGT TTCTTGAAA TGTGGAAACC TTCATTAAAC AGATAGATTC TGTGAATCA 1640  
 ATTAAGTTBT TTTTACAGA ATTGAAAGAA GAAGATGTCA CGAAGACCAT GTACCCGT 1650  
 CCAGTTACCA GCAGTGTCTA CCTGTCCAGG GATCCTGACG ATAAATCCTC ATAAATCTG 1660  
 TGCGATGCTA TGAGAGCAGT CATGGAGAGC ATAAATCCTC ATAAATCTG 1670  
 CTTACATCTC ATGTAAAGAA GACAACCCCA GAACTGGAAA TTGTACTGCA AAAAGTAC 1680  
 GAGCTTCAAC GAAATGCTCC CTCTGATCTT GATCTGTGA GTGCTGAAGA GGGCTTGA 1690  
 TATTTGCTGC ATCTGCTAGA TGTTAATGAA TTATATGATC ATTCTCTTGG CACCTATG 1700  
 TTTGATTTGG TCTTCATGCT AGCTGAGAAG TCACAGAAAG ATCCCAAGAA ATATCTT 1710  
 TTTCTTAATA CACTTAAGAA AATGGAACT AATTATCAGC GGTITACTAT AGACAAAT 1720  
 TTGAAACGAT ATGAAAAAGC CATTGGCCAC CTCAGCAAAT GTGGACCTGA GTTATATT 1730  
 GAATGCTTAA ACTTGATAAA AGATAAAAC TTGTATAACG AAGCTCTGAA GTTATATT 1740  
 CCAAGCTCAC AACAGTACCA GGATATCAGC ATTGCTTATG GGGAGCACTT GATSCAGG 1750  
 CACATGTATG AGCCAGCGGG GCTCATGTTT GCCCGTTGCG GTGCGGAGC CAGGAAAGCT 1760  
 TCAGCCTTTC TCACATGTGG CAACTGGAAG AGAAGCTCTG CAGGAAAGCT GGTGAGCA 1770  
 TTTACCAAAG ACCAGCTGGT GGGCTCTGCG CATGCTTTTG GAAGAGTGTG CCCAGGATTA 1780  
 AGGAAGCACA TTGATGCGGC CATGCTTTTG GAAGAGTGTG CCCAGGATTA 1790  
 GTGCTCTTGC TGTAGAAGG AGCTGCTGAG GAAGAAGCTT TGAGGCTGGT ATACAAAT 1800  
 AACAGACTGG ATATTATAGA AACCAACGTA AAGCCTTCCA TTTTAGAAGC CCAGAAAA 1810  
 TATATGGCAT TTCTGGACTC TCAGACAGCC ACATTTCAGT GCCACAAGAA ACGTTTAT 1820  
 GTAGTTGAG AGCTCAAGGA GCAAGCCAG CAGGCAGGTC TGGATGATGA GGTACCCCA 1830  
 GGGCAAGAGT CAGACCTCTT CTCTGAAACT AGCAGTGTCT TGAGTGGCAG TGAGATGAG 1840  
 GGCATAACT CCGATAGTAA CTCCAGGATA TCAGCGAGAT CATCCAAGAA TGGCCGAA 1850  
 GGGGAGCGGA AGAAGCACAG CCGCAAGGAA GGCAGTCCGC TGGAGGAGCT GGGCTCT 1860  
 GGGGCACTGA GTGAAGTGGT GCAGAACACT GAAAACCTGA AAGATGAAST ATACCATAT 1870  
 TTAAGGTAG TCTTTCTCTT TGAGTTTGAT GAACAAGGAA GGGGAATTACA GAAGGCTT 1880  
 GAAGATACCT TGCAGTTGAT GSAAGGTCA CTTCAGAAA TTTGGACTCT TACTTACC 1890  
 CAGAAATCA CTACCCCGGT TCTAGGTCCC AATTCTACTG CAAATAGTAT CATGGCAT 1900  
 TATCAGCAAC AGAAGACTTC GGTCTCTGTT CTGATGCTG AGCTTTTAT ACCACCAA 1910  
 ATCAATAGAA GAATCCAGTG GAAGCTGAGC CTGCTAGACT GAGTGAAGT AGTTAGGAG 1920  
 GATCCGACAG AGAAGACCAT TTCCACTCAT TCTGTTGTC CTACCAACCC TTCTCTTT 1930  
 AGGGCTGGCT ATTGABAAC TGAAGAGTA AAATGATAAC TTACCTTAGC ATTGCCAA 1940  
 ACTTCAAGCAG AGAAGCAAGCA ATTCTATTTA TTTTATGTTG TGTATACATC TTGATCAT 1950  
 GCAAGACATG AAGCTTTAAT CATTATGGCA CCATTTTGTG AGAATGATTG TTCTTTCA 1960  
 TGGGCTGTTT GAGAGCATAA TTATGGTAAT CATGAGATTA ATGTTTCATG ATTTCTAC 1970  
 CCAAGGTGTG AAGACAAGTA AAACAATGTT TCTAAATTGT CTTATTTTGT TGGCGGAG 1980  
 GATTACAATG GCTATTAGTG CTACATTTGG TCAATGTAA TCACTTAAAT AGCTTCTT 1990  
 CACCTTAAAC TAAAGCAAG TAAAAAGTAT CTTTGAAT TAAAAAAAC AAAAAAGCT 2000

AAA  
 Name: 277 Len: 3548 Check: 1972  
 TGGCCGAAAG AGGGGGGACAG CAAGGGAGCG TCAAGGCGGGG ACCATGCGCG AAGGGGGGCT 60  
 GGAGCGGGCT GAGGGGGGCA TGGTCAAGAT GGAGGTGGAC TACAGCGCCA CGGTGGATTA 120  
 GCGGCTACCC GAGTGTGCGA AGTAGCCAA GGAAGGAAGA CTTCAAGAAG TCATTGAAAT 130  
 CTTCTCTCT CTGGAAAAG AGACTCGTAC TGCTTCCGAT ATGGTATCGA CATCCCGTAT 240

CTAGTTTCA GTAGTGAAGA TGTGCTATGA GGCTAAAGAA TGGGATTIAC TTAATCAAAA 301  
 TATTATGTTT TTGTCCAAAA GGGGAGTCA GTTAAAAAAG GCTGTTGCCA AAATGTTTCA 360  
 ACASTGCTGT ACTTATGTTG AGGAAATCAG AGACCTTCTT ATCAAACTTCT GATTAAATGA 420  
 TACTCTACGA ATGGTATCCG AAGGCAAGAT TTAAGTTGAA ATTGAGGCTG CGGAGCTGAC 480  
 TAAACATTA GCAACTATAA AAGAACAATA TGGTGTATGT AAAGAGGCTAG CCTCCATTTT 540  
 ACAGGAGTTA CAGGTGGAAA CCTACGGGCT AATGGAAAAG AAAGAGGCTAG TGGAAATTTAT 600  
 TTTGAGGCAA ATGAGGCTCT GCCTAGCTGT GAAGGATTAC ATTGGAACAC AAATCATCAG 660  
 CAAGAAAATT AACACCAAT TTTTCCAGGA AGAAAATACA GAGAAATTAA AGTTGAAATA 720  
 CTATATTTTA ATGATTCAGC TGGATCAACA TTAGGGATCC TATTTGTCTA TTTGTAAGCA 780  
 CTACAGAGCA ATATATGATA CTCCCTGTAT ACAGGACAGAA AGTGAATAAT GGCAGCAGGC 840  
 TCTGAGAGT GTTGTACTCT ATGTTATCTT GGTCTCTTTT GACAATGAAC AGTCAGATTT 900  
 GGTTCACCGA ATAAGTGGTG ACAAGAAGTT AGAAGAAATT CCCAAATACA AGGATCTTTT 960  
 AAAGCTTTTT ACCACAATGG AGTTGATGCG TTGTCACACA CTGTTTGGG ACTATGGAAT1020  
 GGAATTAAGA AAAGGTTCCG TTGAGAGTCC TGCAACGGAT GTTTTTGGTT CTACAGAGGA1080  
 AGGTGAAAAA AGGTGGAAAAG ACTTGAAGAA CAGAGTTGTT GAACATAATA TTAGAATAAT1140  
 GGGCAAGTAT TATACTCGGA TAACAATGAA AAGGATGGCA CAGCTTCTGG ATCTATCTGT1200  
 TATGAGTCC GAAGCTTTTC TGTCAAATCT AGTAGTTAAC AAGACCATCT TTGCTAAAGT1260  
 AATAGATTA GAGGAAATTA TCAACTTCTA GAGACCCAAG GATCCAAATA ATTTATTAAT1320  
 TACTGCTCT CAGAAACTGA ACTCATTAT GTCTCTGGTT AACAAACTA CTCATCTCAT1380  
 AGCCAAAGAG GAGATGATAC ATAATCTACA ATAAGGCTCT TAGTGCTTTA GAAAAAAGTT1440  
 AAAATTTGGA GTCATTAATA AAAGACTGTT ATAATGGTGT ATATGTTGGG GTTTTTTTTC1500  
 TAAGCTTCTT TGTCTTAAAT TTTAAATAG TGAATATGTT TGAGACTCCC TTTGACCTTT1560  
 CAGTTCCCCA AGTTTATTGT TAACTTTGCA TTTGCAATTG GTGCAAAAT ACAGATTTCT1620  
 GTGCTCTGAA TACACAAAAA GTTGTGTCT AACTTACCCA GATATGTTTT TCTATCATTT1680  
 GAAACCTTTT TAGCTACTGT TTGTTTTCT TCAACTAACA AACATATTC AATAATAAAA1740  
 GCAATATATA CATATTTCTT TTCTACAGTT AACTCTGATT CTCAACATTT TGTGGGGTAG1800  
 TGATTTGGCA AGTGTTTTTT AAATAAACA AATCTCATTG TAAAGTTATC AGTCATTTAG1860  
 TAGAATAGAA AAGCAACATA GAGCATACAA GAACATTTGG GATAGAGTTG TGATTTGTGA1920  
 AGAATTTGTA CTTTGTATTT GTGGCGGAAA GTCTAGACTG AGTGTGTATG CTGTAAGT1980  
 GTAGACTTTT TTTTGTGTT TTGAGTCCGG CTGGTTCCAA TCACAGTAGC TTGATTGCTT2040  
 TCAGGCTCTA CCTCTCACT TGATCAGTTG TTCAACAGAA TCAGCTGACA TAATTGACAC2100  
 AGTTTATTGG GTGTTAAGTC CGCTCTATAG GGATAGTGAC TACTTTTTTT TTTTTTTTTT2160  
 TTTTGTCTCT TCTTCTCTC CCCTTTCTTT ATATGGGTTT AAATTAAACA TAAAGTTGTT2220  
 TTTATAAGGC TTATTGTGG CTTTAACTTG TAAGTCTGAT TACATCATTA TTGTTCCAAA2280  
 TTCATTATCT CTGTAGGAAC TTTTAGTTCC ATTATATGAA CACTGGATAA CCTAATTTTT2340  
 TTTAATGCTT TAAAAAATG GCAAAAAGAG GCTAGGCCCAC CCTCATAGTA AGTGGTGTAG2400  
 TATTAATAA TTTTCACGGA ATTAAGTA TGATTTATTT CAGAGAAAAT AGAAAAAAC2460  
 TTGGTGTGAA CGAATTTTGC AAGTTTAAT ATATAAGAAA GTGTGAGGTC TACTTTAAAT2520  
 ATGTTAGAGG GTTATTTAAA ATGATACTCA AATAAGAAA ATGGCATTTT TCTAATTA2580  
 AAATTCAAAT GAAGAGAAAA AGAAAAACAG CATTCTAGAA ATGGCATTTT TCTAATTA2640  
 TTTTCCACTT AATGGAAGAT TATCAATTGT CCTATTTTAT GATCCCAGGA CTGAAGACAG2700  
 TTGTGGGATA TGTGTCTAT TTATCCTGTG AGTCATTGTG AATAATGACA TACAGTACTG2760  
 AAGTAATCTG ATTTTATTCT TTGGAATTC AATGCAATTG TCACACTAAT AACATCAACA2820  
 TGTGCTATCA CTTATCTTTT TAAACTAAC CAAAAAGGC TGGGATTACA GGCATGAGCC2880  
 ACTGACCCCA ACTCTCTTTT CGTCTTTCTT TAACACACAC TGGCTCTTT GTTATTATG2940  
 ATTCATGCTT ATTTGTAAT GTGTCCAGT GACCAAAATG CACTCGACTC GATCAGCTGT3000  
 TCATCCATTT CGTGTTTTTT CCGTCTCAAA ATTAATCCAG CAAATATATG AGGTATTAT3060  
 CAATTTATTT TCTTAGTATT ACAAATAAT TCATTAGCAT AAAGTACAAT AGTGAAATAT3120  
 TTGATTTGTT CGGAACCTCA ATTAATCTCT TTTTACATTT CAGACCTAAA GGTGGCAATC3180  
 AGGAGAAGAA GCACTTTGTT TTAATGTGG AGAAGATAAC ACTTGATTCT ATTTCAATTG3240  
 TATTAGTGTA TTAACAGCA GGAGAGGTGA TGAGGCATTT TCAAAATGAA ATACCTTTA3300  
 TTCCATATA ATTTTTTTAT TTAGAGTTT AATAGCTGTT TCTATGATTA TCTCAATTT3360  
 CCATATGTTA CTGAATCTGA AAAACATCTT TAAATTTCAA ACAGTTCCAT TTTCTCTCT3420  
 TAAAGTTTAA AATGTGATAA AAGTACATAT TTTAAATTT TTTGAGCTCT TGGATATAG3480  
 AGCAATAAAA ACACTAATTT GTGGGTATTT AAGAAAACCT GGAGAATAAA CTCATACTTT3540  
 AAAAGATC

Name: 278 Len: 4032 Check: 2A0  
 CTAGCTGCGG GTCTCCCTGC CCCCSCCGCC GCGCGGCGCG GCGCGGCGCG 60  
 GCGCGAGGAG GCGCGGGGAG AGGAGGAGGA GCGCGCGCGG GCGCGCGCGG 120  
 GCGCGGCGCG GCGCGGCGCG GCGCGCGCGG GCGCGCGCGG GCGCGCGCGG 180  
 GCGCGAGGAG GCGCGGGGAG TGAACACCA GCGCGAGGAG GCGCGAGGAG 240  
 GCGCGAGTTG AGCGAGGCGG AGGACATGGA GATGGAAGCG GGAGATACAG ATGACCGAGC 300  
 AAGAATTACT CAGAACCTG TATCAATG GATGTGGCG CTGAGTGATG GACACAACAC 360



AGCTGAGGAGG GATATGGAGG ATGACACCCAG TTGGGCTGCG GAGGCAAGCTT TTCAATTCAC 414  
 TGTGAGAGCGG TTAGGAGAGC TGAGTGAGTC GGTCTTACG CCTCCTGTTT TTGTGGGAAA 444  
 TGTGCGATGG AAGATATATG TGATGGGACG CTTTTATCCA GACAGACGAC ACCAAAAAG 549  
 CGTAGGATTC TTCTGCAAT GCAATGCTGA ATCTGATTC ACCTCATGGT CTGGCATATG 669  
 ACAAGGAGTG CTGAAGATAA TAAATTACAG AGATGATGAA AAGTGGTTCA GTCTGTGAT 660  
 TAGTCATTTG TTCTTCCATA AAGAAAATGA TTGGGATTT TCCAATTTTA TGGGCTGGAG 720  
 TGAAGTGAGC GATCTGAGA AAGGATTTAT AGATGATGAC AAAGTIACCT TTGAAGTCT 760  
 TGTACAGCGG GATGTTGCGC ATGGAGTTGC GTGGGATTCA AAGAGGACCA CAGGCTATCT 840  
 CCGCTTAAAG AATTAGGAG CGACTTCTTA CATGAACAGC CTGCTAAGA CATTATTTT 900  
 CACGAATCGG CTACGAAAG CTGTGTACAT GATGCAACG GAGGGGATG ATTCTCTAA 960  
 AAGCGTTCTT TTAGCATAC AAGAATGTT CTATGAATTA CAGCATAGTG ATAACTGTG 1020  
 AGGAATCAAA AGTTTAAACA AGTCATTTGG GTGGGAACT TTAGATAGCT TCATGCAACA 1080  
 TGAITTTGAG GABCTTTGTC GAGTGTGCT CGATATGTG GAAAAATAA TGAAGGCAAC 1140  
 CTGTGTAGAG GGCACCATAC CCAAATTAT CCCTGGCAA ATGGTGTCTT ATATCAAGTG 1200  
 TAAAGAGTA GACTATGGG CTGATAGAAG AGAAGATTAT TATGATATCC AGCTAAGTAT 1260  
 CAAAGGAAAG AAAATATAT TTGAATCAT TGTGATTAT GTGGCAGTAG AACAGCTCG 1320  
 TGGGGACAAT AAATACGACG CTGGGGAACA TGGCTTACAG GAAGCAGAGA AAGGTGTGA 1380  
 ATTCCTAACA TTGCCACGAG TGTTACATCT ACAGCTGATG AGATTTATGT ATAGCTCTCA 1440  
 GACGCACTAA AATATCAAGA TCAATGATAG GTTGAATTC CCAGAGGAGT TACCACTTGA 1500  
 TGAATTTTTG CAAAAACAG ATCCTAAGGA CCCTGCAAT TATATTCTTC ATGCAAGTCT 1560  
 GCTTCATAGT GAGATAATC ATGGTGGACA TTATGTGGT TATCTAAAC CCAGAGGGGA 1620  
 TGGCAAAATG TGTAAATTTG ATGACGACGT GGTGTCAAGG TGTACTAAG AGGAGGCAAT 1680  
 TGAGCACAAT TATGGGGGTC ACCGATGACGA CCTGTCTGTT CGACACTGCA CTAATGCTTA 1740  
 CATGTTAGTC TACATCAGGG AATCAAAACT GAGTGAAGTT TTACAGGCGG TCACCGACCA 1800  
 TGATATTCCT CAGCGATTGG TGGAGCGATT ACAAGAAGAG AAAAGGATCG AGGCTCAGAA 1860  
 GCGCAAGGAG CCGCAGGAAG CCCATCTCTA TATGCAAGTG CAGATAGTCT CAGAGGACCA 1920  
 TTTTGTGGG CACCAAGGGA ATGACATGTA CGATGAAGAA AAAGTGAAAT ACATGTGT 1980  
 CAAAGTATTT AAGAACTCCT CGCTTGTCTG GTTTGTTGAG AGCTCTCTTC AGACCATG 2040  
 ATTTCCACAA GATCAAAATC GATTGTGGCC CATGCAAGCA AGGAGTAATG GAAACAAAAG 2100  
 ACCAGCAATG TTAGATAATG AAGCCGACGG CAATAAAACA ATGATTGAGC TCAGTGATAA 2160  
 TGAAAACCTT TGGACAATAT TCCTGGAAAC AGTTGATCCC GAGCTGGCTG CTAGTGGAGC 2220  
 GACCTTAACC AAGTTTGATA AAGATCATGA TGTAAATGTTA TTTTGAAGA TGTATGAT 2280  
 CAAAACGCGG AGCTTGAATT ACTGTGGGCA TATCTACACA CCAATATCCT GTAAATACG 2340  
 TGACTTGCTC CCAGTTATGT GTGACAGAGC AGGAATTTAT CAAGATACTA GCCTTATCCT 2400  
 CTATGAGGAA GTTAAACCGA ATTTAACAGA GAGAATTCAG GACTATGAG TGTCTCTGA 2460  
 TAAAGCCCTT GATGAACATA TGGATGGTGA CATCATAGTA TTTCAGAAAG ATGACCTGA 2520  
 AAATGATAAC AGTGAATTAC CCACCGCAAA GGAGTATTTT CGAGATCTCT ACCACCGCT 2580  
 TGATGTCAAT TTCTGTGATA AAACAATCCC TAATGATCCT GGAITTTGTG TTAGCTTATC 2640  
 AAATAAATG AATTATTTTC AGGTTGCAAA GACATTTGCA CAGAGGCTTA ACACAGATCC 2700  
 AATGTTGCTG CAGTTTTTCA AGTCTCAAGG TTATAGGGAT GGCCAGGTA ATCTCTTAG 2760  
 ACATAATTAT GAAGGTACTT TAAGAGATCT TCTACAGTTC TTCAAGCCTA GACAACCTAA 2820  
 GAAACTTTAC TATCAACAGC TTAAGATGAA AATCACAGAC TTTGAGAAAC GCGGAAGTTT 2880  
 TAAATGATA TGGTTAAACA GCCAATTTAG GGAAGAGGAA ATACACTAT ATCCAGACAA 2940  
 GCATGGGTGT GTCCGGGCAAC TGTTAGAAGA ATGTAAAGAG CCGGTGGAAC TTGGGGAGAA 3000  
 AGCATTAAGG AACTTAGGG TGCTAGAAAT TGTAAGCTAC AAAATCATTG CTGTTTATCA 3060  
 AGAAGATGAA CTATTAGAAT GTTTATCTCC TGCAACGAGC CGGACCTTTC GAATAGAGGA 3120  
 AATCCCTTTG TACCAAGTGG ACATAGACAA AGAAGATGAG ATGCTTCTTA CAGTGGGCA 3180  
 TTTCCACAAA CAGGTCTTTC GAACGTTCCG AATCCGTTT TTGCTGAGGA TACACAGGG 3240  
 TGAGATTTT GAGAAAGTGA TGAAGCGAAT CCAAGGCTG CTGAGATTC AGGAGAAAG 3300  
 GTTTGAGAG TTTAAATTTG CAATTGTAAT GGCACAGGCC GGTAAATAT CTCTCTCTG 3360  
 CGAGTATGAA GTAAATTTGA AAGACTTTGA GGCACAGGCC GGTAAATAT CTCTCTCTG 3420  
 GCTTTGCTA GGGGTGAGAC ACTTCAACAA AGCCCAAGAG AGGAGTGGT TGTGTTGAG 3480  
 TGAAAAGGCG ATTAATAATC ATAATGATT TCCAAGCTGG TGTGTTGAG 3540  
 TGTGTTGAGT GGGCTTTAAC AGCCTAGAAC TTTGTTGAC GTGCTCTTA 3600  
 TCAGCAAGAG GATTCCTGC TGGTGTAAAT TTTATTTTAT TGAGGCTGTT CAGTTTGGCT 3660  
 TCTCTGTATC TATGAGTGC CTTTTTGAAG CAAAATGAAG ATTTTTTAT AAGTTTGA 3720  
 TGCCAAATGAG AGTTATTTTA TGGTAACCA AGTCAAGGC AATGTGAG GCAATGGG 3780  
 AGAAGAGGTT AATGATGCG GGGTCCCTG CTCAAGGCT CTGGCTTCT CTAATGGG 3840  
 ACGAGTGGCT CCGCTGCTT CCGGGGCTC CGTGCAACAG CCCTGAGCT AGCAATCTT 3900  
 GTGTTTAGGC TCGTTGAGC TATTTCTTT AGTTATACT TCAATGAGT TTTTGCATC 3960  
 TGTTAAGGCA AAACAGAGAA ACTCACAACT TAATAAATAG CGCTTTTCC TTCAAAAAAA 4020

AA  
 Name: 279

Len: 3403 Check:

705

1022



AAGTCTGAG GCGAAGCTAG GTGAGCGGTG TGAAGAAAAG AGGCAGCTAG TAGGCGCGGG 60  
 GTCTTCTGTC TCCCGGAGTT TGGAAAGGCT GAAGTTGACC TTCCAGTCCC TAGCGGCGGT 120  
 GGGGCGCTTA GGGCTGACTT CTGAGCGGCT TCGGGTGTCT GGTGCGCGCC TAAGCGGGGC 180  
 AAGGTGAGAA CAGGGGCTTC GGGGCAAGCT TGTCTTGGCG ACAGGATTTT GCTGTGAAGT 240  
 CCGTCCGGGA AAGCGAGGAA AAAAAGAGTT GCGGAGGCT GTCTGCTAAT AACGTTCTT 300  
 GATACATATT TGCCAGACTT CAAGATTTC AAAAAAGGCT GAAAGAGAAAG ATTGCAACTT 360  
 TGAGTCAGAC CTGTAGGCTT GATAGACTGA TTAACCCAGA GAAGGTGACC TGCTGAGAAA 420  
 AGTGGTACAA ATACTGAGAA AAACCTGCTC TTCTGCGTTA AGTGGGAGAC AATGTACAAA 480  
 GTTAAAGCTT TTTAATCTTA TGATGCTTCC TCGATTTC AATATTTTTC ATCTTGGAT 540  
 GATGAAGGAG ATACTCAAAA CATAGATTCA TGGTTTGAGG AGAAGCGGCA TTTGAGAAAT 600  
 AAGTTACTGG GGAAGAATGG AACTGGAGGG GTTTTTCAGG GCAAAACTCC TTTGAGAAAG 660  
 GTTAATTTTC AGCAAGCTAT TGTACACACT GTGAAAGCAG TTGACAAAC TTAATACAAA 720  
 GAGGCGAGAA AAGAAAATCT TGTGGAACAA TGCATTCTGT CAAATGCTTG TTCTTCCCTG 780  
 GAAGTTGAGG CAGCCATATC AAGAAAAATC GGAACAGAAA ATGTAAAAAT GAAAGCCAAG 840  
 CTTTCTGCTC AGAAGGATTT CATCGATGAA ATTCTACCTT CTAAGAAAAAT GAAAGTTTCT 900  
 AGATGTGCTC CTCTCTAAT AGAAGCCAGA GGAAGAAGGC AGTGTCTATC AAGATACTGC TGAACAACAT 1020  
 AACATCAAAA CTGAGCCAGA CAAAGGTAGA CTAATCTGCT CTGTATGCTT AACTGCAAGT 1080  
 GCATCTTCCC CAGAGAAAGC CAAAGGTAGA CTAATCTGCT CTGTATGCTT AACTGCAAGT 1140  
 CAGAACTTTT TAAAAAGTAC TGAGGAGCAA GAGCTGAGAG AGAGTATGAA AACTTGCTCT 1200  
 GAGGTCTGAG AGATGCGGAA AAAGAATGAA GAATTCAGAA AACTTGCTCTT GGCTGGAAT 1260  
 GGGCAACTCT TGAAGAAATC AGTGAGCCAG GTCAACCAAT CAGTTGACTT CCACTTCCGC 1320  
 ACAGATGAGC GAATCAAAAC ACATCCTAAG CTTGCGCGAG TGACTAAGGG ATGTACCATT 1380  
 ACATCTGAAC TACGAAAGCA TCCTTCTATC CTTGCGCGAG TGACTAAGGG ATGTACCATT 1440  
 GTTAAAGCTT TCAACCTGTC CCAAGGAAAG AAAAGAACAT TTCCATAAAC GAACCCCTAA 1500  
 TATGTGCCCC TTGCACAGCA AGTTGAAGAC TTCCATAAAC GAACCCCTAA 1560  
 TTGAGGAGCA AGAAGGATGA TATTAACCTT TTACCCCTCA AATCTTCTCT 1620  
 TGCAGAGACC CACAGACTCC TGTACTGCAA ACCAAACACC GTGCACGGGC TGTACCTGCT 1680  
 AAAAGTACAG CAGAGCTGGA GGCTGAGGAG CTGAGAAAT TGCAACAATA CAATTCAAA 1740  
 GCACGTGAAC TTGATCCCAG AATACTTGAA GGTGGGCCCA TCTTGCCCA GAAACCACT 1800  
 GTGAAGCCAC CCACCGAGCC TATTGGCTTT GATTTGAAA TTGAGAAAAG AATCCAGGAG 1860  
 CGAGATCAA AGAAGAAAA AGAGGATGAA CACTTTGAAT TTCATTCCAG ACCTTGCCCT 1920  
 ACTAAGATT TTGAAGAAAT TGTGGGTGTT CTTGAAAAGA AGGTACTTCC AATCACCCTG 1980  
 CCAAGTCAAG CAGCCTTTGC ATTGAAGAAC AGAATTCGAA TGCCACCAA AGAAGATGAG 2040  
 GAAGAGGACG AACCGGTAGT GATAAAAGCT CAACCTGTGC CACATTATGG GGTGCTTTT 2100  
 AAGCCCAAAA TCCCAGAGGC AAGAACTGTG GAAATATGCC CTTTCTCGTT TGATTCTCGA 2160  
 GACAAAGAAC GTCAGTTACA GAAAGGAGAG AAAATAAAG AACTGCAGAA AGGGGAGGTG 2220  
 CCAAGTTTCA AGGCACTTCC CTTGCTCAT TTTGACACCA TTAACCTGCC AGAGAAGAAG 2280  
 GTAAAGAAATG TGACCCAGAT TGAACCTTTT TGTCTGAGA CTGACAGAAG AGGTGCTCTG 2340  
 AAGGTCAGCA CTTGGAAGCA CCAGCTGGA GAAAGAACTG BACAGCAGAA AGAAGCAGCT 2400  
 TGTTCAGAG CTCTCCAAA CACCGTCAAT TGTGAGGAG CTTTGTTC CAAGAAAGAG 2460  
 AAGAAATCAG TTGCTGAGGG CTTTCTGCTT TGTCTAGTTC AGGAACTTTT TCAGCTGGCT 2520  
 ACTGAGAAAG GAGCCAAAGA GCGGCAGGAG CTGGAGAAAG AATGGGTGA GGTAGAGCC 2580  
 CAGAAAGGCC AGCAGTTGGA GAGGTCAGCA CTACAGGAGG AAGAGCAGAA AAAAGAGGAG 2640  
 CTGGCAGGCG TACGGAGAGA ACTGGTGCAT AAGGCAAAAT CAATAAGCAA GTACAGGGT 2700  
 CTGAGATATA AGTCAAGTGA CCAGCTCTG ACTGTGCTG TATCTCCCAA ATTCTCCACT 2760  
 TGATTCTACT GCTAAACTCA GCTGTGAGCT GCGGATACCG CCGGGAATG GAGCTGCTC 2820  
 TTAACCTCAA ACCTAGGACC GTCTTGCTTT GTTATTGGGC ATGGAGAGAA CCCATTCTC 2880  
 CAGACTTTTA CCTACCGGTG CCTGAGAAAG CATACTTGAC AACTGTGGAC TCCAGTTTT 2940  
 TTGAGAAATG TTTCTTACA TTAATAAGGC TAATAATGAG ATGTAAGTCA TGAATGTCT 3000  
 GATTGACTTC CATGTAGTTA CTCTCTTTAA ACCATCAAGC GGGCTTTTAT ATGGCTCTC 3060  
 ACTCTACTTA GAATTTAGTC TGTGTGTGAG CACAGGTAA TTTCTATTTC TATTGCCCC 3120  
 TACGATCTTC ACCCTCTCCC CACTTTTTTT AAAAATTTA ACCAGAAAAA AAAATAGATT 3180  
 AAATCTTAAG ATAGAGATTA AGTCATGCTT TAAATGAGGA ACAATCAGTA AATGAGATT 3240  
 PGTCCTCTTC TCTGCATACC GTGAATTTAT AGTTAAGGAT CTTTGTCTG TGAGGGTAGA 3300  
 AAACTTCAAC AACTGCACCA GTGAGGAAGA AGACTGCTG GATTGATGGG GAGGCTCACA 3360  
 CAGGTCAGCG AGCAGGCTCT GGTGAGGCT GGTGTAAGG CACAGTCTT TCTTACTGG 3403  
 TGCTGATAAC AACAGGGAAC TGTGCACTGT GATTTTAAAG ACC

Name: 25

Len: 426 Check: 122C

TTGATTTGTS GGGCATGCAA GCAAGGAGTA ATGGAACAAA AGSACCAGCA ATGTTAGATA 60  
 ATGAAGCGGA CGNAATAAAA CAATGATTGA GCTCAGTGAAT AATGAAAACC CTTGGACAAT 120  
 ATCTCTGGAA ACAGTTGATC CCGAGCTGGC TGCTAGTGA GCGACCTTAC CCAAGTTTGA 180  
 TAAAGATCAT GATGTAATGT TATTTTTGAA GATGTATGAT CCAAAAACGC GGACTTTGAA 240  
 TTAATGTGGG CATATCTACA CACCAATATC CTGTAAAATA CTGACTTGG TCCAGTTAT 300

CTCTGACAAA CTAGGATTTA TTCAATATA TAGCCTTTAT COTOTATTA CAGAGTTAAA360  
CCGAAATTTAA CAAAGAGAAT TCCAGJCTA TGACGTGTCT COTTGATAAA COTCCTTGAT4...  
GAACTA 426

Name: 280

Len: 6428 Check: 1E34

GCTASTGAAA	GTTACTGCGG	CGGACCGAG	TCCGGACCGG	ASACTTTGGG	GOCTAACTAG	60
TGAATGGTAG	TCTCTAGAAA	GGGTATGTCC	CTTCAAGAGA	GAGGTGCTAA	TGTCCAAACCG	120
GGCTAATAAC	AATCCAGGGG	GGTCACTGCG	ACGTTTCACAG	AGGAACACTG	CGGGGSCCCA	180
ACCAAAAGAC	GATTCATAG	SAGSAAAGAG	CTGCAGTTCA	TATCTGTGTG	TCATAGTTCC	240
ACAAATAGAG	GATTCAGAAA	GAGTCAATAC	TTGAGAAAGA	CAAAAAAGG	TGCAGGTGCT	300
TAAGAAAGAC	AATCTCTGAG	GAGTCAAGGG	CAGTGTCTAGT	CCAGACTACA	ACAGSACCAA	360
TTCTCTTAGC	TCTGCAAAAA	AACCAAAAGC	ACTTCAGCAT	ACTGAATCTG	TCTCAGAAAC	420
AAATAAGGCA	CATAGTAACT	CAAGAGAGAG	ACATTTATAG	TAAGAGCAAC	AACTGAAATC	480
TGCATAATCA	CCATCAACAA	GCAAGGCTCA	TACCAGGAAG	AGTGGGSCCA	CTGGCGGTTT	540
ACGAGTACAG	AAAAGAAAAA	GGACAGAGAG	TTCTGTGTGA	AAAGATGGCT	CTGGGTCTGA	600
ATCAACTGGT	GCAGAGAGAG	GATCTGCGAA	ACCTACCAAG	CTGGCTTCAA	AATCAGCCAC	660
CTCAGGCAAA	GCTGGGTGTA	GCACCATCAC	TGATTCTTCT	TCTGCTGCTT	CTACTTCCTC	720
CTGCTCTTCT	GCTGTAGCCT	CGGCTCTCTC	CACTGTACCA	CCAGGTGCTA	GAGTGAACA	780
ACGAAAGGAT	CAAAACAGAG	CCAGGCTTTC	CGGTTGAGCG	TCCAGTCTTA	CCCTCAGAAG	840
AAGTAGCAGG	GAAGAGGAAC	AGAGTAAAC	TGGTGGCTCT	TCAAAATTTG	ATTGGGCTGC	900
TGCTTTTCAG	CCTAAAGTTA	GCCTTCCTAA	AACAAAACCTG	TCTCTTCCAG	GGTCTTCTAA	960
GTCAGAGACA	TCAAAAGCTG	GACCTTCTGG	ATTACAGGCT	AAATTAGCAA	GTTTAAGAAA	1020
ATCTAGGAAG	AAACGCACTG	AGTCTCCACC	TGCTGAGCTC	CCCAGTTTGA	GGCGGAGCAC	1080
ACGCAAAAG	ACCACGGGCT	CCTGTGCTAG	TACCAGTCGG	CGAGGCTCTG	GGCTGGGCAA	1140
AAAGAGAGCA	GCTGAAGCTC	GTCGACAGGA	GAAGATGGCA	GACCTTGAAA	GCAACCCAGGA	1200
GGCAGTAAAT	TCTTCAGCTG	CTCGSACAGA	TGAAGCTCCC	CAAGSAGCTG	CAGGGGTGTG	1260
TGCAATGAGC	AGCTCTGGGG	AGAATGAATC	AGATGATTTC	SAGATGGGAC	GTCTGCAAGG	1320
TTCTCTAGAG	GCAAGGCTCT	TTCCCTCTCA	CCTATTCTGG	CTCTTGGGTC	CTGGGATGTC	1380
ACAGCTTTTC	CATAGAACAA	TTGGAAGTGG	AGCTAGTTCT	AAGGCTCAGC	AGTACTACAA	1440
AGGATTGCAA	GCCAGTGATG	AAAGTCAACA	GCTTCAGGCA	GTTATTGAGA	TGCTCAGTTT	1500
ACTGGTCTAG	GGAAATGAGG	AGACACTGGG	AGGGTTTCTT	GTCAAGAGTG	TTGTTCCAGC	1560
TTGATTTAAG	TTACTTCCAG	TGGAGCACAA	TTTTGATATT	ATGAACCATG	CTGTGCGAGC	1620
CTTAACATAC	ATGATGGAAG	CACTTCCTCG	ATCTTCTGCT	GTTGTAGTAG	ATGCTATTCC	1680
TGTCTTTTTA	GAAGAGGTGC	AAGTTATTCA	GTGTATTGAT	GTGGCAGAGC	AGGCTTTCAG	1740
TGCTTTGGAG	ATGTTGTGAC	GGAGACATAG	TAAAGCCATT	CTACAGGCGG	GTGGTTTGGC	1800
AGACTGCTTG	CTGTACCTAG	AATTCTTCAG	CATAAATGCC	CAAGAGAAATG	CATTAGCAAT	1860
TGCAGCTAAT	TGCTGCTCAG	GTATCAGGCC	AGATGAATTT	CATTTTGTGG	CAGATTCACT	1920
CCCATTGCTA	ACCCAAAGGC	TAACACATCA	GGATAAAAAG	TCAGTAGAAA	GCATTTCGCT	1980
TTGTTTTGCA	CGCTAGTGGG	ACAACTTCCA	GCATGAGGAG	AATTTACTCC	AGCAGGTTGC	2040
TTCCAAAGAT	CTGCTTACAA	ATGTTCAACA	GCTGTGGGTA	GTGACTCCAC	CCATTTTAAG	2100
TTCTGGGATG	TTTATAATGG	TGGTTGCGAT	GTTTCTCTCT	ATGTGTTCCA	ACTGTCCAAC	2160
TTTAGCTGTT	CAACTTATGA	AACAAAACAT	TGCAGAAAACG	CTTCACTTTC	TCTGTGTGGG	2220
TGCTTCCAA	GGAGGTTGTC	AGGAACAGAT	TGATCTTGTT	CCACGAAGCC	CTCAAGAGTT	2280
GTATGAAGTG	ACATCTCTGA	TTTGTGAAGT	TATGCCATGT	TTACCAAAAG	AAAGCATTTT	2340
TGCASTTGAT	ACCATGTTGA	AGAAGGGAAA	TGCACAGAAC	ACAGATGGTG	CGATATGGCA	2400
GTGGGCTGAT	GATCGGCGCC	TCTGGCATCC	ATATAACAGG	ATTGACAGCC	GGATCATTGA	2460
GCAATCAAT	GAGGACACGG	GAACAGCAGG	TGCCATTGAG	AGAAAAACCTA	ATCCGTTAGC	2520
CAATAGTAAC	ACTAGTGGAT	ATTGAGAGTC	AAAGAAGGAT	GATGCTCAG	CACAGCTTAT	2580
GAPAGAGGAT	CCGCAACTGG	CTAAGTCTTT	TATTAAGACA	TTATTTGGTG	TTCTTTATGA	2640
AGTSTATAGT	TGCTGAGCAG	GACCTGCGGT	CAGACATAAG	TGCTTAGAG	CAATTCTTAG	2700
GATAATTTAT	TTTGGGATG	CTGAACTTCT	GAAGGATGTT	CTGAAAAATC	ATGCTGTTTC	2760
AAATCAGATT	GCTTGCATGC	TGTCAGGCA	AGACCTGAAG	ATAGTAGTGG	GAGCACTTCA	2820
GATGGTAGAA	ATTTCAATGC	AGAAGTTAGC	TGATATTTTT	AGTGTTTACT	TCAGAAAGAG	2880
AGGTGTAATG	CATCAAGTAA	AACACTTAGC	ASAATCAGAG	TCTTTTGTGA	CAAGTCCACG	2940
AAAGGCATCT	ACGAATGGAT	CGGGATCCAT	GGGATCCACA	ACTTCAGTCA	GCAGTGGGAC	3000
AGGCAAGGCT	GCCACTCATG	CTGCACTGTA	CTTGGGATCA	CCAGCTTGG	AGCAGAGCAG	3060
GGATGATTCT	TTAGATCTCA	GCCCTCAAGG	TGATTAAGT	GATGTTCTAA	AGAGAAAAAG	3120
ACTGCCAAAA	CGAGGSCCAA	GAAGGCCAAA	GTAATCACCT	CCAAGAGATG	ATGACAAAGT	3180
AGACAATCAA	GCTAAAAGGC	CCAGCACTAC	TCAGTCACTT	AAATCTTCTT	TGCTGGCAAG	3240
CTTGAATCCA	AAAAATATGG	GAAGSTTAAG	TACACAGTCC	AACAGCAACA	ACATTGAGCC	3300
AGCAAGGACT	GCGGGAGGTA	GTGSCCTTGC	CAGGCTGCTC	TCAAAAGATA	CCATCTCCAA	3360
TAATAAGAG	AAAATTAAG	GTGATTAAG	GGAGCAGGCA	CATAAATTTG	TAGAAGCTTA	3420
TTTCAGTTCT	GAGAATATGG	ATGGAAGCAA	CCCTGCATTG	AATGTCTTTC	AGAGACTTTG	3480
TGCTGCAACG	GAACAACTCA	ACCTCTAGGT	GGATGGTGGA	GCTGAGTGCC	TTGTAGAAAT	3540

TGTAGGATA GTCTCAGAGT CAGATGTTTC ATCATTTTAA ATCCACATA CTCGATTTCT360  
 GAAGTAGGCTG TTGCTTTTATT TGACATCTAA AAGTGAAAAA GATGCTGTGA CTAGAGAGAT360  
 CAGATTAAAG CATTATTCTC ATGTATTTTT TTCTCTCTCA CTTCTCTGGAG AAGAGCCAT370  
 TGGAAAGAGT GAACAGTGG GTAAATGCAC TTGTGTG3CA TTAGTTTACA AGATGAACAA370  
 CTGCTTCAGC CAGATGGAAC AATTTCAGT CAAASTACAT GATTTTCCCTA GTGGAAAT33384  
 GACAGGAGGC AGCTTTTCTC TCAACAGAGG ATCAGAGGCT TTAAATTTTT TCAACACACA390  
 TCAATTAAAA TGCCAGTTAC AAAGGCATCT AGACTGT3CA AATGT3AAGC AGT3GAAGGG390  
 T3GACCTCTC AAGATTGACC CTCT3GCTTT GGTACAAGCC ATCGAGAGAT ACCTTGTAGT400  
 TAGA333TAT GGAAGAGTAA GAGAAGATGA TGAAGACACG GAT3ACGAT3 GATCAGAT3A400  
 G3AAATAGAT GAGTCTCT3G CT3CTCAGTT CTTAAATTCA GGAAT3TAA GACACAGGCT410  
 G3AGTTTTAT ATT3GAGAAC ATTTGCT3CC GTATAACATG ACT3T3TATC GATCAGAT3A400  
 G3AGTTTTAGT ATACAGGCTG AAGATGAAG AGAATCCACA GAT3ATGAGA GCAATCCTCT420  
 AGGCAGAGCT GGTATTT3GA CAAAGACTCA TACAATAT3G TATAAACTTG TGAGAGAGGA430  
 TGAAGAAAGT AATAAAGATT GTGTTGGTGG TAAAAGAGGA AGAGCCCTAA CAGCTCCAAT430  
 GAAAACCTTC CCTAGAAATG CAAAAA3CA TGATGAGTTA TGGCAGATG GAGTGTGCC440  
 ATCAGTATCA AATCTTTTAG AAGTTTACCT CATTCACACA CCACCTGAAA ATATAACATT450  
 TGAAGACCCG TCATTAGATG TGATCCTTCT TTTAAGAGTT TTACATGCTA TCAGTCGATA450  
 CT33TATTAC TTCTAT3ATA ATGCAAT3TB CAG3AATTT ATTCACATA GT3AATTTAT460  
 TAACAGTAAG TTAACAGCAA AAGCAAAATG GCAACTTCAA GATCCTTTAG TAATCATGAC460  
 AGGAAACATC CCAACATGGC TTACTGAGCT AGGAAAAACC TGCCCATTTT TCTTTCTTT470  
 TGATACCCGG CAAATGCTTT TTTATGTAAC TGCATTTGAT CGGGACCGAG CAATGCAAAG480  
 ATTACTTGAT ACCAACCCAG AAATCAACCA GTCTGATTCT CAAGATAGCA GAGTGCACC480  
 TAGATTGGAT AGAAAAAAAC GTACTGTGAA CCGAGAGGAG CTGCTGAAAC AGCGGAGTC490  
 TGTGAT3CAG GACCTCGGCA GCTCAGGGG CATGTTAGAA ATCCAGTATG AAAATGAGGT490  
 TGGTACAGGT CTGCGGCTA CACTGGAGTT TTATGCGCTT GTATCTCAGG AACTACAGAG500  
 AGCTGACTTG GGTCTTTTGA GAGGTGAAGA AGTAACTCTT AGCAATCCAA AAGGGAGCC510  
 AGAAGG3ACC AAGTATATTC AAAACCTCCA GGGCTGTTT GCGCTTCCCT TTGGTAGGAG510  
 AGCAAGGCCA GCTCATATCG CAAAGGTTAA GATGAAGTTT CGCTTCTTAG GAAAATTAAT520  
 G3CCAA3GCT ATCAT3GATT TCAGATTGCT G3ACCTTCCC CTTG3TTTAC CTTTTTATA520  
 ATGGATGCTA CCGCAAGAAA CTTCACTGAC ATCACACGAT TTGTTTGACA TCGACCCAGT530  
 TGTAGCCAGA TCAGTTTATC ACCTAGAAGA CATTGTCA3A CAGAA3AAA GACTTGAACA540  
 AGATAAATCC CAGACCAAAG AGAGTCTACA GTATGCATTA GAAACCTTGA CTATGAATGG540  
 CTGCTCAGTT GAAGATCTAG GACTGGATTT CACTCTGCCA GGGTTTCCCA ATATCGAACT550  
 GAAGAAAGGA GGGAAAGGATA TACCAGTCAC TATCCACAAT TTAGAGGAGT ATCTAAGACT550  
 GGTATATATC TGGGCACTAA ATGAAGGCCT TTCTAGGCAA TTTGATTCTG TCAGAGATGG560  
 ATTTGAATCA GTCTTCCCAC TCAGTCATCT TCAGTACTTC TACCCG3AGG AACTGGATCA570  
 GCTCCTTTGT GGCAGTAAAG CAGACACT3G GGATGCAAAG ACACCTGATG AATGCTGTAG570  
 GCTGATCAT GGTATACTC ATGACAGTGG GGCTGTGAAG TTTTGTGTTG AGATTCTCAG580  
 TAGTTTTGAT AATGAGCAGC AGAGGTTATT TCTCCAGTTT GTGACTGGTA G3CCAAGATT580  
 GCTGTTTGA GGAATCCGGA GTTTGAATCC ACCTTTGACA ATTGTCCGAA AGACGTTTGA590  
 ATCAACAGAA AACCCAGATG ACTTCTTGCC CTCTGTAATG ACTTGTGTGA ACTATCTTAA600  
 GTT3CCG3AC TATTCAAGCA TTGAGATAAT GCGTGAAAA CTGTTGATAG CAGCAAGAGA600  
 AGGGTAGCAG TCGTTCCATC TTTCTTGATT ATAGCAAGAA ATGCASTGTC T3CCTGTTAC610  
 AGCAAAAGAA ACAAAATCATG ATTTCTTTTC TAATGTTATC ACCTGAGTCA AGGAAACATG610  
 TTAC3CTTTC TTGTTGTAGG AAAACCGGCT TGCAGATTAT AAAGAGACAT TTGGTTGATA620  
 TTCATTAATG GCCCATGGA CTTAAAGT3A TCAGGCCCTA AAAC3TTGTT GTGATGAGGT630  
 TTTCTTAGCA AGTTCTTGTT TAAATTATCA TTTATTTGAT GAGT3AAGTT TTTAACATGT630  
 TTTGCTGTGT GAAATTTAAA AAAGGAT3T TTTTCCAGGC TGGACAATA AATGTGGCT640  
 TGCASTTT 6428

Name: 281

Len: 1266 Check: 1000

GCGCTCTAG TGGG3CAGGT TGTG3GAAGT GAGGCTGGCG GTGGCGACAA 60  
 CCGAG3AG3A GGG3CGG3AC GGTGGAGCAC G3AC3GCTG AGCTCATGG AGGGCTCAGG 120  
 GGAGTAGGCG G3CC3ACAAC CACAGCATCC CCG3AGCCAC CGCAT3CGCG AGGGCGACTT 180  
 C3TG3T3CT3 AAAC3TGAAG AT3T3TT3A AGCAGTACAA GTCCAGCGGA GAAAAAAGT 240  
 AACTTT3GAA AACAGTGGT TCTACCTG3A TAACGTCATT GGCATAGTT ATGGAAGTGC 300  
 ATTT3AAGT3 ACCAGT3GAG GAAGTCTACA G3CCAAGAAG AAGAGG3AAG AGCCTACTGC 360  
 AGACACTAAA GAAG3CG3CA CTGATAAT3G AAATATAGTT GATGAT3GGA AATCTCAGAA 420  
 ACTTACTCAA GATGACATAA AAGCTTTGAA GGACAAGGGC ATTAAG3GAG AGGAAATAGT 480  
 TCAGCAGTTA ATTT3AAAATA GTACAACATT CCGAGACAA3 ATAGAATTTG C3CAAGATAA 540  
 ATATATTAAA AAGAAGAAAA AAAAATAT3A AGCCATCATT ACTGTTGTGA AGCCATCCAC 600  
 CCGTATTCTT TCAATTATGT ATTAT3CAA3 AGAACCTG3A AAAATTAACC ACATGAGATA 660  
 CGATACACTA G3CCAGATGT TGACGTT3G3 AAATATCC3T GCT3GCAACA AAATGATTGT 720  
 GAT33AAACG T3T3CAGGCT T3GTGCTG3G TGCAATGATG GAA3GAATGG GAGGTTTTGG 780

CTCCATTATT CAGTATATACC CTGGAGCAGG AGCTTTTCGG SCAGCAGADAG CATGTTTTGG 841  
ATTTTCCAAA TTTTTTTTCA GTGGT TTTA TGAATTCCCT CTCACCAAG TGGACAGTCT 900  
TCTACATGGA ACATTTTCTG CCAAGATGTT ATCITCAGAG CCAAAAAGADA GTGTTTTGGT 960  
TGAAGAAAAGT AATGGGACAC TGGAGGAAAA ACAGGTTTCT GGGCAAGAGA ATGAAGACAG1020  
CATGGCAGAG GCTTCAGAGA GCAACCCACC AGAAGACCAG GGAACAATG GAAACAATTT1080  
CTCAAGATCC AGACATAAG GGGCTTAAAG AGAGAGGAAG CAAAAAAGAT TATATTTTCA1140  
CGAAAAACAG AGGAGACAA GGAAGAGCA GCGGAAAAAG CTTTTGGGCT TGGCTTTT1200  
CTTGATTGA AAGGAAACGT CAGATTTTTT ATTTGTTAGC TTCTCTTTT CCACTCTAT1260  
TCTCTT 1285

Name: 282 Len: 3962 Check: E05  
AGGAATTCCG GTGAGCTGAG CGCGCGCGCG GGGCGGGCGG GGGAGCGGGG GCGCGGGGG 80  
CCTCAGGATG GAGGACGGCT TCTCCAGCTA CAGCAGGCTG TACGACAGCT CCTGGCTCTT 120  
CCAGTTCTGC AAGGATGACA GCGCTTCTGC TGCAGTAGC ATGGAGGTGA CAGACCGCAT 180  
T3CTTCACTG GAGCAGAGAG TCCAGATGCA AGAAGACGAC ATCCAGCTGC TCAAAATCAGC 240  
TCTAGCTGAT GTGTTTTGGG GGTGAACAT TACTGAGGAA CAGCAGGCTG TCTTAACAG 300  
GAAAGGACCT ACCAAAGCAA GACCACTGAT GCAGACCTG CTTTTTAGAT CCACGGTCAA 360  
CAATGGCACT GTGTTACCAA AGATACCTAC TGGCTCTCTA CCATCCCCCT CCGGTTTCA 420  
GAAAGATACT GTGTGTCTAG CAACCAAAAG TACATCAAG AGGACAGCT TTCTGTAACG 480  
AGTGTCTCTT GGGGGTCTGA GGGAAAGCAA TGGGGATTCC AGAGGAAAC GGAATGTAAC 540  
AGGTTCCACC AGCAGCTCTT CCAGTGGCAA AAAAGAACAG TGAAAGCACA CCAAGGAGC 600  
CTGTATTGAG TGCAGAAGAA GGTATGTAA AATTGTTTCT TCGTGGACGC CCTGTTACCA 660  
TGTACATGCC CAAAGATCAA GTGATTCTT ACAGCTTGA AGCAAAAGTA GAATTTCAA 720  
CCAAGAGACT CAAGCTGGAA TGGGTCTATG GGTACAGGG TCGAGACTGC CGTAACAACC 780  
TGTACTTGCT TCGACGGGA GAGACCGTCT ACTTCATGCG ATCCGTGGTG GTGTTATACA 840  
ACGTGGAGGA GCAACTGCAG AGGCATTACG CTGGGCACAA CGATGACGTG AAGTGCCTAG 900  
CAGTTCTATC TGATGGGATC ACGATAGCAA CAGGACAAGT TCGGGGCA TAAGAGGATG 960  
GAAACAATTT GGGGGGACAT GTGGGCATCT GGAATCTGT TGCATTCTTA AAATCTAATG1020  
TCATTGGAAT AGGTTTTTTT GACCGAGCAG TCACCTGTAT TGTGCTCTCT STATGGGACT1140  
GAGGAACCAA TCTCTGTGCT GTGGATGACT CCAAGGACCA TGTGCTCTCT TGAAGCTGTG 1200  
GGCAGAAAGA AGAAAACTA GCAGATGTGA AGTGCTCTAA AGAAATCACA TCTCTACTTT1260  
ATTTCCACCC CACGACACC AACATCATAG TTACTTGTGG GAAGCAAGGA TTATTCGAGA ACAAGAAAAG1320  
TGGACACTAG AAGGAAGCTC CCATTAATAA GAAGCAAGGA CACCATTACT GGAGATTCAA1380  
CCAAAGTTGT CCTCTGTGTG ACTTTCTCTG AAAAGCGTGA CAAATCGAAT AAGCTATGCA GTTCAGGGGG1440  
GTGGCAACAT CTTAGTATGG GGAAAAGGTA CAAATCGAAT TGTAAAGAGA TGGCACACTG GTGTGGGAG1500  
CCCATGAGGG TGGCATTCTT CCACTTTGTA TGTAAAGAGA TCAAAAACCT CGTAAAACGG1560  
GTGGGAAAGA CCGAAAGCTC ATTTCTTGGA CCGGAAACTA TCAAAAACCT CGTAAAACGG1620  
AGATTCCAGA ACAGTTTGGT CCAATACGGA CAGTGCCCGA GGGGAAAGGC GATGTGATCT1680  
TGATTGGCAC AACTCGAAAC TTTGTCTGCT AGGGCACTCT GTCAGGGGAC TTCACACCCA1740  
TTACTCAGGG TCACACTGAT GAGCTCTGGG GACTGCGCAT CCATGCCTCA AAACCTCAGT1800  
TCTTGACCTG TGGGCATGAC AAGCATGCCA CTCTCTGGGA CGCTGTGGGT CACCGTCCCG1860  
TCTGGGACAA AATAATAGAG GATCCAGCTC AGTCTTCTGG TTTTCATCTT TCAGGGTCTG1920  
TGTTTGCACT CGGAACTCTC ACTGGGAGGT GGTTTGTGTT TGACACAGAA ACAAAAGACT1980  
TGCTCAGCGT TCATCAGAT GGAAACGAAC AGCTCTCTGT AATGCGATAC TCACCAGATG2040  
GGAATTTCTT AGCTATAGGC TCATATGACA ACTGCATCTA TATATATGGC GTTAGTGACA2100  
ACGGGAGGAA GTATAGGGA GTGGGCAAGT GCTCGGGTCA TTCCAGCTTC ATTACTACCC2160  
TGGACTGGTG GTTAAACTCA CAGTTCTCTG TGTCAAATTC CGGAGACTAC GAAATCCTCT2220  
ACTGGGTTCC CTCTGCTGT AAGCAAGTCC TAAGTGTGGA AACTACAAGA GACATTGAAT2280  
GGGCTACCTA TACTGCACT TTGGGATTCC ATGTTTTTGG AGTGTGGGCA GAAGCTCGG2340  
ACGGAACCGA CATCAATGCC GTCTGTCCGG CCCATGAGAA GAAACTCTTG TCAACAGCGC2400  
AGGACTTTGG CAAATGACAC CTCTTCTCAT ACCCTGCTC TTCTCTCTCT GAGACAGGCC2460  
ACATCTACGG CGGTCACAGG AGCTATGTCA CCAATGTGCA TTCTCTCTCT ATTTAGTACC2520  
ACCTCATCTC CAGTGGGCGG AAAGACACAA GCATCATGCA GTGGCGCTCT ATTTAGTACC2580  
CAGCCAGAGC TGTGGGAGC AGCATGGGCA AGGAAGACAC AGACTCGCAT TACCTTGGT2640  
CACTGTGATT TGTGTTTTGT TTAATAAATT CTTACAAACC TCAGGAAAC TGTGCTCTCT2700  
CGGGCTTACC TTABTTTAGC GTGTGAGCGG GCGCCACAGC GGAATCAGCG GTTCTGTGTT2760  
CACTTTTGTG GTACAATATA TGACACAGTG CACATTGAAT ACCAACAAGG TTCTATGGAA2820  
TACATTATAG CCAATCAAC AGAATAACT GGTATATTC TTAGTAACCT TTCACTGTTT2880  
CTCTTCAAAA ATGGGTCAAC GATGGGCTT TTAATAACAT TGAGGTACTG AACCAAGATG2940  
TCACCTTTTA GGTGCTAAG TTCAATATTT GTGATGATAA AAGAGTGAAT AACTGATTTG3000  
GCTGTTGAGG AATGGTCTT AAAAGGACAG ATCACTTCAG AAGAGTGAAT AACTGATTTG3060  
TACAGCTGAA TCAGGAGACA CAAAGATGAG ACTGTGTTTG GTTACATTTT CCAAGTTTTC3120  
ATTGCACTCT CCGTTGGGGA GGTGTGAGA GAGGGCTTGT ATCCCTCTTG TGCTAAGCAG3180  
ACTCTACTCC TAATGACTT CAATATTTCA GCAGGGTACA CAGGGCTTTC CAAGTTTTCAG3240



CAAGTTCACA	CGACTTCACA	CATGACTCTT	GGGGGCTCTT	CTGGCTGCTA	CGAGTGGCTT	1140
AAAGTTCACA	AGACTTCCTA	TCTATTCAGG	CGGGCTCTGG	CCAAATCTCT	CTGTATGAGT	1150
CGCTTCCTCT	CTGCTCTCTA	CCATAGCTAG	ATGCTCTCTT	CTGAGCTAGG	CGACAAATCT	1160
TACAACTCTA	TCCTCAAGCA	GGGCTCAAGC	CTCTCTCATC	CTCTCAGGCT	SATCTACGCT	1170
ACACTCTCTA	CTCTGGACTG	CTCTGGCTTC	GGGGGACTAT	TCCTTCACAG	CTCTAGTGTG	1180
GAGATCTCTA	TCAGAGCATA	CGAGGTGGAA	AGGAGGTGTA	AACTTGGGAG	CTCTACTCAT	1190
TTCTCTCTAA	TCGAAACTGC	GTCTTGGTAT	ATGGGAAAGC	AACTATTGGA	GGGCTTCAA	1200
AACTCTCTCT	TCGATCTCTG	GCAGCTGCTC	CCATCTCTAG	TCGAAGGAGC	TAAATTTCTC	1210
CTCTAGCTAT	TCGAACTCTC	ACAGCTAATC	CAGGCTTTGG	CGAGGCTGTA	CTGCTCAGT	1220
GAGATCTCTT	CCAAAGCTCT	CGAGCTGGAA	GTGAATCTCT	TCGGCTCTCT	AGATGAGGTG	1230
TCTGATCTGG	ACTGGGAGAA	GGAGGAGCTC	CCCTCTCTCA	TTGAGGCTAC	CCGCTCTCAA	1240
TCCTCTCTCT	CGAAAGTCTC	CAAAAAAAG	ACTCTCAAAA	CTGTGAAGAT	GGCCCAAGCC	1250
TCGAAATCTC	AGAGCTCTCT	GAAGCTCTCT	AACTCTCTCA	GGCTCTCTCA	AACTCTGAAG	1260
CTGAAAGATG	GAGGCAAGAA	GAAAGGGAAG	AACTCTCTGG	AGTCTAGCTC	AACTACTATC	1270
CTGAACTCTG	AACTCTCTCA	AGCTCTCTCA	AGTCTCTCTC	TGACTCAAGT	GGAGCTCTCT	1280
AGGAAAGCTG	AGGCTCTCAA	GAGTCTCTCT	GAGCTCTCTA	AGAGCTCTCT	GGTCTCATAT	1290
CAAGATCTAT	TCGAGAGCTT	AGATGACTCT	TTACTGAGAA	TGGAGGAGGA	GCAGAGGCTG	1300
TGGAATCTAT	AGAGAGCTCA	AACTGACTCT	AACTTTCTCT	TTTCTTTCTC	CAACAGAAAA	1310
GAGAACTCTG	CTCTGGCTGG	GAACAAGGAC	AGCAGCTCTG	GTCTGTCTCT	CGCTTGCAGT	1320
CTCTCTGGCT	CGAAGCTCTC	CAGGCTCTCT	CGGATGAGT	ATGAGTCTCT	ATCAGATGAT	1330
AGCTTCTAAG	AGGACAAGGC	CAAGCTCTCT	AGGAGGAGGA	AGAGCTCTCT	CAAAAGGAGC	1340
GGGCTAGCTG	AGATAGAGCA	GTTTCTCTAT	CTCTCTATGC	CCACTCTCTA	GGCAAGCTCT	1350
TTCTCTCTCT	TGATAGAGCA	CGATGACTCT	TCTGAGGAGG	GTCTCTCTCA	CATCTAGAGC	1360
GATTCTCTCT	TGATAGAGCA	TGCTAAAGTG	AGAGAGGAGA	GTCTGAGCTC	CGCTCTCTCT	1370
AGATCTCTCT	CAAGCTCTCT	CAGCTCTCTC	GTTCTCTCTC	TCAGTCTCTA	CTCTCAAGCT	1380
ATCTCTCTCT	TGCTCTCTCT	CAGCAGGAA	GCTCTCTCTC	GAATCTCTCT	CATCTCTCTC	1390
CACTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CAGCAGGAA	ACATCTCTCT	CGGGCTCTCT	CAAGCTCTCT	1400
CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CGGGAAGATT	GGTCTCTCTC	ACAAAGGCTC	AGGCAAGCTC	1410
TCATCTCTCT	CTCTCTCTCT	GAACAGTCTG	GATCTCTCTC	ACTACGAGGA	CGAGGATCAC	1420
CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCAGACTAT	GTTTCTCTCT	CAGTCTCTCT	TGACGAAGAT	1430
CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	GTCTAAAGAG	AGGAAAGGCT	GGCTCTCTCT	TCTCTACAGC	1440
AACTCTCTCT	CTCTCTCTCT	ATCTCTCTCT	AGCAAGAGCA	GGCTCTCTCT	TGAGGGGACC	1450
CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	GGGGCTCTCT	GCTCTCTCTC	CCAAGCTCTC	CCAGCAGGAG	1460
AGAGTCTCTC	CTCTCTCTCT	GAAGAACACC	AAAGGAGAGC	CGGCTCTCTA	CACTGCTCTC	1470
GAGCTCTCTA	AGAGGAGAA	CTCTCTCTCT	ACGGTCTCTA	CTCTCTCTCT	CACCACTCTC	1480
CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CAGCAGGAA	GCATCTCTCT	CTCTCTCTCT	CAGGACAGCA	1490
CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	ATATACAGCA	TCAGCTCTCT	CTCTCTCTCT	ATCACACAGC	1500
AGTAGCTCTG	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	TTCTCTCTCT	AGAGGCTCTC	CTCTCTCTCT	1510
CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	AGAGGCTCTC	CACCTCTCTC	1520
CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	AGAGGCTCTC	CTCTCTCTCT	1530
CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	AGAGGCTCTC	CTCTCTCTCT	1540
CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	AGAGGCTCTC	CTCTCTCTCT	1550
CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	AGAGGCTCTC	CTCTCTCTCT	1560
CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	AGAGGCTCTC	CTCTCTCTCT	1570
CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	AGAGGCTCTC	CTCTCTCTCT	1580
CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	AGAGGCTCTC	CTCTCTCTCT	1590
CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	AGAGGCTCTC	CTCTCTCTCT	1600



CTACAGAGTA CATGATGAAA TTATTGCTAT TAACAACACC AAGTTTTTAT ATAACGATTCT 120  
AAAAAGAGTGA GAGGAAGGCA TGGCTAAGGC TTAAGAAACT GGACACCTAG TGATGGATGT 120  
GAGGCGCTAT GAGGAAGGCT GTTCACCTGA AATCAAACTG AITGATGCAA CTCTCGGAT 120  
TTACAACTCA GAAAAATCTT CAAATCTATC TTTAAACAACT GATTTCTGCG AAAAGCTTTCA 120  
GAGTTCTAAT ATTGAATCCA AAGAAATCAA TGGAAATTCAT GATGAAAGCA ATGTTTTTGA 120  
ATCAPAAGCA TGTGAATCCA TTTCTTTTGA AACTTAAAAA AGGCGATCAC AATTTTTTGA 120  
ACRAGGAAGT TGTGATGCGG TGSTTCTGTA TCTTCCAGTT CCAACCATCA GTGCGCGAG 120  
TCGCTGCTG TGGATCAAG AGGAGGAGCG GAAGCGGCGAG GAGAGSTGG AGAAGGAGCA 120  
GGACCGCTCA CTGCAAGGAA AATATCAACG TGAGCAGGAG AAATGAGGG AAGAGTGGCA 120  
AAAGGCTCAA CAGGAGGCGAG AGAGAGAGAA TTCCAAGTAC TTGATGAGG AACTGATGGT 120  
CTTAAGGTA AATAGCATGT CTCTGACCA CAGGAGGCGG TCTCTTGCTA CTTGGGAGG 120  
TACCTGAGAT GAAGGGTCCA AGTCTTGA CAAGAAGGA ACCGAGGAG GAGAGAGGAG 120  
GAGGAGGAG TACCAAGAGG AAGTTGTTCA TGAGGACCAA GGAAAGAGG CCGAGGATCA 120  
GCTGTATTAT GAGAGAGAGA GGAATGGGA GCAACAGCTT CAGGAAGAGC AAGAGCAAAA 120  
GCGGCTTCAG GCTGAGGCTG AGGAGCAGAA GGTCTCTGCG GAGGAGCAGA AGCGCCAGG 120  
AGAGATAGAG CCGGAACAT CAGTCAGAAAT ATACCAGTAC AGGAGGCTG TTGATTCTTA 120  
TGATATACCA AAGACAGAAG AAGCATCTTC AGGTTTTCTT AATGGAAACA ATAAATATTT 120  
CAGATCTACT ACTGAAGTGG ATGATTACT CACAAATAAA AAGAAAGAGC AAGTACCAT 120  
AGACCAATTT GGAACAGCA CCTCTTCA CAGGAGATCC AAGAAAGAGC CACCCCTTCA 120  
AGGAGCAGAA TGGAGAGGC AACAAATCCT TCAGGAAATG AGGAAGAGAA CACCCCTTCA 120  
CAATGACAAC AGTGGGATC GACAGCGCAG TCCAGTGTG AACAAAGAGC CTGTTAGTCT 120  
TCCTGGGATC ATGAGAAGAG GCGAATCTTT AGATAACCTG GACTCCCCCT GATCCAAAT 120  
TTGGAGAGAG CTTCTTTGGC TCAATCAGCC CACAGGATTC TATGCTTCTT CCTCTGCA 120  
AGACTTTAGT GCGCCACAC CTCAGCTGGT GTCCACATCA AACCTGCTT ACATGCGGAA 120  
CGCTCTCTCC AGCTGGGCGG CACCTTCAGC TGCTCTCGTG AAGACCTCCA CCACAGGTGT 120  
GGCTACCACT CACTCCGCA CCGGAGAAAG CCAATTCCTT TCAGCTTCAC AGTCAGGCT 120  
TCAGCTGCTT AATAGGTCAG TCAGTGGGAA GCTCATATGC TCCTACTGCA ATAACATCT 120  
GGGCAAGGGA GCGGCGATGA TCATCGAGTC CTTGGGTCTT TGTATCATT TGCATTGTT 120  
TAAGTGTGTT GCTGTGAGT GTGACCTCGG AGGCTCTTCC TCAGGAGCTG AAGTCAGGAT 120  
CAGAAACGAC CAACTGTACT GCAACGACT CTATCTCAGA TTCAAATCTG GACGGCCAAC 120  
CGCCATGTGA TGTAGGCTC CATACGAAAG CACTGTTGCA GATAGAAGAA GAGGTGGT 120  
CTGCTCATGT AGATCTATAA ATATGTGTTG TATGCTTTT TGTAGTCTTG GTAGAACCAG 120  
AGAATPACTT TTTTTCCTC TTTAGATTAC ATAGAAGCAT AAAGTGCAGT ATTTACCTGT 120  
TATTTTTGTT GTTTATTTAT AAGGTAATTG TGTGTGGGA AAAGTGCAGT ATTTACCTGT 120  
TGAATTCAGC ATCTTGAGAG CACAAGGGAA AAAATAAGAA CCTACGAATA TTTTGGAGGC 120  
AGATAATGAT CTAGTTGAC TTTCTAGTTA GTGGTGTTT GAAGAGGGTA TTTTATGTT 120  
TTTTAAAAAA AGGTTCTTAA ACATTATTTG AAATAGTTAA TATAAATACA TAATGCAAT 120  
TGCTCTTTT ATTGTAAGT ATTCTAATT AATGCAGAAC CATATGGAAA ATTTCAATA 120  
AATCTATCCC CAAATGTGCT TTCTGTATCC TTCTTCTAC CTATTATTCT GATTTTTAAA 120  
AATGCAGTTA ATGTACCAAT TATTTGCTTG ATGAAGGAG CTCTATTTT TTTACCAGAA 120  
ATGTTGCTAA STAATTCCCA ATAGAAAGCT GCTTATTTT ATTAATGAAA AATAACCATG 120  
GTTTGTATAC TAAAGTCTT CTTGAGAAAC TGSTGAGCT TTCTGTCAA TTGCATTT 120  
AAATAAACTT GCTGATGCT TTAAGGAGTG GCTGCTCTT TTCTAGGTG TATGTSTCTG 120  
ACCTGAGGCT TTTTATGCT ATTTAGTAT GTGGCTTTT TTGATGTTAT GTTTTATCCA 120  
GTAGCTTTAT TAAGGTATAA TTGATGTAAT AAATGCGATA TATTTAAAGT GTATACTTG 120  
ACAAATTTTG ACATGCTGTA TACCTTCGAA ACTATGCCAC AGTCTGGATG TSTTTACTGA 120  
AACATTTTAA TAAGGAAGTT TATTTTGTAT AAAGTTATGT TTTTGGATAC AATATATTT 120  
TATGCTGAGA GTGATGAAT GTTGGATCAT TTGAATAAAA TCTTTTACTA ACCCATGAT 120  
AAAAGGAGAA GCAAAATAGT AGCTTAGAAT ATCTATAAAG CAAAAA 3836

Name: 166

Len: 3193

Check: 40E

AACTGTAATA TCCAGSTGGA GGACATTGGG ATTCGAGCCA TCTCTCAAC CTACGCAAG 60  
TGCACGCTGAG TATGAGGAG CTACGTGGAG GTGAAGGAG GCAAGACCTG GAAGCAGAT 120  
TGTGAGAGG AITGGACGCG CAAGAATTCC CCGTGGTCT GCGGCATGTT TGGCTTCCCT 180  
GGGAGAGGGA TATCAATAC CAAAGTGTAC AAAATGTTTG AATATGTTTG GAGCAGGCG 240  
TACTGGCCAT TCTCATGGA CTGCACCGGG ACAGAGGCCC ACATCTCCAG CTGCAAGCTG 300  
GGGCGGAGG TGTACTGGA CCGATGAAG AATSTCACT GCGAGAATGG GAGCGCGGG 360  
GTGCTGAGTT GTSTGGCTGG GCAGGTCTTC AGGCTGAGG GACCTCGAG ATTCGGGAAA 420  
GCATACAGG CAGAGCAACC CTTGTTGCGA CTGAAGGCG GAGGCTACAT CCGGAGGAG 480  
GTGCTGAGG GTCTCAAAA TGGAGAGTGG GGGACCGTCT GCGACGACAA GTGCGAGCTG 540  
GTGCTGAGG GTGTTGCTG CAGAGAGCTG GGCTTTGGGA GTGCCAAGA GTGCACAGG 600  
GGCTTCCGAC TGGGGCAAGG GATCGGACCC ATCCACCTCA ACGAGATCCA GTGCACAGG 660  
AATGAGAAST CATTATAGA CTGCAAGTTC AATGCCGAG CTCAGGGCTG CAATCAGAG 720  
GAGGATGCTG GTGTGAGATG CAACACCCCT GCCATGGGCT TGCAGAAGAA GTCGCGCTG 780



```

AAAGGTTGGG  GGAATCCCTA  CGAGGGGCGA  GTGGAGGTGG  TGTGAGAGAG  AAACGGGTCC  840
CTGTGTGGGG  GGATGGGTGT  TGGCCAAAAC  TGGGGGATCG  TGAAGGCGAT  GGTGGTCTGC  800
GGGCAAGTGG  GGTGTGGGAT  CGGCGAGGAG  GGTTCGAGG  AGACTTGGTA  TTGGGAGGGA  860
GATGTGAAWA  GCAACAAAGT  GGTGATGAGT  GGAATGAAGT  GGTGGGGAAC  GGAGGTGTGG  1020
CTGGCGGACT  GGGGCCAAGA  CGGGGAGGAG  GTGGGCTGGC  GTGAGGGGCG  AGTGCAATAC  1080
GGGCGCGAG  TTGCGTGTCT  AGAAACCGCG  CCTGACCTGG  TGTCAATGCT  GGAGATGGTG  1140
CAGCAGACCA  CTTAAGCTGA  GGAAGGGGCT  ATGTTGATGC  TGTAGTGTGC  CATGGAGGAG  1200
AAATGCTTTT  GGGGCTGAGC  CGGCGAGAGC  GAGGCGAGCA  GGGGCTATGC  GGGGCTGTGC  1260
CGTTTGTGCT  GCGAGATGCA  CAACAATGGC  CAGTCTGACT  TTTGGGCGAA  GAAGCGGTGC  1320
CAGCGCGGGA  TTTGGGACGA  CTGTGACAGG  CACTAGGACA  GATGGAAGGT  GTTCAAGGAG  1380
TATGAGCTGC  TGAACCTCAA  TGGCAGCAAG  GTGGCAGAGG  GGTAAAGGCG  GAGCTTCTGC  1440
TTGAGAGACA  CAGAATGTGA  AGGAGACATC  CAGAAGAATT  AGGAGTGTGC  CAACTTGGGC  1500
GATGAGGGGA  TCAACATGGG  CTGTGGGAG  ATGTACCGCC  ATGACATCBA  CTGCCAGTGG  1560
GTTGAGATCA  CTGAGGTGCC  CCCTGGAGAG  TACCTGTTC  AGGTTGTAT  TAACCCCAAC  1620
TTGAGGTTG  CAGAATCCGA  TTACTCCAAC  AACATCATGA  AATGAGGAG  CCGCTATGAC  1680
GGGCAAGGGA  TGTGGATGTA  CAACTCCCA  ATAGGTGGTT  CCTTCAGGGA  AGAGACGGA  1740
AAAAAGTTTG  AGCACTTCAG  CGGGCTCTTA  AACAAACAGC  TGTCCCGGCG  AGTAAAGAAG  1800
CCTGCGTGT  TAACTGCTGT  CTTGAGGCG  CAGGACATCT  TGTGAGGAG  TTCTCCCAAC  1860
CAACTGAGTC  TGAACGAATG  CCAAGTGGCG  TCACCGAGCG  CGGCGCGGAG  CCTGTGAGGA  1920
CCGCTAGAGC  TGTGTCTAAG  CTCAGGAGGA  AAGGGACCGT  CCACTCATTC  ATGGGGGGCT  1980
GCTAGCTGAG  CTTGGGGGCG  TGAGAAGGCG  TTGGGGGGGT  GGGGTTTGT  CACAGAGCTG  2040
CTGAGAGGAG  ACCAAGAGCC  AGTCTTGACC  GGGATGAGGC  CACAGAGAG  GTTGTATCA  2100
GCTGTGTGGA  TTCAAGCCAC  CGAGCTCACC  ACAGACACAG  TGGAGCGCG  CTCTTCTCA  2160
GTGAGAGGTG  GACAAATGCG  GGCTCATCAG  CCCCCCGAGA  GAGGGTCAGG  CCGAAGCCCA  2220
TTTCTGTGCG  TCTTACCTCA  TTTTCAGCAA  ACTTGAATAT  CTAGACCTGT  CTTCCAATGA  2280
AAAGCTGAG  TCTATTATAG  TCACATAGAT  AATGCTGCGA  GGTGTTTTCT  GATTTGCTGA  2340
GCTGAGACTT  GTGTCTTCCC  TATCCACAGC  CCGCAAGCGT  TGTTTTTTCA  GATCTGTGG  2400
TTATATTTTC  ACAGACTTTT  AGAGCAAAA  TTTATTGGCA  TTTAATATTG  GATCTGTGG  2460
CCTGTGAG  TACAAATCTA  AGGAAAACC  AACCCACTGT  GTAGTGAAT  CATCTTCTG  2520
TTGTGCAAT  TCTGTGGGTT  TTTGATTCAA  CGGTGCTATA  ACCAGGGTCC  TGGGTGACAG  2580
GGAGATACAT  GAGCACCATG  TGTCTATACA  GACACTTACA  CATACTTGA  ACTTGAATA  2640
AAAGTAAAT  TTATGAAACG  TGTCTGTGTT  TCCTTGACC  CACAGCAGCT  GTGGTTTTCT  2700
CAGCAGGCTT  COTATGTTCA  GTGGCCAGAA  GCAGAGCTTC  AGGTACATT  GTGGTTTTCT  2760
CGGCTGGACA  TGGGTGCTCA  GATCCCTTCC  AGCCAGTGT  AGGACAGAG  GCACCTCCT  2820
CAATAGACTC  CAAAAGGGGC  AGCTCCTACC  ATCTGGGAGA  AGCAATCTAA  GGAGATCACA  2880
AAAAGTAAAG  GAACAGGAGT  CATAATCTTT  CTTGAACTCC  TGTGGTTTTT  ACTGAAACTT  2940
GTCAGAGGCG  ATAGGAGTTG  TGCGAGGGCT  GGATGGGAAG  TCTAGATTTA  AACAGCCACC  3000
AGGAGGCTTA  TCAAGGCAAG  AGGGCATCCG  TTCACAGGAC  AGGGGCTCC  AGCAATCCCC  3060
AGTGGTGTG  GGGGTGGCT  GGCCCAAGCC  CCAAGTCAAC  CAGACACAGG  GGAATCCCC  3120
TTGTGTCAAC  AGCATGCTAG  GGCCAGCAA  ACTAGAGGGT  AGTAGGAGCT  AGCTTGGCAC  3180
CAACTGACT  CAAACCAC

```

Name: 227

Len: 4231 Check: 177A

```

GGAGAGGCTT  GGGGGGCGGA  GGGGAGCAT  CCTGCTTGA  GGTGAGGAG  GGGAGGCGCG  60
GGGCAAGGCG  GGTGATCAG  CGGAGCGCG  GGGGCGGCG  GGGGCGGCG  GGAAGATGCT  120
GGGCTGTGAG  GAGGAGGTGA  AGCCCAAGCC  GGTGAGGAG  GGAAGATCT  GTCAGGCGT  180
GTTCTTGTGG  TGGGTCAATC  CCTGTTTTAA  AATTGGGCT  AAAGGAGAT  TAGAGGAAGA  240
TGATATGTAT  TCAGTGTGTC  CAGAAGACCG  CTCACAGCAC  CTTGGAGAGG  AGTTGCAAG  300
GTTCTGGAT  AAAGAAGTTT  TAAGAGCTGA  GAATGACGCA  CAGAAGGCTT  CTTTACCAAG  360
AGCAATGATA  AAGTGTACT  GGAATCTTA  TTTAGTTTT  GGAATTTTA  GGTAAITGA  420
GGAAATGGCG  AAGTAATCC  AGCCCATATT  TTTGGGAAA  ATTATTAAT  ATTTGAAA  480
TTATGAGGCG  AGGATTTCT  TGGCTTTGAA  CACAGCGTAC  GGTATGCGA  CGGTGCTGAC  540
TTTTTGTAG  GTTATTTTG  CTATACTGCA  TCATTATAT  TTTTATCAG  TTTGCTTAG  600
TGGGATGAGG  TTACGAGTAG  CCATGTGCCA  TATGATTTAT  GGAAGGCGA  TTTGCTTAG  660
TAAGATGGCG  ATGGGGAAGA  CAACCACAGG  CCAGATAGTC  AATCTGCTGT  CCAATGATGT  720
GAAGAAATTT  ATCAGGTGA  CAGTGTTCCT  ACCTTCTCT  TGGGAGGAG  CACTGAGGCG  780
GATGAGAGT  ACTGCTTAC  TGTGATGGA  GATAGGAATA  TGTGCTTGT  CTGGGATGCG  840
AGTTGTAATC  ATTCTGCTG  CCTGCAAG  CTGTTTTGGG  AAGTGTGCT  CATGCTGAG  900
GAGTAAACT  GCAACTTTCA  CGGATGCGAG  GATCAGGACC  ATGATGAAG  TTATAACTGG  960
GAGAAAGAA  AAAAAATGT  ACGCTGGGA  AAAGTCATT  TCAATCTTA  TTACCAATTT  1020
TTGTTTTTC  AGTGAAGCA  AAATCATGCT  GTTTGTGAG  TTTACACCT  AGTGTCTCT  1080
CGGCAAGTGT  ATCAGAGCA  GCGGCTGTT  CGTGGCAGTG  AGCTGTATG  GGGCTGTGCG  1140
GCTGAGGCTT  ACCCTCTTCT  TCCCTGAGC  CATTGAGAGG  GTGTGAGAG  CAATCGTCAG  1200

```

CATCCGAGAG ATCCAGAGCT TTTTCTACT TGAATGAGATA TACAGAGGGA ACCCTGAGCT1320  
 GCGCTGAGAT GGTAAAAAGA TGGTGCATCT GCAGGATTTT ACTGTTTTTT GGGATAAGG1380  
 ATCAGAGAGC CCAACTCTAC AAGGCTTTT CTTTACTCTC AACCTTGGG AATTGTTAGG1440  
 TGTGGTGGGC CCGGTGGGAG CAGGGAAGTT ATCACTGTTA ASTGGGTTG TCGGGGAATT1500  
 GGCCCAAGT CACGGGCTGG TCAGCJTSCA TGGGAAGAATT GCGTATGTGT CTCAGCAGCC1560  
 CTGGGTCTTC TCGGGAATC TSAGGAGTAA TATTTTATTT GGGAGAATAT ATGAAAAAG1620  
 ACATATGAA AAAGTCATAA AGGCTTGTGC TGTGAAAAAG GATTACAGC TBTGGAGGA1680  
 TGGTATCTG ACTGTGATAG GAGATCGGCG AACACGCTG AGTGGAGGGC AGAAAACAG1740  
 GGTAAATCTT GCAAGAGCAG TGTATCAAGA TGCTGACATC TATCTCTTG ACCATCTCT1800  
 CAGTGCAGTA GATGCGGAAG TTAGCAGACA CTGTGTCGAA CTGTGATTT GTCAAAATTT1860  
 GCATGAGAAG ATCACAATTT TAGTACTTCA TCAGTTGCAG TACCTCAAG CTGCAASTCA1920  
 GATTCTGATA TTGAAAGATG GTAAATGCT GCAGAAGGGG ACTTACACTG AGTTCTTAA1980  
 ATCTGTGATA GATTTTGGCT CCGTTTTTAA GAAGGATAAT GAGTCTTGG TTTGGTCTCA2040  
 AGTTCCAGGA ACTCCACAC TAAGGAATCG TACCTTCTCA GAGTCTTGG TTTGGTCTCA2100  
 ACAATCTTCT AGACCTCTCT TSAAAGATGG TGCTCTGGAG AGCCAAGATA CAGAGAATGT2160  
 CCCAGTTACA CTATCAGAGG AGAACCGTTC TGAAGGAAAA GTTGGTTTTT AGGCTTATA2220  
 GAATTACTTC ASAGCTGGTG CTCACTGGAT TGTCTTCATT TTCTTTATT TCCTAAACAC2280  
 TGCAGCTCAG GTTGCCTATG TGCTTCAGAA TTGTGCGCT TCATACTGGC CAACCAACAC2340  
 AAGTATGCTA AATGTCACTG TAAATGGAGG AGGAAATGTA ACOGAGAAGC TAGATCTTAA2400  
 CTGGTACTTA GGAATTTTAT CAGSTTTAAC TGTAGCTACC GTTCTTTTTG GCATAGCAAG2460  
 ATCTCTATTG GTATTCTACG TCCTTGTTAA CTCTTCACAA ACTTTGCACA ACAAAATGT2520  
 TAGTCTCAAT CTGAAAGCTC CCGTATTATT CTTTGATAGA AATCCAATAG GAAGAATTT2580  
 AAATCGTTTT TCCAAAGACA TTGGACACTT GGATGATTG CTGCCGCTGA CGTTTTTAGA2640  
 TTTCTCCAG ACAITGCTAC AAGTGGTTGG TGTGGTCTCT GTGGCTGTGG CCGTGATTCC2700  
 TTGGATCGCA ATACCTTTGG TTCCCTTTGG AATCATTTTC ATTTTTCTT GCGGATATTT2760  
 TTTGGAAACG TCAAGAGATG TSAAGGGCTT GGAATCTACA ACTCGSAGT CAGTGTTTTC2820  
 CCACTTGTCA TCTTCTCTCC AGGGCTCTG GACCATCCCG GCATACAAAG CAGAGAGAG2880  
 GTGTGAGGAA CTGTTTGATG CACAGCAGGA TTTACATTCA GAGGCTTGGT TCTTGTTTT2940  
 GACAACCTCC CCGTGGTTGG CCGTCCGTCT GGATGCCATC TGTGCCATGT TTGTCTCAT3000  
 CGTTGCTTTT GGGTCCCTGA TTCTGGCAAA AACTCTGGAT GCGGGGCGAG TTGGTTTGGC3060  
 ACTGTCTTAT GCCCTCACGC TCATGGGGAT GTTTCAGTGG TGTGTTTCGAC AAAGTGTGA3120  
 AGTTGAGAAT ATGATGATCT CAGTAGAAAG CGTCATTGAA TACACAGACC TTGAAAAAGA3180  
 AGCACCTTGG GAATATCAGA AACGCCACCC ACCAGCTTGG CCCCATGAAG GAGTGATAAT3240  
 CTTTGACAAT GTGAACCTCA TGTACAGTCC AGGTGGGCTT CTGGTACTGA AGCATCTGAC3300  
 AGCACTCATT AAATCACAAG AAAAGGTTGG CATTGTGGGA AGAACCGGAG CTGGAAAAAG3360  
 TTCCCTCATC TCAGCCCTTT TTAGATTGTC AGAACCCGAA GGTAAATTT GGATTGATAA3420  
 GATCTTGACA ACTGAAATG GACTTCACGA TTTAAGGAAG AAAATGTCAA TCATACCTCA3480  
 GGAACTCTGT TTGTTCACTG GAACAATGAG GAAAAAAGT GATCCCTTTA AGGAGCAGAC3540  
 GGATGAGGAA CTGTGGAATG CTTTACAAGA GGTACAACCT AAAGAAACCA TTGAAGATCT3600  
 TCCTGGTAAA ATGGATACTG AATTAGCAGA ATCAGGATCC CAGATAATTGA TTATTGATGA3660  
 ACAACTGGTG TGCCTTGCCA GGGCAATTCT CAGSAAAAAT CAAAAAATAA TCGGGGAGAA3720  
 AGCGACGGCA AATGTGGATC CAAGAACTGA TGAATTAA TAAGGAAATG AACACCATTA TTGACAGCGA3780  
 ATTTGCCACG TGCACCTGTC TAAGCAATTG ACACAGATTG AAGAGAATAT GATGAGCCCT ATGTTTGTCT3840  
 CAAGATAATG GTTTTAGATT CAGGAAGACT GAAAGAATAT GGTGCAACAA CTGGGCAAGG CAGAAGCCCT3900  
 GCAAAATAAA GAGAGCTAT TTTACAAGAT CTTCAAAAGA AATTATCCAC ATATTGGTCA4020  
 TGCCCTCACT GAAACAGCAA AACAGGTATA TGGACAGCCC TGACCTTAA CTATTTTCGA4080  
 CACTGACCAC ATGGTTACAA ACACCTTCAA TGGACAGCCC TGACCTTAA CTATTTTCGA4080  
 GACAGCACTG TGAATCCAAC CAAATGTCA AGTCCGTTCT GAAGGCATT TCCACTAGTT4140  
 TTPGACTAT GTAAACCACA TTGTACTTT TTTTACTTT GCAACAAATA TTTATACATA4200  
 CAAGATGCTA GTTCATTGTA ATATTCTCC C

Name: 238

Len: 4337

Check:

EBC

GCGTGTGACA CTAATACTTA ACATGCTGCT TGTGCTCTT TATGCTGAC TCAATCAGTT 60  
 GAAATCCAAA AGTAAGTTCT TCCTTGATT ACCTGCCAAG ACCTGAGTTC AGGCCCTCAG 120  
 GTGCTGAGG TTTTCTTTT TGGGAGAAAA TGCCACAGAG TGGCGGGTTA GGATGGAGC 180  
 TCGGTGAAAG GCGGCGGCCC CCGTCCCGAA CCGCGGGCGA CCAACCCCGT ACAACCCCGC 240  
 CAGATCGGGA ATAACACACC GGAGACTTTT GGGGGGAAAC TAGGTGATG GTGGCGGGCG 300  
 CCGGATCGGC AGCTGAGGAT TGCCCTTTGAG GTTATTTTAA AAGTTTTGAG TTGTACAGCA 360  
 CTTGATTATT TTGCTGCATT GTGAAAGGAC CTCTCCAGCA ATGATTACTT CAGAATTAGC 420  
 AGTGTACAG GATTCACATA ATGAAACTAC TGCCCATTCG GATGCTGSCA GCGAGCTTGA 480  
 AGAAACAGAG GTCAAAAGGAA AAAGAAAAAG GGGTGTCTCT GCGCGGGCTC CATCTACAAA 540  
 TAAGAAACCT CGAAAATCTC CAGGTGAGAA GAGCAGAATT GAACTGGA TTAGAGGAGC 600  
 AGCGCTGGA AGAGCTAATG GACACCTCA ACAGAATGGG GAAGGGGAGC CTGTACATT 660  
 ATTTGAGGTG GTGAACTGG GGAAGAGTGC AATGCACTCC GTGGTGGATG ACTGGATTGA 720

ATCATATAAA AAGACAGGG ACATCGCACT TCTGGATTTA ATCAACTTTT TATCCASTG 760  
TTCCBBATGE CGAGTACTG TGAGAATAGA GATGTTTCBA AATATGCBA ATGCAGAAAT 840  
CATCAGAAAA ATGACTGAAG AATTTGATGA GGACAGTGGT GATTATCCTC TTACCATGCT 700  
TGGATCTCAG TGGAAAAAAT TTCSTTCAAA CTTTTTGTAA TTTATTGGAG TCTGTATTCT 860  
ACAGTSTCAG TATAGCATAA TTTATGATGA GTATATGATG GACACASTAA TCTCCTTTTT 1020  
GAAGTSTTGG TCAACTCCC AGGTGAGAGC TTTTAGGCAT ACAAGTACCC TGGCTGCCAT 1080  
GAAGTTCATG ACTGCTCTGG TGAATGTTGC CTTAAACCTC AGTATTCACT AGGATAATAC 1140  
CCAGACAGAA TATGAAGGCG AGAGAAATAA AATGATTGGG AAGAGAGGCA ATGAAAGGTT 1200  
GSAATTAATA CTTAGAAAC GCAAGAGGCT GCAAGAAAT CAGGATGAAA TCGAAATAT 1260  
GATGAACTCT AITTTTAAGG STATATTGT TCATAGATAC CGTATGCTA TTGCTGAGAT 1320  
TAGATCTATT TGTATTGAAG AAATTGGAGT ATGGATGAAA ATGTATAGTG ATGCTTCTCT 1380  
AAATGACAT TACCTAAAT ATGTTGGCTG GACTCTTCAT GACAGGCAAG GGAAGTCAG 1440  
GCTGAACTGT TTGAAAGCTC TGCAGAGTCT ATATACCAAT AGAGAAATAT TCCCCAATT 1500  
GGAATCTATT ACTAACCGAT TCAAGGATCG CATTGTATCA ATGACACTTG ATAAAGAATA 1560  
TGATGTTGCT GTGAAAGCTA TTCGATTGGT TACTCTGATA CTTTATGGAA GTGAAGAAC 1620  
TCTTTCCAAAT GAAGACTGTG AAAATGTTTA CCACTTGGTG TACTCGGCAG ATCGCCCTGT 1680  
TGCTGTGGCA GCTGGAGAGT TCCTTCACAA AAAGCTATTT AGCAGACATG ACCCACAAAG 1740  
AGAAAGAGCA TTAGCAGAGA GGAGGGGAAG AAATGACCCG AATGGAAAGC TCATTAGGAT 1800  
GCTGCTCTCT TTTTCTCTG AAAGTGAATT ACATGAACAT GCAGCCTACT TGGTGGACAG 1860  
TTTATGGGAG AGCTCTCAAG AACTGTTGAA AGACTGGGAA TGTATGACAG AGTTGCTATT 1920  
AGAAAGAGCT GTTCAAGGAG AGGAAGCAAT GTCTGATCGT CAAGAGASTG CTCTTATAGA 1980  
GCTAATGCTT TGTACAATTC GTCAAGCTGC TCAGGCACAT CCTCCAGTGG GAAGGGGTAC 2040  
CGGCAAGAGA GTGCTAACTG CCAAAGAAAG GTTACTGTCA AAGTATTCTG CAGATGCAGA 2100  
GACTGAACAT TTTATTATTA CACTTCCTAT GTTACTGTCA AAGTATTCTG CAGATGCAGA 2160  
GAAGGTAGCA AACTTGCTAC AAATCCCAAC GTATTTTGAT TTAGAAATCT ACAGCACAGG 2220  
TAGAATGGAA AAGCATCTGG ATGCTTTATT AAAACAGATT AAGTTTGTGG TGGAGAAACA 2280  
CGTAGAATCA GATGTTCTAG AAGGCTGCAG TCGAAGCCAG CTGATTGATG AGTTTGTAGA 2340  
ATATACCATC CAGAACAGAG TTGACATAGC GCAAGAGGGA GAAGAAGCTG ATGATGATGA 2400  
TCGATTCATC CATTCTGTGG AAGACCTATT GTTAACCTCT ITTCAGAATG CACATGATCT 2460  
CATTACAAAT GTTCTTTCTA CATTAAAGCG CAGATTATTG AAGACTGCAA TTGAACATG 2520  
CACAAAATGG GATCTCTTTG GTAATTGCTA ACTGCAAGC TCCCATFATT CGATTCTTTG 2580  
AGCCATGCCA GACAGATAG TCGTGCAAGC ACTGCAAGT TCCCATFATT CGATTCTTTG 2640  
GCAGTTGGTG AAAATTAAGT ATGGCTCTCC TTCCAAAGAG GATTGTTGG TATTGAGGAA 2700  
AACGGTGAAA TCCTTTTTGG CTGTTTGCCA TCTTCTGATG AITTTTCAAG ACCAATTAAT 2760  
GAAAGAACAG GCTTTTATGT TACTCTGTGA TCTTCTGATG AITTTTCAAG ACCAATTAAT 2820  
GACAGGTGGC AGAGAGGGCC TTCAGCCTTT GGTGTTCAAT CCAGATACTG GACTCCCAAT 2880  
TGAATCTCTC AGTTTGTGTA TGGATCACGT TTTTATTGAC CAAGACGAGG AGAACCAGAG 2940  
CATGGAGGGT GATGAAGAAG ATGAAGCTAA TAAATTTGAG GCCTTACATA AAAGAAGGA 3000  
TCTACTTGCT GCTTTTCAAG AACTTATCAT TTATGACATT GTTGACATGC ATGCAGCTG 3060  
AGACATCTTC AAACACTACA TGAAGTATTA CAATGACTAT GGTGATATTA TTAAGGAAAC 3120  
ACTGAGTAAA ACTAGGCAGA TTGATAAAAT TCAGTGTGCC AAGACTCTCA TTCTCAGTTT 3180  
GCAACAGTTA TTTAATGAAC TTGTTCAAGA GCAAGGTCCC AACCTAGATA GGACATCTGC 3240  
CCATGTCACT GGCATTAAAG AACTGGCACG TCCTTTTGCC CTTACATTTG GATTGGACCA 3300  
GATTAAGACA CAGAGAAGCAG TTGCCACACT TCACAAGGAT GGCATAGAGT TTGCATTTAA 3360  
ATACCAAAAT CAGAAAGGAC AAGAGTATCC ACTCTCTAAT CTGGCTTTTC TTGAAGTACT 3420  
AAGTGAATTT TCTTCTAAAC TTCTTGGACA GGAACAAAAG ACAGTTTCAAT CATACCTAGA 3480  
GAAATTCCTT ACGAGACAGA TGATGGAAAG GAGGGAGGAT GTATGGCTTC CACTCATCTC 3540  
CTATAGAAAT TCATTAGTCA CTGGGGGTGA AGATGATAGA ATGTCTGTGA ACAGTGGAA 3600  
TAGCAGCAGC AAAACTTCAT CAGTAAGGAA TAAGAAAGGA CGACTTCCAC TTCATAAAAA 3660  
ACGAGTAGAA GATGAGAGTC TGGATAACAC CACCACAAC CACTTCCACT GTACTGGGG 3720  
GCTCTCTGGC TCCCTCTCAG CACTGACAT STCTGAACAT GGTCTGAAAC CAGACTTTT 3780  
GCCTATGGGA GACCAAGATC AAGAACTCTA TCTCTGGTT AGGCCAGCCG AAGTTAGAAG ACTTAAAT 3840  
ACACAACTCT CAGATGAGCA TCTCTGGTT AGGCCAGCCG AAGTTAGAAG ACTTAAAT 3900  
GAAGGACAGA ACAGGAATGA ACTACATGAA AGTGAGAACT GGAGTGAGSC ATGCTGTT 3960  
GGCTCTAATG GAGGAAGATG CTGAGCCCAT CTTTGAAGAT GTGATGATGT CATCCGAA 4020  
CCAGTTAGAA GATATGAATG AAGAATTTGA GGACACCATG GTTATTGATC TGCTTCCAT 4080  
AAGAAATCGG CAGAGAGAGG CTGAGCTAAG GCGAGACTTC TTTGACTCTG CAGCTATCAT 4140  
AGAAGATGAT TCAGGATTTG GAATGCTAT GTCTGAAAG CTGAAGAAAA TTTAGAAAT 4200  
TGGAACTCTA TTAITTAGAG CTAGAGGCT ATATACTGTG ATAGCTTGTA TGGGGAAPAA 4260  
CAACTTTTGA TGTATCTGA TTTGTTTTTT AATCAAATGA TTAAGGTCAA TCCCTTTTTT 4320  
CACTACAGA AGAGGAG

CATTAAATTG GATCACTTA CAGAACTTA TGSSATTCCT TTCTACCTAC AATACTCTGC 120  
 CCACTTACCA GATATTTTCA TTCTTSCAGA GGCACTCTGGT GGAGAATTAA TGGGTATAT 240  
 TATCTTAA GCAAGGCT CASTAGCTAG GGAAGAATGG CACGCGCAGC TCACAGCTCT 360  
 GTCTGTTGCC CCAGAATTTG GACGCTTTGG TTTGGCTGCT AAACCTATGG AGTTACTAGA 480  
 GGASATTTCA GAAAGAAAAG GTGGATTTTT TSTGGATCTC TTTGTAAGAG TATCTAACCA 600  
 AGTGGAGTT AATATGTACA AGCAGTTGGG CTACAGTGTG TATAGGACCG TCATAGAGTA 720  
 CTATTTTGGC AGCAACGGGG AGCCTGATGA GATGCTTAT GATATGAGGA AAGCACTTTC 840  
 CAGTATATT GAAAGAAAT CCACTATACC ATTACTCTAT CCTGTGAGGG CTGAAGAGAT 960  
 TGAATACCTC TGCGAGTGG TTCTTAGGCA GATACTCTAG ATGCTTTTATG GACAATATTA 1080  
 TTTCTATTGG ATATTTCTGG AGCTCTATTA GGAAGAAAAGT AATCAATTTA GSTCTTAAAG 1200  
 AATTCTAGAA AATACAGGTT ATCAATTTAT CATTGTAACA AAATTCATC AAAAAGGCAG CTAGGTGAGA 1320  
 TCATCTCTAT TAAAGCTGTT CATTGTAACA AAATTCATC AAAAAGGCAG CTAGGTGAGA 1440  
 AGGAAACATA CCACTCTCAT GGTTCATAGT ATTCACTGTA TGTATGCTAG GGAAAGAGCT 1560  
 TGCTCTAGTC TCTCTCTCAG TTCTGTGCTT GAGAAGCACT GCTGCATATA TTTGTTTTTA 1680  
 AATTTTGTAT TBAAGCTGTA ATTGAAGCTT TAAAGCATA TATGAAATGT ATAAATCTAA 1800  
 GATGTATAAT ACATTATTGA CTCTAAAAAA AAAAAAAA AAAAAAAA AAAAAAAA 1920  
 AAAAAAAA

Name: 12 Len: 559 Check: 1348  
 GAGTGNBNCG GNGGTGGGCG CTGCGGACCT AACTAGCTCC AGGTTAGGCC GAGCTTTGNG 60  
 GGAAAGCAGC GCACTTGAAA ATACTGGAAA TCTCTCCGGA TCCAAATTAT TTTGCAAGCC120  
 AGATGAGTAA CCAGAGGGCA TGAAAGGTTG AGAACATTTG ACTTCCCTGC AAACCTTGGT180  
 ATAGATCACT TCTTTTTCTG TAGGAAAGGA AAGGCACCAA AGAGCACAAT GAGTACAAGA240  
 AAGGCTGGTG GTGGAGCAAT AAATTTCTAGA CAAGCTCAGA AGCGAAGCTG GGAAGCAACC300  
 TCCACCCCGG AGATCTCCTT GGAAGCAGAA CCAATAGAAC TCGTGGAAAC TGCTGGAGAT360  
 GAAATTTGTG AACTCACTTG TGAATCTTTA GAGCTCTGTT TGCTTATCTT GACTCACAAT420  
 GACTCTGTTG TATTTGTTGA CGAAAGAAAG AAGCAAGGA GGAATGCTAG GAGGCTGCC480  
 CAGGACCATG CTGACAGCTG TGTGGTGAGC AATGAGATG AGGAGTTGTC CAGGGACAGA540  
 GAGCTATATG TCACTACT 558

Name: 190 Len: 2150 Check: 214D  
 CTCGAGCCAC GAAGGCCCGG CTGTCTGTGC TAGCAGATAC TTGCACGGTT TACAGAAATT 60  
 CGGTCTCTGG GTCTGTCTAG GAAACTGGAA AAGAGGTCAT AAGCATGAAG CGCAGTTCAG 120  
 TTTCCAGCGG TGCTGTCTGC CGCTCTCCA TGCAGGAGTT AAGATCCCAG GATGTAAATA 180  
 AACAAGGCCCT CTATACCCCT CAAACCAAAG AGAAACCAAC CTTTGGAAAG TTGAGTATA 240  
 ACAAAACGAC ATCTGAAAGA AAAGTCTCGC TATTTGGCAA AAGAACTAGT GGACATGGAT 300  
 CCGGAAATAG TCAACTTGGT ATATTTTCCA GTTCTGAGAA AATCAAGGAC CCGAGACCAC 360  
 TTAATGACAA AGCATTCAAT CAGCAGTGTG TCTGACAACT CTGTGAGTTT CTTACAGAAA 420  
 ATGCTTATGC ACATAATGTG TCCATGAAAT CTCTACAAGC TCCCTCTGTT AAAGACTTCC 480  
 TGAAGATCTT CACATTTCTT TATGGCTTCC TGTGCCCTC ATACGAAGCT CCTGACACAA 540  
 AGTTTGAAGA AGAGGTTCCA AGAATCTTTA AAGAAGCTTG GTATCTTTT GCACTATCCA 600  
 AAAGCTCCAT GTACACAGTG GGGGCTCTC ATACATGGCC TCACATTGTG GCAGCCTTAG 660  
 TTTGGCTAAT AGACTGCATC AAGATACATA CTGCCATGAA AGAAAGCTCA CTTTATTTT 720  
 ATGATGGGCA GCTTGGGGGA GAAGAAAGTG AAGATGGAAT TATGATAT AAGTTGTTTT 780  
 TGGAGTACAC CATAAAATGC TATCAGAGTT TATGAGTGG TGCCGACAGC TTTGATGAGA 840  
 TCAATGACAG GCTGCAGTCA AACTGAAGG ATTTATTTTA TSTGGATGCT TTTAAGCTGG 900  
 AATCATTAGA AGCAAAAAAC AGAGCATTGA ATTAACAGAT TGCAAGATTG GAACAAGAAA 960  
 GAGAAAAAGA ACGAATCGT CTAGAGTGGT TGAGAAAACT GAAGGCTTCC TTACAAGGAG1020  
 ATGTTCAAAA GTATCAGGCA TACATGAGCA ATTTGGAGTC TCATTGAGCC ATTCTTGACC1080  
 AGAATTTAAA TGTCTCAAT CAGGAAATTB CTAGAGTAGA ACTAGAATBT GAAACAATAA1140  
 AACAGGAGAA CACTCGACTA CAGAATATCA TTAGCAACCA GAAGTACTCA GTTGACAGACA1200  
 TTGATGGAAAT AAGCATGAA AGAAATGAAT TTAGCAGAC TATTAATAAA TTAACCAAGG1260  
 AACTGGAAAGC TGAACAAACAG AAGTTGTGGA ATGAGGAGTT AAAATATGCC AGAGGCAAGG1320  
 AAGCATTGA AACACAATTA GCAGAGTATC ACAAATTTGG TAGAAAATTA AAACCTATTCT1380  
 CTAAGGCTGC TGAATTTCC AAAGGTTATG ACTTTGAAAT TAAGTTTAAAT CCGGAGGCTG1440  
 GTGCTACTG CTTGCTCAAA TACAGGGCTC AAGTTTATST AACTCTTAAG GAACCTCTGA1500  
 ATGAAGCTGA AGAAGAAATT AATAAGGCC TAAATAAAAA AATGGGTTTG GAGGATACTT1560  
 TAGAACAATT GAATGCAATG ATAACAGAAA GCAAGAGAAG TGTGAGAACT CTGAAAGAAAG1620  
 AAGTTCAAAA GCTGGATGAT CTTTACCAAC AAAAAATTAA GGAAGCAGAG GAAGAGGATG1680  
 AAAAAATGTG CAGTGAGGTT GAGTCTTTGG AGAAACACAA GCACCTGCTA GAAAGTACTG1740  
 TTAAGCAAGG GCTCAGTGA GCTATGAATG AATTAGATGC GTTTGAGGG GAATACCAAC1800  
 TAGATGAGT TGTACACAT GTTGGGTCTG TAGAGAAACA TTTGAGGAG CAGATTGCTA1860  
 AAGTTGATAG AGAATATGAA GAATGCATGT CAGAAGATCT CTCGGAATAT ATTAAGAGAG1920

```

TGAAGATATA  TATGAGAGAG  AAGGCTACTG  TAACTAAGTG  TTCTGAAGAA  TGAAGATATAA2040
ATGTTTGAACA  TGTATATATA  TCGATAGTGA  ATAAATTTGT  TCGAGTAAAA  AAAAAAAAAAA2150
AAAAAAAAAA  AAAAAAAAAA  AAAAAAAAAA  AAAAAAAAAA  AAAAAAAAAA  2150
Name: 291      Len: 3800  Check: 1389
GTGGGAGGGA  GAGGCGGGGG  CGGCGAGGGG  GGAGCAAGAG  GCGCAGGGGA  CTGGGGCGGG  60
TGGBBAAGGA  GACAATGGGG  CGGSCCTGCA  GGGCCCATCT  CGGGAGGCCA  CCGTGGCCGA  120
CAACTTTGTAC  GAGGAAGAGG  ACGACGACGA  GGGCGAGGAG  GAGGAAGAGG  CGGGCGGGGG  180
GAGGATTTGG  TACGAGATA  ACCTTCTGTT  CGGTGATGAA  ATTATCACTA  ATGGTTTTCA  240
TTCTTTTGAA  AGTATGAGG  AGGATAGAGC  CTGATGCA  AGCTCTATG  ACTGGACTCG  300
AAGGCGACGA  AAGGCTGAT  ATACTTTTGT  TCAGCAACAT  CTTATGATTG  GCACAGATCG  360
TGGAGCAATT  CTTAAAGATT  TATTGCGGGA  AACCAATACCT  CCACTGAGT  TGGATGATAT  420
GACACTTGTG  GAGATTGTTA  TTAATATGCT  TTCAAAACCA  CCAAAAAGGA  AAAAAAGAAA  480
AGATATTAA  ACAATTGAAG  ATGCCGTGAA  ATTACTGCAA  GAGTGCAAAA  AAATTATAGT  540
TCTAACTGGA  GCTGGGGTGT  CTGTTTCATG  TGGAATACCT  GACTTCAGGT  CAAGGGATGG  600
TATTTATGCT  CGCCTTGCTG  TAGACTTCCC  AGATCTTCCA  GATCCTCAAG  CGATGTTTGA  660
TATTGAATAT  TTCAGAAAAG  ATCCAAGACC  ATTCTTCAAG  TTTGCAAGG  AAATATATCC  720
TGGACAATTG  GAGCCATCTC  TCTGTACAAA  ATTCATAGCC  TTGTCAGATA  AGGAAGGAAA  780
ACTACTTCTG  AACTATAGCC  AGAACATAGA  CAGCTGGA  GAGTTTGGG  GAATCCAAAG  840
GATAACTCAG  TGTCTGTT  CCTTTGCAAC  AGCATCTTGC  CTGATTTGTA  AATACAAAGT  900
TGACTGTGAA  GCTGTACGAG  GAGATATTTT  TAATCAGGTA  GTTCTCTCAT  GTCCTAGGTG  960
CCCACTGAT  GAACCGTTG  CTATCATGAA  ACCAGAGATT  GTGTTTTTGT  GTGAAATTT1020
ACCAAGACAG  TTTTCATAGG  CCATGAAGTA  TGACAAAGAT  GAAGTTGACC  TCCTCATTGT1080
TATTGGTCT  TCCCTCAAAG  TAAGACCAGT  AGCACTAATT  CCAAGTTCCA  TACCCCATGA1140
AGTGGCTGAG  ATATTAATTA  ATAGAGAACC  TTTGCCTCAT  CTGCATTTTG  ATGTAGAGCT1200
TCTTGGAGAC  TGTGATGTCA  TAATTAATGA  ATTGTGTCT  AGGTTAGGTG  GTGAATATGC1260
CAACTTTTGC  TGTAACTCTG  TAAAGCTTTC  AGAATTACT  GAAAAACCTC  CACGAACACA1320
AAGGCAATTG  GTTATTTTGT  CAGAGTTGCC  ACCACACCT  CTTCTATGTT  CAGAAGACTC1380
AAGTTCAACA  GAAAGAACTT  CACCACCAGA  TTCTTCAGTG  ATTGTCACAC  TTTTAGACCA1440
AGCAGCTAAG  AGTAATGATG  ATTTAGATGT  GTCTGAATCA  AAAGGTTGTA  TGGAAGAAAA1500
ACCAAGGAA  GTACAAACTT  CTAGGAATGT  TGAAAGTATT  GCTGAACAGA  TGGAAATCC1560
GGATTTGAAG  AATGTTGGTT  CTAGTACTGG  GGAGAAAAAT  GAAAGAACTT  CAGTGGCTGG1620
AACAATGAGA  AATGCTGGC  CTAATAGAGT  GGCAAGGAG  CAGATTAGTA  GCGGGCTTGA1680
TGSTAATCAG  TATCTGTTTT  TGCCACCAAA  TCGTTACATT  TTCCATGGCG  CTGAGGTATA1740
TTCAGACTCT  GAAGATGACG  TCTTATCCTC  TAGTCTTGT  GGCAGTAACA  GTGATAGTGG1800
GACATGCCAG  AGTCCAAGTT  TAGAAGAACC  CATGGAGGAT  GAAAGTGAAA  TTGAAGAATT1860
CTACAATGGC  TTAGAAGATG  AGCCTGATGT  TCCAGAGAGA  GCTGGAGGAG  CTGGATTTGG1920
GACTGATGGA  GATGATCAAG  AGGCAATTAA  TGAAGCTATA  TCTGTGAAAC  AGGAAGTAAC1980
AGACATGAAC  TATCCATCAA  ACAAATCATA  GTGTAATAAT  TGTGCAGGTA  CAGGAATTGT2040
TCCACAGCA  TTAGGAAGTT  TAGCATGTCA  AAATGAATGT  TTACTTGTGA  ACTCGATAGA2100
GCAAGGAAC  CAGAAAGGTG  TAATATTTAT  AGGTTGGTAA  AATAGATTGT  TTTTCATGGA2160
TAATTTTTTA  CTTCAATTAT  TCTGTACTTG  TACAACTCA  ACACTAACTT  TTTTTTTTTT2220
AAAAAAAAAA  AGGTACTAAG  TATCTTCAAT  CAGCTGTTGG  GTCAAGACTA  ACTTTCTTTT2280
AAAGTTTCAT  TTGTATGATA  AATTCATATG  TGTATATATA  ATTTTTTTTG  TTTTGTCTAG2340
TGAATTTTAA  CATTTTTTAA  GTTTTCAAAA  AGCCATCGGA  ATGTTAAAT  AATGTAAAGG2400
GACAGCTAAT  CTAGACAAA  GAATGGTATT  TTAACCTTTC  TTTGTAACAT  TGAATGGTTT2460
GAAGTACTCA  AATCTGTTA  CGCTAACTT  TTGATCTTT  AACACAATTA  TTTTAAACAT2520
CTGGCATTTT  CCAAAACTGT  GGCAGCTAAC  TTTTTAAAT  CTCAAATGAC  ATGCAGTGTG2580
AGTAAAGGA  AGTCAATCAAT  ATGTGGGGAG  AGCACTCGGT  TGTCTTACT  TTTAAAGTA2640
ATACTTGGTG  CTAAGAATTT  CAGGATTATT  GTATTTACGT  TCAAAATGAAG  ATGGCTTTTGT2700
TACTTCTCTG  GAGCATGTAG  TAATGTCTAT  ATTGGCTCAT  AAAACTAACC  TGAAAAACAA2760
ATAAATGCTT  TGGAAATGTT  PCAGTTGCTT  TAGAAACATT  AGTGGCTGCC  TGGATCGCTT2820
TAGTTTTGAA  ATATTTTCCA  TTSTTGTTTA  AATACTATC  ACTGTGCTAG  AGCTTGCATT2880
GATCTTTTTC  ACAAGATATTA  AACTGCCAAA  ATGTGAATAT  GCAAAGCCTT  TCTGAATCTA2940
TAATAATGGT  ACTTCTACTG  GGGAGAGTGT  AATATTTTGG  ACTGCTGTTT  TCCATTAATG3000
AGGAGAGCAA  CAGGCTGCTG  ATTATACAGT  TCCAAAGTAA  TAAGATGTTA  ATTGTAATTC3060
AGCCAGAAAG  TACATGTCTC  CCATTGGGAG  GATTTGGTGT  TAAATACCAA  ACTGTAGGCC3120
CTAGTATTAT  GGAGATGAAC  ATGATGATGT  AACTTGTAAT  AGCAGAATAG  TTAATGAATG3180
AAACTAGTTC  TTATAATTTA  TCTTTATTTA  AAAGCTTAGC  CTGCTTAAA  ACTAGAGATC3240
AACTTTTCTA  GGTGCAAAAC  CTTCTAGTCT  TTCAAGAAGT  TCATACTTTA  TGAAATTGCA3300
CAGTAAGCAT  TTAATTTTCA  GACCATTTTT  GAACATCACT  CCTAAATTA  TAAAGTATTC3360
CTCTGTTGCT  TTAGTATTTA  TTACAATAAA  AAGGTTTGA  AATATAGGTG  TTCTTTATGC3420
ATAAAACACC  CAGCTAGGAC  CATTACTGCC  AGAGAAAAAA  ATCGTATTGA  ATGGCCATTT3480
CCTTACTTAT  AAGATGTCTC  AATCTGAATT  TATTTGGCTA  CACTAAAGAA  TGCAGTATAT3540

```

TTATTTTTCG ATTTTGCATCA TGTTTTGTGTG CTATATATTA TATTTTAAAT TGAAAAATTT5600  
 GTTTTCAAAT ATTTTTCACAG TGAAGACTGT TTTTCACTGT TTTTATATTG TACATAGTCT3600  
 TTTATTTAAAT TTAATGGCAT ATGTTTTGTGA GACTTTTTAA TGAATGGGATA TCTTCTTCA3700  
 ACTTTTGAAT TACAAAACCA GTTTTTTTTA CTTGTACACT GTTTTAAAGT CTATTAAAAAT3750  
 TGTCAATTTGA CTTTTTTCTG 3800

Name: 292 Len: 1731 Check: 2073  
 GGGGGAAGCT GTGATGGGTT GACAGGTGGG TGACASTGGG AGCTGCTCTC GGGACAAGCA 60  
 TGTACGACAA AGGCAAGAGT AACAGCAAGG CCGTCCCGTC CAGACAGCAG GGGGGGGA 100  
 AATTAGTACT CTACGTATAT GAATATCTTC TCCATGTAGG AGCTCAAGAA TCACTGCAAA 140  
 CATTTTTATC AGAGATAAGA TGGGAAAAAA ATATCACATT GGGGGGATCA CCAAGATCTT 180  
 TACATCTCTG GTGGTGTGTA TTTTGGGATC TCTACTGTTC AGCTCCAGAG AGAGGTGAAA 220  
 CATGTGAACA CTCAAATGAA GCAAAAAGCT TCCATGATTA CAGTGTGCA GCACTCTCCA 260  
 GTCCAGTGT AGGAAACATT CCCCCAGGAG ATGGCATGCC AGTAGGTCTT GTACCAAGCA 300  
 GGTCTTTTCA GGGTTTTTATG TCACCTCGGT ACCCTGGAGG TCCAAGGCCC CCATTGAGGA 340  
 TACCTAATCA GGCACCTTGA GGTGTCCCAG GAAGTCAGCC ATTACTCCCC AGAGGAATGG 380  
 ATCCAACTCG ACAACAAGGA CATCCAAATA TGGGTGGGCC AATGCAGAGA ATGACTCTCT 420  
 CAAGAGGAAT GGTGCCCTTA GGACCACAGA ACTATGGAGG TGCAATGAGA CCCCACTGTA 460  
 ATGCTTTAGG TGGGCTGTGA ATGCTGTGAA TGAATATGGG TCCAGGTCTT GGTAGACCTT 500  
 GGGCAAGCCC AACAAATGCC AATTCAATAC CATACTCTCT AGCATCTCTT GGGAAATTATG 540  
 TAGGTCTCTC AGGAGGTGGA GGGCCACAGG GAACACCCAT CATGCCAGT CCAGCAGATT 580  
 CAACCAACTC TGGTGATAAC ATGTATACTT TAATGAATGC AGTACCTCTT GGACCTAACA 620  
 GACCTAATTT TCCAATGGGC CCTGGGTGAG ATGGTCCCAT GGGTGGATTA GGAGGAATGG 660  
 AGTCACATCA CATGAATGGC TCTTTAGGCT CAGGAGATAT GGACAGTATT TCCAAGAATT1020  
 CTCCCAATAA TATGAGCCTG AGTAATCAAC CCGGCACTCC AAGGGATGAT GGCAGAAATGG1060  
 GGGGAAATTT CTAAATCCT TTTGAGAGTG AGASTTACTC CCTAGCATG ACAATGAGCG1100  
 TGTGATCTAT TACCAAGTCT CCTCATGAAA ACCACAGTGA GTCAGCCCTT CACAGAACTA1140  
 CTACGGGAAGA AAATTATTCA TCACAGTGTA CAGTTAAACA AAGGAATCTC AGTCACACCA1180  
 AACCAAGCTT TTCATTTCTT GCTCTCTCCC CTCTTTTGTG AAGAAAGCGG GTCCAGATGT1220  
 GATTCAAGCA ACTGTACGGA GTGGCATATT AGAATTGCCC TAAACTGAAC TGCAATAAT1260  
 TATGTGTGTA TGTATATGTG TGGGAAAGAG AATGTACTGT ATATGTGTAT GTTATACAGA1300  
 CATATACACA TACATACATT GACCCACAGG ACATGTGAAA ATATTATCAC ATGACATCTT1340  
 AAGTAGAAT AAGTAGGGAC TTTTATTCCA TCCTTTTTTT CACGTTTACA TTTTAATTAT1380  
 TACAAGTTGC TCCTGCCCCC TCCCTGAAGT ATTTGTGTCT GTGTATATCA CTGCTTTATA1420  
 TAAGTTATIT TTTAAGGTGA ACTCAGATGT TATGGTTTTG TATATGTCTG CAATCATGGA1460  
 TAGGAATAAA ATCGCTTATT TGAGAGCTTT CAAAAAAA C 1731

Name: 293 Len: 3416 Check: 2559  
 GGTTTACACG TACCTCCGCC TCATCGTGGG CCACCATGGG ACTGCCCCAG TCCAGGCCCT 60  
 GCGACAGAAG GAAGTAGACT TCTGCATCTC ACTGCTTCGG GAAAGGTTCA TGGAATGTCT 100  
 GATGATTGGT CCGGATCTCG TAAGACTACT TCAGAAATGT GCTAGGATAC CAGAATTTGA 140  
 ACTGCTTTGG AAAGATATTA TCCATAATCC TCAGSCCTTG AGTCTCAAT TCACAGGTAT 180  
 CTACAGCTT CTTCAGTCAA GAACATCCCG AAAATTCCCTA GCATGTCTCT TAAACCCCGGA 220  
 CATGGAGACT AAACCTCTCT TCATGACATC CCGGGTGGCA TTTGGTCAAC AAAAGCGATA 260  
 CCAAGATTGG TTCCAGCGCC AGTACCTGTC AACTCCAGAT AGTCAGTCTC TGGGCTGTGA 300  
 CCTCATCTGC TACATCTGTG GGGTAGTCCA CCGTTCTAAT GAAGTACTGA GTTCAGATAT 340  
 CTTGCCCCGG TGGGGCATCA TTGGTTGGCT CTGACAAAG TGCACGTCAA ATGTGCTGTC 380  
 CTCCTAATCC AAGCTGGCT TGTTTTATGA CTGGCTGTTT TTTAGTCCAG ACAAGGATAG 420  
 CATATGAAC ATAGAACCAG CCATCTCTGT CATGCCACAC TCCATGAAGC CCCACCCAGC 460  
 CATCACTGCC AACTCTCTGG ACTTCATGTG CCGCATCATT CCAACTCTCT ATCCACCAAT 500  
 GAGGCTCAC GTGGGGCAGG GTGTCTTTTC CTCTCTCAAC CACATTGTGG AGAAACGGGT 540  
 CTTGGCTGTG AAAAAGTATT GCTCTACTCT CAGACTGCTG GGCATATGTC TTCTTGGCTC 580  
 TTAGAGBAAT TTCTCTCTCT CCATCGTATT ACAAAGACAC CTAGCTCTCC TGTGTGACA 620  
 CCGTAAATTT GATAAGGAGC TGGGGGCAAT GCTGAGAGAG AAGTTTCTCT AGTTCTGAG 660  
 CTCACCTCTC CCACTCTGTG AAGTCAAAAT TGAAGAGCCA GTTTCCATGG AGATGGACAA1020  
 CCATATCTCG GATAAGGAG AGAGTTGCTA TGACAAATGA GAGGCAGCTT TCACTGACGA1060  
 TGAAGAGAT CTCAACAGCA AAGGAAAGAA GAGGGAATTT CGCTTCCACC CTATCAAGGA1100  
 GACAGTTGTG GAGGAGGAG TTGATATCAC CCGTTACTCT GACCAATTTG ATGAGTCTCT1140  
 GAGGGACAAA GACTCTCAGC TACAGAAAGG GAGTGTATCG GAGGCCCCAG GTGAGGTCTAT1180  
 GCAGGAAAT GTGGAACAGG TCCTGGAGGA AGACTTTTAC TCGGAGCAGC TGTCTGTCTT1220  
 TGCTCTCTCT CTACAGGAGC TCTTCAAGGC CCACTTTTGA GGGGAGGTCT TGCTGAGGA1260  
 GATTACTGAG GAGTCTCTGG AGGAGTCTGT AGGAAAGCCT CTGTACCTAA TTTTAGGAA1300  
 CTATCTCTAG ATGAGGGAAG ACAACAGCAG CTCTCTCTTA CTCTAGAGCC TTCTCTCTGA1340  
 GCTATATCAG AAGCAGCCCA AGATTGGCTA CCACTGCTC TACTACCTGA GGGCCAGCAA1380  
 AGCTGCTGCA GGGGAAGATGA ACCTGTACGA GTCATTTGTC CAGGCTACCC AGCTGGGCA1420



TCTGCAJACC TGGCTGATGA TGGACATGAA GTCCTGCCAG GAGACCBATG TGGGCTCTT1620  
 GTGGCCACCTC AGGCTCTTCA TCTACACAGA GTTTCCAGAT GAAACCTTGA GGAAGCGGAGA1740  
 GCTGCTGAAC ATGATCTGTG CTGTATTGTA CTCTGACAG CTCCAGGAGT TGGTCTGCCA1800  
 GCTGATGATG GGTAACTCTG TTATGTTTGG AAAAGACTCA GTTCTCAACA TACTCATTCA1860  
 GAGCTTAGAC TGGGAJACCT TTGAGCAGTA TTGTGCTGG CAGCTCTTTT TGGGCCACAA1920  
 TATTCTCTCTG GAGACCATAA TCCCCATCTT GCAGCACCTC AAATACAAGG AGCACCCAGA1980  
 GGGCTCTCTC TGGCTACTGC TTCAACTCTG AAGAGAAAAA CCCAGCAGG AGATGGTGAAC2040  
 BATGCTCTTG AGGCTGCTCT GGCATCTCTA CGACCACTTC ACCACAGCA TCTCTGGGCA2100  
 CTGCTCTCTG AAACATGATG AGCTGCTCTG CGAGCAGATC AAGTCTCTCT TCTCAAGAA2160  
 CAACAGCTCTG CCTGCGCAAG GACAGAGCTT GAGGAGCTCT AGGAGCAAGC TGGCCAGCT2220  
 GACTCTGAGC CAGATCTCTG AGCACTCTGA CAATCTGCGG CTCAACCTGA CCAACACCA2280  
 GCAGAACTTT TTTAGCCAGA CGCCAATTCT CCAAGCGCTG CAGCATCTCT AAGCGAGCT2340  
 TGAAGAGAGC CACAAGATGA AATTCACTGA TCTCTTCTCC CTGGCGGAGG AATATGAGGA2400  
 CTCTTCTACC AAGCCACCCA AGAGCCGGCG AAAAGCAGCT CTGTCCAGCC CTGGAAGTCT2460  
 AAAGAACTGC ACACAGCTCC CCAATGCCGA AGAAGAGTCG GGTCTCCAGCA GTGCTTCAGA2520  
 AGAGGAAGAC AGGAAACCGA AGCCTACCAA GCGGAAACGA AAAGGCTCCT CTGCAGTGG2580  
 CTCTGACAGT GACTGAGGCT CTGCATTCCC CATCCCACCC CCGGCTGGAC TGGCTCTCT2640  
 TTCTTCTCTA TTCAAACTTT AATAGAGGCT GAGGAGATTG CAGGGGAAAC AGCTTGTCT2700  
 CATGCCCCAAG CTCCCCCTCT GGAAGGAGGA GCTTTCTCCT CTGGCTGAGT TTGAGAAGCT2760  
 GCCATGCAAGC CCTAGGCTCT TTCCCTCTCT CTGGGCTCTC CAGCCCCCTCA CACTGCTGTT2820  
 CCCAGTGATA TTTGGGATCT GACTGAAGCC AGAGGCTCTG TAAAATCAGA CCATAGTGG2880  
 AGTCTGCAAGC CCGCTGGGCT CTTCCGCAAT CTCCTCCCCC AGTCTCCCAA AGAGCCATT2940  
 CAACAGAGAA GGGAAATGAC AAAGGGGCAG CTGGCCAGAT AAGCTAGGAT GAGAGCAGAG3000  
 ACTCAGTGTG TGGGTGTCTC TTCCTGCTTC CCCTTCAGGT CTTGGTTTGT TCTGAAGGGA3060  
 CGTTTTATAG TCACTATGCA CATGCCAGTG TGAATGGGC ATCTATGACG TGGTCAGGGT3120  
 GTCCATCTCT AATCATGGGG CAGATGCCAC AAGCATTCAG AAAGGAGTCT GAAAGGTTGG3180  
 CCACAGCTCTC AGTGGGTGTG CCTGGAGGC TTAGGTTGGT CTGAGGTTGG CACCTCAATC3240  
 TACACAGAGC CCCAGGGAGT CCCAGAGGCA AGTTTCACAG AATTGTCAAA TGATCCCAT3300  
 TCTTCTGATC TGTCTTTTCT TTTTGTCTTT TTTTGTCTTT TTTTGTCTTT AGATAATCGT3360  
 GTCTTAAAGG TTGTTTTTAA ATGACAATAA AACAAGCCAG AATGTCAAAA AAAAAA 3416

Name: 294

Len: 1927 Check:

12B5

GTAAACCAGC CGGAGCGGGC CGGCAGCGGC AGGACCGCCG TGGCGCCTAG AGTAGCGACC 60  
 CGGGGGGAGC GCGGGGCGAC GCTGGCTGCA GGGACCCGGT GACAGCGTGA GAGGTTTCGA 120  
 GAGTACTAGG TTTTGACAAG CTGCGATCAT GCGTGAGTAT AAGCTAGTCG TTCTTGGCTC 180  
 AGGAGGCTTT GGAAAGTCTG CTTTGACTGT ACAATTTGTT CAAGGAATTT TTGTAGAAAA 240  
 ATACGATCTT ACGATAGAAG ATTCTTATAG AAAGCAAGTT GAAGTAGATG CACAACAGTG 300  
 TATGCTTGAA ATCTTGGAFA CTGCAGGAAC GGAGCAATTT ACAGCAATGA GGGATTTATA 360  
 CATGAATAAT GGACAAGGAT TTGCATTAGT TTATTCCATC ACAGCACAGT CCACATTTAA 420  
 CGATTTTCAA GACCTGAGAG AACAGATTCT TCGAGTTAAA GACACTGATG ATGTTCCAA 480  
 GATTCTCTTT GGTAAATAAG GTGACTTGGA AGATGAAAGA GTTGTAGGGA AGGAACAAGG 540  
 TCAAAATCTA GCAAGACAAT GGAACAACCT TGCATTCTTA GAATCTTCTG CAAAATCAAA 600  
 AATAAATCTT AATGAGATCT TTTATGACCT AGTGCGGCAA ATTAACAGAA AAACCTCAGT 660  
 GCTTGGGAAG GCTCGCAAAA AGTCATCATG TCAGCTGCTT TAATATACTA AATGCAATTG 720  
 AGCTCTGAGC CAGGTCTGAA GAACTGTTGC CCAATTCAAC AGTGGGCTTG GTACCCCTTA AGAGGCGGAT 780  
 GTTAARCTTA CCAACATTTT AAATGGACTT TCTCTGGGTG AGTATCACAA GAGAGATTTT 840  
 GAAAGCTACT ATATCAGTTT GCACATTCTA ATCACTTTCC AGAGGCTACA TCCAGTATTA 900  
 TACTTATATA ATAGTCTTAG AGTTTGCAGC TGGTAAAACC AGAGGCTACA TCCAGTATTA 960  
 CTGCTAAGAG ACATTCTTCA TCCACCAATG TTGTACATGT ATGAAAATGG TGTACTGTAT1020  
 ACTTTAAACAT GGGCCATACT TTGTATTGGA GAGTACAATA ATGTAAATCC TAAAGCACCT1080  
 ACTATTTTAG CATAATAAAA GAAAGTCCAA AGAGCTCCTA TATAGACTAC TCCAGATAAC1140  
 TTGCTTCTTT TGATACTTGT AGCTTATTGT AATTTTTTTT AAGAAATCTA AGGTCAATTAT1200  
 TATTGTACAA AATAAGCTCT TTGATTAACA CAGCTATATA GTTTTTTTAA TTTTTAAAAA1260  
 AGCTGTGAGC ACGGTGATCT TGTCTTTAAA ACATGATAGT CTTTTAGTA TAATGTCTTA1320  
 GATTAAGGAC GTTGGCTTTA ATATCTGTTG GGAAGGAAAT GTCCAGACTT TTCAAATCT1380  
 TTATTACATG TTTCTTTTTT TTGTTTACAT AGGGAACAAT GTTTATAGTC GTGTGTACA1440  
 TGGGGTCTTA CAACAAGGAG TGTATATTTT CAAACAATTT TTTAATGATT TAACAATTTT1500  
 TGTAAATCAT TTTGAGGCTT CTGCAGCTGT AGATTCTCAC TGTGAATCTC TTGCTTGTCT1560  
 ATGCATAAGT GTATTTTCAA TACCAAAATAT ACAGGTTTAG TATTTTTGCT TGTAGTGTAT1620  
 TGTTTTCAAT GTGTAAGCTT TTGGTTGAGA TGTAAATGG TGGACGAGTA CTGTGGATGT1680  
 GAATGTTGGA AGTAATTTTA ATCATATGTA ATTGGTCACA AGGCTCAATT TGCAGTAACT1740  
 ATTGCTGTTT TATTTAACTA TGCCTTGTGT CTTTGTATGC ATTAATGTTT GATGTAAA1800  
 ATTGTGTGTC TATTCAACTG GGAAGCACAG TATTTAAATT GACCAACCTA ATGTTACAA1860  
 TACTTTGAGG TGGCCAAATG TAAACTAAAA GCCTTAATTA AAGTGTGTCA ATTTTGTAAA1920



AAAAAA

1927

Name: 295

Len: 1453 Check: 42C

GGCTGTTGGT	GGGGGTTGGT	TGGGGGCGGG	ASTGGGCTGT	ACSTGGGGGG	GGGGGGCGATG	60
GGTCACTGAT	GGGAGGAAAG	AGAAATGAATA	TGACTCAAGC	CCGGGTTCTG	GTGGGTGCAG	120
TGGTGGGGTT	GSTGGGTGTC	CTGCTCTACG	CCTCCATCCA	CAAGATTGAG	GAGGGGCCATG	180
TGGCTGTGTA	CTACAGGGGA	GGAGCTTTAC	TAAGTAGCCC	CAGTGGACCA	GGCTATGATA	240
TCATGTTGCC	TTTCTATTACT	AGGTTGAGAT	CTGTGCAGAC	AACACTACAA	ATTGATGAAG	300
TTAAAAATGT	GGTTTGGGGA	ACAAAGTGGT	GGGTGATGAT	CTATATTGAC	CGAATAGAA	360
TTTGTAAAT	TTTGGGTGTT	TATGGAGTGT	TTGATATCGT	GAGGAAGTAT	ACTGAGATT	420
ATGACAGAG	TTTAACTGTT	AATAAAATTC	ACATGAGCT	GAGGAGTTT	TGGAGTGGC	480
ACACACTTCA	GGAAGTTTAC	ATTGAATTGT	TTGATCAAA	AGATGAAAG	CTGAAAGCAAG	540
CTGTGAGAA	AGCTTTAAAC	CTCATGGGCT	CAGGTCTCAC	TATACAGGCT	GTGGGTGTTA	600
CAAAAATCCAA	AATCCGAGAA	GCCATAAGAA	GAAATTTTGA	GTTAATGGAG	GCTGAGAAAG	660
CAAAAATCTCT	TATAGCTGCA	CAGAAACAAA	AGGTTGTGGA	AAAAGAGGCT	GAGACAGAGA	720
GGAAAAAGGC	AGTTATAGAA	GCAGAGAAGA	TTGCACAAGT	GGCAAAATTT	GGGTTTCAGC	780
AGAAAGTGAT	GGAAAAAGAA	ACTGAAAAGC	GCATTTCTGA	AATGGAAGAT	GCTGCAATTC	840
TGGGCGGAGA	GAAAGCGAAA	GCAGATGCTG	AATATTATGC	TGCACACAAA	TATGCCACCT	900
CAAGCTAGCA	CAAGTTGACC	CGGGAATAT	TGGAGCTCAA	AAAGTACCG	GCTATTGCTT	960
CTAACAGTAA	GATCTATTTT	GSCAGCAACA	TCCCTAACAT	GTTGTTGGAC	TCTCATGTG	1020
CTTTGAAATA	TTGAGATATT	AGGACTGGAA	GAGAAAGCTC	ACTCCCTCT	AAGGAGGCTC	1080
TTGAAGCCTC	TTCAGATGAT	GTCATCCAAA	ACAAGAGAG	CACAGGTTGA	TGCAAGAGGT	1140
GGAAATGTTT	TCCATATCAA	GATGTGGCC	AAGGGGTTAA	GTGGGAACAA	TCATTATAG	1200
GACTCTTCAG	ATTTACAGAG	AACTTACACT	TCATCTGTTC	CACCTCTCCT	GCGATAGTCC	1260
TGGGTGCTCC	ACTGATTGGA	GGATAGAGCC	AGCTGTCTGA	CACACAAATG	GTCTTTTCAG	1320
CCACAGTCTT	ATCAAGTATC	CTATATGTAT	TCCTTTCTAA	ACTGCTACTC	ATGAATGAGG	1380
AAAGTCTGAT	GCTAAGATAC	TGCTGCACT	GGAATGTTAA	ACACTAAATA	TATAACAAAG	1440
TGTGTTTTGG	TAA					1453

Name: 296

Len: 3120 Check: 678

CGGAGAGGG	CGGGGGCTAC	GGGGCAGCCC	CGGGCGATGA	GGGGCGGGCG	TTGACCGGGA	60
AGAGCGGGCA	CGGCGGCGAT	GGCTCCGAGG	GGACCCGCGA	TGGCAGCGCC	CTGAGAGGAG	120
GCTCCAGGCA	GGGCGGGCTG	CGCTGGCAGC	GGCCGCTGAG	GTGCTGGCCG	GCCGGCTGGC	180
TGGGAGCGGG	GGCAGAAGCG	ACGAGAGGGG	CGCTCGGCAC	CGGCACCCCC	GTGCCCCCGC	240
CTCAGTTGTC	TAAACTTGGG	GCTCTCTTCC	ACCGTCTGCG	CGCCAGAGT	CAACAACCTC	300
TTACCCCGCC	TGGGCCCCCG	CCCTTCCCTC	CGTCAGCCCC	GGGAGCTCGC	CGCGGCCCGG	360
GGACCGAGAA	CCTCCAGGCG	TGAGATGTGG	CGGTGAGGCG	TTGGCGGGCG	CGGAGGAGAA	420
GCTCGGCGGC	GTCCCGGGGC	CGGAGGGCGC	TGGGGCCGGG	GCGCAGGGGC	GCGAGCACCC	480
CGGCGCTCTC	CGCCGCTCTC	TCTTGCCCTG	TCCGCGCTG	CGCGTGCTTT	GCAAGCAGCA	540
CGGCGAGCTG	CGAAGCTTCA	GCGCCGCGGA	GATGTCTGTC	TGCTCGGCGC	CGGCGGGGGC	600
TGCCAGCGCC	GCCATCTCGG	CCTCGGAGAA	AGTGGACGGC	TTTACCCGGA	AATCGGTCGG	660
CAAGGCGCAG	AGGCAAGAGC	GCTCCGAGGG	CTCGTCCGAG	TTTCCGAGCC	AGGGCAGCCA	720
GGCAGAGCTG	CACCCGCTGC	CGCAGCTCAA	AGATGCCACT	TCAAATGAAC	AACAAGAGCT	780
TTTCTGTGAG	AAGTTGCGAG	AGTGTGATAT	ACTGTTTGAT	TTTATGGACT	CTGTTTTCAG	840
CTTGAAGAGC	AAAGAAATTA	AAAGAGCAAC	ACTGAATGAA	CTGTTTGAAT	ATGTTTCAAC	900
TAATGCTGGT	GTAATTGTTG	AATCAGCGTA	TTCTGATATA	GTAAAAATGA	TGAGTCTTAA	960
CATCTTCTGT	AGACTTCTTC	CAAGTGATAA	TCCGATTTTT	GATCCAGAA	AGGATGAAC	1020
CACGCTTGAG	GCTCTTTGG	CTCACATACA	TTTGTATAT	GAATTTCTCT	TGAGATTTTT	1080
GGAGAGCCCT	GATTTCCAGC	CTAGCATTTG	AAAAAGATAC	ATTGATCAGA	AATTCGTACA	1140
ACAGCTCTCT	GAGCTTTTTG	ATAGTGAAGA	TCCAGAGAGAA	CGTGACTTCC	TGAAGACTGT	1200
TCTGCAACCA	ATTTATGGGA	AATTTCTTGG	ATTAAGAGCA	TTTATCAGAA	AACAAATTA	1260
CRACATTTTC	CTCAGGTTTA	TATATGAAGC	AGAACATTTT	AATGGTGTTC	CTGAATTTCT	1320
TGAATATTA	GGAAGTATTA	TCAATGGCTT	TGCAATGGCA	CTGAAAGCAG	AACATAAACA	1380
ATTTCTAATG	AAAGTTCTTA	TTCTATGCA	TACTGCAAAA	GGATTAGCTT	TGTTTCTAT	1440
TGAGCTAGCA	TATTGTGTTG	TACAGTTCTT	GAGAAAGAT	ACAACACTAA	CAGAGCCAT	1500
GATCAAGGA	CTGCTGAAAT	TTTGGGCAAA	AACCTGCAAT	CAGAAAGAGG	TGATGTTTTT	1560
AGGAGAAAT	GAAGAAATCT	TAGATGTCT	TGAACCAACA	CAGTTCAAAA	AAATTGAAGA	1620
GCCATTTTTT	AAGCAGATAT	CCAAAGTGT	ATCCAGTTCT	CATTTTTCAG	TTGCAGAAAG	1680
GCCATTTGAT	TTCTGGAATA	ACGAATATAT	TCTTAGTTTG	ATTGAGGAGA	ACATTGATAA	1740
AATTCTGCA	ATTATGTTTG	CCAGTTTGA	CAAAATTTTC	AAAGAACACT	GGAATCCGAC	1800
CATTGTAGCA	CTGGTATACA	ATGTGCTGAA	AACCTAATG	GAAATGAATG	GCAAGCTTTT	1860
CGATGACCTT	ACTAGCTCAT	ACAAAGCTGA	AAGACAGAGA	GAGAAAAAGA	AGGAATTGGA	1920
ACGTGAAGAA	TTATGAAAAA	AATTAGAGCA	GCTAAAGCTA	AAGAAAGCTC	TAGAAAAACA	1980
GAATAGTGT	TACAACGATC	CAGCAATACA	AGTGCCGAAT	AAAAAAAAG	AAAAAAAAG	2040
GCTCCCACT	CTGCGGAGTA	GCGAGAGTTT	TGTATGCTTT	TTTGAATAT	GTAAAAATTA	2100

Name: 293	Len: 2374	Check: 1094		
3TCAT3CAGT	G33GCGGAGA	ACTGTGCTCT	TTGAGGCGGA	CGCTAGG33C
ACTGCGAGGC	GAAAGT3AGC	GGGGAGCGAG	CATTTCAGAT	CTGCTG33TA
AGCAGCAGCA	TCTGCGCTGC	AAGGCTG3TG	TGTCTCGG3A	CACATACCTC
CACCGAGCTT	TACGGAAGGC	CTCCCTGT	GTGAAGAATT	CCATCACTCA
CT3TTAAAC	TAGCGAG3A	ATATGCGACC	AAAAAGAAGAA	TTGGGATCG
ATTGGCTAAG	AACTGAAAGA	GGTAGCATTG	GAACCATCGA	TG3AAAAAAT
GATCAGATGG	GAAGATG3TT	TGTTGCT3GA	G5GGCTGCTG	TTGGTCTT3G
TACTATGGCT	T3GGACT3TC	TAATGAGATT	3GAGTATTG	AAAAG3CT3T
CAGTATGTCA	AAGATAGAAT	TCATTGACCC	TATATGTACT	TAGCAG3GAG
ACAGTTT3T	CTGCGCATAG	AATCAGCAGA	ACGCTTGTT	TCATGAACCT
33CTCTT3GG	T3A3AATTGG	T3TGACCTTT	GCA3CCATGG	TTGGAGCT3G
CGATTAATAC	CATATGAGCA	GAGCGTAGGC	CCAAAGCATC	TTGCTT33TT
CGTGT3ATGG	GT3CAGT3GT	G3CTCCT3TG	ACAATATTAG	GGGGTCTCT
3GTGCAT3GT	ACACA3CTGG	CATTGTGGGA	G3CCTCTCCA	CTGTGG3CAT

AGTGAAGAT TTTTGAACAT GGGTGCACCC CTGGGASTGG GCTTGGGTGT DEPTTTTGTG 200  
 TCTTCATTGG GATCTATGTT TCTTCCACCT ACCACCGTGG CTGGTGCAC TCTTTACTCA 260  
 GTGGCAATGT ACGGTGGATT AGTTCTTTTC AGCATGTTCC TTCTGTATGA TAOCACAGAAA100  
 GTATCAAGCG TCCAGAASTA TCACCAATGT ATGGAGTTCA AAAATATGAT CCGATTAACT100  
 CGATGCTGAG TATCTACATG GATACATTAA ATATATTTAT GCGAGTTGCA ACTATGCTGG1100  
 CAACTGAGG CAACAGAAAG AAATGAAGTG ACTCAGCTTC TGGCTTCTCT GCTACATCAA1200  
 ATATCTTGT TATGSGGGCA GATATGCATT AAATAGTTTG TACAAGCAGG TTTGGTTGAA1200  
 GTTTAAGA TAAGAAACAT GTCATCATAT TTAAATGTTT TGGTAATGT ATGCTCAGG1300  
 TCTGCTTTT TTTCTGAGAG ATAAATGTCG TAATCTTCT CCAAAATAG ACACACATTT1300  
 TCAATCTCTA TGTTTGAAGT ATTTTAAAT GTTTTGGTGA ATGTGAATG TAAAGTTTGT1400  
 GTCATGAGAA TGTAAGTCTT TTTTCTACTT TAAATTTAG TAGTTTCACT GAGTAACATA1500  
 AATTTAGCAA ACGTGTGTTT GCATATTTT TTGGAGTCCA GAATATTGTA ATTAATGTCA1500  
 TAAGTATTTT GGAGCTTTGG TAAAGGGACC AGTCACTTGC AGTCTTTTGT1600  
 TTTTAAAT ACTTAGAAGT TAGCACTTGT GTTATTGATT AGTGAGGAGG CAGTAAGAAA1600  
 CATCTGGGTA TTTGGAAACA AGTGGTCATT GTTACATTCA TCTCTGTGAG TTAACAAAAC1700  
 TGTTCATCTT GAAACAGGCA CAGGTGATGC ATTCTCCTGC TGTGCTTTCT CAGTGTCTCT1800  
 TTTCCAATAT AGATGTGGTC ATGTTTGAAGT TGTACAGAAT GTTAATCATA CAGAGAAATCC1800  
 TTGATGGAAT TATATATGTG TGTTTACTT TTGAATGTTA CAAAAGGAAA TAACTTTTAA1900  
 ACTATTCTCA AGAGAAAATA TTCAAAGCAT GAAATATGTT GAAATATGTT GCTTTTCTCA GAATACAAAAC1900  
 AGTATATCTA TGAATTGCTA AGTGTTTTTT TATTTTGGCA TATTTATGTA ACTGTCTAAT2000  
 TGAATACAGC TTGCTCTTGT CACCTCTTCA AGCTTTTCAAG CCTTTATAGA AAAGCTTCTT2100  
 TGTGGGCTAC ACTGGAAAT ATGAAAGCAG TTTTCTCCT AAGACTTTTG GTTTCTCGCA2100  
 TTGCTCTCA GACTAAGCAC TAAAAAGCAA AGCAAAACAG AACTAGTTCT GTCTTAATGA2200  
 AATATATCAA CCAAAAGTG TAATGAGGAA AATGCTTCAT TAGTTTCCCT TAGCAGACTT2200  
 TTAATCTCT TACACTGCTA CACCATTAAT TTCTTGAGAC ATTTGTAAAT CCTTTGATAC2300  
 AGAAGAGTTA TATTTAGGAG GCTTTAATGA AGGG 2374

Name: 299

Len: 5112

Check:

15A6

GTAGCTGGGG TGAGGCCGTC GTCGCCGCAC GGGCTGGTGG GGGCTGTCTC TGTGGGAGGC 60  
 GCGGGGGTGA TGGGGGTGGA GACTCTGTCC CCGGACTGGG AGTTTGAAGT CBTGACGAC 120  
 GGCTCGCAGA AAATTCATGC CGAAGTCCAA CTTAAGAATT ATGGGAAT TCTTGAGGAG 180  
 TATACCTCTC AACTGAGAAG AATTGAGGAC GCTCTGGATG ACTCAATTGG AGATGTTTGG 240  
 GATTTCAATC TTGATCCTAT AGCATTAAAG CTTTGTGCTT ATGAACAGTC CTCTCTTTTG 300  
 GAACCTATAA AGACTGAAAA CAAGGTCTTA AACAAAGTCA TCACTGTGTTA TGCTGCACCT 360  
 TGTGTGAAA TCAAGAAATT AAAATATGAG GCTGAAACTA AATTTTACAA TGGTCTCTTG 420  
 TTTTATGGAG AAGGAGCTAC AGATGCCAGC ATGGTGGAAG GTGATTGCTA AATTCAAATG 480  
 GGGAGATTTA TTTCATTCTT ACAGGAAGTG TCTTGCTTGT TTACGAGGTG CTATGAAGTG 540  
 GTGATGAACG TAGTCCACCA GTTGGCTGCC CTCTATATCA GTAACAAAT TGCACCCAAA 600  
 AITATAGAGA CAATCTGGAG TCATTTTCAG ACTATGTATG AGCACTTGGG AGAAGTCTA 660  
 ACAGTTTTCG TCACCTGGGA TGAAATTATT GATAATCATA TCACACTGAA AGACCACTGG 720  
 ACTATGTACA AAAGGTTACT GAAATCTGTC CATCACAATC CTTCAAAAT TGAATTCAG 780  
 GAAGAAAAAT TAAAGCCATT TGAAAAGTTC TTGCTGAAGC TAGAAGGGCA ATTACTGGAT 840  
 GSAATGATAT TCCAGGCTCG TATAGAACAA CAATTTGATT CTCTCAATGG AGGAGTATCT 900  
 GTTTCAAAAA ATAGTACTTT TGCTGAGGAA TTTGCACATA GTATTGCTC AATTTTGTCA 960  
 AATGTAGAAG CCAACTTGG AGAAGCTTCT GAAATTGACC AGAGAGACAA GTATGTTGGA1020  
 ATTTGTGAC TCTTTGTAAT GCACTTTTCA ATTTTTCGAA CTATTGATTA AAGTTTAT1080  
 AAGTCTTTAT TGGACATTTG TAAGAAGGTA CCAGCCATCA CTCTAACTGC TAATATTATT1140  
 TGGTTTCTCG ATAATTTTCT GATCCAGAAA ATACCAGCAG CTGCAAAAT GCTAGACAGA1200  
 AAAAATCTTC AAGCCATTAA AATACACAGG GATACTTTTC TACAACABAA AGCTCAATCA1260  
 CTTACCCAAAG ATGTACAGTC TTACTACGTC TTTGTGAGCT CATGGATGAT GAAAATGGAA1320  
 TCTATTTTGT CTAAAGAGCA GAGAATGGAT AAATTTGCTG AAGATCTTAC CAATAGATGT1380  
 AATSTTTTGA TATAGGGCTT CTGTGTATGCA TATAGTATTA GTACCATTA TAAAACACAA1440  
 ATGAATCTCT ACATSTCCAT GCAAAAGCCA ATGACCAAAA CCTTAGTTAA CGCATTTGTG1500  
 AGGCTTGTGT AACTTCTCAA GGCAATAGAG CATATGTTCT ACAGGAGAGG CATGGTTGTG1560  
 GCTGATTCAG TTTCAATAT AACACAGCAC CTTCAACATC AGGCTCTTCA TTCTATTTCT1620  
 GTGGCCAAAG AAAGAGTGAT TTCTGACAAA AAATACAGCG AACAGGCTCT TGATGTGCTG1680  
 TCTGCTCTAG TTTTGGCTGA AAACACTCTA AATGGACCAA GCACAAAGTA ACGGCGACTT1740  
 ATTTGTTCTT TGGCACTAAG TGTGCGCACA CAAATGAAAA CATTTAAAGA TGAAGAACTG1800  
 TTTGCACTTC AAGTAGTCAT GAAAAAACTG GATCTTATTA GTTAACCTAG AGAAGAGTCT1860  
 CAAACACAAAT GTGACTGTTC TTTTATATC TGGCATCGAG CTGTCTTCTC AATTTATTTA1920  
 SATSATSTAT ATGAAAATGC TGTGATGCA GCCAGATTAC ATTACATGTT CAGTCTTTG1980  
 CCGACTGTG TACCTGCTAT GATGCTATG AGGCATTTAG AGTCTTATGA GATACTTCTG2040  
 GATTGCTATG ACAAGGAAAT TATGGAATTT TAAATGAGC ATTTGCTGGA CAAATATGCT2100  
 AAAGAAATAG AGAAAGATCT GCGACTTTCT GTGCTACTCT ATTTAAAGCT GGATGACCGA2160

AACGCTTTTAA AAGTTGGCAT GAAAGACATG GATGTTTTTT TCTCTCTGAA TCCAAATTCGGG1220  
 TTTTTCATTC GTTTCATTGA CATTTCGGGCT TACGTAACTC ACTACCTAGA CAAGACTTTG22-0  
 TACAATCTAA CAACTGTAGC CCTTCATGAC TGGGCCACTT ATAGTGGAT GAGAAACTTA2340  
 GCTACTCAGC GTTATGGACT GGTATGACA GAGGACATC TDDCAGTCA GACTTTGGAA1400  
 CAGGGGCTTG ATGTTTTAGA AATTATGAGA AACATTCATA TATTTGTGTG DGGATACCTC1460  
 TATRAATCTCA ACAATCAGAT TTTTATTGAA CGAACCAAGCA ATAACAAGCA TTTGAATACT2510  
 ATTAATATTG GGCATATTGC TAATTCAATT CGAACACATG GUAAGG3AAT TATGAATAC2550  
 ACTTTTAATT TACCTACCA GTTTTTGAAA AAGAAGTTCT AFATATTTAG CCAATTTAT31640  
 TATATGAAAC ACATCAAAAT CAGATTGATT AAGACATTC GATTTTTCAG G3AAATTA32100  
 GACCAAAATG ATCATAAGIA TCCTTTT3AT AGAGCAGAAA AATTCATTCG AGGCATCAG2740  
 AAACCTTGAA TAACACCTGA GGGACAGAGC TACCTTGATC AATTCAGGTA ACTCATCAG2820  
 CAGATTGCTA ATGCTATGGG CTATGTAGCA ATGATAAGAT CTGGTGTCTT TCATTGTAGC2880  
 AGCAATGCCA TTAGATTTGT TCCTGATCTT GAAGATATTG TAAATTTTGA AGAACTAGTA2940  
 AAAGAAGAAG GTCTTGCAGA AGAAACATTA AAAGCAGCAA GGCAATTTGGA TTCAGTCTC3000  
 AGTGATCACA CAGGAAATTC TGCCGAAGGC ACAGAAATATT TCAAAATGCT TGTAGACGTT3060  
 TTTGCTCCAG AATTTCGAAG GCCAAAGAAT ATACATCTCC GAAATTTCTA TATAATTGTT3120  
 CCCCTCTGTA CCTCAACTT TGTAGAGCAT TCCATTAGTT GCRAAGGAAA ATTAATAAAA3180  
 AAAAATGAAA TTGGAGCTGC CTTTACTGAT GATGCTTTG CCATGGGT3T GGCTTACATT3240  
 CTAAGGCTTT TGGATCAGTA TCGGGAGTTT GATTCACTTC ACTGCTTCCA GTCTGTTAGA3300  
 GAGAAATACC TGAAGGAGAT AAGAGCAGTT GCTAAGCAAC AGGACTG3A TGTCTATCTA3420  
 CAAGATGAAA AACTCTTACA AACCATGAAT CTCACCTCAGA AGGACTG3A GAATTTTCTT CAGAGCAGAC3480  
 CAGGAATTTG AATTGCTGTA TTTCTCACTG AGCAGTGCAA GAATTTTCTT CAGAGCAGAC3480  
 AAGACTGCGG CTGAAGAAAA CCAAGAAAAA AAAGAGAAGG AAGAAGAAAC TAAAACAAGC3540  
 AATGGAGACC TGTCTGACAG CACTGTGTCT GCTGATCCTG TTGTGAAATG ATACGATGG3600  
 TATTCACCTGC ACATATGATG AAATCATCAG AATTGTTAAA ACTTTTGCCA GTGGAATGA3660  
 TAACTATTG ATGAATTGTT TCCTGGGTCA CATCTCTGGA AAATAGATGT TACAGTTCTT3720  
 AAAGGCGAGTG CTTTAAAGTG AAGTTCATTG TGTTCCTAAA GGCTCTACTT TCAAAGGTTA3780  
 AGAATGAGAT TTTAAATTTG GATTTTGGCC TGGACTTGAG GGTACAGAT GTTTCTATT3840  
 GAAGTGAAGT TATAAAAGG CAAATCCAGA TTCATAAACT ATCACCTCGG ATTTCTT3890  
 ATCTACATGT TTGTAATTTG TATTTGCATA GATCTTTGAT CTATAGTTAT TTCAAGTCAT3960  
 GGGAAATTC AATGATATAC TATATACAGC CAGTAAATAC ATGCTTAACTA AAAGGAATGA4020  
 GCTGAAAGT CATAAAGAAT ACATATCAAT ATTCTTATAA AAGGAATATA TGAAGATGG4080  
 TTTGATACTA GAGGTGAGGC ACAAGTGTG TATGTACTCT CAGTGTACAG TATAACTGAT4140  
 GATCCTTCTT TCATTGTTAA TTTCATGIGA CTCACAAGAG CTGCTGATGT CTTTGATGAG4200  
 ACATTTTATA ACTAGTTTAC ATTGCTTTGA GAACATTTAA CCTCCAACAG CTGCTTTAAA4260  
 TTTAAGATTT ACTTAATACT CAGAAAATTC AGATAAAGCC ATAGAGTCTT GTTTGAAGCT4320  
 TCACTTCTAT TTTGGTTGAA GGCATGATGT ATGATGTCAG AAAAAAAT GAATGAATTA4380  
 TTTCTADATC CAACTCAGG TTTCTTCTAC ATTAGATTGA ATTGAAATTT TGGTGATGTT4440  
 TTGGGTAGAC TTTTTTTTTA TATCAAGTAT AATTTAAAPC ATCAGATTAA ATAATTACAC4500  
 TGTTCA3CT TTTAAAAAAA TACCCTGTG AGAATAAAGC GCTAGTAAGA TACATCACT4560  
 ACTGATTTTA AAAATACAGA AAGATTTTGA GTAAATTTTG TGCCAGCAA GCTGTTA3TT4620  
 TTATTTTGT AAAGGTATGT AAGTTATTAA ATGGTTAATC ATGGCCTTTT AAAAAATAAA4680  
 TAAAGTGATA CTTTACAAAT GAAGACAAAA GTTTAAACT TTCTAATACA AACACCATTT4740  
 TGGGAATGC TTGATTTTTT TCTATTGCAT TTGTCTGCTA AACATTTCTT TGGATAAATC4800  
 TGGCAATAC TTCTAACATT ATTCTTGTAT TCCAGCTTTT AGAATGGGTG TACAATGCC4860  
 TTTTGTACT TAATGGTTAG GGTACAGGTA AOTTGCCAGC CCAAGATAAA TACTTTAATC4920  
 TTTAAAGTC AGAAGAGACA GAATATGTAG GAAATTTTTT TTGTTTTATA TGTAACAT34980  
 TTTACAGAA TATGACAG TGGATAGATT AAAGGCATTT AATATTTGTA ATTCATAATA5040  
 ACTGTAGAAA TGGCCCTAAA GCATGCTGCA TAATTAATAA TTTATATTTT CATTTATTA5100  
 AGTGTTTATA TT

Name: 3 Len: 360 Check: 1EBA  
 GGCACGAGGC ATAGG3CTCG GCGTG3TTTC A2AGGTGGTT TCTTGGGCAA GATGGG000A 60  
 CTTTCAAGTA TTCTGGGATC AAGTTCAAGT GCTTTGAATT TGTATTGTTT CAATTTCTG3110  
 AGTCTCTCAG CCTCCAGCTC TGCTGTACTT TTGTAGGTCA CAGCCCT3CT ACGTGTGTTG130  
 TTTTSCAGTA CAGGAGTCTG TGGGTCTCTG CAAATCTTGG TCACAGAA3A TTTGGAGGGT240  
 AACAGGTTAA TATCATCTT CTTG3CTCTT CAAATGATAT CTGTTAGGG3 TTCSTTTAT3300  
 GAACTCTTCA ACTTGTCTGT CAAGGTGGGC ACATNATGTA GAAACTGTTT CANCAATGT3360  
 Name: 30 Len: 477 Check: 1EA7  
 CCAGTGTCTT AGTTACATTA ATGAGAACAG AAACATAAAC TATGACCTA3 GGGTTTCT3T 60  
 T33ATAGCTT GTAATTAAGA ACGGAGAAAAG AACAAACAAAG ACATATTTT3 CAGTTTTTTTT120  
 TTTCTTTACT TAAACTCTGA AAACAACAGA AACTTTGTCT TCCTACTCTT ACATTTCTAAA130  
 CCBATGAAAT CTTTAAACAGA TTCACTTTA AATATCTACT CATCATTTTC TCTCTCAGAG240  
 TCCTAGCTTG AGTTGCACTG CATGTATCNT GTGCATCTTG TTCTCTCAT TTAATGCTGT300

ACTGTTCTGTT TGAAGTCTGAA GGAAGTATCT TGAGAGATGT AATGAAATGA AAGCGTGGT360  
TTAATTTGCG TACTGTTTAA GAGAGTANTT TCATAATCAA TGATGAGTTC ATAGAGAAAC120  
TAASTTTTAT GAACCTGAGC TCTTTTATGG TTAATACGAC TAAGCAAGAA TNGA3GG 177  
Name: 100 Len: 4834 Check: F35

GATGTGAGAG TGSGGTGCGT GCAGTCTGAT AACAAAACGA GAAAGATTAT GGAACATGGG 60  
GGGCGGACCT TCATCAATGG CTTTGTGACT ACACCCATGT GCTGCGGCTC AGGTGCTGCT 120  
ATGTTTATCT GGAAGTATGT GCACAATCAC AATGTCTACA CCAACAAACGA GAACTGCTCT 180  
TCTGCTGCTT GGTAGGCTAT GGTAGAGCTT CGGATTTTGT CTGTATATCT TAACAAACAT 240  
GGCTAAGAAA CAGCTTTTCT TGGAAATATC CTGATGAAAT ATAATGGGAG CTATATGCTC 300  
CCTGGTGGCT GAGAAATGGT TGGATTAATC AAGAAATCTC GCTTCTATAA ITATCTGTT 360  
TCTGTAATG GCATCRAAGA AAGCTATGGA TCTGATTATG CAAAGGACTA CTTTACAGAC 420  
TTAATTAATA ACAGAGGCTT TAATTACTTC AAAATGCTTA AGAGAAATGA TCCCATAGG 480  
CGCGTTATGA TGGTGAATGAG CCAGGCTGCT CCGCAGGGCT CCGAGGACTC AGCTTCACAG 540  
TTTTCTAAAC TGTACCCCAA TGCTTCCCAA CACATAACTC CTAGTTATAA CTATGCACCA 600  
AATATGGATA AACACTGGAT TATGCAATAT ACAGGACCAA TGCTGCGCAT CCACATGGAA 660  
TTTACAAACA TTCTACAGCG CAAAAGGCTC CAGACTTGA TGTCAGTGGG TGATTCTGTG 720  
GAGAGGCTGT ATAACATGCT CGTGGAGAGG GGAGGAGCTG AGAATACTTA CATCATTTAC 780  
ACCGTGGAGC ATGGTTACCA TATTTGGTAG TTTGGAGCTG TCAAGGGGAA ATCCATGCTA 840  
TATGACTTTG ATATTGCTGT GCCTTTTCTT ATTGCTGGTC CAAGTGTAGA ACCAGGATCA 900  
ATAGTCCGAC AGATGCTTCT CAACATTGAG TTGGGCGCCA CGATGCTGGA TATTGCTGGG 960  
CTCGACACAC CTCTGATGT GAGCGGCAAG TCTTCTCTCA AACTTCTGGA CCCAGAAAAG1020  
CCAGGTAACA GGTTCGAAAC AAACAAGAGG GCCAAAATTT GCGGTGATAC ATTCCTAGTG1080  
GAAAGAGGCA AATTTCTACG TAAGAAGGAA GAATCCAGCA AGAATATCCA ACAGTCAAAT1140  
CACTTGGCCA AATATGAAG GGTCAAAGAA CTATGCCAGC AGGCGAGGTA CCAGACAGCC1200  
TGTGAACAAC CGGGGCGAGG GTGGCAATGC ATTTAGGATA CATCTGGCAA GCTTGAAT1260  
CAGAGGTGTA AAGGAGGAG TGAAGTGTCT ACAGTCCGCG AGAGCAGGCG GAACCTCTAC1320  
GCTGCTGGCT TCCATGACAA AGACAAAGAG TGCAGTTGTA GGGAGTCTGG TTACCGTGGC1380  
AGCAGGAGCC AAAGAAAGAG TCAACGGGCA TTCTTGAGAA ACCAGGGGAC TCCAAAGTAC1440  
AAGCGCAGAT TTGTCCATAC TCGGCGAGCA CGTTGCTTGT CCGTCCGAAT TGAAGGTGAA1500  
ATATATGACA TAAATCTGGA AGAAGAAGAA GAATTGCAAG TGTTGCAACC AAGAAACATT1560  
GCTAAGGCTC ATGATGAAG CCACAAGGGG CCAAGAGATC TCCAGGCTTC CAGTGGTGGC1620  
AACAGGGGCA GATGCTGGC AGATAGCAGC AACGCGGTGG GCCCACCTAC CACTGTCCGA1680  
GTGACACACA AGTGTTTTAT TCTTCCCAAT GACTCTATCC ATTGTGAGAG AGAAGTGTAC1740  
CAATCGGCCA GAGCGTGGAA GGACCATAAG GCATACATTG ACAAAGAGAT TGAAGCTCTG1800  
CAAGATAAAA TTAAGAATTT AAGAGAAGTG AGAGGACATC TGAAGAGAAG GAAGCCTGAG1860  
GAATGTAGCT GCAGTAAACA AAGCTATTAC AATAAAGAGA AAGGTGTAAA AAAGCAAGAG1920  
AAATTAAAGA GCCATCTTCA CCCATTCAAG GAGGCTGCTC AGGAAGTAGA TAGCAAAGT1980  
CAACTTTTCA AGGAGAACAA CCGTAGGAGG AAGAGGAGA GGAAGGAGAA GAGACGGCAG2040  
AGGAAGGGGG AAGAGTGGAG CCGCTGCTGG CTCACTTGCT TCACGCATGA CAACAACCAAC2100  
TGGCAGACAG CCGCTTCTG GAGCTGGGA TCTTCTGTG CTTGCAAGAG TTCTAACAAT2160  
AACAGCTACT GGTGTTTGGG TACAGTTAAT GAGACGCATA ATTTCTTTT CTGTGAGTT2220  
GCTACTGGCT TTTTGGAGTA TTTTGTATAT AATACAGATC CTTATCAGCT CACAAATACA2280  
GTGCAACCGG TAGAAGGAGG CATTTTGAAT CAGCTACACG TACAACATTA GGAGCTCAGA2340  
AGCTGTCAAG GATATAAGCA GTGCAACCCA AGACCTAAGA ATCTTGATGT TGGAAATAAA2400  
GATGGAAGAA GCTATGACCT ACACAGAGGA CAGTTATGGG ATGATGAGG AGGTTAATCA2460  
GCCCGCTCTC ACTGCAAGCA TCACTGGCA AGGCTAGAG GAGCTACACA GTGTGAATGA2520  
AAACATCTAT GATACAGAC AAAACTACAG ACTTAGTCTG GTGGACTGGA CTAATTACT2580  
GAAGGATTTA GATAGAGTAT TTGCACTGCT GAAGAGTCA TATGAGCAAA ATAAACAAA2640  
TAAGATTCAA ACTGCTCAAA GTGACGGGTT CTTGGTTGTC TCTGCTGAGC AGCTGTGCT2700  
AATGAGATG GCTCTGCTG ACTCAGATGA AGACCCAAGG CATAAGGTTG GGAAACACCA2760  
TCATTTGACC TTGGCAGCTG ACCTTCAAC CCTGCAATTTG AACCGACCAA CATTAAGTC2820  
AGAGATGAAA CTGGAATGGA ATAACGACAT TCCAGAAATT AATCATTTGA ATTCTGAACA2880  
CTGGAAGAAA ACCGAAAAAT GGTGCGGCGA TGAAGAGACT AATCATCTGG AAACCGATT2940  
CAGTGGGAGT GGCATACAG AGCTAGAGCT CGGCGCCAGC CCGAGGCTGC AGCCCATTC3000  
CAGGCAACCG AAAGAACTTC CCGAGTATGG TGCTGCTGGA AAGGACATTT TTGAAGATCA3060  
ACTATATCTT CCGTGTGCTT CCGATCGAAT TTCAGTTCAT CAGATGTTCA CCATGGGCA3120  
CCTAGAACAC CAGAGTAATT CCGACATAAG GGGGAAGATG TTGACCAAGG TCTCTTCTAC TCTCTCTGA3180  
TCAAGAAAAG GAGAAAGTCA AGCACTAGA AGGCAAGGCT TCTCTTCTAC TTTTAACTTT TTTATTTGA3240  
TTAGATGAAA CTGTTAOCCT ACCCTAAACA CAGTATTTCT TTTCAAGCTA CTTTGTGCA3300  
AATTAATAAA GGTAAATCACA GGTACCAACA TTCCAAGCTA CCGTGGGTAC CTTTGTGCA3360  
TAGAAGCTAG TGAGTATGTG AGCAAGGCTT GTGCACAGG AGACTCATG TTATAATTTA3420  
CTATCTGCCA AGAGTAGAAA GAAAGGCTGG GGATATTTGG GTTGGCTTGG TTTTGAATTT3480  
TTCTTTGTTT GTTTGTTTTG TACTAAAAACA GTATTATCTT TTGAATATCG TAGGGACATA3540

AGTATATACA TGTATATCCAA TCAAGATGGG TAGAATGGTC CCTTTCTGAG TGTCTAAAG3800  
 TTGACACCCC TGTAAATCT TTCAACACAC TTCCACTGCT TCGTAATGA AGTTTTGATT2460  
 CATTTTTIAC CACTGGAATT TTTCATATTC GTCATTTTCA GTTAGATGAT TTTGCACTTT3720  
 GAGATTAAAA TGGCATGTCT ATTTGATTAG TCTTATTTTT TTATTTTTAC AGGCTTATCA3730  
 GTCTCACTGT TGGCTGTCTAT TGTGACAAAG TCAAAATAAAC CCCCAGGAC GACACACA3730  
 ATGGATCACA TATTGTTTGA CATTAAAGCTT TTGCCAGAAA ATGTTGCTAT TGTTTTACCT3900  
 CGACTTGCTA AAATCGATTA GCAGAAAGGG ATGCTAATA ATGTTGCTGT TGAATAA3800  
 TAAATAAGTA AACAAAATGA AGATTGCTGT CTCTCTCTGT GCTAGCTCT AAAGGCTT3800  
 TCATACATCA TACCTTTAAG ATTGCTATAT TTTGGTTAT TTTCTTACA GAGAAAAG3800  
 ATCTAAAGAT CTTTTATTTT CATCTTTTTT GGTTTTTCTG GCTAGCTCTA GAGCTTAA4140  
 TGTTCATARA ATATGACTAG TTTTGAATTT ACACCAAGAA CTTCTCAATA AAAGAAAATC4200  
 ATGAATGCTC CACAATTTCA ACATACACAC AGAGAAATTA ATTTCTTAAC ATTGTGTT3740  
 ATGATTATTT GTAAGACCTT CACCAAGTTC TGATATCTTT TAAAGACATA GTTCAAAAT4320  
 GCTTTTGAAA ATCTGTATTC TTGAAAATAT CTTTGTGTGT TATTAGGTTT TTAATACCA4380  
 GCTAAAGGAT TACCTCACTG AGTCATCAGT ACCCTCTAT TCAGCTCCCC AAGATGAT4440  
 GTTTTTGCTT ACCCTAAGAG AGGTTTTCTT CTTATTTTTA GATAATTCTA GTGCTTAGAT4500  
 AAATTATGTT TTCTTTAAGT GTTTATGGTA AACTCTTTTA AAGAAAATTT AATATGTTAT4560  
 AACTGAATCT TTTTGGTAAC TTTAAATCTT TATCATAGAC TCTGTACATA TGTTCAAAT4600  
 AGCTGCTTGC CTGATGTGTG TATCATCGGT GGGATGACAG AACAAACATA TTTATGATCA4680  
 TGAATAATGT GCTTTGTAAA AAGATTTCAA GTTATTAGGA AGCATACTCT GTTTTTTAAT4740  
 CATGTATAAT ATTCCATGAT ACTTTTATAG AACAATTCTG GCTTCAGGAA AGTCTAGAAG4800  
 CAATATTTCT TCAAAATAAAA GGTGTTTAAA CTTT 4834

Name: 301

Len: 4112 Check: 13B5

CAAGGCGGCT	CGGACTCGGT	CCGAGGTGCG	CGGGCGGGCG	GCGGC3GGCT	CGCGCGGGGG	60
CCCCGGGGCG	CGGGCGGGCG	CAGTACGCTG	CGCGCGGAAC	CACGCCACCG	CCAGGAGCCC	120
AGAGCAGGCG	CGCCACACTG	CCGAGGGGTC	GGCCCTCGGT	CCCGGGCGCTC	GGAGCGCG3C	120
GGCTGCCTGG	GCTTTAATGG	CTGCTCGGCG	GAGCAGCGCC	TAGGGCTGGA	A33CGGCT3C	240
GGCTCAGGAA	GTCACCGGAG	CAAGCCTCCT	TGGGGCGGCG	CGGCACCC3C	CGCGCGCG3C	300
TCCATGGGGG	CGCGCTCCCC	CGGGCGGGCG	CGCTGACCGG	GGACGCCGGG	GGCGGCTC3C	360
TGGCGGGGCG	CGCGTCCCGG	CCATGAACTG	AGCCCGCGGG	CCAGCCCCCG	GGCTGCTCCG	420
CGCGCGGCTT	TCTTCTCGCG	CCTCCTCGCG	CGCGCGGGCG	CGGGCGCG3C	TCCCGGGGGG	480
CTGGCGGGCG	CGGGGCTCGG	CGGCCCGGGG	GCGCGGGGCG	GCGGGGCG3C	GGCGGGGG3G	540
GGCGCGGGCG	TCCGGGCGCG	GCGCCTGCAC	CATGAACCTA	CAGCAGCAGC	TGGCCAACTC	600
GGCTGCCATC	CGGGCCGAGA	TCCAGCGCTT	CGAGTCGGTC	CACCCCAACA	TCTACTCCAT	660
CTACGAGCTG	CTGGAGCGCG	TGGAGGAGCC	GGTGTCTCAG	AACCAGATCC	GGGAGCAC3T	720
CATCGCCATC	GAAGATGCCT	TGGTGAACAG	CCAGGAATGG	ACGCTGAGTC	GATCTGTCCG	780
GGAGCTCAAA	GTGGGAATTG	TGGGTAACTT	GCCAGCGGCG	AAGTCTGCCC	TGGTGCACCG	840
GTACCTGAGG	GGCACATATG	TCCAGSAGGA	GTCTCCGGAA	GGTGGCAGGT	TCAAGAAAGA	900
GATTGTGCTT	GATGGACAGA	GCTATCTGCT	GCTGATCAGA	GATGAAGGGG	GGCCCCGGGA	960
GGCGCAGTTT	GCCATGTGGG	TGGACGCTGT	TATATTTGTC	TTCAGCTTGG	AGGATGAAAT	1020
AASTTTCCAG	ACCGTTTACC	ACTACTACAG	TGSAATGGCC	AACTATCGGA	ACACGAGCGA	1080
GATTCCTCTG	GTCTGTGGTG	GAACCCAGGA	TGGCATAAGT	TCTGCTAAAC	CGAGGGTCAAT	1140
CGATGACGCG	AGGGCGSAGGA	AGCTCTCCAA	CGAOCCTGAA	CGGTGCACGT	ACTACGAGAC	1200
GTSTGCTACA	TACGGGCTGA	ATGTGGAGAG	GGTCTTCCAG	GACGTTGCCC	AGAAGATTGT	1260
TGCCACAAGG	AAGAAGCAGC	AGCTGTCCAT	AGGACCCCTG	AAGTCGCTAC	CTAATTCTCC	1320
CAGCCATTCC	TCCGTCTGTT	CGCGSCAGGT	GTCTGCCGCT	CACATCAGCC	AGACAAGTAA	1380
TGGAGGTGGG	AGTTTAAAGG	ACTATTCCCT	CTCGCTTCCA	TGACTTCCA	GCATCAGCCA	1440
GAAGGAATTT	CGGATCGATG	TTCTCTCCAC	TGCCAAGCAG	CGCACGCCCC	TTCCGAAGCA	1500
GTCTAAGGCG	CGGTCCAAAC	TGTTCAACCT	TGGAAGAGGG	AGCGACCCAG	ACAAAGAGAA	1560
GAAAGGCTTG	GAGAGTCGTC	CGGACAGCAT	TGGGAGCGGC	CGAGCCATCC	CAATTAAGCA	1620
GGGCTATGTC	TGGAAGCGAA	GTGGCAAAAT	GTGAAATAAA	GAGTGGAAAA	AGAAATATGT	1680
TACCTGTGCT	GACAATGCGG	TGCTGACCTA	TCATCCCACT	TTACATGATT	ACATGCAGAA	1740
TGTTCACTGT	AAGGAGATTG	AGCTTCTGAG	AACCACTGTC	AAAGTCCCGG	GGAGAGGGCT	1800
AGCTCGAATC	ACGTCAGCCT	GCGCAACCAT	CTCCAGCCCT	AAAACCAAAT	GCCTATCCAA	1860
GGACATGAGC	AGTTTACACA	TCTCACCCAA	TTCAAGACAA	GGGCTGGGTC	ACTCCGTATG	1920
CTCCAGCCCG	AGTATCTCCA	GCACCAACAG	CCCCAAGCTC	GACCCGCTCC	CCTCCCTTCA	1980
TGCTAAGACA	AAGAAGCACC	GAAGGAAGAA	AACTCACTAG	AACITCAAAAG	CGGACGGGCT	2040
GTCTCGCACT	GCTCAAGAAC	AAGAAGAAAA	TTTTGAGTTT	ATCATTGTGT	CCCTCACTGG	2100
CTCAACATGG	CACCTTTGAG	CCACGACGTA	TGAGGAGCGG	GACGCTTGGG	TCCAAGCCAT	2160
CGAGAGCCAG	ATCTTGGCCA	GCTTGCAGTC	GTGGGAGAGC	AGCAAGAAAT	AGTCCCGGCT	2220
GATGAGCCAG	AGCGAGGCCA	TGGCCCTGCA	GTGGATCGGG	AACATGCGCG	GGAACTCCCA	2280
CTGTGTGAGC	TGGGAGACCC	AGAATCCCAA	CTGGGCGAGT	TTGAACTTGG	GAGCCCTGAT	2340
GTTCATCGAA	TGCTCAGGGA	TCCACCGGAA	TCTTGGCACC	CACCTTTCDC	GAGTCCGATC	2400



TCTGGACCTTG	ATGACTGSGC	CAATCGAGCT	CATCAAGGTG	ATGTCATCCA	CCGGGACGAA2460
GCTAGCCCAAC	AGCGTCTGTG	AAGAGAGTAG	CCAGGGGGGG	ACGAAACCAT	CCTAGACTC2517
CACAAGGGA	GAGAAAGAAC	GSTGGATCGG	TGCCAAGTAC	GAGCAGAAAG	TCTTCTCTGGC2580
CCCGCTGCTC	TGCAACGAGC	TGCTCTGCGG	CCAGCACTTG	CTGGGGGCGA	CCGCCGACGA2640
GGACCTGCGG	ACGGCCATCC	TGCTGCTGCG	ACACGGGCTC	CGGACGAGG	TGAACGAGAC2700
CTGGGGGAG	GGAGACGGCC	GCACGGGCTT	GCATCTGGCC	TGCGGCAAGG	GSAATGTGGT2760
CTGGGGGAG	CTCTCTATCT	GCTACGAGT	GGACGTCACG	GGCGGAGATG	CTCATCGGAA2820
DACAGCTCTG	GGCTACGCGC	GGCAGGGCTT	CAGCGAGGAG	TGCATCGAGG	TCTCTCTGCA2880
GTATGGCTTG	CCCGACGAGC	GCTTCTGTCT	CATGGGCACT	CTTAACCTCT	CCAGGAGAA2940
CAATAACCTG	AACAACAGCA	GTGGGAGGCT	GCCCACTATC	ATCTGAGGAA	CACTCTGTCT3000
CGCTCTGCTG	CGGCACCTGG	GACGGGGGAG	CCTCGCGGCA	TCTCTCTCTA	GAACTCGCAG3060
CACGTGAGTG	CGCTCTGATC	CCCTCTCTCT	TCTTGGTGGC	CACCTCTCTC	CGGCCACCTC3120
ACTCTCACTC	CAAAACAAAT	CACAAACCTT	GGACATCCCT	CAAGGGGGCA	AGAGGGCGGC3180
GGGAGACTGC	AGAAGTGGCT	CCTTTTCTAT	AACCTCCCTA	AACCGACACG	AGGAGAGAGC3240
GACGGGGCTC	GGCCCTTTGA	TGATAGCACA	TGGCGCAGGA	CCCTTGTCTT	GCTGGCACA3300
GGGATGGGGA	CGCGAGGGGG	AGGGGAGGGG	AGGAACAAGG	AGAAGGGGCA	ACTTTCTCTA3360
ACTGGCAGTT	GAGCACATAG	TACATTTCTC	CTCTACCAAA	CGGAACACTT	GATTTCCATC3420
TCTTCTCTGA	GGAGCTCGAC	GGCATAAATC	AGAAGCAAGC	ACAGAGTTTG	TGAGTTTGA3480
AGCCCTCTATG	ATGGTGTGTG	TCAAATCAGT	TGTAGCTAAT	CTGTCCAGGG	AGAATACTGG3540
CTTCATTACA	CTTGTACAGC	CGAGTTCTTC	CCGCATTACT	GCTGTTTAAAT	AGAACGTGAT3600
TAGTCATCGC	CGAGAAGAAA	GCATATTAGC	CGAGGAGGTA	GTCACGCGGC	ACGCGCGGCT3660
GATTGCCAGG	ATGTGATTGC	AATACTCTTA	GAAGCACCAT	ATTATCCAG	ACATGTTCTT3720
TCAAGCCCTT	GGAGCCCTCT	CTAAATTCAC	TGTCATCATT	TAGTATCTGT	TTAATTTTTC3780
AGTCCAAAGA	GAGGAAATCA	GTCGCTGAGT	ATTATTTGAC	TCCGGTCTCT	TTGGTGCAAA3840
AACAAATAGG	GAAAAATATA	TAAGAATAAC	TCAGAAACTC	AAAAGGAAAC	CACAAATTC3900
GCTAATAATA	GCATTTCCAG	TATATTTCTG	AACTAAGGA	AATACACAAA	AGGCTGTTTT3960
TTTCCGACTG	TAAGAGATAT	TTGATGTCTT	TTTGCCGAGG	TGGATGTGTT	AGTCTCAGGC4020
CCTCTCTGAC	CACGTTGGCC	AAGTCACACA	GGCTTCTGTG	TTATGTATTT	AGATAAGATG4080
TGTGAAATA	TATTTGAATA	AAAGAAGTTC	AT		4112

Name: 302 Len: 1096 Check: 238D

GGGGGAGCAC	TAGCAGCAGC	CGGAGTCGGG	GGAAAGCACC	CGGGCGCAGC	CGGAGCCGGT	60
GCCGCGAGTG	CGATGGCCGT	GGCCGTGGGG	AGACCGTCTA	ATGAAGAGCT	TCGAAACTTG	120
TCTTTGTCTG	GCCATGTGGG	ATTTGACAGC	CTCCCTGACC	AGCTGGTCAA	CAAGTCTACT	180
TCTCAAGGAT	TCTGTTTCAA	CATCCTTTGT	GTTGGTGAGA	CAGGCATTGG	CAAATCCACG	240
TTAATGGACA	CTTTGTTCAA	CACCAAATTT	GAAAGTGACC	CAGCTACTCA	CAATGAACCA	300
GGTGTTCGGT	TAAAAGCCAG	AAGTTATGAG	CTTCAGGAAA	GCAATGTACG	GCTGAAGTTA	360
ACCATTGTTG	ACACCGTGGG	ATTTGGAGAC	CAGATAAATA	AAGATGACAG	CTATAAGCCG	420
ATAGTAGAAT	ATATTGATGC	CCAGTTGGAG	GCCTACCTGC	AAGAGGAATT	GAAGATTAAA	480
CGTTCTCTCT	TCAACCACTA	TGACACGAGG	ATCCATGCTT	GCCTCTACTT	TATTGCCCTT	540
ACTGGACATT	CACTAAAGTC	CCTGGATCTG	GTCACCATGA	AAAAGCTGGA	CAGTAAGGTG	600
AACATCTATT	CAATAATTGC	AAAAGCTGAC	ACCATTGCCA	AGAATGAACT	GCACAAATTC	660
AAGAGTAAGA	TCATGAGTGA	ACTGGTCAAG	AATGGGGTCC	AGATATATCA	GTTTCCCACT	720
GATGAAGAAA	CGGTGCGAGA	GATTAAAGCA	ACAATGAGTG	TCCATCTCTC	ATTTGCACTG	780
GTGGGCAGCA	CGGAAGAGGT	GAAGATTGGC	AACAAGATGG	CAAGGGCCAG	GCAGTACCCC	840
TGGGGTGTGG	TGCAGGTTGA	GAATGAAAT	CATTGCGATT	TTGTGAAACT	TGCAGAGATG	900
CTGATCGCGG	TGAACATGGA	GGACTTGGCA	GAGCAGACTC	ACACCGGCGA	CTATGAATTG	960
TACCAAGCTG	TAAGCTTGAA	GAGATGGGGT	TCAAGGACAC	TGACCGTGAC	AGCAAAACCT	1020
TCACTCTTCA	GGGGACATAT	GAAGCAAAAA	GGAATGAATT	CCTGGGAGAA	CTGCAGAAAA	1080
AAAAAAAAAA	AAAAAA					1146

Name: 303 Len: 4873 Check: 16D0

GAAGCGAATG	TGATTCTTCC	CCAGAACTGA	AAGCTTTTGC	TCAGACTCTT	AGGCGGAGGA	60
GTGCTTTTTC	ATCATCTCTA	GAGCTCACTA	ACAAGTGTCT	TACCCCTCCG	AGAGAAAGAA	120
CGGGGTGAGA	ATCATGAGTT	GATCAGAAAA	CTGTGGGTCT	GACTCCCTCT	GGGCGAGAGAA	180
GTGGTTCGGG	ATCTCTCTAA	GAAGTTGATG	TGAAACCTCAG	TGCATCCCTT	CAGGAAAGAA	240
GTGAGTCAAG	CTCTCTCTCA	GATTCTAAAG	CCAAGACACG	AACCCCACTT	CGGCGAGAGGA	300
GTGGTCTCTG	ATCATCTCTA	GAGTTTGAAG	AGCAATCTCG	ACTATCCCTT	CGGCGCAGTA	360
GGTCTCTCTT	CTCTCTCTGA	GTGAAAGATA	AGCAAGAGAG	AGCACCACAG	GCAAGAGAGT	420
TTCTCTGATT	CTCTCTCTGA	CTTAAAGCTC	CAGCCCTCTG	GGCCCTTCTC	AGAGGAAGCA	480
GATCAGGTTT	ATCAAGCAAA	GGCAGAGGCT	CTTCTCTCTG	AGGAAGCAGC	AGTACCGAGT	540
CTCTCTCTGA	ACATCTCTCT	AAATCCAGAA	CTGCTCTCAG	AGGTTCCAGG	TCTATCCAGG	600
AGCCCAAGAC	CAAGTCTCTT	ACACACCTCT	GAGCTCTCAG	CTCTCGATCA	TCTCTCGAGC	660
TAACAAGGAA	GGCCAGAGTG	TCCCTAGAAA	CCCGCTCTGC	CTCATCTCTA	CCAGAAACTC	720
GCTCTAGAAC	TCCCTCAAGG	CACCGGAGAA	CTCCCTCAGT	GTCTTCCCTG	GAGCTCAGCG	780





GGAGGGAGTTC GGGATGTCGA GCAFGGGGGG CTGCAAGACC TCTCCCCCTC GGAGGGGGGG 120  
GGGGAGGTC GCGGAGGGG TGGTGGGGG CTGGGGGAG GGGGGATGTA CAAGGGGATG 110  
GGGGTGGGA GGGTGGGGG GAGGGGGATC AACGGGCTAG TGGAGGGGAA GTTGGGGTG 100  
GTGGGGGGGT GGGGGGGTGA GCGGGGCTGAC TACAAGGGAG AGGAGGAACT GGGGGGGGTG 160  
GAGGTTGGCC TGGTGAAGGG GCTAATGCT GACATGCTGG ACCAGGAGGG CAGGGGGGGC 410  
GTGGAGCTGT GATGGCTGGA GCTGGAGGAG ATGATGGAAG AGCAGGGGTA GAGGGGACAG 420  
GAAATTCAGG AAAAGTGGG GAGGTTTGA CTGATGTTGC TGGAGAAGGA TGTGAAGGCT 440  
GGGGTGAAG AGGAGAGGGG AGGGGAGAGG CAGAGGGTCA CAGGAGTCA CTAGTGGGA 450  
GAAATTAATG AGAAGAAGAA TGAAGAGACT GGTGCTGGCT TTGGCATGAG GTATTGTTAC 460  
GTAGATGGCA GCTTTTTTGA TCTTCAGGCT GGTGGGGGAG AAGCTAAACA ACCAGGCTCT 720  
GAGGCTGGCA AACCTTACAG GCTTGTTCGG GAGTCTAGCA GTTCTGGCTC ACCAAGGGCA 730  
AAGGAGGAGA AGAAGAAAAA GAAGAAAGAT AGAGGAGGCA GGTGAGAGAG CAGGCTCTCT 840  
CGAGGGGAGA GAAAGAAAAA CTCAAAGAAG AAGAAGCACA GGTGAGAATC TGAAGTCAAG 900  
AAAGGTAAGC ATAGGTCTCC CACTCCAAAG AGCAAAAGTA AATCTAAGGA CAAAAAGGGA 960  
AAGGGTCTTC GAAGTACAAC ACCAGCCCCC AAGAGCGGCC GGGGGCACGG TTCAACTTCT 1020  
GCTGACTCTG CTTCCTCTCT CGATACCTCC CGCAGTGGGT CTCGAAGTGC TGCAGCTAAA 1030  
ACTGATACAA CTGGCTTGGC TGGGCGAAGT CTTTCCCCCTG CTTCAGGGGG AGGGGGGAG 1140  
GGAGATGGGT TTTTCAGTGA ACCAGGTAAT ACCAGGACAC AACGGGCTAG TAGGGGGGAG 1200  
ACTGCTAGCA AACAGGCTAG CAGGCCCTTAT GAAGACAAAG ATAAAGACAA GAAGGAGAAA 1260  
TCTGCAACTC GAGCTAGGCT CTCTCCGGAA AGGAGGAGCA CAGGGCCAGA ACCACCTGCT 1320  
CCCACTGGGC TCCTTGCTGA GCGACATGGC GGCTCCCCAC AACCCCTTGC AACCAGCCCC 1330  
TTAAGGGAGG AGCCAGTGAA CCCCCCATCT GAGGCTCTCT CAACTCGGGA CGGTTACCA 1440  
CCTAAGTCTC CCGAGAAACT TCCCCAGTCT TCTTCTCTAG AGAGCAGGCC ACCATCCCC 1500  
CAAGCTACCA AAGTTTCTCG GCATGCCAGC GTTCCCCAG AAAGTCTTAA ACCTGCTCCA 1560  
GCTCCAGGGT CCCACCGAGA GATTTCTTCT TCTCCACAT CTAAGAATCG CTCACATGGC 1620  
CGAGGAAAC GGGATAAATC ACATTCTCAT ACCCCCTCCC GTAGGATGGG GAGGTCCTGT 1680  
AGCCCTGGCA CCGCTAAGAG AGGGCGATCT CGGTCTCGAA CCCCTACCAA GAGAGGTCT 1740  
TCTCGATCCC GATCTCCCCA GTGGCGTAGG TCCAGGTCTG CACAGAGGTG GGGAGATCT 1800  
AGAAGCCCCC AGCGACGTGG CCGCTCTAGG TCTCTCAGC GACCAGGCTG GTCTAGGAGC 1860  
AGAAATACCC AGAGAAGAGG CAGGTCTAGG TCAGCAAGGC GAGGGAGGTC CCACCTAGA 1920  
TCCCCAGCCA CTAGGGGTAG ATCTCGTTCT AGAACCAGC CCGGCCGGG CAGGTCCGCG 1980  
TCTAGAACAC CTGCCAGGG GAGATCAGCA TCCAGAATC CCACCAGGGC TAGGTCTCGG 2040  
TCTAGAACAC CAGCCCGGAG GGGCAGGTCT CGGTCTAGAA CACCTGCTAG GCGCAGATCT 2100  
AGGACCCGAT CACCAGTACG ACGCAGGTCT CGTAGTAGAT CACCAGCCAG GAGAAGTGGC 2160  
AGGTGACGCT CTAGAATCCC AGCTAGACGT GGCGGCTCAC GCTCCAGAAC CCCAGCAGA 2220  
CGTGGGCGCT CAGGCTCTAG AACCCAGCT AGAGGCAAGT GTCGCTCAGC CTCCAGAAC 2280  
CCAGCCAGGA GAGGGAGGTC TCGGTCTAGG ACACCAAGAC GAGGAAGATC CCGCAGTAG 2340  
AGCTTAGTTA GAGGTGGAAG ATCTCACTCT AGAATACCTC AAAGAAGAG CAGATCTGGC 2400  
TCATCTTCAG AGCGGAAAAA CAAATCCAGA ACATCTCAA GAAGAAGCAG GTCCAAATTA 2460  
AGCCAGAAAA TGAAGAAATC TCGCATTTCT TCAAGGCGGA GCAGGTCTCT CTCTTCACCA 2520  
CGGTCCAAAG CAAATCTCTG CTTGTCTTTG AGGGCGAGCC TTTCAGGGTC TTCCCATGCT 2580  
CTTAAGCAAA AGTCACAGAC ACCACCCAGG CGGAGTGGCT CTGGATCTCT CCAACCTAAA 2640  
GCTAAATCTA GAAGGCTACC CAGAGGCAAT CGGTCCAGTT CTCTCCGGC ACCTAAGCAG 2700  
AAATCTAAGA CACCATCAAG ACAGAGTCAT TCCAGTTCAT CTCTCATCT TAAAGTGA 2760  
TCTGGAACAC CACCGAGGCA AGGGTCCATA ACAAGTCCCC AGGCCAATGA GCAATCTG 2820  
ACGGCAGAGA GACGGAGGTC TTTGAATGA TCAGCTGACC CTGAGTTGAA ATCTAGGACC 2880  
CCTTCTAGAC ATAGCTGCTC AGGCTGCTCT CAGCTAGAG TGAAATCTAG CACACCTCCC 2940  
AGACAGAGCC CATCTAGGTC ATCATCTCCA CAACCCAAAG TGAAGGCAAT AATATCA 3000  
AGACAAAGAA GCCATTCTGG CTCTCTTTCT CCAAGTCCCTA GTAGGGTGAC GTGAGAGA 3060  
ACTTATGCGC GAAGCAGATC ATATCTGCTC TGGTCCAAAT TGAATCCAG ATTGTTGG 3120  
AGATACAGTC ATTCTGGGTC TCTCTCAACA GATAGCAAG TGAAGCTGTA AATCTG 3180  
AGACAAAGTC ACTGAGGCTC TATTTCACCA TACCCCAAG TAAAGGCTCA AACTGCA 3240  
GGGGCAAGTC TTTCTGGATC AAAGTCAACA TGTCCCAAG AGAAGTCTAA AGACTCA 3300  
GTTCAAGGTT GCGCTGGATC CTTCTCTCTC TGTGGAGGAG TAAAATCTAG CACAGCAG 3360  
GGGAGAGGCT ATTTGGTGT CTGATCTCTC CAAGTGAAG GACAATCTCA AATTTCAT 3420  
GAGGAGAGAT CTGATCTTTC AAGTCCAGAA GTGAGACAGA GTCATTCABA ATCAGTAT 3480  
CTGAGAGCA AATTTAAAC ATCACTAAG GGAGGTGGGT CCAGGTCTTC ATCTGCA 3540  
ACTGAGCTGG CATCCAGATC TCCAATAAGA CAAGATAGAG GTGAGTTCTC AGCGAGT 3600  
ATGTTGAAAT CTGGAATGTC TCTGAGCAG AGCAGGTTCC AGTCTGACTC TTCTTCAT 3660  
CCTACAGTGG ACTGGAATTC TCTTGGGG CAGAGTAGAT TGGAGACTGC TGAATCA 3720  
GAGAAAAAG CCTTACCCCC TCAGGAGGAT GCTACTGCAT CAGCTCTAG ACAGAAAG 3780  
AAATTTAGTC CCTTTCCAGT ACAGGATAGG CCTGAGTCTT CACTGGTATT CAAAGACA 3840  
CTTAGAAGCC CCGCAAGAGA AAGAAGTGCT GCTGGGTCTC CTCAGAAAC AAAAGAGCA 3900

AATACTGAT	TGGCTACGTC	AAGCJAAGAT	GAAGAGTTAA	TGGAGGTGST	ASAGAAGTCT3860
GAAGAAACCG	CAGGSCAAAT	CTGTCTCAT	TTCTCTTCAG	AACTTAAABA	AATGTCCACA4000
AGTAACCTTG	AATCATCTCC	TGAAGTAGAA	GAAAGGCGTG	CTGTGTCTTT	GACTCTTGAT4080
CAGAGCCAGT	CACAGGCTTC	TTTGGAAAGCA	GTAGAAGTCC	CTTCAATGSC	CTCATCTTGGA140
GGTGGSCCAG	ATTTTTCTCC	AJAACATAAA	GAACTGTCTA	ACTCCCCACT	CAGGGAGAAAC4200
AGCTTTGGAT	CACCTTTAGA	ATTTAGAAAC	TCAGGCCCCAC	TTGGTACAGA	AA7GAATACT4260
GGATTTTCTT	CTGAGGTTAA	AGAAATTTTG	AATGGACCGT	TTCTTAATCA	GCTGGAAACA4320
GATCCATCTC	TAGACATGAA	AGAAACAATCG	ACAAGATCCT	CTGGACACAG	CAGTTCTGAG4380
TTATTTCCAG	ATCTAGTGG	AAAGSCAGGG	ATCTTTTCAA	ATCAGAGCAT	CTCTTCACT4440
GTGCTTATAG	CTGTACCCAG	AACAACCTCG	AGAGAAAAGAA	GTAGTTCTGC	ATCTTCTCCT4500
GAAATGAAAG	ATGCTTTTAC	CAGAACTCCA	TCAAGGAGAA	GCAGGTCTGG	GTCTTCTCCA4560
GGACTTAGAG	ATGCTCTGG	GACTCCTCG	AGGCACAGCC	TGTCTGGGTC	CTCTCCTGGA4620
ATGAAGAGATA	TACCTAGAAC	GCCATTTAGA	GGGAGAAAGCG	AATGTGATTC	TTCCCCAGAA4680
CCGAAAGCTT	TGCCTCAGAC	TCTAGGCGCG	AGGAGTCGTT	CTCCATCATC	CCCAGAGCTC4740
AACAACCAAGT	GTCTTACCCC	CCAGAGAGAA	AGAAGCGGGT	CAGAATCATC	AGTTGATCAG4800
AAAACCTGTT	CTCGGACTCC	CCTGGGGCAG	AGAAGTCGTT	CGGGATCCTC	TCAAGAACTT4860
GATGTGAAAC	CCAGTGCATC	CCCTCAGGAA	AGAAGTGAGT	CAGACTCTTC	TCCAGATTCT4920
AAAGCDAAGA	CACGAACCCG	ACTTCGGCAG	AGGAGTCGGT	CTGGATCATC	TCCAGAGGTT4980
GACAGCAAAAT	CTCGACTATC	CCCTCGGCGC	AGTAGGTCTG	GTTCCTCCCC	TGAAGTGAAA5040
GATAAGCCAA	GAGCAGCACC	CAGGGCACAG	AGTGGTTCTG	ATTCCTCTCC	TGAACCTAAA5100
GCTCCAGCCG	CTCGGGCCCT	TCCCAAGCA	AGCAGATCAG	GTTCAATCAAG	CAAGGCGAGAS160
GGCCCTTCTC	CTGAAGGAAG	CAGCAGTACC	GAGTCTCTTC	CTGAACATCC	GGCCAAATCC5220
AGAACTGCTC	GCAGAGGTTT	CAGGTCTATC	CCAGAGCCCA	AGACCAAGTC	TCTGACACCA5280
CTCTGAGCTC	GCAGCTCTCG	ATCATCTCCG	GAGCTAACAA	GGAAGGCCAG	ACTGTCCCGT5340
AGAAAGCGCT	CTGCCTCATC	CTCACCAGAA	ACTCGCTCTA	GAACTCCCCC	AAAGCACCCG5400
AGAACTCCCT	CAGTGTCTTC	CCCGGAGCCA	GCCGAAAAAT	CGAGGTCTTC	ACGCCGACCG5460
CGCTCAGCTT	CATCTCCACG	CACCTAAGACA	ACCTCAAGGA	GAGGCCGCTC	TCTTCGCCCA5520
AAGCCTCGTG	GACTCCAGAG	GTCCCGTTCC	CGCTCAAGGA	GAGAGAAAAC	AAGAACAACC5580
CGACCTCGAG	ATAGGTCTGG	ATCTTCTCAG	TCAACCTCTC	GGCGAAGACA	GGGAGCCCGG5640
TCAAGGTCCG	GGGTACTCCG	GCGGCGGAGG	GGAGGCTCTG	GTTATCACTC	AAGGTCACTC5700
GTCGGGCGAG	AAAGTTCCCG	GACCTCTCT	CGACGCCGAA	GAGGCCGCTC	TGGACACCCG5760
CCAACCAAGT	GGAAGCGTTT	TGCTCAACGC	ACATCACCCAG	CCCCGTGGAA	ACGCTCTAGA5820
TCTCGAGCCT	CTCCAGCCAC	TCACCGGCGA	TCCAGGTCCA	GAACCCCCCT	GATAAGCCGA5880
CGTAGGTCCA	GATCTCGAAC	TTCACCAGTC	AGCCGGAGAC	GGTCAAGGTC	CAGGACTTCA5940
GTGACTCGAC	GAASATCCCG	GTCAAGAGCA	TCCCCAGTGA	GCAGAAGGCG	ATCCAGATCC6000
AGAAAGCCAC	CAGTAACCCG	CCGTCTTCA	AGGTCTAGAA	CGCCACAAC	ACGCCGCCCG6060
TCCCGTTCTA	GAACTCCACC	AGTGACTCGC	AGAAGGTCCA	GATCCAGGAC	TCCACCGAGTA6120
ADCAAGAGGC	GATCTCGAAG	CAGAACCTCG	CTTATCACTC	GCAGAAGATC	AAAGTCCAGA6180
ACATCTCCGG	TACCCCGAAG	GAGATCTCGA	TCTCGCACAT	CTCCAGTAAC	TGGAAGAAGG6240
TCCCGCTCTC	GAACCTCACC	AGTGACACGC	CGCCGCTCTA	GCTCCCGGAC	ACCTCCAGCT6300
ATTCCGGGCG	GCTCTAGATC	TGGAACGCCA	CTGTTACCA	GCAAACGTTT	TGGAAGTCCG6360
TCAACACTTG	CTATCCGCCG	CCGCTCCAGA	TCCCGTACTC	CACGAACAGC	TGGGGGTAAA6420
CGGTCTTTAA	CAAGATCTCC	TCCAGCCATC	CGCAGGCGTT	CTGCATCTGG	AAGTAGTTCT6480
GATGCTTCAC	GATCTGCTAC	TCTCCAGCA	ACAAGAAATC	ATTCTGTTTC	ACGGACACCT6540
CCAGTAGCAC	TCAACAGTTT	CAGAATGAGC	TGCTTCAGTC	GTCTTAGCAT	GTCCCCAACA6600
CTCTCTTGATC	GCTGCAGATC	ACCTGGAATG	CTTGAACCCG	TTGGCAGCTC	TAGAACAACC6660
ATGTCTCTCC	TSCAGCAAGC	CGGCGGCTCC	ATGATGGATG	GTCCAGGTCC	CGGAATACCT6720
GACCAACAGA	GAACATCTGT	GCCAGAAAAT	CATGCTCAGT	CCAGGATTGC	ACTTGCCCTG6780
ACAGCTATCA	GTCTTGGCAC	CGCTCGGCGT	CTTCCTCCA	TGTCTGCTGC	TGGCTTGTCT6840
CCAAAGAAAT	CCAGGTTTCC	AGCCCTGGTG	CTCTCATCA	GTCTCAGAAC	CGCAACAGCA6900
CCCAACCTTG	CCAGCAGGAT	TCTTCAGCC	TCTGCGGCA	CCATGAACCT	AGCCAGCGCG6960
AGGACACCTG	CCATTCCAAC	AGCACTGAAC	CTGGCTGACT	CTCGAACGCC	AGCTGCAGCA7020
GGGGCTATGA	ACTTGGCCAG	CCCCAGAACA	GCGGTGGCAC	CTTGGGCTGT	GAACTTGCT7080
GACCTCTGCA	CTCCACAGC	CCAGCTGTG	AACTTAGCA	GGGCCASAA	CCAGCTGCT7140
TTGGCACTC	TGAGTCTCAC	AGGCTCTGGC	ACACCAACAA	CTGCTGCAAA	CTATCGCTG7200
AGCTCCAGAA	CACCAAGGC	TCCAGCTCT	GCAAACTGG	TGGGTCTCTG	GTCTGCACAT7260
GCCACACCTC	CTGTGAATAT	TGCCGGCTCC	AGAACCCTCG	CAGGCTTGGC	CCCGCGCAGC7320
CTCACTAGTG	CTAGGATGGC	TCCAGCTATT	TCTGGTGGAA	ACCTCAGCAG	CCCCAGGGTG7380
CCCCCTTTCTG	CCTACGAGCG	TGTCACTGGC	AGAACTTCAC	CACCGCTCCT	TGAACGAGCT7440
AGGTCCAGAA	CACCAACCGTC	TGCCCAAGC	CAATCTAGGA	TGACCTCTGA	ACGGGCTCCC7500
TCCTCTTCTC	CTAGAATGGG	CCAGGCTCCT	TCACAGTCTC	TTCTCCCTCC	AGCACAGGAT7560
CAGCCGAGGT	CTCCTGTGCC	TTCTGCTTTT	TCAGACCAAT	CCGTTTCTTT	GATTGCTCACT7620
ACCAACCTCTG	TAGCAGGGTC	TCAGTCCCTT	TCTCTGCGG	CAGTGGCAAC	GACCACGTCCT7680

TCTGCTGGG AATCACAATGG CATGCTCTCT GTCCCTGGCC CTGGATTAGT TACTCTCAT7740  
 GTGGGGGAGG CACCTGCTCT TACTGGGGCC CAGCAGCCTT CTGCATTAGC CGCCTGCGA37850  
 CCAGCAAAGG AGCGGGGGAG TTCTCTCTCG TCGTCTCTCT CTTCTAGCTC CTCTCTCTCT7850  
 TCATCATCTT CTGCTGCTCT CTCTCTCTCT TCTGGCTCCA GTTCTAGTGA CTCAGAGGGCT7920  
 TCTAGCCTTC CTGTGCAACC TGAGGTGGCA CTGAAGAGGG TCCCCAGGCC CACCCAGGCT7980  
 CCAAAGGAGG CTGTTGAGGA GGGACGTCCT CCGGAGCCAA CCCCAGCCAA ACGGAAGAGG8040  
 CGCTCTAGCA GTTCCAGTTC CAGCTCTCTC TCTTCATCTT CTTCTCTCTC CTCTCTCTCT8100  
 TCTTCTCTCT CTTCTCTCTC CTCTCTCTCT TCTTCTCTCT CATCTTCTCT CTCTCTCTCT8150  
 TCTTCTCTCT CTTCTCTCTC TAACTCTCTC CTTCTCTCTCT TCTTCTCTCT TCTTCTCTCT8220  
 AAGAAGGCCA CTTCTCTCTC GCGGAGGTCT CCGAGCCCTC GGAAGCCCAT AGACTCTCT8280  
 AGGGAATCTC GGTCTCTCTC CTACTCTCTC GTGGAGGCTC GCGCTCTCTC GCGCCAGGCT8340  
 TCACCAAGGG ACCAGCAGAG CAGCAGCCTT GAGCGGGGTT CCGGAGAGGG CAGGCTGGG8400  
 GACAGGCTCT CCCCCAGGCA CAAGCGCAGG AGGGAGACAC CTAGGCTCTC GCGCATGAGA8460  
 CACGCTCTCT CCAAGTCTCT ATAAATTGTC TTTGGGGGAT TCCACCACAC CCAATGCTCT8520  
 GGAGCCACAA GGAGTGTCTC TTCTTCTCTC GCAGAGCCGT GGGAGGCTCT TTGTCTGCTC8580  
 TCCTTTGAAC CTTGGCAGCC CTTGGATGGA GGGCTCTCTT TCTCTCTCT TTTTTTTTCT8640  
 TTTGTTCTCT TGAAATGTTA ATCTCTCTCT GTTCTCTCT GTTCATGTGT TCTGGGGGGT8700  
 TTGGGGTGGG AGGGAATGCA GATGGGAGTT GGGGGAGGGG AGGATACAGT TCAGGATACC8760  
 CCAGGCTGGA CTCAGGGCCA GGGAGGCGAT GCCCCACTTG TATCCAGAAG TTCCCAGGG8820  
 TGATTGTGAT GGTGGTTGGG ACTGGAGGTT GTATAAGGTG TTCTTGAAG GAAGGGGCG8880  
 GAGTTGGAAT TAGTTGGTCC CTACTGTCTC CCATGAGGTT GTGAACCTCT CCCCCAACT8940  
 TTTCTATTTT CTTAAAGGCA TTTTGGTTTT TTAATATCTG TACAGCAAGA GCAACTTTTT9000  
 CTGTCAAATA AAAATGAGAA ATGCAGG

Name: 395 Len: 2380 Check: 3AC  
 TCTCTGCTCT CAGTGTCTCT TAGAGGTGCT CGCGCCGCTC TGCTGCTGCT GCTGCCGCC 60  
 CGGCTCTTAG CCGGAGGCTC GTCTCTCTCT CGCGGCTCTC TCAGGCTGCT CTCTGCGCC 120  
 CCGATCTCTT TCGCGGCGCC CGCTCTCTCG AGCAGCATGG ACGGCGCGCG GGCTGAGGAG 180  
 GTGCTGGCAC CTCTGAGGCT AGCAGTGGCG CAGCAGGGAG ATCTTGTGCG AAAACTCAAA 240  
 GAAGATAAAG CACCCCAAGT AGACGTAGAC AAAGCAGTGG CTGAGCTCAA AGCCCGCAAG 300  
 AGGGTTCTGG AAGCAAAAGG GCTGGCGTTA AGCCCAAG ATGATATTGT AGACCGAGCA 360  
 AAAATGGAAAG ATACCTTGAA GAGGAGGTTT TTCTATGATC AAGCTTTTGC TATTTATGGA 420  
 GGTGTTAGTG GTCTGTATGA CTTTGGGCCA GTTGGCTGTG CTTTGAAGAA CAATATTATT 480  
 CAGACCTGGA GGCAGCACTT TATCCAAGAG GAACAGATCC TGGAGATCGA TTGCACCATG 540  
 CTCACCCCTG AGCCAGTTTT AAAGACCTCT GGCCATGTAG ACAAATTTGC TGACTTCATG 600  
 GTGAAAGAGC TAAAAAATGG AGAATGTTTT CGTGCTGACC ATCTATTAAA AGCTCATTTA 660  
 CAGAAATTGA TGTCTGATAA GAAGTGTCTT GTCGAAAAGA AATCAGAAAT GGAAAGTGT 720  
 TTGGCCCGAG TTGATAACTA TGGACAGCAA GAACCTGCGG ATCTTTTTGT GAACATAAT 780  
 GTAAAAATCT CATTACTTGG AAATGATCTA TCCCTCTCAG TGTCTTTTAA CTTAATGTT 840  
 AAGACTTTCA TTGGGCTTGG AGGAAACATG CCGGGTACT TGAGACCAGA AACTGCACAG 900  
 GGGATTTTTCT TGAATTTCAA ACGACTTTTG GAGTTCAACC AAGGAAAGTT GCTTTTTGCT 960  
 GCTGCCGAGA TTGGAAATTC TTTTAGAAAT GAGATCTCCC CTGATCTTGG ACTGATCAGA1020  
 GTGAGAGAAT TCACAATGGC AGAAATTGAG CACTTTGTAG ATCCAGTGA GAAAGACCA1080  
 CCAAGTTTCC AGAATGTTGG AGAATCTCAC CTTTATTTGT ATTCAGCAA AGCCAGGCTC1140  
 AGCGGACAGT CCGCTCTGAA AATGCGCTCG GGAGATGCTG TTGAACAGGG TGTGATTAAT1200  
 AACACAGTAT TAGGCTATTT CATTGGCGGC ATCTACCTCT AACTCAGGAA GGTGGAATA1260  
 TCTCCAGATA AACTCGGCTT CCGGCAGCAC ATGGAGAATG AGATGGGCCA TTATGCTGT1320  
 GACTGTTGGG ATGAGAAATC CAAAACATCC TACGGTTGGA TTGAGATTGT TGGATGTCT1380  
 GATGCTTCTT GTTATGACCT CTCCTGTCTC GCACGAGCCA CCAAAGTCTC ACTGTAGCT1440  
 GAGAAACCTC TGAAGAAATC CAAAACAGTC AATGTTGTTT AGTTTGAAC CAGTAAGGGA1500  
 GCAATTGTA AGGCAATATA GAAGGATGCA AAAGTGGTGA TGGAGTATCT TCGCATTTGT1560  
 GATGAGTGT ACATTACAGA AATGGAATG CTGCTGAATG AGAAAGGGGA ATTCACAAT1620  
 GAAACTGAAG GGAAGACATT TCAGTTAACA AAAGACATGA TCAATGTGAA GAGATTCCAG1680  
 AAAACACTAT ATGTGGAAGA AATTGTTCTG AATGTAATTG AACCTTCTCT CCGCTGGGT1740  
 AGGATCATGT ATATGCTATT TGAACATACA TTCCATGTAC GAGAAGGAGA TGAACAGAGA1800  
 ACATTCTTCA GTTTCTCTCT TGTAGTTGCT CCATTCAAAT GTTCTGCTCT CCACTGAGCT1860  
 CAAAACAGG AGTTCTGCTC ATTTCTCAAG GAATTATCGG AAGCCCTGAC CAGGCTGGA1920  
 STATCTCACA AAGTAGACGA TTCTCTCTGG TCAATCGGAA GCGGCTATGC CAGGACTGAT1980  
 GAGATTGGCG TGGCTTTTTG TGTACCATTT GACTTTGACA CAGTGAACAA GACCCCTCAC2040  
 ACTGCAACTC TGAGGAGCCG TGAATCAATG CCGCAGATAA GAGCAGAGAT CTCTGAGCTG2100  
 CCGAGCATAG TCCAAAGACT AGCCAATGGC AACATCACAT GGGCTGATGT GGAGGCCAGG2160  
 TATCTCTCTT TTGAAGGGCA AGAGACTGCT AAAAAAGAGA CAAATCGAGG ATGAGGACAA2220  
 TTTTGACAAC TTTTGACAC TTGCGCTAAT AAAAAAATAA AAATCTCTCT TATGTCCACT2280  
 TTACAAAAGA AAACAGCATT GTGATTACTC CCAGGGACCG TATTTTATCT TCAGTGGCTG2340

CTTATTTTAA TCCCCACAAAT TAAAGTTTAA GGAATCCTGA 2337  
Name: 406 Len: 2000 Check: 1B22  
GSTATCGATG ACSTGACAT TGACCTCCAC ATCAACATCA GCTTCTCTCA TSAGGAAGT 60  
TCTACAGCCT GGAAGTCTCT CCGGACAGAA CTTATTGTGT TGAGGCTGGG ATTTTCTCTC 120  
TCCAGTATCC TAGATGGACC AGAACCATCC ATTGAGGTTT TCCAGCCTAT AAATAAGGAA 180  
GGATTGCTCC TGGGTCTTCA GTTGAAAAAG ATCCTGGGTA TGTTTACATC CCAACAATGG 240  
AAATATCTTA GCAATGATTT CTTGAACACC CAGCAGGAGA AGAGGCACAG TTGGTTCAAG 300  
GCAATGCTTA CCATCAAGAA GTTCGAGCT GGCCTCAGCA TCTTTTCTCT CATCCCCAAG 360  
TCTTTCAGTT TCCCTATCAT ACAGGACTCC ATCTTGAAG GCAAACTAGG TGTACCAGAG 420  
CTTGGGCTTG GGCCTCTCAT GAACCGCTCC ATCTCTCTTA CCATGAAGAA CCCCCAAGT 480  
GAATGCTTTG GCTACTCTCC CAGCCCCCAG GCAAGTCTCC TGTGCTCTTA GCAAGTGGGC 540  
CTCCTCTCTC CAGCAGGAC CTCTCTTTTG CTCAGTGGTC ACTGCAAGAA CATTCCTCAT 600  
CTGAGGATG GATTCTCTGT TCAGATCATG AAGTATGCAG AACAGAGGAT TCCAACATTG 660  
AATGAGTACT GTGTGGTGTG TGATGAGCAG CATCTCTTCC AAAATGGATC TATGCTGAAG 720  
CCAGCTGTCT GTACTCGTGA ACTATGCTTT TTCTCTTTCT ACACACTGGG CGTCATGTCT 780  
GSACTGCTAG AGSAGGTGGC CACTGGAGCA GAGGTGGTGG ATCTGCTGCT GGCCATGTGT 840  
AGGCTAGCTT TAGAGTCCCC TAGAAAGAGC ATCATCTTTG AGCCTTATCC CTCTGTGGTG 900  
GAGCTCACTG ATCCCAAGAC TCTGGCCTTT AACCTAAGA AGAAGAATTA TGAGCGGCTT 960  
CAGAAAGCTC TGGATAGTGT GATGTCTATT CCGGAGATGA CCGAGGGCTC ATATTTGGAA1020  
ATCAAGAAAC AGATGGACAA GTTGATCTCC CTGSCCATC CTCTCTCTCA GTGGATCAIC1080  
TCTAGCAACA GGTCACACAT TGTCAAACCT CCTCTCAGCA GGTGAAAGTT CATGCACACC1140  
TCACACCAAT TCCTCTGTCT GAGCAGCCT CTGCCCCAAG AGGCTGCTTT CCGGACCGCC1200  
AAGAAGCTCT ATGGCAGCAC CTTTGCCTTC CATGGGTCCC ACATTGAGAA CTGGCATTCTG1260  
ATCTGCTCTA ATGGGCTGGT CAATGCATCC TACACCAAAC TGCAGCTCTA TGGAGCAGCC1320  
TATGSCAAG GCATCTACCT GAGCCCCATC TCCAGTATTT CTTTGGATA CTCAGGAATG1380  
GGAAAGGCTC AGCAGAGGAT GCCCTCCAGG GATGAGCTGG TCCAGAGATA CAACAGGATG1440  
AATAACATCC CCCAGACCCG ATCCATTCA GCACTGGTCC TCCAGAGTCC GAATCTAAAC1500  
TGTATAGCAT TTTGTGAAGT GATTACATCT AAGGACCTCC AGAAGCATCG GAACATCTGG1560  
GTGTGCTCTG TGTCCGACCA TGTCTGCACA AGATCTCTCT TTGTATATTA GGATGGTCAG1620  
GTGGGCGATG CCAACATTAA TACTCAGGAC CCAAGATAC AGAAGGAAT CATGCGTGTG1680  
ATCGSAACTC AGGTTTACAC AAAGTGGGG GGGCCAGCC CTCGTACCC CCCTGTTACC1740  
CCAGGATCCA TCTGCCCTCA TAAAAGTGT CAGGTACAGC AGCTGAGGCT GCCCTGAGGA1800  
ATCAAGGGGG CATTACCAAG GGGCAGGAAA AGGATATGTA AGAGGTGGC TTCATGGTAG1860  
AGCTTGACCC AAGAACTACT CCACATTCCG ATGGCCCGA CTGACTCCAT CCCCTGACTT1920  
TCCCTTTGAC TTCACCTCTG TTGTAAATAA AACAATAAAA TGAAGGTGC TGTGGACTGG1980  
AAAAAATAA AAAAAATAA 2000

Name: 307 Len: 2258 Check: 12EC  
ATGGCCAGG TCCACGAGAG CCTCTACTTC AATCCCATGA TGACCAATGG GGTGTGTCAC 60  
GCCAATGTCT TAGGCATCAA GGACTGGGTG ACGCCGTACA AGATCGCGGT GCTGGTGCTG 120  
CTTACGAGA TGAGCCGCAC AGGCGAGGGC GCCCTCAGCC TCATGGAGGG GCGGAGGCTC 180  
AATAGCTCT TCTTCCCTCT GCTGCAGGGC CCAGATATTA CACTGTCTAA ACTTTACAAG 240  
TTAATTGAAG AGTCTTGTCC ACAGCTGGTA AATTCAGTGC AGATCAGAA CAAACTGATG 300  
GCTGAAGGTC AGTTGAAGGA TATGGAACAG TTTTGTGATG ACCTTTCTCA TTCTTTCTCT 360  
GGAATGAA CAGAGGTTCA CAAAACAAGT GTATAGGTT TGTCTCTGG TCACATGATC 420  
TTGCTCTACA GTAAGCTTTC TTTCAGCCAA GTGTTTAAAC TGTACACTCT CCTTCAGCAG 480  
TACTTCCAGA ATGGTGAAG AAAGACAGTG GAGGATGCTG ATATGGAAT GACCACTAGA 540  
GATGAGGCTG AAAGAAAAAT GGAAAAAGAA GAACTTGATG TATCTGTAG AGAAGAGGAG 600  
GTATCTTCTA GTGGGCTCT GTCCCCAAAA CAAGCAGAAT TTTTCTTTTC TCAACAGGCT 660  
TCTTGTCTAA AGAATGATGA GACTAAGGCT CTCACTCCAG CTTCCTTCTA GAAGGAATTA 720  
AATCAATTTT TGAATTTTAA TCTGATTTT GCTGAAGGCT ATTATCTAG CTAATTAAC 780  
AATCTCTCTG TCCAGATGT TTTCAGTTTA ACACACAGTC TCTTCCATTA TTTTATCGT 840  
CTTATCTCTA TCCGAGCCGA AAGCAAAAGT AATGGGAAG AGGGCTATGG CCGGAGCTTG 900  
AGATACGCTG CTCTGAATCT TGCCGCCCTG CACTTCCCTC TCGGTCTATA TCAACAGGCA 960  
GATCTGCTCT TCCAGGAGGC AATTAGGATT GGGCAGGAGT CCAAGATTA CGTGTCTCTC1020  
CACTACTGTT TGAGCTGGCT TTATGTGCTG GGGCAGAAGA GATCTGATAG CTATGTTCTG1080  
CTGAGCAAT CTGTGAAGAA GGCAGTACAT TTTGGTTAC CGTACCTGCT CTCCTGGGA1140  
ATACATCTCT TTGTTCACAA GAGAGCTTTT GCTGGGAAGA CCGCAAAACA GCTGATGGAT1200  
GCCCTAAAG ACTTCGACCT CCTGCACTCG AAACACAGCC TGTACAGCT CATCGATATC1260  
AGCATGCAAC AGAAAAAGGC CATCTGGAAG CTGTATGGCC GCAGCACCAT GGCAGTCAA1320  
CAGGCCCCAA TTTTCTGAG CATGAACAGC CTGGAGGCGG TGAATGCGGG CGTGCAGCAG1380  
AACAACACAG AGTCTTTTGC TGTGCACTC TGCCACCTCG CAGAGCTADA CCGGAGCAG1440  
GGCTTTTCTG CTGAGCTTC TGAAGTGTTA AAGCACTTGA AGGAACGATT TCCGCTAAT1500  
AGTCAGCAGC TCCAGTTATG GATGCTATGT GATCAAAAA TACAGTTTGA CAGAGCAATG1560

AATGATGGGA	AATATCATT	GGCTGATTCA	CTTSTTACAG	GAATCACAGC	TCTCAATAGC1816
ATAGAGGGTG	PTTATAGGAA	AGGGGTTGTA	TTACAAGCTC	AGAACCAAT	GTGAGAGGCA1820
CATAAGCTTT	TACAAAAATT	GTTGGTTTCT	TGTGAGAAAC	TGAAGAACAC	AGAAATGGTG1740
ATCAGTGTCC	TACTGTCCGT	GGCAGAGCTC	TACTGGCGAT	CTTCTCTCCC	TACCATCGCG1800
CTGGCCATGC	TCTGCAAGGC	TCTGGCCCTC	TCCAAGGAGT	ACCGGTTACA	GTACTTGGCC1860
TCTGAAACAG	TGCTGAACCT	GGCTTTTGCG	CAGCTCATT	TTGGAATCCC	AGAACAGGCC1920
TTAAATCTTC	TCCACATGGC	CATCGAGGCC	ATCTTGGCTG	ACGGGGCTAT	CCTGGACAAA1980
GGTCTGCGCA	TGTTCTTAGT	GGCCAAGTTC	CAGGTGGCTT	CAGCAGCTTC	CTACGATCAG2040
CCGAAGAAAG	CAGAAGCTCT	GGAGGCTGCT	ATCGAGAACC	TCAATGAAGC	CAAGAACTAT2100
TTTGCAAGG	TTGACTGCAA	AGAGCGCATC	AGGGACGTCC	TTTACTTCCA	GGCCAGACTC2160
TACCATADCC	TGGGGAAGAC	CCAGGAGAGG	AACCGGTGTG	CGATGCTCTT	CCGGCAGCTG2220
CATCAGGAGC	TGCOCTCTCA	TGGGGTACCC	TTGATAAACC	ATCTCTAG	2268

Name: 308

Len: 3176

Check:

1822

GGTGGTGGCG	GCGGCGCAAG	GGTGAGGGCG	GGCCCAAGAAC	GGCAGGTAGG	TAGAGCAAGA 60
AGATGGTGTT	TCTGCCCCTC	AAATGGTGCC	TTGCAATCAT	GTCAATTTCTA	CTTTCTCTCAC 120
TGTTGGCTCT	CTTAACTGTG	TCCACTCCTT	CATGGTGTCA	GAGCACTGAA	GCATCTCCAA 180
AACGTAGTGA	TGGGACACCA	TTTCTTTGGA	ATAAAATACG	ACTTCTCTGAG	TACGTCTATCC 240
CATTTCATTA	TGATCTCTTG	ATCCATGCAA	ACCTTACCAC	GTGACCTTTC	TGGGGAACCA 300
CGAAASTAGA	AATCACAGCC	AGTCAGCCCA	CCAGCACCAT	CATCTCTCAT	AGTCACCACC 360
TGCAGATATC	TAGGGCCACC	CTCAGGAAGG	GAGCTGGAGA	GAGGCTATCG	GAAGAACCCC 420
TGCAGGTCTT	GGAACACCCC	CCTCAGGAGC	AAATTGCACT	GCTGGCTCCC	GAGCCCCCTCC 480
TTGTGCGGCT	CCCGTACACA	GTTGTCTTTC	ACTATGCTGG	CAATCTTTTC	GAGACTTTCC 540
ACGGATTTTA	CAAAAGCAC	TACAGAACCA	AGGAAGGGGA	ACTGAGGATA	CTAGCATCAA 600
CACAATTTGA	ACCCACTGCA	GCTAGAATGG	CCTTTCCCTG	CTTTGATGAA	CCTGCCTTCA 660
AAGCAAGTTT	CTCAATCAAA	ATTAGAAGAG	AGCCAAGGCA	CCTAGCCATC	TCCAATATGC 720
CATTGGTGAA	ATCTGTGACT	GTTGCTGAAG	GACTCATAGA	AGACCATTTT	GATGTCACTG 780
TGAAGATGAG	CACCTATCTG	GTGGCTTCTA	TCATTTGAGA	TTTTGAGTCT	GTGAGCAAGA 840
TAAOCAAGAG	TGGAGTCAAG	GTTTCTGTTT	ATGCTGTGCC	AGACAAGATA	AATCAAGCAG 900
ATTATGCACT	GGATGCTGCG	GTGACTCTTC	TAGAATTTTA	TGAGGATTAT	TTGAGCATAC 960
CGTATCCCCC	ACCCAAACAA	GATCTTGCTG	CTATTCCCGA	CTTTCACTCT	GGTGCTATGG1020
AAAACTGGGG	ACTGACACAA	TATAGAGAA	CTGCTCTGTT	GTTTGATGCA	GAAAAGTCTT1080
CTGCATCAAG	TAAGCTTGGC	ATCACAATGA	CTGTGGCCCA	TGAAGTGGCC	CACCAGTGGT1140
TTGGGAACCT	GGTCACTATG	GAATGGTGGA	ATGATCTTTG	GCTAAATGAA	GGATTTGCCA1200
AATTTATGGA	GTTTGTGTCT	GTCAGTGTGA	CCCATCCTGA	ACTGAAAGTT	GGAGATTATT1260
TCTTTGGCAA	ATGTTTTGAC	GCAATGGAGG	TAGATGCTTT	AAATTCCTCA	CATCTGTGT1320
CTACACCTGT	GGAAAACTCT	GCTCAGATCC	GGGAGATGTT	TGATGATGTT	TCTTATGATA1380
AGGGAGCTTG	TATTCTGAAT	ATGCTAAGGG	AGTATCTTAG	TGCTGACGCA	TTTAAAGTG1440
GTATTGTACA	GTATCTCCAG	AAGCATAGCT	ATAAAAAATC	AAAAAACGAG	GACCTGTGGG1500
ATAGTATGGC	AAGTATTTGC	CCTACAGATG	GTGTAAAAGG	GATGGATGGC	TTTTGCTCTA1560
GAAATGCAACA	TTCACTCTCA	TCTCAGATT	GGCATCAGGA	AGGGGTGGAT	GTGAAAACCA1620
TGATGAACAC	TTGGACACTG	CAGAAGGGTT	TTCCCTAAT	AACCATCACA	GTGAGGGGGA1680
GGAAATGTACA	CATGAAGCAA	GAGCACTACA	TGAAGGGCTC	TGACGGGCCC	CCGGACACTG1740
GGTACCTGTG	GCATGTTCCA	TTGACATTCA	TCACAGCAA	ATCCGACATG	GTCCATCGAT1800
TTTTGTAAAA	AACAAAAACA	GATGTGCTCA	TCCTCCAGGA	ASAGGTGGAA	TGGATCAAA1860
TTAATGTGGG	CATGAATGGC	TATTACATTG	TGCATTACGA	GGATGATGGA	TGGGACTCTT1920
TGACTGGGCT	TTTAAAAGGA	ACACACACAG	CAGTCAGCAG	TAATGATCGG	GCGAGTCTCA1980
TTAACAAATG	ATTTGAGCTC	GTCAGCATTC	GGAGGCTGTC	CATTGAAAAG	GCCTTGGATT2040
TATCCTCTTA	CTTGAACCAT	GAAACTGAAA	TTATGCCCGT	GTTTCAAGGT	TTGAATGAGC2100
TGATTCCTAT	GTATAAGTTA	ATGGAGAAAA	GAGATATGAA	TGAAGTGGAA	ACTCAATTCA2160
AGGCTTCTCT	CATCAGGCTG	CTAAGGGAGC	TCATTGATAA	GCAGACATGG	ACAGACGAGG2220
GTCTAGTCTC	AGAGCGAATG	CTGCGGAGTC	AACTACTACT	CCTCGGCTGT	GTGCAAACT2280
ATCAGCCCTG	CGTACAGAGG	GCAGAAAGGT	ATTTCAGAAA	GTGGAAGGAA	TCCAATGGAA2340
ACTTGAGGCT	GCCTGTGAGC	GTGAOCTTGG	CAGTGTTTTG	TGTGGGGGGC	CAGAGTACAG2400
AAGGCTGGGA	TTTTCTTTAT	AGTAAATATC	AGTTTTCTTT	GTCCAGTACT	GAGAAAAGGC2460
AAATTGAATT	TGCTCTCTGC	AGAACCCAAA	ATAAGGAAAA	GCTTCAATGG	CTACTAGATG2520
AAAGCTTTAA	GGGAGATAAA	ATAAAACTC	AGGAGTTTCC	AGAAATCTTT	ACACTGCTG2580
GCAGGAACCC	AGTAGGATAC	CCACTGGGCT	GGCAATTTCT	GAGGAAAAAC	TGGAACAAAC2640
TTGTACAAAA	GTTTGAACCT	GGCTCATCTT	CCATAGCCCA	CATGGTAATG	GGTACAACAA2700
ATCAATTCTC	CACAAGAACA	CGGCTTGAAG	AGGTAAAAGG	ATTCTTCAGC	TCTTTGAAAG2760
AAAATGGTTC	TGAGCTCCGT	TGTGTCCAAC	AGACAATTGA	AAOCATTGAA	GAAAAATCG2820
GTGGATGGGA	TAAGAAATTT	GATAAAATCA	GAGTGTGGCT	GCAAAAGTGA	AAGCTTGAAC2880
GTATGTAAAA	ATTCTCTCCT	TGCCAGGTTT	CTGTTATCTC	TAATCACCAA	CATTTTGTG2940
AGTSTATTTT	CAAACTAGAG	ATGGCTGTTT	TGGCTCCAAC	TGGAGATACT	TTTTTCTCTT3000

GAATTCATTTT TTTGACTATC CCTGTGAAAA GAATAGCTGT TAGTTTTTCA TGAATAGCTT000  
TTTTTCATGAA TGGGCTATCG CTACCATGTC TTTTGTTCAT CACAGGTGTT GGGCTGCAAC3120  
GTAAACCCAA GTGTTGGGTT CCTGCCACA GAAGAATAAA GTACCTTATT TTCTC 3176

Name: 309 Len: 2059 Check: 1013  
GCGGCGGCGG AGCGATCCCT GCTCCGCGCG ACACTGGGTG CCGGCGGCGG CAGAGAGGGG 60  
GTGACGCACT TTACGGGCGG AGGTAAAGTC GTGAGGCTCG TCACTGGCTT CAGTTCCACAS 120  
GTGGGCGGCGG SASGMRGGTT GCTGTGTTTG TGCTTCCCTC TACAGCCAAAT ATGAAAAGGC 180  
CTAAGTTAAA GAAAGCAAGT AAAAGCATGA CCGTCCATAA CGGTATATAA ATCCAAAAAA 240  
AGGTTTGGAGA ATATCATCGA AAATTAAGAA AGGAGGCTAA AAAAGCAAGG CACAAAGAGC 300  
CTAGGAAAGA CCCAGGAGTT CCAAAACAGT CTCCCTTTAA GGAAGGCTTT CTTAGGGAAG 360  
CTGAGCTAAG GAAACAGAGG CTTGAAGAAC TAAACAGCA GCAGAACTTT GACAGGCAGA 420  
AGGAACTAGA AAAGAAAAGA AAACCTGAAA CTAATCCTGA TATTAAGCCA TCAATGTGG 480  
AACCTATGGA AAAGGAGTTT GGGCTTTGCA AAACCTGAGAA CAAAGCCAAAG TCGGGCAAAC 540  
AGAATTCAAA GAAGCTGTAC TGCCAAGAAC TTAAAAAGGT GATTGAAGGC TCCGATGTTG 600  
TCCTAGAGGT GTTGGATGCC AGAGATCCTC TTGGTTGCGAG ATGTCCCTCAG GTAGAAGAGG 660  
CCATTGTCCA GAGTGGACAG AAAAAGCTGG TACTTATATT AAATAAATCA GATCTGGTAC 720  
CAAAGGAGAA TTTGGAGAGC TGGCTAAATT ATTTGAAGAA AGAATTGCCA ACAGTGGTGT 780  
TCAGAGGCTC AACAAAAACA AAGGATAAAG GGAAGATAAC CAAAGGCTGT AAGGCCAAAG 840  
AGAATGCTGC TCCATTGAGA AGTGAAGTCT GCTTTGGGAA AGAGGGGCTT TGGAACTTC 900  
TTGGAGGTTT TCAGGAAACT TGCAACAAAG CCATTCCGGT TGGAGTAATT GGTTCGCCAA 960  
ATGTGGGGAA AAGCAGCATT ATCAATAGCT TAAAAAAGA ACAGATGTGT AATGTTGGTG1020  
TATCCATGGG GCTTACAAGG AGCATGCAAG TTGTCCCTTT GGACAAACAG ATCACAATCA1080  
TAGATAGTCC GAGCTTTCATC GTATCTCCAC TTAATTCCTC CTCTGCGCTT GCTCTGCA1140  
GTCCAGCAAG TATTGAAGTA GTAAAACCGA TGGAGGCTGC CAGTGCCATC CTTTCCAGG1200  
CTGATGCTCG ACAGGTAGTA CTGAAATATA CTGTCCAGG CTACAGGAAT TCTCTGGAAT1260  
TTTTTACTAT GCTTGTCTAG AGAAGAGGTA TGCAACAAAA AGGTGGAATC CCAATGTTG1320  
AAGGTGCTGC CAAACTGCTG TGGTCTGAGT GGAAGGCTGC CTCATTAGCT TACTATTGCC1380  
ATCCCTCTAC ATCTTGGACT CCTCCTCAT ATTTTAATGA GAGTATTGTG GTAGACATGA1440  
AAAGCGGCTT CAATCTGGAA GAACCTGAAA AGAACAATGC ACAGAGCATA AGAGCCATCA1500  
AGGGGCTTCA TTTGGCCAAAT AGCATCCTTT TCCAGTCTTC CGGTCTGACA AATGGAATAA1560  
TAGAAGAAAA GGACATACAT GAAGAATTGC CAAAACGGAA AGAAAGGAAG CAGGAGGAGA1620  
GGGAGGATGA CAAAGACAGT GACCAGGAAA CTGTTGATGA AGAAGTTGAT GAAAACAGCT1680  
CAGGCATGTT TGCTGCAGAA GAGACAGGGG AGGCACCTCT GAGGAGACTA CAGCAGGTGA1740  
ACAGTCTACA AGGTCTTTTT TCTTGGATAA AATCATTGAA GAGSATGATG CTTATGACTT1800  
CAGTACAGAT TATGTGTAAC AGAACAATGG CTTTTTATGA TTTTTTTTTT TAACATTTTA1860  
AGCAGACTGC TAAACTGTTT TCTGTATAAG TTATGGTATG CATGAGCTGT GTAAATTTTG1920  
TGAATATGTA TTATATTTAA ACCAGGCAAC TTGGAATCCC TAAATTCTGT AAAAAGACAA1980  
TTTATCTCAT TGTGAGTGGA AGTAGTTATC TGGAATAAAA AAAAGAGATA CCTATTGAAA2040  
AAAAAAAAAA AAAAAAAAAA 2059

Name: 31 Len: 550 Check: 2010  
TCAGACTCTC CTGCTTGGCG CAGTCAGCTC GGCTCCTTCC AAGCAACCATG TCTGACAAA 60  
CCGATATGCG TGAGATCGAG AAATTGATA AGTCAAGTT GAAGAAAACA GAAACGCAAG120  
AGAAAAATCC TGTGCTTCCA AAAGAAACAA TTGAACAAGA GAAGCAAGCT GGGCAATCGT180  
AATGAGGCGA GCGCGCCAAAT ATGCACTGTA CATTCCACGA GCATTGCTTT CTTATTTTAC240  
TTCTTTTAGC TGTTTAACTT TGTAAGATGC AAAGAGGTTG GATCAAGTTT AAATCGACTG300  
TGCTGCGCTT TGCACATCAA AGAATCAGAA CTACTGAGCA GGAAGGCTTC CCTGCTCT360  
CCCAACCATC TGATGGTCTG GCTAGCAGAG AGGGAAAAGA ACTTGCTATG TGGTGAAGGA420  
AAAAAGCTGG TGAGATGA TGAATNGAGA GGAATAATTC AAGATGCTCC AAGATGCTCT480  
GGCAGGATGT AAATGGCAGT TTTAATCAGA GTGGCATTTT TTTTTTGT CAAACAATTT540  
TAATTATGCG 550

Name: 310 Len: 2238 Check: 1154  
CCTTGCGGCG TGGCAGGTCC CGCCAGTGGC AGCGCAACGG AGGTGGAAGG CGTTCCAGACT 60  
CTTAGCTGAA CCGGAGGCTG CCGCGGCTAT GCTGTGAGG GCTTCCCGG GTTTCGGGG 120  
GGGCTGCGG TCGCTGCGCG GCGGTCTCCG GGTCTCTGTC CAGACCGGCG ACCGGAGCTT 180  
GACCTCTGAT ATGCAACCTT CCATGGGACT TAATGAAGAG CAGAAAGAAT TTCAAAAAGT 240  
GGCTTTGAG TTTGCTGCGC GAGAGATGGC TCCAAATATG GCAAGATGG ACCAGAAAGA 300  
GCTGTTCCCA TTGGATGTGA TGGGAAAGGC AGCCAGCTA GCTTCCGAG GGTCTCAT 360  
ACAAACAGAT GTGGGCGGGT CTGGGCTGTC ACGTCTTGAT ACCTCTGTCA TTTTTGAAGC 420  
CTTGGCTACA GGCTGCAACA GCAACACAGC CTATATAAGC ATCCACAACA TGTGTGCTG 480  
GATGATTGAT AGCTTGGGAA ATGAGGAACA GAGGCACAAA TTTTCCCGAC CGCTCTGTAC 540  
CATGGAGAAG TTTGCTTCTC ACTGCTCAGC TGAACCAAGA AGTGGAAGTG ATGCTGCTC 600  
TCTCTGAGC TCCGCTAAGA AACAGGGAGA TCATTACATC CTCAATGGCT CCAAGGCTT 660  
CATGAGTGGT GCTGGTGAGT CAGACATCTA TGTGGTCATG TGCCCAACAG GAGGACCAGG 720



CCGTAAGGGC ATCTCATGCA TAGTATGGA GAAGGGGACC CCGTGGCTCA GCTTTGGCAA 780  
 GAAGGAGAAA AAGGTGCGST GGAATGCGCA GCCAACACGA GCTBTGATCT TCGAAGACTG 840  
 TGCTGTCCCT GTGGGCAACA GAATGGGAG CGAGGGGCGAG GGGTTCTCTCA TTGGGCTGAG 900  
 AGGACTGAAC GGAGGAGAGA TCAATATTGC TTCTGTCTCC CTGGGGGCTG CCGAGGCTTC 960  
 TGTCATCTTC ACCCGAGACC ACCTTAATGT CCGGAAGCAG TTTGGAGAGC CTCTGGCCAG1020  
 TAACCACTAC TTGCAATTCA CACTGGCTGA TATGGCAACA AGGCTGGTGG CCGGCGGGCT1080  
 GATGGTCCCG AATGCGGCGAG TGGGCTTGCA GGAGGAGAGG AAGGATGCA3 TGGCTTTGTG1140  
 CTCCATGGCC AAGCTCTTTG CTACAGATGA ATGCTTTGGC ATCTGCAACC AGGCTTTGCA1200  
 BATGCAAGGG GGGTACGGCT ACCTGAAGGA TTACGCTGTT CAGCAGTAC3 TGGCGGACTC1260  
 CAGGGTCCAC CAGATTCTAG AAGGTAGCAA TGAAGTGATG AGGATACTBA TCTCTAGAAG1320  
 CCGCTTTCAG CAGTAGAACC CACACTTGTT CTGGCCTGGT GTTCAGTGG3 ACTGAGTCA1380  
 GTGTTGAGTG GTGCCATGTG GGGGCTCTTA TTCCAAAGGA ATCATGGATT AGAGCCAAAG1440  
 ACTGAGCTCC TCTAGGGCAG GACCTGCACC CTGTGTGTTG GCACCAGCAT CCGGTCTGG1500  
 ACTGGGGCAG AATCCCGAGT GGAAGCGGAA GAGCTGGACT CATGAGAAAC ATCAGAGAA1560  
 CACATACTAC CTTGTTTTCC TAATGCCAGA AGGGTGACCA CTGCATTTTA CTAGTTCACT1620  
 CATGAAAGTC CTTTCTTGGA TCCACTTTAT CTTGATTAGT CTTCCTGATT CTAGAGCAAA1740  
 GGATCCCTCC TCTAGGGGCC TGGGACTTTT CACTGATGCT CTTCTCTGAT CTAGAGCAAA1740  
 GGTGTGGGAA GGGGAAATGG AGGAAATGCC TCTGTCTGT GTGCTTCTCT GTGGGACAGC1800  
 TACAGATGCA GAAGGTCTCT CTGGATAGCA CACCTCTGAA TGTAATCAT GATAAATGG1860  
 ATATTTGGAA ACTTACTCCT AAGCTGTGAT GTAGGGTGTA TTTCTACTTC TGGACTGCT1920  
 CAATATCAAG GGCTGAGACT TTTGAATGTT GAATATTGGT TGGGTTTCAT GTTAAGACGC1980  
 CTGTGGTCCA GGAGTGCTAT TCAGTGTTC TGTTCTGAT AAACACTTTG AATATTTTTT2040  
 TGTGTTTTTG TTTCTTTTC TGAAGCTGTT CTTCTTTTA AATATTTTTA ATCAGATTGA2100  
 TAAAATCTAT CTTTCACTCA CTTCTGGTTC TACTATAGTT GATTTTTATT TTAAATGTTT2160  
 AATTGTATTT GATTAAACAC TTAAGTGGAT TTTGGAATAA TAAAGCTCTC GTCCATTTTG2220  
 GCTTTTAAAA AAAAAAAA 2238

Name: 311 Len: 3334 Check: 1CA  
 CCGAGGAGGC CCAGAGAGCG GAGGCGGGAG ACCTCAGCCA GCGGCTTAGG CCGAGGCTTT 60  
 TCTCCACCGG AGGACCGGGG AACCGCAGTC TTCATCACAG AGGTACCGTG CTGGGGCTTC 120  
 CCGGCTGAC CCGGCGGAGC CCGGTGCGGC GGTGCTCTCT TCCTTCTCTC TTCCCTCGCG 180  
 CTCTCTCTTT CCGCGCGCCG CCGCTTCCCT GCGGCGCTTC CCGGCTGCTG CCGGCGGAGG 240  
 TGAGAATGGC GAGAGCAGCG GCGGCGCGCG CCGCTCCCGC GCGGCTGCTG CCGGCGGAGG 300  
 CTCGGCTGCT GCGGCGGCTG AGCTTAAAT CACCAAAGTC ACGGTGAAGA CTCCCAAAGA 360  
 GAAAGAGGAG TTCGCGGTGC CCGAGAACAG CTCGGTTCAG CAGTTTAAGG AAGCGATTTC 420  
 GAAACGCTTC AAATCCCAAA CCGATCAGCT AGTGCTGATT TTTGCGGGA AAATCTTAAA 480  
 AGATCAAGAT ACCTTGATCT AGCATGGCAT CCATGATGGG CTGACTGTTT ACCTTGTCAT 540  
 CAAAAGCCAG AACCGACCTC AGGCGCAGTC CACGCAGCCT AGCAATGCCG CCGGAACATA 600  
 CACTACCTCG GCGTCCACTC CCAGGAGTAA CTCCACAACCT ATTTCCACAA ATAGCAACCC 660  
 GTTTGGGTTG GGGAGGCTGG GAGGACTTGC AGGCTTAGG AGGCTTAGG CTGAGATGAT 720  
 CAACTTCTCT GAGCTCCAGA CCGAGATGCA GCAGCAGCTT ATGGCCAGCC CTGAGATGAT 780  
 GATCCAAATA ATGGAAATC CTTTGTTCGA GAGCATGCTT TCGAATCCCG ATCTGATGAG 840  
 GCAGCTGATT ATGGCTAAT CACAGATGCA GCAATTGATT CAGAGAAACC CAGAAATCAG 900  
 TCACCTGCTC AACAAACAG ACATAATGAG GCAGACACTC GAAATTGCA GGAATCCAGC 960  
 CATGATGCAA GAGATGATGA GAAATCAAGA CCGTGGCTCT AGCAATCTAG AAAGCATCCG1020  
 AGGTGGCTAT AATGCTTTAC GGGGCTGTA CACTGACATT CAGAGGCGA TGGTGAATGC1080  
 CCGACAAGAG CAGTTTGGGG GTATTCATT TGGCTCGTG GGGAGTAGTT CCGCTCTGG1140  
 GGAAGGTAGC CAGCTTTCCG GTACAGAAA TCGGATCCA CTACCCAATC CATGGGCAAC1200  
 ACCGCCAGCT ACCAGAGTT CTGAACTAC CAGCACACT ACAAGCACTG CTAGTGGCTC1260  
 TGGCAATAGT TCCAGCAATG CTATGGGAA CACCGTTGCT GCGGCTAATT ATGTGCGCA31320  
 CATCTTTTAGT ACCCGAGGCA TCCAGAGCT GCTGCAACAG ATACTGAAA ACCCGAGCT1380  
 GATTCAGAAT ATGCTGTGG GCTTTACAT GAGAAGCATG ATGAGTGCG CTAGGCGAGAA1440  
 TCCAGATTTG GCTGCAAGCA TGATGTTGAA TAGCCCGCTG TTTACTGCAA ATCTGAGCT1500  
 GCAGGAGCAG ATGGGCGCA ATTTCCAGC CTTCTGCA3 CAGATGCGA ATCCAGACAC1560  
 ACTATCAGCC ATGTCAAAC CAGAGSCAA CTGAGGCTTTA ATGAGATTC AGCAGGGGCT1620  
 ACAGACATTA GCACTGAAG CACTTGGCT GATTCGAGC ATCTGAGCT AGCAGGGGCT1680  
 GGGGGTGTG GGAACCGCTA TAGGCTGTG AGGCGCAGTC ACCTCCATAG GCGGATAGG1740  
 CCTATAGTC CTTTTTACCC CTATAGGCC CATTGGGCTT ATAGGACTTA CTGGCTTGG1800  
 AGCGCGCGCT GCGTCCACCG CTCTGTGTT GCGGCGGCG CCGCTCTGCT CCGGCTGCT1860  
 ACCTAGAGAA ACCAGAGTC CTATATCAGA ATCTGGACCC AACCGAGCT TCATTGAGCA1920  
 AATGGTGCAG GCGCTGCTG GATGAATGC TCCAGAGCT CCGAATCCAG AAGTCAGATT1980  
 TCAGCAACAA CTGGAACAG TGAATGCAAT GGGTTCTTA AACGTTGAG AACCTTGA2040  
 GCGGCTAATA GGAACAGGAG GGCATATCAA TGCAGGCAAT GAAAGGCTG TGGGCTCCCA2100  
 GCCATGCTAA TCACATTCT GTACTGGAA AAAAAATGA TCTTATTTTT GATAATGCT2160

CTTAAATCTT	TAAACACACA	CACAAAATCT	TTCTTTACTT	TCATTTTGAT	TCTTTTAAAT220
CTGTCTAGTT	GTAAGTCTAA	TATGATGCAT	TTTAAGATGG	AGTCCCTCJC	TCTACTTCC2280
CTCACTCCCT	TTCTCCTTTG	CTTATTTTTT	CTACCTTCCC	TTCTCTTTCT	CTCCCTCACTC1340
CCTCCCTCTT	TGTTTTCTTC	CTTCTTTATT	TCCTTTAGTT	TCCTTCCTTA	GGCGTTTTTAA2400
GTGGTGGGAA	TCAAATGCTG	ITTCACTCAA	AAGTGTGCA	TGCAAAACAT	TCTCTTTATT2460
CTGCATTTAT	TGTGATTTTT	GGAAACAGGT	ATCAACCTTC	ACAGGTTGGG	TGCAACAAGT2520
GTGTGTCTAC	AGATGTCCAA	TTTATTTGCA	TTTTTAAACA	TTAGCCTATG	ATAGTAATTT2580
AATGTAGAAT	GAAGATATTA	AAACAGAAAG	CAATTTATTT	GAAGCCTCTT	AATTTCTGGT2640
ACATATTTGC	CTTATTTGTG	CTTGGGCAAG	TATTTTGTCT	AGCAAAATTC	TGTAAJATTT2700
ATACCATTTG	TTTTTTTTTG	TATATTTCTA	TACASTACAG	TAAGTACAAAT	TGGCCTCTTA2760
CATCTAAAAA	TATTACASTA	GAATCTGAGT	GTAATATGTG	TAACCAAAAT	GAGAAAGAAT2820
ACAAGAAATG	TTTTCTGAGC	TAGTTATGTC	TCACAATTTT	GTAGAATCTT	ACAGCATCTT2880
TGATAAACTT	CTCAGTGAAA	ATGTTGGCTA	GGCAAGTTCA	GTTAAAAACAT	AGTACAAATG2940
TTTATCCTGG	CATCTCTAAG	TACACATTTA	ATTGCACAGA	AAATTTACAG	TGTAACATTG3000
CSTCAACATT	TGCAGATTGA	CTGCATATGA	CTTAAATCTT	TGTGCAGCCT	GAAGGATCAG3060
TGTASTAATG	CCAGGAAAAGT	GCTTTTTTACC	TAAGACTTCC	TTCTCAGCTT	CTCCCATAAA3120
CAGACCCCTAA	TATGCATTTT	GATTTGTAAAT	TGGAAATGTA	ACTTTCCCTG	AAAGTGTCTAT3180
CTGATGTTTG	CATTACTTTT	AACTGCTATG	TATAAAGGAA	ASTGTGTCTT	TTGACTTCA3240
CAGTTATTTT	TCTTGCGCC	ACAGAAAAAT	GCATTAAAAA	TGACTAAAAA	AAATAAAAAA3300
TTAAAAAATG	AAAAAATAAA	AAAAAATAAA	AAAA		3334

Name: 312      Len: 1701      Check: 1755

GGAAACAAAAG	CTGGAGCTCC	ACCGCGGTGG	CGGCGCTCT	AGAACTASTG	GATCCCCCGG 60
GCTGCAGGAA	TTGGGACGA	GCAGAAGAGG	GGGCTAGCTA	GCTGTCTCTG	CGGACCAGGG 120
GAGACCCCGC	GGCCCCCGG	TGTGAGGCCG	CCTCACAGGG	CCGGGTG33C	TGGCGAGCCG 180
ACGCGGCGGC	GGAGGAGGCT	GTGAGGAGTG	TGTGGAACAG	GACCCGGGAC	AGAGGAACCA 240
TGGCTCCGCA	GAACCTGAGC	ACCTTTTGGC	TGTTGCTGCT	ATACCTCATC	GGGGC3GTGA 300
TTGCCGGAAG	AGATTTCTAT	AAGATCTTGG	GGGTGCCCTG	AAGTGCCCTT	ATAAAGGATA 360
TTAAAAAGGC	CTATAGGAAA	CTAGCCCTGC	AGCTTCATCC	CGACCCGAAC	CCTGATGATC 420
CACAAGCCCA	GGAGAAATTC	CAGGATCTGG	GTGCTGCTTA	TGAGGTTCTG	TCAGATAGTG 480
AGAAACGGAA	ACASTACGAT	ACTTATGGTG	AAGAAGGATT	AAAAGATGCT	CATCAGAGCT 540
CCCATGGAGA	CATTTTCTCA	CACCTCTTTG	GGGATTTTGG	TTTCATGTTT	GGAGGAACCC 600
CTCGTCAGCA	AGAAGAGAAAT	ATTCCAAGAG	GAAGTGATAT	TATTGTAGAT	CTAGAAGTCA 660
CTTTGGGAAGA	AGTATATGCA	GGAAATTTTG	TGGAAGTAGT	TAGAAACAAA	CCTGTGGCAA 720
GGCAGGCTCC	TGGCAAAACG	AAGTGCAATT	GTCGGCAAGA	GATGCGGACC	ACCCAGCTGG 780
GGCCTGGGCG	CTTCCAAATG	ACCCAGGAGG	TGTTCTGCGA	CGAATGCCCT	AATGTCAAAAC 840
TAGTGAATGA	AGAAGCAACG	CTGGAAGTAG	AAATAGAGCC	TGGGGTGAGA	GACGGCATGG 900
AGTACCCCTT	TATTGGAGAA	GGTGAGCCTC	ACGTGGATGG	GGAGCCTGSA	GATTTACGGT 960
TCCGAATCAA	AGTTGTCAAG	CACCCAATAT	TTGAPAGGAG	AGGAGATGAT	TTGTACACAA1020
ATGTGACAAT	CTCATTAGTT	GAGTCACTGG	TTGGCTTTGA	GATGGATATT	ACTCACTTGG1080
ATGGTCACAA	GATACATATT	TCCCGGGAFA	AGATCACCAG	GCCAGGAGCG	AAGCTATGGA1140
AGAAAGGGGA	AGGGCTCCCC	AACTTTGACA	ACAACAATAT	CAAGGGCTCT	TTGATAATCA1200
CTTTGATGT	GGATTTTCCA	AAAGAACAAT	TAACAGAGGA	AGCGAGAGAA	GGTATCAAACT1260
AGCTACTGAA	AAGAGGTCTA	GTGCAGAAAG	TATACAATGG	ACTGCAAGGA	TATGAGAGTT1320
GAATAAAAT	GGACTTTGTT	TAAATAAGCT	GAATAAGCGA	TATTTATTAT	CTGCAAGGTT1380
TTTCTGTGTG	TGTTTTTGTT	TTTATTTTCA	ATATGCAAGT	TAGGCTTAAT	TTTTTTTATCT1440
AATGATCATC	ATGAAATGAA	TAAGAAGGCT	TAAGAATTTG	TCCATTTGCA	TTCCGAAAAG1500
AATGACACGC	AAAAGGTTTA	CTAATAAGTC	TCTTTTGGGG	GATTTAATGT	CTGCTGCTGC1560
CGCTGTAGTT	TCAAGAAATTA	AAGCTGCAAG	AGGACTCCAG	GAGCAAAAGA	AACACAATAT1620
AGAGGGTTTG	AGTTGTTAGC	AATTTCTATT	AAAATGCCAA	CTGGAGAAAT	CTGTTTTTAA1680
ATACATTTTG	TTGTTATTTT	T			1701

Name: 313      Len: 5256      Check: 1313

GGGAGAAACA	CTTCTTTTCT	TGGGATTTCA	ACTAGCTCTG	TCCTTAGCCT	GTCTCTGCCT 60
AGCAGTSTTG	CCCAAGATAA	TTTTCCACAA	GTTTCTGCTG	CTTCCGAAAT	GGTTTCTAAT 120
CAGCTCTGCTA	ATTTGCTGGT	TCAACCAACA	TCTTAGCCAG	TTCCAGAGAA	CTTGGTTCCA 180
GAAAGTCAAA	AGGATCTGTA	GGCAGGAAGT	GCTTTTCCCG	GATTTGCTAA	TAGCCCTGCT 240
GGAAAGCACAA	GTGTGGTGTG	AGTTCCAGCT	GCACACGGCA	CCCTGGTGCC	TGATGGTAAT 300
AAGGCAAAAC	ATTCCASTCA	TCAGGAAGAC	ACTTACGGAG	CCCTAGACTT	TGCCTTAAGC 360
AGGACTTTGG	AAAATCTCTT	AAACGTGTAC	AACTGGTCCC	ATTCTGACAG	CTTCCCTTCT 420
CAGCAAAAGT	TTGCCAGTCA	TCCAGACAAA	TCTGGGCTTG	GGCGCCTTAA	CCTTGACGCT 480
TTTTATCAGC	AGGTCCAGAA	AGATGCCGAG	GGGCAAGCTG	GCCTCGAAAG	AGCCAGGACG 540
GAGCTGGGCG	CACCCAGCA	ACAGGCTTCT	CCCTCCACAAC	TACCCAAAGC	CATGTTTTTG 600
GAGCTGTCAA	ATCCAGAAAG	TCTSCCGCA	CAGGGACAGG	CCCAGAACTC	AGCACAGTCA 660
CCAGCAAGTC	TGTTTCTGGT	CGACGCGGCT	CAGCAGCTGC	CCCTCGGCC	TCCTCAGTCC 720

104 105 106 107 108 109 110 111 112 113 114 115 116 117 118 119 120 121 122 123 124 125 126 127 128 129 130 131 132 133 134 135 136 137 138 139 140 141 142 143 144 145 146 147 148 149 150 151 152 153 154 155 156 157 158 159 160 161 162 163 164 165 166 167 168 169 170 171 172 173 174 175 176 177 178 179 180 181 182 183 184 185 186 187 188 189 190 191 192 193 194 195 196 197 198 199 200 201 202 203 204 205 206 207 208 209 210 211 212 213 214 215 216 217 218 219 220 221 222 223 224 225 226 227 228 229 230 231 232 233 234 235 236 237 238 239 240 241 242 243 244 245 246 247 248 249 250 251 252 253 254 255 256 257 258 259 260 261 262 263 264 265 266 267 268 269 270 271 272 273 274 275 276 277 278 279 280 281 282 283 284 285 286 287 288 289 290 291 292 293 294 295 296 297 298 299 300 301 302 303 304 305 306 307 308 309 310 311 312 313 314 315 316 317 318 319 320 321 322 323 324 325 326 327 328 329 330 331 332 333 334 335 336 337 338 339 340 341 342 343 344 345 346 347 348 349 350 351 352 353 354 355 356 357 358 359 360 361 362 363 364 365 366 367 368 369 370 371 372 373 374 375 376 377 378 379 380 381 382 383 384 385 386 387 388 389 390 391 392 393 394 395 396 397 398 399 400 401 402 403 404 405 406 407 408 409 410 411 412 413 414 415 416 417 418 419 420 421 422 423 424 425 426 427 428 429 430 431 432 433 434 435 436 437 438 439 440 441 442 443 444 445 446 447 448 449 450 451 452 453 454 455 456 457 458 459 460 461 462 463 464 465 466 467 468 469 470 471 472 473 474 475 476 477 478 479 480 481 482 483 484 485 486 487 488 489 490 491 492 493 494 495 496 497 498 499 500 501 502 503 504 505 506 507 508 509 510 511 512 513 514 515 516 517 518 519 520 521 522 523 524 525 526 527 528 529 530 531 532 533 534 535 536 537 538 539 540 541 542 543 544 545 546 547 548 549 550 551 552 553 554 555 556 557 558 559 560 561 562 563 564 565 566 567 568 569 570 571 572 573 574 575 576 577 578 579 580 581 582 583 584 585 586 587 588 589 590 591 592 593 594 595 596 597 598 599 600 601 602 603 604 605 606 607 608 609 610 611 612 613 614 615 616 617 618 619 620 621 622 623 624 625 626 627 628 629 630 631 632 633 634 635 636 637 638 639 640 641 642 643 644 645 646 647 648 649 650 651 652 653 654 655 656 657 658 659 660 661 662 663 664 665 666 667 668 669 670 671 672 673 674 675 676 677 678 679 680 681 682 683 684 685 686 687 688 689 690 691 692 693 694 695 696 697 698 699 700 701 702 703 704 705 706 707 708 709 710 711 712 713 714 715 716 717 718 719 720 721 722 723 724 725 726 727 728 729 730 731 732 733 734 735 736 737 738 739 740 741 742 743 744 745 746 747 748 749 750 751 752 753 754 755 756 757 758 759 760 761 762 763 764 765 766 767 768 769 770 771 772 773 774 775 776 777 778 779 780 781 782 783 784 785 786 787 788 789 790 791 792 793 794 795 796 797 798 799 800 801 802 803 804 805 806 807 808 809 810 811 812 813 814 815 816 817 818 819 820 821 822 823 824 825 826 827 828 829 830 831 832 833 834 835 836 837 838 839 840 841 842 843 844 845 846 847 848 849 850 851 852 853 854 855 856 857 858 859 860 861 862 863 864 865 866 867 868 869 870 871 872 873 874 875 876 877 878 879 880 881 882 883 884 885 886 887 888 889 890 891 892 893 894 895 896 897 898 899 900 901 902 903 904 905 906 907 908 909 910 911 912 913 914 915 916 917 918 919 920 921 922 923 924 925 926 927 928 929 930 931 932 933 934 935 936 937 938 939 940 941 942 943 944 945 946 947 948 949 950 951 952 953 954 955 956 957 958 959 960 961 962 963 964 965 966 967 968 969 970 971 972 973 974 975 976 977 978 979 980 981 982 983 984 985 986 987 988 989 990 991 992 993 994 995 996 997 998 999 1000



ATCAATGCAA	GAGGAGGGGT	TACAGCGATT	GGTCAATCTC	TATGAGCTTC	TACATGAGCTT
ACATGACAGT	GTGGCCCCAGC	AGGACACTCT	GATGGAAGTC	CGGTTCCTCT	AGGGCCCCGA
GCCTGAGGAG	AACTTGTGCT	GAGGCAACTC	TGGGATGCG	GAGGCTGGCA	GGGCTGGGCT
TGCTTTGTG	GGCCCTGAAA	AGCAGGCCAC	GGAATGGA	TTACTGCAAC	GGCAACAT
GCTGCTGAG	GAGGAGCTAC	GGGCTGCGC	GCGGCTAGGT	GAAGAAGGG	CAACCGAAG
TGGAGGCTG	GAGGCCCCGGC	TCCGGGAGAG	TGAGCAGGCT	CGGGCACTGC	TGGAGGCTGA
GCTGGAAGAG	GCTGGAAGGC	AGCTGGCCGC	CCTGGGCGAG	ACCGAGGCA	TCCAGGCTGA
GCTGCTGAG	GCTGCGAGAC	CTGTGATCT	TGGGCGGCT	AGCTCCCTC	CAGGCGATG
CTTCTACTTG	AGTTTCAACC	CCCCACAGCC	CAGCGAGGCT	ACTGAGGCT	TGGATCTACT
TCTCTACTCT	CGCTCTGTCC	ATCGAAACTT	TGAGCAGGCA	GAGGCGGAG	AACTGGGAG
CGCTGAGAG	CGCTGCAAG	ACAGCAGTGA	CCTGACACT	GGCAGCGAG	AGGAAGTAG
GAGGCTGCT	TCTTCCCTC	ACAGTCCACG	AGACTTTTAC	AGAAAGCAG	ACATCCGAG
GAGAGCGAG	AGGCGCGAG	GGGAGGCTGT	AGCTCCGAG	AGCTAAGGG	GGGCTCCCT
CCTGCCCCGT	GTCCCACTGA	AGAAATTAC	TGAGGGGGCT	AACTTTGGG	ACTCCAATT
GGCAATGATG	AGGGAACATT	TGAAAGAACT	GCAAAATTGT	CTTGGCAGCT	CTTGGGATCC
TTGGATAGCT	GGGCCCCATT	AAGAAGCTAG	GGGAATTAGG	CCACAACACC	CCCTGGGACA
TCCGAAAGCT	ACACCCACAGA	TGCCAGTGGT	TCATGCCTTC	TTCCCGCAAC	TTTAGGAAAA
TTTATTTTAT	TATTTGTTTAT	TAGTTATGGG	GGGAGAGGGG	AGATTTTAA	GAGGAGGAG
ATGGAAGCA	AGCATAGGG	ATCAGAGGGG	CTTGTCTCTG	AACTACTCTG	GGGTATATTC
AGGCTCATCC	ACCGAGCTGC	TGGTTCCTTG	CCCTAACGGC	CCTCCCTCTG	AACATCCGTC
TTGGAGGAGA	GGCTGCAGCC	ACAGCACCTC	ACTGCCCTTT	AAATAAAGGA	GGGCTGTGGG
CAGGGCCATG	TCCCTTTCTC	CTCTCCCCCT	AACCTCTTAC	TGCTGTTCTC	CCTTTCTCCG
TCCCTCATGG	AAGCCCTGGG	AGATAACCTG	GCTTCCTGGA	GTGATGGAA	TAAAGGTTGG
GGTGGCCATA	ATGTTTTGTT	GGGGGTGAGG	GAAAAAACCC	ACAGGGACCA	GAATGTTTTG
TTGTTCTTTT	GTCTCTTTT	TTGTACCAAA	GTCAACTGCA	CGTCTTTTAT	ATTTTTAAGA
GATGATAGG	AATTAGAGAT	CGAAGCCTCC	TATCTCCACA	TCTCTGAAGA	AGTTGAGGGG
TGGGGAGAG	AATGACTTCT	GCCTTCATCT	CGAGTAACGG	GGGACCTAT	ACTGACCTCT
TCCCGAGCCA	TTTAGAAACA	AGTTCTAGGG	TGGGTGGAA	AATCTCCAAG	AGCCCTGACC
TGATCTTCCA	CCTCAGCAAC	CATGACCTGA	AACCTCAGCG	TGAATTTGGG	GGATTTTTTCA
GTGGAACTCT	TGCCCCCAAA	TGTCGACCAG	CCCCCAAATG	TGGAAGAATT	TTCTTCTTGC
CAATTTTGTT	GTTTAAAAAA	AAAATTCAGG	GAAAATTTAA	AACTTGAAC	TCC

Name: 315      Len: 6948      Check: 569

GGGCTGAAA	GACACACAGA	AGTCTTCATG	GATATAGTTG	ATACATTTAA	TCATTTAATT	60
CCTACTGAAC	ACTTAGATGA	TGCCCTATTT	CTAGGATCCA	ACCTGGAGAA	TGAAGTCTGT	120
GAGGATTTTA	GTGCAAGTCA	AAATGTCTTA	GAGGACTCGC	TGAAGAACAT	GCTCAGCGAT	180
AAGGATCTTA	TGCTAGGATC	TGCAAGTAAC	CAGTCTGTGT	TGCTGTGTTT	GGATAGCAAT	240
GATCCCAATT	TCCAGATGCC	TTGTTCAACA	GTGTTGGTC	TGACGATAT	TATGGATGAA	300
GGAGTTTCTA	AAGAAAAGTG	CAATGATAAC	ATTGATGAAG	AAGAACTGAT	TTTACCTAAC	360
AGGAATTTAA	GGGACAAGGT	AGAAGAAAA	TCAGTGAGAT	CTCCAGAAA	ATCACCTCGT	420
ITATGGGCAC	AAGAACAAGT	AAGAAGTTTG	CGACAGAGCA	CTATTGCCAA	GGTTTCAAA	480
GCAGCACCAT	TAAATAACAC	AAAAAAGCA	TCTGGGAAGA	CTGTATCTAC	TGCTAAAGCA	540
GCATGAAAC	AACAGAAAAG	GAGTCAGGTT	AAAGAAGAA	TATATATGTC	ACTGAAACCT	600
GATACCCATA	AGGAGAATAG	AAGGTGCGAG	CGAAATAGCG	GACAAATTGA	AGTGGTACCT	660
GATGATTCAG	TGTCTTCAAG	TCATTCTTCA	GTGTCTCTTT	GTCTTGAAT	GAAGGATGAA	720
GATGATTCAG	ATTCTAAGCA	TAAAGTGAAT	AATCCGGGAG	AAATAGATGT	GCCATCTCAT	780
GATTAATTT	GTTCACTTCT	TTCAGAGACT	TGTGTTACTA	TTGAGAAAA	GAAAAATGAA	840
GCTTTGATGG	AATGTAAAGC	CAAGCCTGTT	GGTAGTCCAT	TGTTTAAAGT	TTGAGATAAA	900
GAGGAACATG	AACAAAATTA	TTCCATTTCA	GTTAAACCGG	GTGAGACTGT	TGTTGAAGAA	960
ATGATAGCAA	CAAGAAAAGT	TGAACAAGAT	TCAAAAGGAGA	CAGTAAATTT	ATCCCATGAA	1020
GATGACCCATA	TTCCTGAGGA	CGCTGGATCT	TCTGATATTT	CTAGTGATGC	TGCTTGTACA	1080
ATTCACATA	AGACAGAAAA	CAGCCTTCTA	GGTTTGCTTA	GTGCTGTAGA	TGAAGTGAAT	1140
GATTTTAAAT	TGGAATTGAA	GGATACCATG	GGTATTCCTG	ATAAACTCTA	GAACACCTTT	1200
GAAAGAAATA	AAATTTAAAC	GTGGGTTTAT	TGTGAAGATG	CGGAGTCTAA	TAGGCAAGTT	1260
GAGAGCACTG	AGTTTAATAA	ATCAAACTTA	GAGGTGCTTG	ATACTAGTAC	TTTTGGACCG	1320
GAAAGTAATA	TCTTGGAATA	TGCTATTTGT	GATGTGCTTG	ACCAAAATTC	AAAAACAGTT	1380
AATGCTATAG	AAAGTACTAA	AATAGAGTCC	CATGAAACAG	CAAACTTCTA	GGATGACAGA	1440
AACAGGCACT	CAAGTAGGCT	TTCTTACTTA	GAGTCAAAAA	GTGTAAAAATC	CAAAACATACA	1500
AAAGCTCTTAA	TTCATTCTAA	GCAAAACATG	ACCACAGATG	CTCCGAAGAA	AATTGTTGCA	1560
GCAAAGTATG	AAATAATACA	TAGCAAAACT	AAAGTTAATG	TCAAAAGTGT	GAAACGAAAT	1620
ACTGATGTAC	TAGAAATCTCA	GCAAAATTTT	CATAGGCTAG	TCAAAAGTCA	AAAAAACCAA	1680
ATTGATAAGG	AGCCAAAGAT	TCAGAGTTGC	AATTTCTGGG	TTAAATCTGT	GAAAAACCAA	1740
GCTCAATCTG	TACTGAAAAA	AACATTACAG	GATCAAACTT	TAGTACAAAT	TTTCAAGCCC	1800
TAAATCTATT	CTTTGAGTGA	TAAGTCACAC	GCTCATCTCT	GTGCTTGAA	AGAACCTCAT	1860

AACTTGTGAC ARACTGGACA TGTATCACAT TOTAGCCAGA AACASTGT A TAAGCCTCAG1301  
 CAACAGGCCC CAGCAATGAA AACCAATAST CACGTGAAGG AAGAGCTTGA ACACCCAGGG1302  
 GTTGAACAT TTAAGGAAGA GGATAAACTG AAACCTAAAA AACCTGAGAA GAACTTACAA2040  
 CCCCCCCAAA GAAGAAGCAG CAAAAGTTTT TCTTTAGATG AGCCACCAAT GTTCATTCCA2100  
 GATAACATAG CTACCATAG AAGAGAAGGC TCTGATCATA GCTCCTCATT TGAAGCAAA2160  
 TATATGTGGA CTCCCAGCAA GCAGTGTGGG TTTTGCAAAA AACACATGG CAACAGGTTT2220  
 ATGTTTGGGT GTGGGAGATG TGATGACTGG TTTCTAGGTG ATTGTJTTGG GTTAAGTCTT2280  
 TCTCAAGCAC AGCAGATGGG CGAGGAAGAC AAAGAATATG TCTGTSTAAA ATGTTJTGCT2340  
 GAAJAGAGCA AAAAGACTGA AATACTAGAT CCAGATACTT TGGAAAAACA AGCTACASTT2400  
 GAATTCCTATA GTGGAGATAA AACAAATGGAG TGTJAAAAAG TGGATTATC AAAACACACA2460  
 ACAATGATA GAACCAAATA TATAGATGAT ACAGTGAAGC ACAAGGTCAA AATTTTAAAA2520  
 CCGGAGTCTG JTGAAAGGCAG AAATTCATCA GACTGTAGAG ATAATJAAAT TAAAAATGJ2580  
 CAGCTAGCTC CTCTTCGTAA GATGGGACAA CCAGTTTTAC CTGGAGATC CTCAGAAGAA2640  
 AAAAGTGAAA AAATAACGAA AGAGTCTACA ACTGTTACTT GCACAGGAJA AAAAGCTTCA2700  
 AAACCAAGTA CTCATGAGAA GCAAGAGATG AAAAGAAGA AAGTTGAAAA AGGAGTGTCT2760  
 AATJTAGATC CTGCTGCTTC TGCTTCCAAG CTTCTGCAG ATCAGATCAG GCAAGTGTCT2820  
 AGACATTCTC TCAAAGACAT TCTTATGAAG AGACTTACAG ACTCAAATTT GAAAGTACCA2880  
 GAGJAAAAAG CAGCAAAAST TGCCACAAA ATTJAGAAA AGCTTTTCTC TTTTTTTJGG2940  
 GACACAGATG CTAAATATAA GAACAAATAT AGAAGTTTGA TGTTTAATTT GAAAGATCT3000  
 AAAAAACAATA TATTATTTAA AAAAGTACTG AAGGAGAAAG TAACTCTGA TCATCTTATC3060  
 AGAATGAGTC CAGAAGAACT AGCTTCTAAA GAGTTAGCTG CTJGGAGACG AAGAGAAAAAC3120  
 AGACATAACA TAGAAATGAT TGAGAGAAAG CAGAGAGAAJ TGGAACGACG GCCAATCACCC3180  
 AAAAAAATC ATAAAGGTGA AATAGAAATT GAGAGTGATG CCCCATGAA AGAACAGGAA3240  
 GCAGCCATGG AGATTCAGGA ACCAGCCGCC AATAAGTCAJ TGGAGAAAGC AGAAGGATCT3300  
 GAAAAACAATA AAGAGGAGGT TGACTCTATG TCTAAAGATA CCACTAGTCA ACACAGACAG3360  
 CATCTTTTTG ATCTCAACTG CAAAATCTGC ATAGJTCGAA TGGCAOCCAC TGTAGATGAT3420  
 CTTTTCTCAA AAAAAGTAAA AGTTGTTGTA GGAJTAGCTC GCAAAACATTC AGACAATGAA3480  
 JCAGAAAGTA TAGCAGATGC ATTATCTTCA ACCTCAAATA TTTTGGCTTC TGAATTCTTT3540  
 JAGGAGSAGA AACAGGAGTC TCCAAAGTCA ACGTCTCTCT CTGCTCCACG TCCAGAGATG3600  
 COTGSAACTG TTGAAGTTGA GTCTACCTTT CTGGCTCGAT TGAACTTCAT CTGGAAAAGGT3660  
 TTTATCAACA TGCCTTCTGT GGCAAAATTT GTTACCAAAG CCTATCCAGT ATCTGGCTCC3720  
 JCAGAAATAC TGACAGAGGA CCTACCAGAT AGTATTCAAG TAGGTGGCAG GATATCACCT3780  
 JAGACAGTTT GGGATTATGT GGAAAAATA AAAGCATCAG GAAOCCAAGGA AATTTGTGTG3840  
 JTTCGCTTCA CACCAGTAAC TGAAGAAGAT CAAATTTCTT ATACTTTGCT CTTTGCATAC3900  
 JTTCAGTAGCA GAAAGCGCTA TGGAGTAGCT GCTAACAAACA TGAAGCAGGT TAAAGATATG3960  
 TACCTTATTC CTTTGGGTGC CACAGATAAA ATTCCACACC CTCTTGTGOC TTTTGTATGGA4020  
 COTGGGCTTG AACTGCATAG ACCTAATCTA TTGTTGGGCT TAATTATTGC TCAGAAACTG4080  
 AAGGACAGC ACAGTGCCTG TGCTAGTACT AGTCAATATAG CTGAGACTCC TGAAGTGA4140  
 CCACCAATAG CATTGCCACC TGATAAAAAA AGTAAAAATAG AAGTTTCTAC AGAAGAAGCA4200  
 CCAGAGGAAG AAAATGACTT TTTTAATTCT TTTACAACTG TATTACACAA GCAGAGAAAT4260  
 AAAOCTCAGC AGAATCTTCA GGAAGACCTT CCAACAGCAG TTGAACCTTT AATGGAAAGTC4320  
 ACCAAACAGG AGCCACCAAA ACCTTTAAJA TTTCTTCTCT GCSTGTTGAT TGGCTGGGAG4380  
 AATCAACCTA CTACTCTGGA ATTAGCAAAJ AAAOCTCTTC CTGTGGATGA TATACTTCAA4440  
 ASOCTTTTGG GCACCACTGG TCAAGTATAT GACCAGGCCO AGTCAJTGAT GGAACAAAAC4500  
 AUTJTAAAG AAATTCATT TTTAAATGAG CAGACCAACT CAAAAATAGA GAAAACAGAT4560  
 AATGTJGAAG TAACTGATGG TGAJAAACAAG GAGATAAAAG TTAAAGTAGA TAATATTTCA4620  
 GAATCTACAG ATAAGTCAAG AGAAATAGAA ACATCAJTAG TAGGJTCCTC TTCCATTTCT4680  
 GCAGJGTCTT TGACGAGTCT TAGTCTCAGA GGTAAAGCCA CAGATJTTTT TACAGAAJCA4740  
 TTTTTAACA AATTTATCAAT TCAGTCAAAA CAAGAGGAAA CTGTGGAGAG TAAAGAGAAA4800  
 ACATTAJAAA GACAGCTTCA GJAAAGATCA JAGAATAAAT TGCAAGATAA CCAJACTTCA4860  
 AATAGTJCTC CATGCAGATC TAATGTAGGA AAAGJAAADA TAGATJGTAA TGTGAGCJST4920  
 AJTJAAAAAC TGTJTTJCTAA TACAGJGAGG JCTCTACAGT JTATCAACJT GAAJAGGGAT4980  
 CTTAGJTAAG CAGJAGGAGG AASTCAGCTT CTAACTACTT CAGAAJGCAA AGATJGAGAT5040  
 AJTJGCGGA ATJGAJAAAA ACACATJCTC CTCTGCTCT CACACAAACA GJAGCACTTA5100  
 AJA JAAACAAA TCAATJTAGA GJAAJAGTTG TGTJCTGCAJ AGAAAAACTC JTGJTTCAJ5160  
 CAGAJTGACA ATTTAAAJST TGACAAAAAC TCAJCATCAJ TAGAAAAAT ACAGACTTCT5220  
 CAAGCAGAAC AAGCAAAAAO CTTACAGGAG GATATTTTAA TGCAAAATAT TGAJACTJTG5280  
 CAGCCATTTT GAAGAGGATC AGCAJTAGTG ACATCTCATT JTGAAGJTGG AAACAUAJST5340  
 CCATCAGAAJ TTCCTTCTAA AAGCATCACT TTTACTTCCA GAAGCACCAJ CCCCAGAACA5400  
 AJTACAAACT TTTACCCAT GAGGCCACAG CAGCCCAACC TTCAGCATCT CAAGTCTAGC5460  
 CCACCTJGAT TTCAATTTCC AGGJCTCTCT AATTTTCCO CACAAAGCAT GTTTGGATTJ5520  
 CCACCAJATT TGCCACCTCC ATTACTTCCO COTCCAGGCT TTGGCTTTGC TCAAAATCCJ5580  
 ATGJTTCCCT GGCCACCTGT TGTTCATCTC CCAJGTCAGC CACAGCJGAT GATGGGTCT5640



CTCTCAGAA	CATCAAGGTA	TATAGGCCCC	CAGAAATTTTT	ACCAGGTTAA	AGACATTGGG5700
AGGCGCAGAAA	GGCGUCATAG	TGACCCCTTGG	GGTAGGCAAG	ACCAACAGCA	ACTGGATAGG5760
CCATTTAATA	GGGGTAAAGG	GGACCCGCCAG	AGATTTTATA	GTGATTGACA	CCATTTGAAA5820
AGAGAGCGAC	ATGAAAAAGGA	ATGGGAGGCA	GAATCTGAAA	GGCATAGACG	CAGAGACAGA5880
A30CAAGACA	AGGACAGAGA	CAGAAAAAGC	AGGGAGGAAG	GGCACAAGA	TAAAGAGAGG5940
GCAGGGTTAT	CACATGGTGA	TCGAGGAACA	GATGGAAAAG	CAAGCAGAGA	TAGTAGGAAT6000
GTAGACAAGA	AGCCAGATAA	ACCTAAAAAGT	GAAGACTATG	AGAAAGGACAA	AGAACGAGAG6060
AAAAGTAAAC	ACAGAGAAAG	AGAAAAAGGAC	AGGGATAGGT	ACCACAAGA	TAGGGACCA6120
ACTACAGAA	CTAAAAAGCAA	AAGGTAAAAAT	TTGAGGCTG	CTTCAGGATT	ACATTTAAAT6180
AACTGTTAAA	ATGTTGTATC	TTGTAAACAA	AAGAAAGATT	GGCTGCTAGG	ATTGTGCCAT6240
CTTTAAAAAT	TTTACTATTG	GTCAATTTGCA	GAACAGTAAA	TTCTGTGTGT	TGGTACAGAG6300
TGCTGTGTAC	CAGTGCTCAT	CATCCCTTCT	TGATACCAAC	GGTCCCTAGT	CATAGGAATT6360
TAATATTTTC	AAAAGTTTTA	CATTGCTGTA	TATTCAAAAGA	TTTGTTTTAT	TAATATGCAA6420
TAAAGGCTTA	GAAATTTTAG	TTTTATTCTT	TAATTGGTAA	ATATGGTTAA	CTATGGAATA6480
TATTTACTTC	CTCTAGTGAA	TGTCCTTTAT	ATAATGACTA	ATTTGGGAGT	AATGTGTGCT6540
CTGTAAAGTTT	TTTTTAAATT	GCACGTTTTT	TAAAGAAACT	GTAGAGGAGC	AACAAAAATC6600
CAAGCAACTT	CATAATCAGA	TTATGCTAAT	CATTTAGTTG	AGCAGTTTTT	GACCAAGAAT6660
CAGAGGCCCA	AGGGGTACAT	TTATTGCTTT	AATCTGCACT	CATTGAAGTC	ATTTATTACC6720
ATATACTACA	GTTTTGTGGT	AGGCCATTAT	TTTCATTTTC	ATTTTTGGGT	CTTCAGAAAAC6780
TTGAATPACTT	AAGCTTGTAC	ATGATCTTGT	GTTTTGCTAT	CCTTTTTTACT	GTAAAAATGTA6840
AAATTTTTTAA	GGGATATTTT	GATTCTAAAT	ATGATAAAAT	AATTTCTCAC	CTATTTTGTG6900
TGTGTGACTT	GAAATTCAGT	AGTAAAAGAA	TTTCTTCTTT	AAAGCTTT	6943

Name: 316

Len: 3213

Check:

1F22

CCCCAGCAG	AAGGGCGCGA	CGGCTGCAAC	ATCAGCGGTT	AAATTGTACA	GCCTTTCATA 60
GGCGGTTCCA	ATGCATCCGT	ACTAAGATTG	TTAAGGCTGA	GGGTCCCTAG	CCTGGGGAAA 120
AACGAAAGGA	GGCAGAGGGT	AGGGAGACGG	GAAGGAAGAC	AAGGAGGGTG	TAGAAAAACG 180
GGAGAGGAGG	GGGCGGACA	GCATGGGGAA	GGCCTCAGST	TTACTGGAGA	GATCGTGCGG 240
TTCCCATAGA	AACGTATCCC	TCCGCCCATG	ACCCGCGTGT	TAGTCTCTTC	AGTTCCCTCC 300
GGGTCTTTTC	TTGGCTGTTT	CGGCCAGCT	CCTTTGTGOC	GGCAGAAACA	ACGAGATGAC 360
GCATGCGCAA	AGCGCAGCGG	CGGCATATAT	AAACGCGAAC	CCGGGCTCTT	CCTCGTAGTG 420
CGCGCGGAC	TCTTGGCGGG	TGAAGGTGTG	TGTGAGCTTT	TGCGTCACTC	GAGCCCTGGG 480
CGCTGCTTGC	TAAAGAGCCG	AGCACGCGGG	TCTGTATCA	TGTCGCGTTA	CGGGCGGTAC 540
GGAGGAGGTA	AGAAGCTGGA	GTCGCGTGAG	GGACGTTGGT	GTGGGTGTAG	TGAGCACTGC 600
GAGGCGGTAG	GSTTGTGCGG	GAGGTTGGGA	GACGTTTATT	CCGCGTGGGT	AATGGCGGCT 660
TAGGAGCACG	CCAGACGAAG	CGGGAGGCAG	CGGAGGCGGG	GTGCTGAAGG	GAGACGGGAT 720
GGCGGGTGTA	CATCTGTGCC	GAGTTCCGTA	CTCTTGGGCA	TTTTTGTGGC	CCAATCCAGC 780
CTAAAGCAGG	GTTGAGATGA	CGGTTTTGCG	GTTGCCTTTC	TGCGAGCTGC	CCGCCGGGCC 840
CCCTCCCGCC	CCGCCCTCGG	CCGGCGGGTG	CCATTTTGCG	CACATTGAGG	ACCGTGGTGG 900
CGCATTTCTT	CAGCGCTTTT	CCGCCACTTC	AGCGGACAGA	TCTGGCCGCA	GCTGTAAGAT 960
CGTGGTTGTG	TTTGAGATAG	AACGAAATTG	GCAGCTGTGA	GCTGCAATGT	CTCGTCAAAC1020
AATCGGTTAA	ATTGCAGAA	GGGAATGGGG	ACGTAATCTG	CGACTGGCGG	CTGGGTTTTT1080
TTTTAGTTAT	TTCCAGCGCG	GTTTATGGGT	CTGGGGCGGG	GAGCTGGAGT	CTTGGGCGAG1140
CTGTGCTGTG	GGACGTTTGC	CGCGGAGGAC	GAGAGCGGGC	GCAGCCTGCT	TCTCTGGCC1200
CGGCCCTTAC	CGAGGCGCTC	CGCGCGCCGA	CGCGCTGGCG	CTGCGGGGCC	CGCGCTGCC1260
GGTGCGCCCG	GGGCTGCCGG	GACTCATGGG	TGGGCGCGGG	CCAGGTCCCG	CCCCACGGCT1320
CGGTGTATCC	TACCACCGGT	TTCTGCTTGT	GTTGCGGAGG	CTCACCOCGC	ATTATTTAGA1380
ACGTTAAGAA	TTTTGTCAAA	AGTCTAGTTT	CTCGGGGATT	TGCGGACTTC	ACCAGTTTTA1440
CGACTAAGTT	TTGTCTTGA	TAGAGGCGAT	TAAATGTGCT	TTACCCCAATC	TTGAGGATGG1500
CCCGTTTTTAA	GGCAAGTAA	TAATTGAAAC	TTGGGCCAGA	TTTTGCATAA	CSTGCATTCT1560
TCTATTTGGG	TTTTTAAACA	GAAACCAAGG	TGTATGTTGG	TAACTGGGA	ACTGGCGCTG1620
GCAAGGAGAA	GTTAGAAAGG	GCTTTCASTT	ATTATGGTCC	TTTAAGAACT	STATGGATTG1680
CGAGAAATCC	TCCAGGATTT	GGTTTTGTGG	AAATGGAAGA	TCCTAGAGAT	GCAGAAAGATG1740
CAGTACGAGG	ACTGGATGGA	AAGTAAGTAA	GATGTTATGA	ATCTTCTGTT	CATTAATAAT1800
TACTGTGGGT	AGATAATGAA	CTTASTGCTA	AATTTGGATT	CTGAAGTCTG	GAAGAGACCT1860
TAAATAGCTG	GTCTAGTGT	TAAATGCTAA	AGGCACACGA	AGGTTAAAGA	AGATAGCGGA1920
GATGGAGTTA	GGGCTTGGTA	AAGACCGCCA	AAGTTTGTGG	GGGGGGAAGG	AGTGGTTGGA1980
AAGAGTGAGT	GSTTGGAAAG	AGTTCTTTTT	AAATCTATAA	GTCTGAATA	TATTTTTAAC2040
TTTGAATTTT	TGTTAATTTG	CTTTTATTAG	GSTGATTTGT	GGTCCCGAG	TGAGGTTTGA2100
ACTATCGACA	GGCATGCTTC	GGAGATCAAG	TTTTGATAGA	CCACTGCGCC	SACGTCCCTT2160
TGATCCAAAT	GATAGATGCT	ATGAGTGTGG	CGAAAAGGGA	CATTATGCTT	ATGATTGTCA2220
TGTTTACAGC	CGCGGAAGAA	GAAGCAAGTA	TTTTTTTTAA	TAAAGGAATG	GTTGGTATTC2280
TAGTTAATCA	AGTAATTTCT	TTATTAAGCA	GGCAGAAACT	AGTGTTTTTT	TATAAACTTG2340
AATGTTAATT	GTACAGGTGT	ATTTTACAAT	TTGTGTTTAA	TTAAAAAAT	GTTACTATAT2400



TAATAATGCA, CCTGGTCAAA ACCTTTCCAG TTTCTTCGTT TGAGTCAGTC GCCTTGATTG2480  
 AGAATGTAC GACCTTTATG ATATCATGCT GAGGCGCCTT GCAAAACCC3A CAATTAAGAT2520  
 CCTCCTAGAG CTTGAGGTGA TCAGCATAG AGCCAGATC CCGTCGAGTC ATCTACACCT2560  
 AGCTTCACCT TATTCTTTAA AGGGCAGAAA ATTTGAGACG GTGATCGCCG TAACAGTAA2600  
 TTTGGCTTAC AATTGGGGCC CCGCTCCGCT TTAGAAAGAG GAACACCCAGA TTGACCAACAT2640  
 TCCCAACTAG AAAATCTTTC TTGGCTCAAT CARGCTCAC CTGGCTCAAT TGGCTGTGAG2680  
 TTTGATGCTG GTTAGATTGA AGAAAACATC TATATGCAGC GATCGGCTAT AGATACTTCT2720  
 AGATGCTCTA GATCTACTAG ACATGGGCCC AAAGAGGGTC GACTGCAAAA CTGCAAGGT2760  
 TTATCTTAAA TACACATTAC ATCTTTTAT ATTATGTAAT GCTAAGTTGT AATTGAGCTT2800  
 TTAACAAATC TTTTTTATAG TAGTAAAAAA AAAAATACTC AACCACTAAT AGGCCAGAG3000  
 TTTATCTTCA AATGAGACAC TAAATTTAAA TAGTTTTGAG ATTTGATTTC AGCAGAGGCA3040  
 CACAACTCTT TAAAAAGAG TTATTGTCTG ACATTTTSTT TTTTCTCTAA CTGAAAAAT3120  
 AGGTCAAGGT CTAGATCACA TTCTCGATCC AGAGGAAGGC GATACTCTCG CTCACGCAGC3160  
 AGGAGCAGGG GACGAAGGTG AGATCTTSTT TAAGTGAAGT CTTTCTGTAT TATTATTTAA3240  
 TTCACTGGTA GTCCAAACACA GAAAAAGCTC ATTATTTTTT TTGGAGACAG GGTCTTGCTC3300  
 TGTCACCCGG GCTGGAGTAC AGGGGCATAA CCACGACTCA CTGCTGCCTT GATGATCTCT3360  
 TGGGTTTAAAG CAGTTCTCTT ACCTCAGCTT CCGGAGTAGC TGGGACTGTA GGCCTGCCC3420  
 CCATACCCAG CTAATTTTTA TTTTGTAGA AATGCTCTTG CACTGTTTTCC CAGGCTGGT3480  
 TCAAGCTCCT GGGCTCAAAAC GATCCTCTCG CAGTGTGGG ATTATGGGCA TGAGCCACTG3540  
 CACCCTTCCC CAGTTGAAGT CTTAACAGCC CAAAAAATA AAAAACTGTG GAGATGGACT3600  
 TAAAGTTCTT TATTTTAGGT CAAGGTCAAC ATCTCCTCGA CGATCAAGAT CTATCTCTCT3660  
 TCGTAGATCA AGATCAGCTT CACTCAGAAG ATCTAGGTCT GGTTCATAAA AAGGATCGAG3720  
 GTATTTCCAG TATGTAACAC TTTTCTCTT TACTTGTGTT TGGATTGTTT ACATCTTATC3780  
 AGTAGAGTGT CTTAAGGACA TAATTCATAT GGATTGCTTC AGGGAATATT TGAGATGTAA3840  
 AAGTTTGGAA TTTATGTGTA ACTTGTAACA TAAATATTAC CCTAGTTTCA CAGATGAAGA3900  
 AAAGGGGTAC TAGAGATTTT AAGGCTTCTT AGGCGGTGTG GTAGACAAGG GTCCCAAGCA3960  
 ATACAGCTCT ACTCAACACT CTGGGTAGGC ATGTGTGCTAT AAACTTTTCT GGCTTCAGAT4020  
 TGGATGATAC TAGCTCTGAA AGATGGTAAT TGATTTTCCC GACAAAAAGG CCTATTAGCA4080  
 CCAGGAAAAAG AGATCAGAAG CAAGTAGAAA CATTCTCTCAT TTTTGGAAAT3 AIGGGGTTGA4140  
 TTTGAGACAC TGGAAAGTTG ACTAGGCTAG TAGTGTGTAC ACAGAAATGA ATGTGGATTT4200  
 TTTTTTTAGA CCTTTTCAGA CCTGAAAAAA CTAAAGAAC AGAGCTTTAC TATTTGTAGA4260  
 AGGCCTTAAA AGGAGATAGA ATGGAAAAAA TTGTAAAAATA AGTATTGCAA CATGTAATTA4320  
 ACAATATTGT TATCTGTACC AACGATAAAA CCGTGGTACG GAATGCTACT GGGAGTTAAA4380  
 TTGCTGTTTA ATAGCACAAA ACCTTTAAAT GCAGGAATTC TGAATCTTGT GGTCTATTTG4440  
 AGAAAGCTAT GAACCATCTC TTTAGATAAA TTTAAAAGAT AGATATGTCA GTCTGATTTG4500  
 GTTTGTCTGA CAGATTGATG GCTCTCAAAAC ATAAGTTGAT CCGGGAAGAA GCCTGACAAA4560  
 TGGGCGGGCG CTTTCTTTTC GTCTGGCTTT ATCAGCTGAA TTAGTCTCAG TTAGGCTC4620  
 TGGTTATTTT CATCTGCTT TAGCCTCTCG AGTAGCTGG ACTGCCATTG TGTAACACAG4680  
 TGCCAGCTG AGGATCTGT GCTTTAACTG AGGTTAGTTT TGCTTCTCTC ATACCAGTCT4740  
 CATCAATGA AAACCATGTA TTTCCCTTGG ATATTACACA GTGTTTGAGA ATGTTATAC4800  
 TGTACAGAAA CTAACCAATT GAGTGATAGA AACAAAGTAAT TGAAATGGGG GTTCTTATG4860  
 TCTGCTAACA CTTTGTTTGA CAGTGTGTTA GACAGAATAA GGCAAGTGTT GCATCTTGT4920  
 TAGTTTTAGC TTTTATATGC CTGACCAACC TAATACAGTG TTGAGTAGTT AAGGAAATTC4980  
 CTTTGGACTG ATTGATATAA TTGTSTTTTT TCACTTTTTT TATTAAGATC CCGCTCGAG5040  
 TCAAGATCAA GATCCAGGTC TATTTCACTA CCAAGAGCA GGTAGGGTAA AAATTGAT5100  
 ATCCTTTTCT AGTTATATGG CACCAATATC CAAAGAGTTC AAAGTGTTTT TAATTGTTGA5160  
 AATTTTAAAG GTTAACTCTA AACTTAGGTT TTAGTGGGAA CACAGTACCT TATTTGTGTA5220  
 TGTCTATTTT ATTACTGCT GACTTTCTCT GAACAAGGGA ATGTAAAAC ATAGTGAGAA5280  
 AGAAGCTTAT GACTTGGGG ATTATATTAA AGAGGCCCTT GTTAGAAGTG ATAGGTGCAT5340  
 CGAGAAGCAT CCTGAAATCG ATGTGCTTAA AGCAGAATGT AAAAGATTAA TCATGATGTA5400  
 STAATTGAGT CATTPTTTGA AAAACATG TTGAAGATT GGCTTTTGT AGCAACAACT5460  
 GGTAGGATST TTTTCAATTT AAATGCACTC TGACATTTTA AGCTTAGGAC ATTTGGGGT5520  
 TTTAGCTAT TGTGACTAC AAATAATGGA TTGTTTAGTA CTCTTTCTTT AATAGAAAT5580  
 CTCATGTTTT GACAGCCGAT CAAAATTCAG ATCTCCATCT CCAAAAAGAA GGTAAAGCTAA5640  
 ATGTTTGTGT GACAAATCTT GCTTCTAAG TGTGGCTCTC GCAGAATTTG TTTGCTTACT5700  
 GCTTGTGCT CTTTGAAGCT TTTGGAGAA TGGTGTCTATA TAGATTAAAA TACTATGCTA5760  
 AGTTTCTGAA ATACTTTTTT TTTTGTATTC AGTAACATTA GTTTTATACT TTGCTGGAAA5820  
 TACTTAGTCA TAAAATGTTA GGTGTGATTAT TAAGATGTGA TTGGTCTCTT GAGTACTTGG5880  
 TAGAAATTTT GGTAAAGATA ATGCTCTTTC CCGCATGTA CAATAGATAC AAAGTGTGGA5940  
 GAAAAATCTT GGAATATGTT ACCTGCTTAG TGTCTCTTTA TGACCAGAAA ACTTCAAAAT6000  
 GTTGTCATAT TTATCTAGTG CTTCTTAATG ACCAGAAGAC TTCAAAATAG TGTCAATTTT6060  
 AACTGCAGGT TGACCTTGCA ATTTTGACAA GGAGGATAGC CTAATTTTTT TTTTTTCTG6120  
 CGATGGAGTT TTGCTCTGT CCGCAGGCTT GGAGTGCAGT GGCTCAATCT TGGCTCACTG6180

TACAGGTAAC CACCBCAAG COTBCCTAAT TTTTGTATT TCTAGTAGAG ACGGAGTTTC6300  
 ACCATCTTGG CGAGGTGGT CTTAAACTCC TGATCTTAGG TGATCACCTB COTCGCCTC6340  
 TCCMAAAGTB CTGGGGTTAC AGGCGTGAGC CACCGTGCCT GGCCAGGTA GCTAATCTT6420  
 AAGCAGGGGA CAAAAGATGA ATATATGTAA GTTTCATGTC ATTTTATAGT CTTTGCTATA6480  
 GGAAATTAGT ACCTTAGGOC ACCTTTGAAG TTATGAAAG TTAGTACATG TACATGAGAG6540  
 TTTCAATTGA CACTAATPGG ATCCAAACCT AATSTTTTTT TTTTATGTCB TCCBCATCA6600  
 GAAATCTCTC GCAGAAAGTC AAGTCCTGAA AGAATGGAAT GAAGCTCTCA AGTTCACCTT6660  
 TTAGGAAAA GTTATTTTGT TTACATTTAT ATAAAGGATT TGTATATCTT GTRAAGTGA6720  
 ACTTAGGAAA GATAATTCAA CCATCTAATC AAAATGGATC TGGATTACTA TGTAAATTCA6780  
 CAGTAGTAAG GATAATATAA ATTTTGTGTA ATGTATGAAC ATCATATGGT CTGAAAAAT6840  
 TGGTTTTTAT TTGGCACATT TAAATAACAT GTTCTAATC AGATTCAGAC ATTATTTT3A  
 ATATTAAAC TCTTAATTT GATATATTTG AGAGTCAGAC ATTATAATTG TTAATCCTTA6900  
 TTCATACATA CCTACATTCA GAATTGAAAG GTGTTGGTTA AGTCTTGAAC ATCACTATTC7020  
 TATGCATAAA ACTTGGCCAG GATCTTAAGG GACTTTGAAA ATTCCATCTT ACCCTTGTAG7080  
 CTCTGGGTAA GATGACCTGA GTCCCTTATG ATACAGCCTG AATGCATCAT GACAGATCCT7140  
 TAGTTAGCTA ATCCGTTTGA AGTTGGTGTG AGTAGGTATT GTATGATCAG TGETGAAGCA7200  
 AGTAGGACCA CTGATCTCTC TAAATGAGCA TGACAGGAAC TAAACGAAAC TGATTAAAT7260  
 TATGAGAAAT AGAAACTSAT TTCTGGATGA TCTTTATACT AATTGCAGCT TTCAGGCTAG7320  
 TAGGTGGCAT AGTGTTAATT AGGACTCCCC AAGATATGGG GAGTCTACT CTCAATGGT7380  
 TTGTTTTCTT GCTTTCTACA TTAGTTAACC AGTTTTATAC CAAAAAATGC ATGTTTGA3G7440  
 AATTSTCTGA AATTGGGACA AAACACCTTC ATGTAAACCA GCTTTGCAAA ATTTCCAGC7500  
 CCAGATACTC TTCACTATT CAAATGGATT GTCTTATTCT GAGCAAAGAC CTGTTGTTAA7560  
 TCTTCAAGCT AGGTTTTGCA GTTCCCAACC ACAACATTCT TCTATTTTSC CAGGCTGGTG7620  
 GAAAGTAATT AAAGATGTCA ATCAGAAATG TCAATGAGAC TAAAGTGGTT TTGTAATCT7680  
 CAGCTATATT TAGCAACACT CCATGTAGCT AATATTTTTT GSTAGCATCT GGTAGACCTT7740  
 AGAATGTTAC ATAGCCAGTA GGTCTTTTAT TCAATTTTAA AGTATCTTAA GAATAGTAGS7800  
 GCAAGTAACAG TTACTTTTGA GAGTTTTCTG GTCAAGCTTT TACCAGGCAT TCTCTAGCCT7860  
 TGSTACAAA AAAAAAAAAA CCTGCTGGTT GCGCAGATAC CTAGGCTTGT CCATTTTATG7920  
 CATTTCAGCA AAGTCATTGG AGACTATTGC AACTTGGGAA TACTGGTCTG CATCAAGTTT7980  
 AATTGGGTAG TTGACCGCT AGTATGTTGG AAGTTATTTG GATTGTTTTT GGAATTTTGA8040  
 CTGGCTGAAT TATGGTTGGT ATAAAGTTAT GTGTATAACT GGCAGGCTTA TTTATCTGT8100  
 GCACTTGSTT AGCTTTAATT GTTCTGTATT ATTTAAAGAT AAGTTTACTC AACPAATAA8160  
 CTGCAGAGAT TGAACAAATA ATCCTGATAC TTAATTTTTG GAAGTGGGAG CTC 8213

Name: 317 Len: 572 Check: 4C  
 CGCCGCATTG TGSTCCGCTT CTCTGCACTA TGTCGGGTGG CCTCTCTGAG GCGCTGCGCA 60  
 GCGACTCCTA CGTGGAGCTG AGCCAGTACC GGGACCAGCA CTTCGGGGGT GACAATGAAG120  
 PACAAGAAAA ATTACTGAAG AAAAGCTGTA CGTTATATGT TGGAAATCTT TCTTTTACA180  
 CAAGTGAAGA ACAAATCTAT GAACTCTTCA GCAAAAGTGG TGACATAAAG AAAATCATT240  
 TGGGTCTGGA TAAATGAAG AAAACAGCAT GTGGATTCTG TTTTGTGGAA TATTACTCAC300  
 GCGCAGATGC GGAAAACGCC ATGCGGTACA TAAATGGGAC GCGTCTGGAT GACCGAATCA360  
 TTGBCACABA CTGGGACGCA GGCTTTAAGG AGGGTAGGCA ATAAGGCGCT GGGC3ATCT3420  
 GGGTCCAGGT TCGGGATGAG TATCGGCAG ACTACGATGC TGGGACAGGA GGCATGGA480  
 AACTGBCACA GAACCACTGA GTGGTGAGAG CTCTGTCAAT GACAAACACT CCTTTGGCCT540  
 GTTGAATTTG CTGAAGAACA TCACCTAAAG TC 572

Name: 318 Len: 338 Check: 14BF  
 CAATCTTGA ASTATAAAAA GCTGAGAGTG TTCTGGGGCA GGGAGTCTTC AGAADCAGGA 60  
 CAAGAGAAAT TTGATCTCTG GATGTTTCAT ACTACTCAGA TGATAAAAGC GTGBCAGGT3120  
 CAGATSTAGA GAAGAGAAGG CGATTGCTAG AGAGCCTTGG AGGCCACACA CTTEATGTTA180  
 TTCTCTGTCC TCAAGATAAA CAATCCTTTA ATTACTGTCC GATGAATCTC TGCAGGCTCT240  
 TGAAGAGSTA ITTGGGGTTA CAGATAATCC TAGGSASTTG CAGGTCAAT ATCTAACAC200  
 NTTACCAAAA GGATGAGGAA AAGTTGTGCG CNTATGTC 338

Name: 319 Len: 451 Check: A27  
 THTTTTTGAC TTTAAATGAT AAACTTTTAT TCTGAATATA CTGTTTTTGC ACAABATTTA 60  
 ACACAACATT TTCTGGGATT ATAAATATTT TATAACAGTA TTATACAAAT TTTTACAAAA120  
 TTTTTTTATC AGGCTAGGTA ATTTTACAAA AAGTGTCAAG AGAACAAAAT AAAGGGGAGA180  
 AACTATCTAT TGTTCACAAA AGCCAGTTGG CTTTTTGCAT GAATGCACAC CATTTTAATA240  
 AAATATTTC TAAAAGCATG ATCCGACACT CATACAACAC AACAAAAAAG ACAGCTTTAC300  
 TAGGTACAT TATAAACTCA ACTGGCATCT ACACAAGACA GTATCCCAT AGTTTCAGTG360  
 GAATTTGAGA TAACTTGTGT GAAGTAGAAA TAAGGTAGAT GAAGAGTTGT CCAATCTTTC420  
 NAAAACTGGA AATTTTTTTT CACACTCCAA N 451

Name: 32 Len: 623 Check: 213F  
 GGNAGTAGCA GAACACCTGC TCTCATGAAC TTCATGATGA CAGGCTCTTG GSTGACAATT 60

GTTGGGAAAT TTGGAGGCAAT GATTGGAGCT GGAATGCTTG TACAATCAAT ATCATATGAG120  
 CAGAGCAGG CCGAAAGCAT CTGGCTTGGG TGCTGCAATC TGCTGTGATG GGTGCAAGTTG190  
 TGGCTCTCTT GAGGATCTTA GGGGGGGCTC TTCTCTTGAG AGCCGCAATG TACACGGCTG240  
 GTATTGTGG AGGCTCTCTT ACTGTGGGCA TGTGTGGGCT TAGTGAGAAG TTTCTCGAAC300  
 ATGGGAGGAC CCGTGGGAGT GGGCTTGGG CTTGTCTTTT GCCTCTCTCT TGGGGTCTAT360  
 GTTCTCTTCC CTTACCTCTG TGGCTTGGT CACTCTGTAC TCAGTGGCAA TGTATGGTGG420  
 ATTAGTTCTT TTCAGCATGT TCGTCTCTTA TGATACTCAG AAAGTAATCA AACGTGAGAA480  
 AATAACACCC APTATGGAG CTCCAAAGTA TGATCCCATC AATTTCGATG TTGANATCTA540  
 CATNGATACA ATTAATATAT TTATGCAAT TGCANTATG CTAGCAACTT GAAAGCAACAG600  
 AAAGAATGAA GTACCCCTTT TTA 621

Name: 300 Len: 359 Check: 19ED  
 GCGTACTGCA CGCGGAGCCA CAAGCTGAGC CCGAATCTCT TCGCTTGGGT CTACAGGGAG 60  
 ATCAATGATG ACCTGTCTTA CCAGATGGAG TGCCAGGCGG TGNAGTGGCA GAGCAAGCTC120  
 GAGGCGAAGA AACTGGGCGA CGCCATGATG GAGGCTTCA GGAAGACTTT CCACAGTATG180  
 AAGAGCGACG GCGGATCCA CAGCAACAGC TCCTCGGAAG AGGTTTCCCA GGAATTGGAA240  
 TCGATGATG GCTGAATGAA CTTTNAGAGC CTTNAGCAAA GGCAGCATTG GTCACGGGGT300  
 TCAAGGGCAAT TAGATTGAGT AAGCAACGTT TCAATTTGG GATGAAAGAT TTCCAAATT 359

Name: 301 Len: 295 Check: 102E  
 CCTCACTGCT ATGGGCGGCA ACAAGAAGAA GAAGCGAGAT GGTGAGGACC GCGGCGCGAG 60  
 GCTCGTTCTT AGCTTCGACG AGGAGAAGAG GCGGAGTAC CTGACAGGCT TCCACAAGCG120  
 GAAGGTTCGAG CGAAAGAAGG CAGCCATTGA GGAGATTAG CAGCGGCTGA AAGAGGAGCA180  
 GAGGAAGCTT CGGGAGGAGC GCGACAGGA ATACTTGAAG ATGCTGGCAG AGAGAGAAGA240  
 GGCTCTNGAG GAGGCAGATG AGCTGGACCG GTTGGTGACA GCAAAGACGG AGTOG 295

Name: 322 Len: 406 Check: 233D  
 CAAAAAGCTG GTNGCCTCCA GACCCGACTT TTTCAACCAG GAGCAACAGA CAGGGGATGT 60  
 GGAATGTCTC CTCACAACAG GAGAAGTTT CAGGTTTCTG GAGGAGAGG GGGCTCGGGG120  
 GGTACCTGAG AGCAGCTGTT CCGGCACGCG GCGCGAGAGC TCTTTGGAAT CCATGTGGCT180  
 GAGGTTACCT ACAAACCCCT GAGGAACAAA GACTTCCAGG AGGTGACACT NGAGAAGGAG240  
 GCGCAGGTGC TGCTGCACTT CGCAATGGCG TACGGCTTCC GCAACATCCA GAACCTGGTG300  
 CAGAGGCTCA AACGAGGGCG CTGCCCTAC CACTACGTGN AGGTCATGGC CTGCCCTCA360  
 GGCTGCTGTA AGGGCGGGGG GCGAGCTCCA GGTCCAGAC AAGGCC 406

Name: 323 Len: 489 Check: 149E  
 TTTTTTTTAA CATTCTTAAG TTTCTTTATT CTTCATAGTT TTCTAATGAA CAAATAGTTA 60  
 GTTTTCTCTGA GTAAGATTAT AAAAAAGTTA ACCATTCTTC CAAAAGTATA AAGACAAATA120  
 AAATGTGAGC TCATAATACA AATTTTTTAC ATAGCATTAA AGGTGCAGAT ATTGACTGCC180  
 CCTCTTCAAT ATGATTGGCC CACCCCTTAA AAAGACTGCA ACAGAGGATT CAATTGTCTA240  
 AAATACTTGG AAGTACAGAA ATTAATGCT TTAGCCCATTA AACATATCCC TCATCTATTG300  
 TGTGTCTAGG GAACACATGA GCAAAATCTA TCATCTGCACT TTCTACTTCA GCAATCTCTA360  
 GGCACACAGT GGAAGATGG TAGAAAATTT TATCCAGTTG GGAAGTACA TTTCCATTTA420  
 AATGTTCTG TGACATGCTT TTCCACCCAT TGTCTTGCTC CAGATTTTCA ACTTTCAAT540  
 AAGTCTGAC 489

Name: 324 Len: 491 Check: 21BF  
 TAAGGATTAA AAACGATTTT AATTATAGAC ATATGGTCAC AATTTTGGCT TAAAAAGATT 60  
 GTTGGGAAAT GTACATAAGG CGGCTTGTAAT ATGTACATCG TGTACTGTT ATGTCTTATG120  
 TCCAGAGGAA AAAATGTTAT CATACAGATT TGCTCTTACT TGGGAGTAGG CTATTCAAAA180  
 ATACAGTACT CTTCTGTACA AAGAAAAAGT TCACATCACA TTTAATAAGA TGAAGAAAGG240  
 ATTTGGCTCTC ATGGTAACCA AATATCTCAG TCCAAATCTT TCTATTATGC ACAATACCT300  
 GACTTCAATT GAAAGTGATC CAAATTCTAG CAGGTCCATA TTAACAGTCA ACAACTATGT360  
 TATAAAACAA AATGATCTCA CAATAATAAA AAGAAAGCTG GTTCATACTT CTGAAACCAT420  
 ATAAAGATAA AAAATTTTTA AAAAATCACT CTGATTTGG AGAAATAAAT TTACATTATA480  
 CAACACTATA T 491

Name: 316 Len: 546 Check: 101E  
 CGGCAGGAGG GACAAGGCGAG CCGGATAAAC AAGTGGAGCA CTTTCTTAA GGCAGACTG 60  
 ATTTCTCTAA TTCTTGGAAG TGATGGGGCA GATCTTACT TTGATGAGCT TCAAGATATT120  
 TATTTATCTC CCACAAGAGA TGAAGAAAT CTTGTAGTAT ATGGAGTCTT TACTACAAAC180  
 AGCTCATCTC TCAAGGGCTC TGCTGTTTGT GTGTATAGCA TGGCTGACAT CAGAGCAGTT240  
 TTTAATGGTC CATATGCTCA TAAGGAAAGT GCAGACCATC GTTGGGTGCA GTATGATGG300  
 AGAATTCTTT ATCCAGGGCC TGGTACATGT CCAAGCAAAA CTTATGACCC ACTGATTAAG360  
 TCCACCGGAG ATTTTCCAGA TGATGTCTAT AGTTTCATAA AGCGGCACTC TGTGATGTAT420  
 AAGTCTCTAT ACCCAGTTGC AGGAGGACCA AGCTTCAAGA GAATCAATGT GGATTACAGA480  
 CTGACACAGA TAGTGGTGGG TCATGTCAAT GCAGAAAGATG GGCAGTACGA TGTAATGTTT540  
 CTTGGA 546

Name: 326 Len: 456 Check: A6C

GCACGAGTCTT ACATCCAGAG GACCAAGAGC ATGTTCCVGA BRACCATSTA CAAGTATBAG  
ATBATTAAACA AGTAGAATGA GCAGATBCAT GCGCTGCTBG CCATTGCGCTT CAGGATGTAC120  
CCCATGCGTA TTGATGAGAG CATTCACCTC CAGCTGCGGG AGAAATATBG GCACAAGATG180  
TTGCGCATGU AGAAAGGTGA CCCACAAGTC TATGAAGAAC TTTTCASITA CTCTTCCCTC240  
AAGTTCTCTGT CGCTGTAGT GCCCAACTAT GATAATGTGC ACCCAACTA CCACAAAGAG300  
CCCTTCTCTGT AGCAGCTGAA GGTGTTTTCT GATGAAGTAC AGCAGCA33C CCAGCTTTCA360  
ACCATCTGCA GCTTCTGAA GCTCTACACC ACCATGCTG T33CCAA3CT GCTTGGCTTC420  
CTGSACTTCA CAGAGCAGGA GTTCCGATC CAGCTT 456

Name: 327 Len: 462 Check: 131C  
TTTACAGGTA CACAATTTAA TATTTATTAT ATGCATTTTA TATACATTAT TTTTCAACAG 60  
CTGTATCTTT GCTATGTGGT ACAATCTTAA AAATTTGCTG ATTCATAGTT TGTAAAACAA120  
AAACCTTACA AAACCTCATCA AAACCTCGCA ACTGATCAGA AAAGTTTCTC GGAAGACTAG180  
AAAAAATACT TTATTGTCTT AATCATGCAT TACACAAACA AAATCTTTAG TTACACATA240  
AAATTAAGCA CATCTAAAAA AATAAAACAG GGATAACTAG TCRAAAACACA GCAGATTTCT300  
GTATCTTGAT TCAACTATTT TTGTATCCTA TTTGTAATGC AAATAAAACT TTACTCCAAA360  
TATTTTTTAA CAAGTTAGTT TTGTTTGGAA TCATGGTAAA CCAAGATATA TATCTTAGGG420  
GGAACCTACT TSGTTTGTA TTTAACTAT AAAATACTCC AT 462

Name: 328 Len: 457 Check: D31  
CAATTAGGG CTTTGGCGGG ATTGGCTCCG CGTTTGGGGT GGTCCGCT3C TCCCCACCTA 60  
CCAGGCTGG ATCCGGAGCC CTTCCCCGCG GGGCGGGGAC CTCCAAACAA CCGACTCCTT120  
TCCAGCTGAA GAAACACTTA AATTCTGGAA ATAGCGACTC AGTATCATGG CCAGCAGCT180  
TAATGAAGAT CCAGAAGGAA GCAGAATCAC TTATGTGAAA GGAGACCTTT TTGCATGCCC240  
GAAAACAGAC TCTTTAGCCC ACTGTATCAG TGAGGATTGT CGCATGG3CG CTGGGATAGC300  
TCTCTCTTT AAGAAGAAAT TTGGAGGGGT GCAAGAACTT TTAATCACC AAAAGAAATC360  
TGGAGAAGTG GCTGTTCTGA AGAGAGATGG GCGATATATA TATTACTTGA TTACAAAGAA420  
AAGGCTTCC CACAAGCCAA CTTATGAAAA CTTACAG 457

Name: 329 Len: 448 Check: 77C  
TTTTTTTTTT TTTTATGATG CACTCCAAGT GCCATATGTC TATTTTATTC TTCAGGAAAT 60  
TATATTTTTT TTTTACAAGA GCACAACAGG AACCAGAGTA AAAGAGTAAT AGATACAGCA120  
CTCAGGATAA ATCATATCTT TAAAATAATA ATAAAAAAT TTACACCTTG TCTATATCC180  
TGTTAGTATT TTCATAATAT GGCCATGATT GAAAAAACA AAASCAAGCA TCTACAATTT240  
TTTTTGATAA AGACTTTTTA TGCCAGGAAT GGATTAATTA CCAACAAAT TTATACTAAT300  
CAGGCTGATG TCAATCTATT TTTGTAATGT ATCATTAACA AATTTATTTT GGAAAAGATA360  
AAAATATTGC CCTTGATAA TAAATCTTTT TTTCTTTGA TGCAACAGC TAGAACACCT420  
TTTTCTTTTT CTTTTGTATA TTCTAAGA 448

Name: 33 Len: 464 Check: 1B37  
TATTCAGAGC ACACCTTTCCA GTATGCTTAC CTTGTTACGA CTTATCTCCT CTCATAAACG 60  
GATGTCTAGA AATTAATTAT GTTAAGTTTA ATTTAATTTG AG3AGGGTGA CGGGCGSTGT120  
GTGCGTACTT CATTGCTCAA TTCAATTAAG CTCTCTATTC TTAATTTACT ACTAAATCCT180  
CCTTAGTCTT TTAGTTTCAT AAAGGGTATA GTAATGTTCT TTTATAAGAA AATGTAGCCC240  
ATTTCTTCCC ATTCATTGG CTACACCTTG ACCTAACGTT TTTATGTTTG ATTCCTTTGC300  
TTACTTTAAT AACTTTTTTAG GGTTTGCTGA AGATGGCGST ATATAG3CTG AATTAGCAAG360  
AGATGGTGAG GTAGAGCGGG GTTTATCCGA TTATAGAACA GGTTCTCTTA GATGGATATA420  
AAGTACGCCC AAGTCTNTTG AAGTTTTAAG CNAATGGCTAG TACT 464

Name: 330 Len: 373 Check: A98  
GTTGCACATG CCGTGGGCCA TGACTGTGTA TGCTCTGGTG GTGTTGTTT ACTTCCTCAT 60  
CAGCGGAGGA ATAATTTATG ATGTTATTGT TGAACCTCCA AGTGTG3TT CTATGACTGA120  
TGAACATGGG CATCAGAGGC CAGTAGCTTT CTTGGCCTAC AGASTAAATG CACAATATAT180  
TATGGAAGGA GTTGCAATCA GCTTCTTATT TACAATGGSA GGATTAG3TT TCATAATCTC240  
GGACCGATCG AATGCACCAA ATATCCCAAA ACTCAATAGA TCTCTCTTC TCTTCATTGG300  
ATTCTGTT3T CTCTTATTGA GTTTTTTGAT GGCTAGAGTA TCTATGAGAA TGAAACT300360  
GGGCTATCTG ATG 373

Name: 331 Len: 306 Check: 2689  
GGCGAAGAGG ACAGAGACTA TGACATCACC CAGCTCCACC GAGGTTT3GA GCGCAG30CG 60  
JAGGTG3TTC TCGCAATGA CGTGCGACCA ACCATCATCC CGACAGCCAT GTACCGTCT120  
CGGCGAGGCA ACCAGATGA AATCGGCAAC TTTATAATTG AGAAGCTGAA GCGCGCTAAC180  
ACAGATCCCA CAGCTCCGCG CTACGACACC CTCTTGGTGT TCGACTATGA GGGCAGCGGC240  
TCGCAAG30G CTTCTCTGAG CTCCCTCACC TCTCCGCTT CCGACCAAGA CCAAGATTAC300  
GATTAT 306

Name: 332 Len: 626 Check: FF  
TCACGTATCG CAAGGGGCTT TTATTGGATT AGTTGCGTGG G33AATCAGT TCTTCCCGAG 60  
AGCAGCAAGT GCAGGCTATTA GTGTACAGAA TCCAGAGGAA G33CAGGCTG CTTGGGTGAG120  
GCCTACTGCG CTGGAGACAT GTGGAGTTCT CTAGGGGTCT GCAGCCACT CCGGGAGCTG180

GGAGATTCTT TCCAGACAC TCCTACATAT AGAAGGTGA TGGTCTATTC TCAATCTGCA24  
 CCGTTTTT TCGSTATT CTSTAAGGC TTCTTCGCA CTSTSTGAT AAACCTATAGG20  
 TTATCTTTAG AACTTCTT TCGTAACAC ACTSTGATGG GGTGAGATC AAATAGTITC20  
 ACCACTADCT CAGTACACG GGAAGGGAAC TCTAGTCAG AGAATGGGT GGTACGGGTG40  
 GAGACCCGAA GGTAAGTACT TGTCTTCGNC CTSTGTGAAG GTTAGCCAAC TGGAAACCC40  
 AGTTTAACT GGTCTTCAG CTGTCTCAG CAGGGAATGA GGTCTTACG ATCTTTGAC40  
 TGGAAAGATT CAGACAGTTC CTCTANTCT TCTGTNAGCC TTTGGGACC TGGAGCAGT60  
 CTTAAATTC TGGGAGGTT AGCTGG

Name: 113 Len: 1898 Check: F0C  
 GAATTCGCG TCGACGGGG GTCCGGTTAC ATCCCGGCT TCTSTGTCT TGGCTGCGG 60  
 ACCGGTTTGG CCGGACCGCA GTTCGGGAAC ATGTTGGGCT CGAGCAGCCG GATCGGGCT 120  
 GCGTGGACGG GGGCGCTGCT GCTGGCGCT CTGCTGGGG GGGCTSTGG CTGCTGAGC 180  
 CGCCAGGAGC TCTTTCCCTT CGGCCCGGA CAGGGGGACC TGGAGCTGGA GGAACGGGAT 240  
 GACTTCTCT CTCTGCGCT GGAGCTGAGT GGGCGCTCC GCTTCTACGA CAGATCCGAC 300  
 ATCGACCGAC TCTAGCTCAC CACAAATGGC ATCATTGCTA CGAGTGAAC CCCGGCCAAA 360  
 GAATCCCATC CCGGGCTCTT CCCACCAACA TTGGGTGCA TCGCCCTTT CCTGGCGGAC 420  
 TTGGACAGCA CCGATGGGCT GGGGAAGSTT TATTATCGAG AAGACTTATC CCCCTCCATC 480  
 ACTCAGCGAG CACGAGAST TGTCCAGAGA GGTTCGCGG AGATCTCTT CCAGCTCTAGT 540  
 AGCGGGSTGG TTGTCACTTG GGAATCGGTG GCGCCCTACC AAGGGCCAG CAGGAGCCCA 600  
 GACAGAAAG GCAAGAGAAA CACGTTCCAG GCTGTTCTAG CCTCTCTGA TTCCAGTCC 660  
 TATGGCATTT TCTTTTATCC TGAGGATGGT CTGCAGTTCC ATACGACATT CTCAAAGAAG 720  
 GAAAACAACC AAGTCTCTGC CGTGGTTGCA TTCAGTCAAG GTTCAGTGGG ATTCTTATGG 780  
 AAGAGCAAG GAGCTTATAA CATATTTGCT AATGACAGG AATCAATTGA AAATTTGGCC 840  
 AAGAGTAGTA ACTCTGGGCA GCAGGGTGTG TGGGTGTTG AGATTGGGAG TCCAGCCACC 900  
 ACCAATGGCG TGGTGCCTGC AGACGTGATC CTGGAACTG AAGATGGGGC AGASTATGAT 960  
 GATGAGGATG AAGATTATGA CCTGGCGACC ACTGCTCTGG GCTGGAAGA TGTGGGCACC1020  
 ACGCTCTCT CTACAGAGG TCTGAGAAG GAGGTGCTG ACACATACAG TGTGGCCAGC1080  
 GTCTCTCTCC CGCGCGGGGC AGCTACCGAA AGGCCCTTG GAGCTCCAC AGAGAGAACC1140  
 AGGTCTTTCC AGTTGGCAGT GGAGACTTTT CACCGAGCAGC ACCCTCAGGT CATAGATSTG1200  
 GATGAAGTTG AGGAAACAG AGTTSTTTT AGCTATAACA CGGATTCCCG CCAGACGTGT1260  
 GCTAACAAAC GACACAGTG CTCGGTGCAC GCAGAGTGA GGGACTACGC CACGGGCTTC1320  
 TGCTGCAGCT GTGTGCTGG CTATACGGGC AATGGCAGGC AATGTGTTGC AGAAGGTTC1380  
 CCGCAGGAG TCAATGGCAA GGTGAAAGGA AGGATCTTTG TGGGGAGCAG CCAGSTCCCC1440  
 ATTGTCTTTG AGAACACTGA CCTCCACTCT TACGTAGTAA TGAACACCG GCGCTCCTAC1500  
 ACAGCCATCA GCACCATTC CGAGACCGTT GGATATTCTC TGCTTCCACT GGCCCCAGTT1560  
 GGAGGCATCA TTGGATGGAT GTTTGCAGTG GAGCAGGACG GATTCAAGAA TGGGTTCAGC1620  
 ATCACCGGG GTGAGTTTAC TCGCCAGGCT GAGGTGACCT TCGTGGGGCA CCGGGCAAT1680  
 CTGGTCAATTA AGCAGCGGTT CAGCGGCATG GATGAGCATG GGCACCTGAC CATCGACAG1740  
 GAGCTGGAGG GCGCGGTGCG GCAGATTGCG TTGGGCTCCT CGGTGCACAT TGAGCCCTAC1800  
 ACGGAGCTGT ACCACTACT CACCTCAGTG ATCACTTCTT CCTCCACCG GAGTACAG1860  
 GTGACTGAGC CCGAGCGAGA TGGGGCATCT CTTTCAAGCA TCTACACTTA CAGTGGCGC1920  
 CAGACCATCA TCTTCCAGGA ATGCGTCCAC GATGACTCCC GGCCAGGCTT GCGGAGCACC1980  
 CAGGAGCTCT TGGTGGACAG CGTGTTCGT CTGTACAACC AGGAGGAGAA GATCTTGGC2040  
 TACGCTTTCA GGAACCTCAT TGGGCTGTG AGGGAAGGCT CCGCTGATGC TCTTCAAGT2100  
 TCTTGTACA TCGGCACTCA TGGGTGTGAC ACCAAGCGGG CCGTCTCGCC TGGTCCAGG2160  
 ACACATTTCA CTTGGGAGTG CTGCATGGG TTCCGAGGAG ACGGGCGAAC CTGCTATGAT2220  
 ATTGATGAAT GTTCAGAAAC ACCCTCAGTG TGTGGGAGC ACACAATCTG CAATAATCAC2280  
 CCAGGAAGCT TCGGCTGCGA GTGTGTGGA GGTACCACT TTTGAGATGA GGGAACTGT2340  
 GTGGCTGTGG TGGACAGCG CCGCATCAAC TACTGTGAAA CTGGCCTTCA TAACTGGAC2400  
 ATAGCCGAGC GGGCCAGTG TATCTACACA GGAAGGCTCT CTTACACCTG TTCTTGTG2460  
 CAGGGTTTT CTGGGATGG CCAAGCTGC CAGATGTAG ATGAATGCA GCGAAGCTG2520  
 TGTCACTGG AGGCTCTCT CTACAACTT CAGGCTCTT TCACTGTGCA GTGCAAACT2580  
 GGTATGAGG GAGAGGGCTT CCGTTTGGTG CCGGAGAGG TGGAGAAAAC CCGGTGACAG2640  
 CAGGAGTGG AACACATTCT CCGGGCAGCG GGGGCGACAG ACCACAGCG ACCCATCTCT2700  
 CCGGGTGT GTCTTCTGA GTGGATGG CACGGGCACT ACCTGCTCAC CAGTGGCACT2760  
 GCGAGCAGCG GCTACTGCTG GTGCCTGGAT CCGGACGGGC GCGAGGTGGA GGGCACAGG2820  
 ACCAGGCTGG GATACGCGC CCGCTGTCT ABTACAGTGG CTCCCCGAT TCACCAAGGA2880  
 CTTGGGTGCT CTACCGGCT GATCTCCTTG CTTCTGGGA CTTATTTACT CTTTGGCCAG2940  
 ATTGGGAAGA TTGAGCGCT GCGCTTGGAG GGAATACCA TGAGGAAGAC AGAAGCAAG3000  
 GCGTCTCTTC AGTCCCGGC TAAATCATC ATTGAGTGG CTTTGTACTG CTTTGTACTG3060  
 ATGCTTTACT GAGCGACAT CACTGAGCT TCAATTGGGA GAGCTAGTCT ACATGCTGGA3120  
 GAGGCAACCA CCACTATTAG ACAAGATCTT GGAAGTTCAG AAGGTATCGC TGTGATCACT3180  
 CTTGGGCGCA ACATCTTCTG GACAGACTCT AAUCTGGATC GAATAGAAGT GCGGAAGCT3240

GACGGGACGG	AGGCGCGGGT	GCTCTTTTGA	ACTGACCTGG	TGAATCCGAG	AGGCTATTGTAB
ACGGATTCCG	TGAGAGGGAA	CTTTTACTGG	ACAGACTGGA	ACAGAGATAA	CCCCAAGATTB
GAAACTTCCT	ACATGGACGG	CACGAACCGG	AGBATCCTTG	TGCAGGATGA	CGTGGGCTTGB
CCCAATGGAG	TGCACTTCTGA	PGCGTTCTCA	TCTCAGCTCT	GCTGGGTGGA	TGCAGGCACCB
AATCGGGGGG	AATGCTTGAA	CCCCAGTCA	CCCCAGCAGAC	GCAAGGCTCT	CGAAGGGCTCB
CAGTATCTTT	TTGCTGTGAC	GAGCTACGGG	AAATACTCTT	ATTTCACAGA	CTGGAGGATGB
AATTCGGGGG	TGCTCTCTGA	TCTTGCAATT	TCCAGGAGAA	CGGATGCTTT	CCAACTCCACB
AAGCAGATCT	GGCTGTATGG	CATCACCAAG	GGCTGTCTCT	AGTGTCTGCA	AGGCTATAACB
TACTGTCTAG	TGAACAATGG	CGGCTGCAAG	CACCTATCTT	TGGGCACTCC	AGGAGGAGGGB
AGCTGGGCTT	GGCTGTGACAA	CACCTTGGGA	GTTCATCTTA	TCGAAAGGAA	ATGAAGACAA
GATGGCTTTA	TTCTCTTTCC	AAGTATTTCA	CAGCAACACT	CTACTTGAAG	CAACTTGGTCC
CAGATTGAAA	AGTGTCTCTT	GGCTGAGTGG	CCACTAGGCT	CAGACCCAGC	CCAGGCTGAGB
CCCCAACCA	AATTTTTTCC	TCACTGTTCC	CCAAAACATG	CACGCTGGAC	TTCTCTAATA
GAAAAGTCTC	CACGCTTACA	CAAGGACAGA	AGCTTCCAGC	CCCTACCCCA	AGCTCAGACB
AGACTTATAC	AGGCTGTAGT	GAGGATTACA	TGCTTCTCTT	AGTGTCTTAG	GACCTTTTCC
CAATACTAGC	CCCCCAGTGG	TGAACAGAAC	CTCCCAAATT	TGAGTTGCAC	CCTTCCCTGT
GGCTTTATGA	GCTCAGGCTC	GCTTTGAGGT	AGCCACCTCT	CTGTGAGCTC	CTTACCTAT
GAGCTGGGGG	CTGACTAGGA	AAAGTTGGGA	GTTAAGGAGG	AAATTAGCAT	TCCTTAATGT
TTTGTTTTGG	TGCTCTGAAT	TTCTTCTTTA	TTATAGTCTT	ATAGTTTTC	TCCTCAGTTC
CTCAGCATCA	TCATCTTGTC	TAAGACCCCT	ATTATAATAT	TCATGGGCTG	CTTTTTTCATC
AAAAGCTACC	CTGTCTTAGA	GATCTATGGG	CATTTGGTGG	ATGATAATGA	GCAGCCCTCT
CCAGATAGAA	TGTCAATATT	TGAGCAGTAG	GATATTGGCA	TTTGTTAGTT	AAAGGCTTAA
ATCAAAAGAA	TGTCAATATT	TAGGAATTTT	AAGGTGTAGG	TCAGATATTT	GAGAATAGGG
GATTTTTTTG	ATGTGCTTTA	AATTATACCA	AAATTAATA	ATTATTCTCT	TTTGGCCAAA
ATACTTGCAT	CCAAGGTTCT	AGTCTCTGTT	GCTGTGCTGG	TCTTTAGCCC	CACTGCTGGC
ACTSATGTCT	CTCTTTTTTC	ACGGAGACCT	ATCTGAGGTA	CAGGATGGGG	CTGGCACAGB
ATGATGTCTC	AGCACAGTCT	CTCACCTCTG	GGCTTCCAT	GACAGAACCA	ATTTACACTC
AACCATGACG	TCACGCTCTC	TTGGTTTTCT	CCTCCCTGG		4898

Name: 334      Len: 429      Check: 74D

TGTTTCGGAG	GCNAGCGGGG	CNNGNCNTGT	GACAACCTGCC	NGTAGACCTG	GGGCTGCTGA
ACCGASTTCC	GATGGCAACA	CCGGCCACAC	CTACAAACAG	TATACACAGA	GATACAATCA
GAGAACAAAC	ACTAACGTAA	ATTGCCCAT	TGAGTGCTTC	ATGCCGCTAG	ATGTGCAAGC
TGACAGAGAC	GATTCTCGAG	AGTAATCTTT	CCAGCCCCAC	CCGTACAAAT	GTNTNNTACT
CAAGGTCAAT	CCACACCCCA	GTGATGTTAG	CAGACCTCTC	ATCTTTGAGT	GGTCTTTTCA
CCCTTAAGCC	TTTTGCTCTG	GAGCCATGTT	CTCAGCTTCA	GACAATTTAC	AGCTTCTCCA
AGCATGGCCC	GTGGATTGTT	TTGAGACTTC	TCTCTCAAT	GGTGACAGTT	GGTCACTGT
TCTGCTTCA					429

Name: 335      Len: 411      Check: 55

CCGACCGAGC	CATCTGCAAA	ATCCCGGAAG	AGCCAAAGGAG	GGGGACACAG	GCAGTACCAG
TGGCAGCAGC	AGCCCAACAG	CCCCCTGCCC	CCCTGTACCT	TGTATCTCTT	TTTCCCAAGB
GGCTGTGCTT	GAACTCTAGG	CACCTGCAAC	CCCCACACTC	ATGACACAC	CCTCCCTAAC
TCTTTTCACT	CCGAGCTTGG	TCTTCACTTA	CCCCAAGACT	CCTGAGCCTT	GTGCTCAGCT
TCATGCGAAG	AGTAGCAGCA	GCAGCGGAAG	ACCCATCCTC	TGACCCCTTT	GGCTCTCAAA
GGCTCTCTCT	TTTTGTGAGG	GGCTGAGGCT	TACTCCCTGC	AGATGCTCAG	CTTAGGCAAT
GTCTCTCTCT	CTTCCCCCAC	GGGTCCAGCT	GGCTGGGACA	GTATCCACAG	A
					411

Name: 34      Len: 308      Check: 3A1

CCGCGAGAGC	TGGGTGAGGT	GGGACTGCTG	ACTCTCAGAA	GCTCTCTCTT	GCATTTTTGT
CTDGGCAGAC	TGGGAGGGAG	CAGGCGCTCG	CGGAANACCG	TCACITACTG	GGTTTGTTCAL
CCTGTTTCCA	GCAAGTTTTG	GTCTTTTGGG	CAGAAGCCTG	TTGACCAACT	GTGGGGCACCB
ACAGTCTTGC	ACAGAAAGGT	GGCACCCGGA	GTGTTTTGTT	GGCTCTCACTA	CCAAAGGCAAC
GGGAAAGGCA	ATTTCCAGTA	GGATTGCTGG	TTTTGAATTC	TTTTCCCAAA	AGCNAAATN
AGTTTNACT					308

Name: 35      Len: 435      Check: 21E

AAAAAGCCAT	TAATATTCAA	ACAAAGGAAT	CACATTTTAA	AAACCTTATA	CATAAGAAAC
AGCTCCAGG	AACATTCAAG	CAGCAGTCA	GAGGAGAAAA	TGTTTCAATA	GGCCAGTTTTT
CTTCAAAATA	TGCTAGAGAA	TACAATCCAA	TTCACTGCTA	CAATTTCATAG	AATTNGTCA
TGTTTTCTTG	AGAGGCTGAG	GTTCACCTTT	GGCACTTTCC	AAATGGGCGC	ATGTGCTGCT
CAGAAAGGCC	AGCGNAGACN	AGCTGCTCCG	AAGAAGTTTC	ACTGCTGGAA	AACTGCTCCG
CTCCCAAGGA	AAGCCCAAGG	AAGGCTGGGG	CGTGGGCTCA	CAACTTTCATC	CTTTCTCCAG
GGGCAATCCAG	CTCCAGCTCA	CTTGAGGTCA	ATGTGCTCNT	CCACAGGGAA	GCTCACCAT
CTTTGCTATC	CCAGG				435

Name: 36      Len: 505      Check: 251D

CCGGCAACGT	ACACCTTTTT	TATTAAAGGG	CTTCTATTGT	GTTCTGAAGT	TCCATCTCTG
					50

TSACACACATT	AATATACCTT	AAATACCTGG	GATBTGGSTGT	GGTACATACA	TGGTGGATGC120
TGTBTGTGTA	TTATATATAC	TACTATATTA	TGAACACCTG	AGTCATGGAA	GTCTTGGCAAL80
AGTGTBCCTT	AAAATCCTCA	ACCTTTTAA	CITTTCTCAT	ACATCGAAGT	CAGTATTCTT240
ATGAAGGCCC	CCATATITGAA	AAAAGTCCAC	TGTCTCTGAG	AGGTITGTAGC	CATCATCATT300
TTCCAGC3GG	TGCTATCTTT	TATTCCTGGG	ACGTTTTCTG	GGTTCACCTGA	CATCATTACT360
TTGTACTAAG	TTTTCTCTGT	TGCTTAAAG	GCTGCTCTGT	AGCAACAACCT	GTCTCATCCC420
TTCAAAGCTT	TTCTAAGCAG	TTTAGCTATT	TGAAAAGGGG	GCTTTCTAAC	TTCTCTTTT480
CAAAATAAAC	TGCTGGGCAT	GCGTT			505

Name: 37      Len: 451      Check: A27

TNITTTTIGAC	TTTAAATGAT	AAACTTTTAT	TCTGAATATA	CTGTTTTTTC	ACAAGATTTA 60
ACACAACATTT	TTCTGGGATT	ATAAATATTT	TATAACAGTA	TTATACAAAT	TTTTACAAAAL20
TGTTTTTATC	AGGCTAGGTA	ATTTTCACAA	AAGTGTCAAG	AGAACAAAAT	AAAGGGGAGA180
AAAGATCTAT	TGTTCCACAAA	AGCCAGTTGG	CCTTTTGCAT	GAATGCACAC	CATTTTAATA240
AAAGTATCTC	TAAAAGCATG	ATCCGACACT	CATACAACAC	AACAAAAAAG	ACAGCTTTTAC300
TAGGTACAT	TATAAACTCA	ACTGGCATCT	ACACAAGACA	GSTATCCCAT	AGTTTCAAGT360
GAATTTGAGA	TAACCTGTGT	GAACTAGAAA	TAAGGTAGAT	GAAGAGTTGT	CCAATTCTTC420
NAAAATCTGG	AATTTTTTTT	CACACTCCAA	N		451

Name: 33      Len: 245      Check: CCG

GATTTGCCGT	CTTGTACCTT	TAAGAGCTAC	AGCTAGAGAA	ACCTTCACGG	GGTGGAGAGA 60
GGATTCTAAG	GCTTTTCTAG	CGTGACCTTT	TTCAAGTAGTG	CTAGTCCCTT	TTTTACTTGA120
TCTTAATGGC	AAGAAGGCCA	CAAGGTAAT	TTTCTTTTTT	TAGCTCAGGA	AATATGTGAG180
GCTCAAACCA	CTTCTCAGGC	AGTTTAATGG	ACACTAGTCC	ATTGTTACAT	GAAGTGATAG240
ATAGC					245

Name: 39      Len: 403      Check: 185

AATTCAAAGG	TAAATACACT	GAGTAAAGAG	CTACATTCAG	AGTTCTCAGA	AGTTATGAAT 60
GAAATCTGGG	CTAGTGATCA	AATCAGAAAT	GCCCTCCTTA	TCTCATCAAA	GCCAGGCTGC120
TTTATTGCA	GTGCTGATAT	CAACATGTTA	GCCGCTTGCA	AGACCTTCA	AGAAGTAACA180
CAGCTATCAC	AAGAAGCACA	GAGAATAGTT	GAGAAACTTG	AAAAGTCCAC	AAAGCCTATT240
GTGGCTGCCA	TCAATGGATC	CTGCTGGGA	GGAGSACTTG	AGGTTGCCAT	TTCTATGCCAA300
TACAGAATAG	CAACAAAAGA	CAGAAAAACA	GTATTAGGTA	CCCTGAAGTT	TTGCTGGGGG360
CCTTAACAGG	AGCAGGAGGC	ACACAAAGGG	CTGCCCAAAA	TGG	403

Name: 4      Len: 433      Check: 1372

GACTCCTTCA	CGTCAGGCTC	AGGTTCCATG	GGAGSACGAA	GCASTGGAGC	CATTGTGGGC 60
TTTAGGGACA	GATGAGTTTT	CCAGATAGTG	TCAGCTTATT	TGAAGATTAA	TTTTCTTTGT120
TAACTTAAAA	TAACATTTTT	AACCTTTGAG	TGGCTTCTTT	TTAAACCAAA	AACCGTCTTT180
CTTTGCTTTT	TTATCACAGC	AGAATCAGGA	TCTCTTTCTC	ATTCAAGGGG	GGAACCACTT240
CAGGGTCAAG	GCTGCGCCTG	CTGTGGCCGC	CGCGAGCCAC	GNCCTCTGGG	ATTCTTTTGG300
TACCGTCACT	CTTGGCTTGT	GCCTTCCACA	ACTTCTCGGT	TGCAGATCCC	TATGGGGGGA360
AGCTTGCTTC	AANGTTCTCT	GGAACTTGGT	CAGAAGCAAG	CGCCTGGGTN	GGGTGTTTNC420
CTGGGGCCAA	TTT				433

Name: 40      Len: 527      Check: 26AF

GGACAATGAC	GGCCTCCAGT	GTCTCCTTGC	ACAATGGACA	GAAGATGCOCT	CTGATTGGTC 60
TGGGGACATG	GAAGAGTGAG	CCTGCTCAGG	TGAAAGCAGC	CATTAAACAT	GCCCTTAGCG120
CAGGCTACCG	CCACATTGAT	TGTGCTTCTG	TATATGGCAA	TGAAACTGAG	ATTGGGGAGG180
CCCTGAAGGA	GAGTGTGGGG	TCAGGCCAAG	CACTCCTCTG	AGAGGAGCTG	TTTGTGACAT240
CCAAGCTGTG	GAATACTAAG	CACCACCTTG	AGGATGTAGA	ACCTGCCCTC	CGGAAGACAC300
TGGCTGATCT	GCAACTGGAG	TATTTGGACC	TCTATTTGAT	GCACTGGCCC	TTAATGCCCT360
TGAAGCCGGG	GAGACAATCC	CCTTTTCCCA	AGAAATGCCG	AATGGGAACT	GTGAGATATG420
ACTCCAACTC	ACTATTAAAG	AGACCTGGAA	GGCTCTTGGA	ACTACTGGTG	GONAAAGGGG480
CTGGTGAAAG	CCCTGGGCNT	TGTCCAACTT	TCAACAGTGG	GCAAGAT	507

Name: 41      Len: 449      Check: 516

CATAATTGAG	AACAGCACAC	TGGGAGAAAG	AGAGATTGAG	CGTGNGGGNG	AGTAATCCTG 60
AGAGAGATGC	AGGAAGTTGA	AACCAACTTG	CAAGAACTTG	TTTTTGATTA	TCTTCATGCG120
ACANCTATCA	AAATACTGCA	CTTGGACGGA	CAATTCTGGG	ACCAACTGAA	AATATCAAAT180
CTATAAATCG	TAAAGACCTA	GTGGATTACA	TAACACACACA	CTACAAAGGGA	CCAAGAATTG240
TACTGGCTGC	CGCCGGAGGT	GTTTGCCATA	ACGAACTGCT	GGAGTTAGCA	AAGTTCCATT300
TTGCTGACTC	TTTGTGCTCA	CACAAAGGGA	GCTATACCAG	CTCTGCTCTC	CTGGCAAAGTT360
TACTGGAAGT	GAAGATTGGG	GGTGAAGGGA	TGACCAAGGAT	GCCCNNTGGG	GAACCTTGGG420
AATAACTGGT	TTGANCCAAT	TTGTTGGG			449

Name: 42      Len: 411      Check: 19A6

TCTTCTCTGG	CAATGCGTCT	GGGGCGCGCT	CAGAGCAGTT	CATCAACCTG	CGAGAGGTCA 60
GCACCCCGCT	CCGCTTGCCA	CCCGGGGAGT	ATGTGGTGGT	GCCCTCCACC	TTGAGGCCCA120
ACAAGGAGGG	CGACGTTCTG	GCTGCGCTTC	ATTCTCAGAG	AAGAGTGCTG	GGACTGTGGA180



TTTAAATGAA AATATCCAGG CAAATCTCCG CGATGAGCAA TTGCTCTTA AAGAGUASAT140  
TGAAGAGAAAC TCAAGGGCCC TCTTCAGGCA GGTGGCAGGG GAGGACATGG AGATCAGCST300  
GAAGGASTTG GAGACAATCG TCAATAGGAT DATCAGCAAA CACAAAGACC TCGGACCAAS60  
GGGCTTCAGC IAASAGTCGT GCGGCAACAT GGGTGAACCT CATGGATCGT T 411

Name: 43 Len: 455 Check: 129D  
TTCTCATTA AACTCCCCAC GGTGGGAAGA CAGTTTATCA CTTAGTCTTA TACTTTTGGG 60  
CAGCTCACTI CTGCACAATT GAGATACATT TGAAGAGTAG TCTGTTTGGG ATCTGTGATA120  
TTTTAATCCA CAAACAAGGA GAACTCCCTA AATTGAACTT GTCTAAATCC AGCTTTTCTT3140  
AACCTCCCTC CTAAGACTTA GACAAATTAG TCATTGAGAG CATCTCTTA TTAATGTT240  
CTAGAGAGCA GAGCCATCAA CAGAGCTGCT GTCACTCTAA CAAGAAATGG AGGTTCACAA300  
GGGAAIACCT TCGAGCTTCA TGCAAAGTCT AACTCAGGAG GGAACAGGCG TCCCTCTG6360  
CTGAAGAGAT CTCTCTTATC CTGGACAGCA ATCAGCTGCT TCTCTTAAAG AAATGGGTGG420  
GTCAAAGGGC NACATGAGCT CATGAAATGT TCAAT 455

Name: 44 Len: 312 Check: 7C1  
CTCACNTGTA GNAGATATGG AGCGGAGAGA CGTTGACTTT GAGCTTATCA AAGTAGAAGG 60  
CAAAGTGGGC GGCAGGCTGG AGGACACTAA ACTGATTAAG GGCCTGATTG TGGACAAGGA120  
TTTCACTCAC CCACAGATGC CAAAAAAAGT GGAAGATGCG AAGATTGCAA TTCTCACATG180  
TCCATTTGAA CCAACCAAA CAAAAACAAA GCATAAGCTG GATGTGACCT CTGTGGAAGA240  
TTATAAAGCC TTTCAGAAAT ACCGAAAAAG AGAAATTTGA AGAGATGATT CAACAAATTA300  
AAGAGACTGG TT 312

Name: 45 Len: 600 Check: 1915  
TCGGGAGCGC AGTTCGGCAG TCGGCTCCCT CGTTGACCGA ATCACCAGCC TCTCTCCCCA 60  
GCTGTATTTT CAAAATGTGG CTTTCTAACA AGCTGACGCT GGACAAGCTG GACGTTAAAG120  
GGAAGCGGGT CTTTATGAGA GTGACTTCA ATGTTCTAT GAAAGAACAA CAGATAACAA180  
ACAAACAGAG GATTAAGGCT GCTGTCCCAA GCATCAAAAT CTGCTTGGAC AATGGAGCCA240  
AGTCGGTAGT CTTTATGAGC CACCTAGGCG GGCCTGATGG TGTCCCATG CCTGACAAAGT300  
ACTCTTAGA GCGAGTTGCT GTAGAACTCA AATCTCTGCT GGGCAAGGAT GTTCTGTTCT360  
TGAAGGACTG TGTAGGCCCA GAAGTGGAGA AAGCCTGTGC CAACCCAGCT GCTGGGTCTG420  
TCATCTGCT GAGAAACCTC CGCTTTCTAT TGGAGGAAAG AGGGAAGGGA AAAATGCTT480  
CTGGGAACAA GGTAAAGCC GAGCCAGCCA AAATAGAAAG TTTCCGAGCT TCACTTTCCA540  
AGCTAGGGGA TGTCTATGTC AATGATGCTT TTGCACTGTC ACAGAGCCAC AGCTCCATGG600

Name: 46 Len: 598 Check: 154B  
TTATGCCAAA AATGGAGAAC TACTTAAATA TATTGGCAAA ATGGGTTTAT TCGATGAGAC 60  
CTGTACCCGA TTTTACACGG CTGAGATTGT GTCTGCTTTA GAGTACTTGC ACGGCAAGGG120  
CATCATTCAN AGGGACCTTA AACCGGAAAA CATTTTGTTA AATGAAGATA TGCACATCCA180  
GATCACAGAT TTTGGAACAG CAAAAGTCTT ATCCCCAGAG AGCAAAACAG CCAGGGCCAA240  
CTCATCTGTG GGAACAGCGC AGTACGTTTC TCCAGAGCTG CTCACGGAGA AGTCCGCTG300  
TAAGAGTTCA GACCTTTGGG CTCTTGGATG CATAATATA CAGCTTGTGG CAGGACTCCG360  
ACCATTCOGA GCTGGAAAG AGTATCTTAT ATTTGAGAA ATCATTAAGT TGGAAATATGA420  
CTTTCCAGAA AAATTTCTTC CTAAGGCAAG AGACCTCTG GAGAAACTTT TGGTTTTAGA480  
TGCACANAG CGTTAGGCT GTGAGGAAAT GGNAGGATA GGACTCTTTA AAGCAACNCC540  
GTCTCTCGAG TCCCTCACGT GGGAGANCTG CACCAGCGAC GCTCTCBAAG CTCACCGT 588

Name: 47 Len: 435 Check: 2256  
AAATTCAGAA AGGAGTATTT GAGGTGAAAT CCACAAATGG GGATACCTTC TTAGGTGGGG 60  
AAGACTTTGA CAGGDCCTTG CTACGGCADA TTGTGAAGGA GTTCAAGAGA GAGACAAGGG120  
TTGATTTGAC TAAAGACAA CAGGGCACTTC AGAGGGTACG GGAAGCTGCT GAAAAGGCTA180  
AATGTGAACT CTCTCATCT GTGCAGACTG ACATCAATTT GCGCTATCTT ACAATGGATT240  
CTTCTGGACC CAAGCATTTC AATATGAAGT TGACCCNGTG CTCAATTTGA AGGGATTGTG300  
ACTGATCTAA TCAGAGGGAC TATCCTTCCA TGCCAAAAAG CTATGCAAGA TGCAGAAGTC360  
AGCAAGAGTG ACATAGGAGA AGTGATTCTT GTGGGTGGCA TGAATAGGAT GCGCAAGGTT420  
CAGCAGACTG TACAGGATCT TTTTGGCAGA CCCCAGGTAA AGCTGTCAAT CCTGATGANG480  
CTGNG 481

Name: 48 Len: 293 Check: 744  
AAAGAAATGA ATTGCAGCAG ACTATTAATA AATTAACCAA GGAACCTGGA AGCTGAACAA 60  
CAGAAGTTGT GGAATGAGGA GTTAAAATAT GGCAGAGNAN NGAAGCGATT GAAACACAAT120  
TAGCAGAGTA TCACAAATTG GCTAGAAAA TAAACTTAT TCCCTAAAGG TGCTGAGAAT180  
TCCAAAGGTT ATGACTTTGA AATTAAGTTT AATCCCGGAG GCTGGTGCAA CTTGCTTGTG240  
CAAATACAGG GGNCAAGNTT TATGTACCCC CTTAAGGAAC NCCCGAATGG AAA 293

Name: 49 Len: 632 Check: A95  
GGCACAGAAAT CAAAAGTTTC TGTGGGAATT TTAAATATAA AACTTGAAT GTATCCACCA 60  
CTCAATCAAA CGTTATCTCA AGAAGTAGTG AACACACAGC TTGCTTTGGA ACCTCAGAAA120  
ACTGCAGAGA AAGAGCGATT ATTTCTTSTA TATGCTAAGC AGTGGTGGAG AGAATATTTG180  
CAAATTCGAC CCTCACACAA CTCACGACTG GTTAAGATT TTGCACAGGA TGAAATGGG240

ATAAATAGAC CATTCTCTTC CTATCTTAAA CAA TCGGA : TGGAG : TCTTBACT300  
CGAAGGCAAG CAGCAAGATT TGTTAATGTC CTTGGTTATG AACGAGGCTC TGTATTGGA360  
CGAGGAGGTA AACAGGAGCA GTGGTGCAT CTGCTGGCTT TTCTGTGTAG AAACAAGGCT480  
CACTGTGAAG ATCAGGCTAA CCTTCTGTGC AGCTTCTTTC TTGATATAG ATTAGAAGCC480  
TTTGTTTGTG TTGGGACCAA GGCAAAAGGA GTACCTCATG CATGGGTTAT GACTTGTGGA540  
ACTGATGGGG GCATCACTTT TGGGAGATT TANAGGAGCC AGTACCTCCC TAAAGCTACN600  
AATCTTGAAG AACTTCCANT GCTGAACAGN CT 532

Name: 5 Len: 603 Check: 1783  
AGGAGGAGCT CCATTTCTATA NAAAACGAGT AGAAGATGAG ACTTTGATA ACACATGGCT 60  
AAAGAGGAGT GACAGCATGA TTAGAGTCC TGGGCTGCTG CCAGTACCTAC AACTCAGATC120  
CACTGTACTG CGGAGAGACA GTGGGCTCAT GGGAGAGCCAG ATTCAAGAAC CTGAGTCTGA180  
ACATGTTCT SAACGAGACT TTTTACACAA TCTTCAGATG CAGATCTCTT GGTAGGCTCA240  
GCGGAAGTGA GAAGACTTAA ATCGGAAGGA CAGAACAGGA ATGAAGTACA TGAAAGTGA300  
AACTGGAGTG AGGATGCTG TTGCGGCTCT AATGGAGGNA GATGCTGAGC CCATCTTTGA360  
AGATGTGATG ATGTCATCCC GAAGGCGAGT AGAAGATATG AATGGAGAA TTTGGAGGAC420  
AGCATGGGTT ATTGATCTGC CTCCCATCAA GAAATCGGCG AGANGAGA3C TGAGCTAAGG480  
CCGAGACTTC TTTTGACTCT GCCANTTATC CATNGGAGNT GATTTGAG3G ATTTGGGAAT540  
TCTTATGCT TCTGAAGTN CTGGAGGAA ATTTTCCAAA CTTN3GAGCC CTATTAATTT600  
TGG 603

Name: 50 Len: 532 Check: 181  
CCAGGCTATC CAAAATCCCC AAGCCCCGCA AGCCCCCTAA GCCCCCAAGG CCCCCCAAAA 60  
CGCTGAAGCT CAAAGATGGA GGCAAGAAGA AAGGGAAGAA GTCCGGGAG TCAGGCTCAC120  
CCAGCATGCC CAACCTGGAC CTGCTCGAAG CCCACACCAA GGAGGCACTG ACCAAGATGG180  
AGCGGCCCCAA GAAGGGCAAG GGCACAAAGA GTGTCTTGAG TGTGCCCCA ACAGATGTGG240  
TTCACATGCA GAATGATGTG GAGAGGCTGG AAATTCGAGA GCAAAACCAAG AGCAA3TCAG300  
AGGCAAGTG GAAGTACAAG AACAGCAAA CTGACTCTCTT ACTGAAGATG GAA3AGAG3C360  
AGAAGCTAGA GAAGTCCGCT CTAGCTGGAA ACAAAGACAA TAAGTTCTCT TTTTCTTTCT420  
CCAAACAAGAA ACTCTCTGGC TCCAAGGCTC TCAGGCCCCC GACGAGGCTT GGTGTGTTCG480  
GGGCTTGTGA GAATTTCAAG GAGGACAA3C CCAAGCTCTT GGGGATGAG TATGATACG540  
TGTCGGATGA CGGTGAGCTT CAGATGAGC AGTTTCCCAT CC 582

Name: 51 Len: 523 Check: 1E87  
GGTGAGCTGC GACGTGACTG GCTAGCTGCG TGGGTACTGG AACAAAGCAA CGAGGCAGCG 60  
AGCGAAGGAC GGGAGCGCGA CCTGGGCCC CGTGGAACTC CAGGCTGCGC CACCAGCTCA120  
CGCACACGCT CGGCGCTGCG ATCCGCGCAT ATAACGATAT TTGGATTTGA CCTGCATTTT180  
GGAATTTATC TACACTTAAA ATGCCACCAG CAGTTGGAGG TCCAGTTGGA TACACCCCCC240  
CAGATGGAGG CTGGGGCTGG GCAGTGGTAA TTGGAGCTTT CATTTCCATC GGCTTCTCTT300  
ATGCATTTCC CAAATCAAT ACTGTCTTCT TCAAAGAGAT TGAAGGTATA TTCCATGCCA360  
CCACAGGGA AGTGTGATGG AATATCTTCC ATAATGTTGG CTGTGATGTA TGGTGGAGGT420  
CGATCAGCA GTATCTGGT GAATAAATAT GGAAGTCGTA TAGTCATGAT TGTTGGTGGG480  
TGCTTGTCAG GTGTGTGCTT GAATTCGAG TTNCTCTGT AAN 523

Name: 52 Len: 348 Check: 1165  
GCAGGCGCAA NTACGGGGGC TGCCCAAGGA CCTGGGAAGC TACCGTTACC CGGCGGCAAG 60  
CGTGGGCHCA TTAGGAGCTC GGGAGTGAAT TCGGAGAAGG TAGCTGCTCT GATACAGAAA120  
CTGAATTCGG ACGGCGAGTT CGTACTTGCG CAGAATGTGG GGAACACCCA CGACCTGCTG180  
GACATCTCTC TGAAGCGGGC CACGCTGCA GCGGCGCANA TGGTGTTCOA GCACGCGCTG240  
CGCCAGGAGG GAAAGCCAAAT CACCAACCA GAGAGCTCAG GGCATGCTG GATCTTTCT300  
TGTCTGAATG TTATGAGGCT TCATTATG AAAAAATTAA ATATTGAA 348

Name: 53 Len: 385 Check: 1803  
GGGCGGCHCG GCGGCTANT ANGNAGGGTG CACAGAGAAC ACCCTAGCA TGAACAGTGT 60  
GAGGATTOCA CCAATTTTTT CACCATGAAG GAGACAGACC GGGAGGCTTT GCGACANAGG120  
TGCAAAAGGT TGTGGGAG CTGAGGCTC GGAACAGCT GGAACAGGT GAGCAGTAT240  
GCAAGGAGGA AGCGGGGAAG AAGGCTCCTG TGGACANGAA TTTGAAGASA CGGATCTGAG480  
AAGCTCAGGT GCGGATTTCT GTCTGTGGG TCAGGCTGCT TGGGCGAAG TTGTGGTCTT600  
GGCTGAACAG CAGNAACTCC CCGGCCCCAA AGCCAGTTGA AGTTCTGAG CGTTC 385

Name: 54 Len: 330 Check: 2653  
AACHATGCHG TTTTCTCTTT CTACACACTT GGGGCTCATG TGTGAGCTG CAGAGGAGGT 60  
GGGCACTGGA GCAAGAGTGG TGGATCTGCT GGTGGGCTAT TGTAGGCGAG CTTTAGAGTCT120  
CCCTAGAAAAG AGCATCATCT TTGAGCTTTA TCCCTCTGTG GTGGACCCCA CTGATCCCAA180  
GACTCTGGCC TTAAACCTTA AGAAGAAGAA TTATGAAGCG GCTTCAGAAA GCTCTGGGAT240  
AGTGTGATGT CTATTCGGGG AGATGAACCA GGGCTCATAA TTTGGAAATC AAGAAACAGA300  
TGGACAAAGT TTGGATCCCC CTGGGCCCCAT 330

Name: 55 Len: 451 Check: 1D60  
TONGACAGAA AAGGTGTAGG TTATATGTTG GAAATCTTTC TTTTACACA ACTGAAGAAG 60

AATTTTATMA AATCTTTCAGC AAAATCTGGT AATATAAGAA AATCATTATG GGTCTGGATA120  
 AAATGAAGAA AACAGCATGT GGATTCTGTT TTGTGGAATA TTAATCAATC GCATATGCGG140  
 AAAACGCGAT GCGGTACATA AATGGGAGCG GTCTGATTA CCGAATCATT CGGACAGACT240  
 GGGACGCGAG CTTTAAGGAG GGGAGGCAAT ACGGCGCTGG NGAATCTGGG GGGCAGGTTG360  
 CGGGATGAAG TATCGGCGAG GACTACCGAT GCTGGGAAGA GGAGGCTAAT GGGAAAACTG360  
 GCACAGAACC AGTGAGTGGT TGAGA3CTCT GTCAGTGACA AACACTCCTT TGGCCTGTTT420  
 GAATTTGCTG AAGAACATCA CCTAAAGTGG G 451

Name: 56 Len: 355 Check: 1908  
 GGAATGTCAG TBAATGGGAAC GGTTCACATA CTGACTGTGG ATCTCAAGTA TACCATTTGAA 60  
 AACCCAAAGG ACTTTGTGGA CTCACACCAO CAGAAGGCTG TTAATGCTAT CATCGAGCAT120  
 GTGCGGAGCG GCAGGTGTGGT CAGGGGCGCT CTCTCCCAAG ATTACTACCT GGTTCAGACT160  
 ATGCTGTGAG GATCAAGTGG CCAACTTTTT CAGCGGCAAG CAGATGCGAG TGAACCTCCA240  
 GAGCCTTTTT CTGACAGAAGC CAAATTTTTT ACTGAGTGGC GACTGCTTCA GAGAGATGTT300  
 CAGATCATTG TGGAGAGCTG CCACAACCAO AACATTCTGG GTACCATCCT TCATC 355

Name: 57 Len: 468 Check: 291  
 TTGTTCTGGA TTCCCGTGGT AACTTAAAGG GAAATTTTCA CAATGTCCGG AGGCGTTGAT 60  
 GTCCCTGCAAA TGAAGGAGGA GATGTCTCTT AAGTTCCTTG CAGCAGGAAO CCACTTAAGT120  
 GGCACCAATC TTGACTTCCA GATGGAACAG TACATCTATA AAAGGAAAG TBAATGCGAT160  
 TATATCATAA ATCTCAAGAG GACCTGGGAO AAGCTTCTGC TGGCAGGCTG TGCATTTGTT240  
 GCCATTGAAG ACCCTGCTGA TGTGAGTGT ATATCCTCCA GGAATACTGG CCAGAGGGCT300  
 GTGCTGAAGT TTGCTGCTGC CACTGGAGGC ACTCCAATTG CTGGCGGCTT CACTCCTGGA360  
 ACCCTTACTA ACCAGATCCA GGCAGCCTTC CCGGAGCCAC GGGTCTTTGT GGTFACTGAC420  
 CCAGGGCTGA CCACAGCTCT CAAGGGGCAT CTTATGTTAC CTACCTAC 468

Name: 58 Len: 394 Check: 520  
 ACAGTGTGCG TTCAGCCCGA GGAATCGGAG TCGGCTCAGA CTCCGGTTCT TTSTTTCTCT 60  
 GAAGGTGCGA CGGGGACTCA GGCGGGCAAG GTGAGGGGCG AGGTCCAGAG TCACAGAGCT120  
 TTGGAGGTCA CCGTGTAGGG GTGCGAGGGA CGGGCTTGAG ACAGGAACTC CTTGGGTGGA180  
 CAATGAGCAG GTGGGGAGAC AGGGGCGCTGG GATGGGGGAG TCCAGAGGTC AGGGGTGCTCT240  
 GGGTTGAGAG GAGGGGACT CACGGCTCCC AAGCAGGTTT TTAAGACGTT TGTCAATGTA300  
 AAGGCAGATG TTGGAATGTA CCAGGCTGTA CTCAGAGAOC ACCTGCTCCC GACACTCAAA360  
 CGCAGACCTG GGGATCTCGG CAGGTATGAA CTGC 394

Name: 59 Len: 296 Check: 1081  
 GCCAGGGCTA CTGACAGGTG GACCAGCGGA CTGGTGGAGA TGGCGACGCT CTCTCTGACC 60  
 GTGAATTCAO GAGACCTCC GCTAGGAGCT TTGCTGGCAG TAGAACAGCT GAAAGACGAT120  
 GTCAGCATTG CCGTTGAAGA AGGGAAAGA AATATTCTTC ATGTTTTCTGA AAATGTGATA180  
 TTCACAGATG TGAATTCTAT ACTTCGCTAC TTGGCTAGAG TTGCAACTAC AGCTGGGGTA240  
 TATGGCTCTA ATCTGATGGA CCATACTTTA GATTGATCAC TTGGTTGGTA GGTTTA 296

Name: 60 Len: 573 Check: EDF  
 GCGACNCGCC GAGCCTCGTC AGCCTGCGCA GCGCCTCACA GGAGGCGCAO CCGAGTGA 60  
 GTCCAGAAGC CCGCCAGCG GAGGCGNCAO AGTAAAGAG CAAGCTTTTG TGAGATAATC120  
 GAAGAACTTT TCTCCCGCGT TTGTTTGTG GAGTGGTGCC AGGTACTGGT TTTGGAGAAC180  
 TTGTTTACAA CAGGGGATTG ATTTTAAAGA TGTCTTTTTT TATTTTACTT TTTTTTAAAG240  
 ACCAAATTTT GTTGTTTTTT TTTTTCTCC CCGCCACA GATCCCATCT CAAATCATTC300  
 TGTAAACCAO CATTCCAAOA GGTGAGGAG AGCTTAAACA CCGTCTTCTT CTGGCTGTTT360  
 TCTCTTTTAT TTTTTATTT ITGCTATCA TATTAATGTT TTTTGCATAC TTTGCATCTT420  
 TATTCAAAAG TGTAAACTTT CTTTGGTCTA ATCTATGGA CATGGGCCAT ATATGGAAGG480  
 AGATGGGGTG GGGTCAAAAA GGGGATATCA AATGAAAGTG GATAGGGGG CACAATGGGG540  
 GAAATGGAAG TGGGGGNATA ACATGCGCAA AAT 573

Name: 61 Len: 426 Check: 3E0  
 GGGGACTCCC GGGAASTGGA GGGGAGAAO AGGGGGCTAG CTAGCTAGTC TGTGGGGAOC 60  
 AGGGAGAGCC CCGCGCCCCO CCGGTGTGAG GCGGCTCAC AGGGCGGGT GGGCTGGCGA120  
 GCGAGCGCGO CCGAGGAGG GTGAGGAGT GTGTGGAACA GGACCGGGA CAGAGGAAOC180  
 ATGGCTCCGC AGAAGCTGAG CAGCTTTTGG CTGTTGCTGC TATACTCAT CCGGGCGGGT240  
 ATTGCGGAGC GAGATTTCTA TAAGATCTTA GGGGTGCTC GAAGTGGCTC TATAAGGAT300  
 ATTAAGAGG CTATATGGA ACTAGCCTG CAGCTTCATC CCGACGGGA CCGTGAATGAT360  
 CCACAAAGCC AGGAGAAATT CCAGGATCTG GGTGCTGCTT ATGAGGTTCT GTGAGATAGT420  
 GAGAAC 426

Name: 62 Len: 451 Check: 1AA2  
 CGTTTCTGT ACAAGGGGGA GGGGCTGAAC AAGATCAGCC ATCGGGGACT ACCTGGGGGA 60  
 GAGGGAGAGAA CTGAACCTGG CAGTGCTCCA TGCTTTTGTG GATCTGCATG AGTTCACCGA120  
 CCTCAATCTG GTGCAGGCC TCAGGCAGTT TCTATGGAGC TTTCGCTAC CCGGAGAGGC180  
 CCAGAAAATT GACCGGATGA TGGAGGCTT CCGCCAGCGA TACTGCTGT GCAACCTGG240  
 GGTTTTCCAG TCCACAGACA CGTGCTATGT GGTGCTCTTC GCGCTCATCA TGCTCAACAC300

TAGTITJAC AATCCCAATG TCCGGAACAA TCCGCGCCTG GAGCGCTTTG TACGATGAAAG  
CCGGGGGATC AACGAGGGGG GGGACCTCTC TGAGGAGCTG CTCAGGAAAC TGTACGAGAA420  
CATCCGAAT GAGCTCTTCA AGATTCTCTA GATGATGGG A 461

Name: 62 Len: 422 Check: 2103  
ATCAACAAGG AGATGCTAAA GGTG3AAAAG CAGAAAAGCT TGGTCAAGGA TACAGAGCTG 60  
GACTTGATG GGTATTAGGA GATGCTGAAAG AACTGCCCCTT TGATGATGAC AAGTTTGATA120  
TTTACACCAT TCCCTTTGGG ATCCG3AATG TCACACACAT TATCAGGCA CTCAGGAA6180  
CTCATCGGGT GCTGAAACCA GAGGACGGT TTCTCTGTCT GGAATTTAGC CAAGTGAACA240  
ATCTCTCAT ATCCAGGCTT TATGATCTAT ATAGCTTCCA GGTGATCTCT GTCTTGGGAG320  
AGGTGATGCG TGGAGACTGG AAGCTTATTA GTAGCTTGTG GAGATATCC GAAATTTCTG340  
TCTCAGGAAG AGTTCAAGGA CATGATAGAA GATGAGGGT TTTACAAGGT GACTTACGAA460  
AG 461

Name: 63 Len: 230 Check: 160  
AGAAGTAGAG CAGAAGAAAG AGCGGACCTT CCGCAAGTTC ACCTACCGGG GCTGAGCTT 60  
CGACDAGCTG CTGACATGT CCTACGAGCA GCTGATGAG CTGTACAGTG CCGGCCAGGG120  
GGCGGCTGAA CCGGGGCTCT CCGCGGAAGC AGCACTCCCT GCTGAAAGCG CTCGCGAAGG180  
CCAAGAAAGGA GCGCGCGCCC ATGGAGAAAGC CGGAAATGGT GAAGAGCGAC CTTCGGGACA240  
TGATCATCTT ACGGAGATG GTGCGAGCA TGGTGGCGT 280

Name: 64 Len: 408 Check: A6C  
CTGGGAGATG AAACAGAGGA AGAAGAAACA AAGCCCATTT AGCTCCCTGT CAAAGAGGAA 60  
GAACCTCTCTG AAAAACTGT TGATGTGGCA GCAGAGAAAG AAGTGGTGAA AATTACATCT120  
GAAATACAC AACTGAGAG AATGCGAAG AGGGCTGAAC GATTTCANTGT AACTNTAGG180  
TTGGAGAGTA AGAAAGCTGC TCGGGCAGCT AGGTTTGGGA TTTCTTCAAT TCCAACAAAG240  
GGTCTGTCT CTGATAACAA ACCTATGGTT AACTTGGGAT AAGCTGAAG AAAGAGCTCC300  
AAAGATTTGG TTTGAATGTC TCTTCAATCT CCAGAAAGTC TTGAAGATGA TGAGGAAACT360  
GAAAGAGAG GAAGGAGCGA TTTGGGGATT GTCAAGATT CAGCTGGA 468

Name: 65 Len: 463 Check: 1000  
AGCGGCTGGG GCGAGGACGG CCGGAGGCTG CTGCTGTCTG CCGCGGGCCC GCGGGCTGGA 60  
AACGAGAGGG CCGAGCCAG CCGCGGGCCC TCTTATGCTG GAGGATGCT GAGAGATAGG120  
GGCTGCAAAAG GCTGAAGGAG GGCCTGTCTG AGAAGCGCAG ACNCGGTTGT TGCAGCTCTG180  
GAAGAAAAAG TGTGCTATCC TCACCGAGGA AGGGCTGCTG CTTATCCCGC CCAAGCAGCT240  
GCAACACAG CAGCAGCAGC AAGCAGCAG CACGAGCAG CAACAACAG CCGGGCAGGG300  
GGCGGCTGAG CCGTCCCAAC CCAATGGCCC CGCTGTGCGC AGCGTGGAG CCGCGGTCAA360  
GCTCAAGGAA CTGCACTTCT CCAACATGAA GACCGTGGAC TGTGTGGAG GCAAGGGCAA420  
GTACATGTAC TTCCTGTGG TGATGGCAGA GGGCAAGGAG ATC 463

Name: 66 Len: 512 Check: 111A  
CGCGCCAGGG GAGTGTCTTC TGCGCTCGCG TGGTCTAGGA GCGGCTGGCC CTGCTAGGCC 60  
CGACAACTCC GAGACACGGC CGCCACCGAA GCTGCTTCTG CTGCGGCTAC TGCTGTCTCT120  
GCTGCTGGCT GGAGCTGTGC AGGGCTGGGA GACAGAGGAG AGGCCCCGGA CTCGCGAAG180  
GGAGTGGAG TTCTAGCGCG GTGGACAAGT GTACCCGGGA GAGGCATCCC GGGTATCGGT240  
CGCGCAAC TCCCTGCAAC TAAGCAAGC GAAGATTTCC AAGCCAGCGC CTTACTGGGA300  
AGGAACAGCT GTGATGATG GAGAATTTAA GGAATCTGAG TTAATGAT ATCTGGGA360  
ATCTTGGGT TCTCTTCTCT ACCCACTTGA TTTCACATTT GTGTGTCCAA CTGAAATTA420  
CGCTTTTGGC GACAGACTTG AAGAATTCAG ATCTATAAAT ACTGAAGTGG TAGCATGCT480  
TGTGATTTA CAGTTTACCC ATTTGGCTGG GA 512

Name: 67 Len: 367 Check: 9A2  
CGAGAGCAAC ATTAGGATCT ACAGCGAGAG GCGGCTCTCT GGTGAGCAA AGATGACAT 60  
CGAAGATGCT GACTTTTGGC GAGCAGCGCA GTGGNCAGGG CTCCGGCTG TGTCTCTAG120  
GAGCGAGGCT GTTTCTGGGT GCTGGAGGG GCGGCACTG GCGCTGTGCT CCGCTGTGG180  
CTTAGGCTCT GTGGGCTTCT CAAGCAGGCC TTGGACATGA GTGAGGTGTT TGGCTTCAAG240  
CTAGACAGGA TCCCTGGGGT CAACAGGACC CTGCGCTCTG TGAGCAGGAA AGCAGAGTT300  
ATCCAGAGAG GCGGNCATG CCGCATCATT CTTTGGGATG CATCTTTAT TTAGCAGAA360  
AATGADA 367

Name: 68 Len: 402 Check: 190D  
TGCAGATGTA GATCTGAAA ACCAGAACTT TTTACTTGAA TCGAATTTGG GGAAGAAGAA 60  
GTATGAAACA GAATTTTCTC CAGGTACTAC TTTCTTTGGA AATGTCAGTAT TTAATCTGAG120  
GAATGCAAT GTGGGCACTG GAATCTTGG GCTTTCTTAT GGCATGGCTA ATACTGGAAT180  
TCTGCTTTT ATAATTTCTT TGACATTTGT GTCAATATTT TCCCTGTATT CTGTTCTAT240  
CTTTTGGAG ACTGCCAATG AAGGAGGGTC TTTATTAAT GAACAATTGG GATATAAGG300  
ATTTGGATTA GTTGGAAAGC TTGCAGCATC TGGATCAATT ACAATGCAGA ACATTGGAG360  
TATGTCAAGC TACCTCTTCA TAGTGAAATA TGAGTTGCTT TT 402

Name: 69 Len: 545 Check: 240C  
GGGGGCTGGG GCACGTNNCA GGGGTGAAG GCGGGCGGGG GTGGGGNCTG CAGGTAGCC 60

GAAGCTTGGG	ATGGCTCTCC	TGGTGGTGGG	TCTGGTGGG	TGTACCTTCT	TTTGGCAAT120
GAATGCTCTG	TATTCTCTTA	GTGATGATGT	GATCGAATTA	ACTCCATCAA	ATTCCAAACCG180
AGAAGTATAT	CAGAGTGTATA	GTGTTGTGGT	TGTAGAATTC	TATGCTCCAT	GGTGTGGTCA240
CTGTCAAAAG	TTAAACACAG	AATGGAAGAA	AGCAGCAACT	GCAITAAAAAG	ATGTTGTCAA300
AGTTGGTGGCA	GTGATGAGAG	ATAAGCATCA	TTCCCTAGGA	GGTCAGTATG	GTGTTCAAGG360
ATTTCTTACC	ATTAAGATTT	TTGGATCCAA	CAAAAAACAGA	CCAGAAGATT	ACCAAGGTGG420
CAGAACTGGT	GAAGCTATTG	TAGATGCTGC	GCTGAGTGGT	CTGGGCTCANT	CTGGAAGGAT480
CGCTTGGGGG	ACGAAGGGGA	GGATACAGTT	CTGAAAAACA	AGGCAGAAAT	GATAGTTCAA540
GTAG					545

Name: 70      Len: 437      Check: 18F0

TAAGGCTTTT	TCTACTATGT	CCACITGGTA	AAATGGGGGT	GACAAITCCG	TGTGGGGGGG 60
TTADATGTTT	TCATCTACAA	TGTTTTGAGC	CAACCTTTTA	CATTGAGATG	AATGAGAAAA120
AACCAACCTG	GTTTTGTCTT	GTCTGTGATA	AGAAAGGCTCC	ATATGAAGAC	CTTATTATTG180
ATGGCTTGTG	TATGGAAATC	CTAAAGTACT	GTACAGACTG	TGATGAAATA	CAATTTAAGG240
AGGATGGCAC	TTGGGCAACG	ATGAGATCAA	AAAAGGAAAT	ACAGGAAATG	TGTGCTCTTT300
ACAATGGAGT	CGATGGATGC	TTGAGCTCCA	CATTGGAGCA	TCAGGTAGGG	TCTCAACACC360
AGTCTTCAAA	TAAAAACAAG	AAAATAGAAAG	TGATTGACCT	AACCATAGAC	AGTTTATTTG420
ATGAAGAGGA	AGAAAGAGCA	TCTGGCAAGA	GGACCTGTCT	TTCCCTATCT	CCCACATENA480
CCACTAG					487

Name: 70      Len: 359      Check: 19B0

GGCTACTGCA	CGGGCGAGCA	CAACGTGAGC	CCCAACATCT	GGGCTGGGT	CTACAGGGAG 60
ATCAATGATG	ACCTGTCTTA	CCAGATGGAC	TGCCAAGGGG	TGNAGTGGGA	GAGCAAGGCT120
GAGGGCAAGA	AACTGGGCGA	CGCCATGATG	GAGGCTTTCA	GGAAAGACTTT	CCACAGTATG180
AAGAGCGAGC	GGCGGATCCA	CAGCAACAGC	TCTTCCGAAG	AGGTTTCCCA	GGAAATGGAA240
TCCGATGATG	GCTGAATGAA	CTTTNAGAGC	CTTNAGCAAA	GGCAGCATTG	GTCAAGGGGT300
TCAAGGGAAT	TAGATTGAGT	AAGCAACGTT	TCAAAATTTG	GATGAAAGAT	TTCCAAAT 359

Name: 71      Len: 392      Check: 19C4

CTATGTNGCA	ATTCCAAAGAC	CAAGTCAGTA	GTATTACAGC	TGGCTGATGG	CCAGATATTT 60
AAGTACCTTT	GGAGTCAAC	TTCTCTGGCT	ATTAACCAT	GGATGAAGTC	TGGTGGATTT120
CTGTGTGGGT	TTCTTTATCC	ATGCACCCAG	ACCGAATTGG	CCATGATTGG	AGAAAGAGGAA180
TGTNTCTTTG	GTCTGAAGTA	CAGGTGTGCG	TTTTTCATCA	ATGACATTGA	GGTTGCGTCA240
AATATCACCT	CATTTGCAAGT	ATATGATGAG	TTTTTATTGT	TGACAACCCA	TTCCCATACC300
TGCCANTGTT	TTTGCCTGAG	GGATGCTTCA	TTTTAAACAT	TACAGGGGGG	CGTGAGCAGC360
AATTCATGTT	TCCCATGGGG	AAGTTTCTGC	GG		392

Name: 72      Len: 344      Check: 65D

GAGTTCAAG	ACCGCACTTT	GGCAGGTTT	CTCTACTGCA	GGAAAGTGTG	ATCTATTGGG 60
CCAGATACCC	CAAGTAAGAN	ATGTATCTNC	TGCTTCTTGC	TTGGCTTGGT	TTTGGCAGTCT120
ACTGCCACTG	GCTTTGCTTT	TGGCACATGG	AAGCATGCA	GGCGATATGG	AGGCATCTAT180
GCAGCTGGG	CATTTTTCAT	CTGTGTTGGT	GTGCTGTGTT	TGGGCGGGGG	TCTTTATTGG240
GCTGTATGA	AGGTCAAGCA	CCCTGTCCAG	AACTTCTCTT	GAGGCTGATG	ACCCACAGAC300
TGTGGCTGGN	CCCTCTCTGG	TGGGGACAGT	GACACTACGA	AGGG	344

Name: 73      Len: 311      Check: 1E74

GTGGGATGGG	GTGGCTTTCA	TCTGTGGGCT	CGGCAAGGGG	GTGAAGGAGC	GCAGGGGCGA 60
GGTGAAGGCT	CAGTTCCATG	ATGTGGGCGG	CGACATCTTC	CACGAGGAGT	GCAGGGGCGAA120
CGAGCTGGTN	ATCGGCTGTG	AGCCCAAGCA	GGGCTGTGAC	ACCAAGATGA	TGACCAAGAA180
GGGGGGGATG	TTCTTCAAC	CGGAGGAGTC	GGAGCTGGAC	CTGACCTAGG	GCAGGAGATA240
CAAGAACGTG	AAGCTCCCTG	ACGCTATGA	GGGCTTCATG	CTGGAGCTCT	TCTGGGGGAC300
CAGATGCACT	T				311

Name: 74      Len: 176      Check: 185C

CTGTCTCTTG	GAAATGTTTG	ATGCTACTCT	GAAAGATGGA	GAACTGAGCT	TTCACTGGGG 60
TCCAGGTAAT	ACCATGTTTT	TGCATTGGCT	AGTGGGAATG	GTATATGTNT	TCTACTTTGC120
CTCTTCAAT	CTACTACTGA	GAGAGGTAAT	TGACCTGGT	GTCTGTGGT	TTCTAA 176

Name: 75      Len: 276      Check: 120F

CCAGGATGGG	TTCCAGGCGG	AGTACCTGTC	AACTCCAGAT	AGTCAGTCTC	TGGCTGTGA 60
CTCATTTGGC	TACATCTGTC	GGGTAGTCCA	NCCTTCTAAT	GAAGTACTGA	GTTCAGATAT120
CTTGGGCGGG	TGGGCGATCA	TTGGTTGGCT	CTGACAAAG	TGCAAGTCAA	ATGTGGCTGC180
CTCCAAATGG	AAGCTGGCTT	TGTTTTATGA	CTGGCTGTTT	TTTAGTCCAG	ACAAGGATAG240
CATTATGAAC	ATAGAAAGAG	CCATCTGGT	CATGCA		276

Name: 76      Len: 310      Check: 21A5

ACACCTCTCT	GTGCAATGGG	TATTGGCTTG	CTGGGCTGAT	TCATGTGGGA	GAGTCTTTGT 60
ATGCATAGT	ATTGTGCAAG	CATAAAGGCA	TCACAAAGTG	TGGGGCTCAG	CTACTCTGGT120
TCTACAGAC	TTTCTCTTTT	GGGATAGCGT	CTCTCAACAT	CTTGATTGGT	TACAAACGGA180
AGGGCCAAAA	ACAAACTTGA	AGTTGTCTGA	AAGCTTCTCT	TACACTTTTA	CATTTCATCT240

TACGCTTTTCT TTTGTCTTGT AGAGGAGGTT AGASTANTTT ACTTAATGAT TTTTACTTTCG  
TCTAGAAACT 410

Name: 77 Len: 295 Check: 102E  
TTTCACTGCT ATGGGCTGCA ACAAGAAGAA SAAGCSAGAT GGTGACGACG GGGGGCTGAG 60  
GCTGCTTCTT AGCTTCGAGG AGGAGAAGAG GCGGGAGTAC CTGACAGGCT TCCACAAGCG120  
GAAGGTCGAG CAAAAGAAAG GAGCCATTGA GGAGATTAAG CAGCGGCTGA AAGAGGAGCA130  
GAGGAAGCTT CCGGAGGAGG GGCACCAAGG ATACTTGAAG ATGCTGCGAG ABAGAGAAGA240  
GGCTCTGAGG GAGGCTAGAT AGCTGGACCG GTTGGTGACA GCAAAAGACGG AGTGG 495

Name: 78 Len: 406 Check: 233C  
CAAAAGGCTG GINGCTTCCA GACCCGACTT TTTCAACCCAG GAGGACTAGA CACGGGATGT 60  
GGAATTGTCT CTCAGAACAG GAGAAATTTT CAGGTTGCTG GNGGNAAGAG GGGCTTGGGG120  
GGCTACCTGG AGCAGCTGTT CCGGCACGCG GCGCGAGAGC TCTTTGGAAT CCATGTGGCT130  
GAGGTTACCT ACAAAACCCCT GAGGAACAAA GACTTCCAGG AGGTGAGACT NGAGAAGGAG240  
GGGAGGCTGC TGGTGCACCT CGCAATGGCG TACGGCTTCC GCAACATCCA GAACCTGGTG300  
CAGAGGCTCA AAGGAGGGCG CTGCCCTAC CACTACGTGN AGGTGATGGC CTGCCCTCA360  
GGCTGCTTGA AGGGGGGGGG GCCAGCTCCA GGTCCCAGAC AAGGCC 406

Name: 79 Len: 238 Check: 13D6  
AAGAAAGGGA GAAAGGAGAA GAGAGGGGAG AGGANGGGGG AAGAGTGGAG TGTGCTGGG 60  
CTCACTTCTT TCACGGATGA CAACAACCCAC TGGCAGACAG CCGCGTTNTG GAACCTGGGA120  
TCTTTCTGTG CTTGCAAGAG TTCTAACAAAT AACACCTACT GGTGTTTGCN TACAGTTAAT130  
GAGAGCGATA AITTNNTTTT CTGTGAGTTT GCTACTGGCT TTTGGAGTA ITNNGATATG240  
AATACAGATC CTTATCAGCT CACAAATACA GTGCACACGG TTAGAAG 288

Name: 8 Len: 168 Check: E5E  
CAAATTTGTG ITGTATATAT TCGTATTCCA TGTGTTAGAT GGAAGCATTT CCTATCCAGT 60  
GTGAATAAAA AGAACAGTTG TAGTAAATTA TTATAAAGCC GATGATATTT CATGGCAGGT120  
TATCTATCCA AGCTGTGCTT GTTGGTNTTT TCCCATGACT GATATGCT 168

Name: 30 Len: 322 Check: 1995  
AAACAGCAGC TGGTGGTTAA CAAGTGGATC GTCATGTTCA GTAGTTTATA CATTATGTGA 60  
GAAGTAACGT TCGATTCTT TTTCTTACAC AGAATTGGCA GAGGGGGTGG ATTTGGGAGG120  
AAAGGTGTGG CTATAAAGCT TGTACTGAA GAAGACAAGA GATTTCTTCG TGACATTGAG180  
ACTTTCTACA ATACTACAT GAGGAGATG CCGATGAATG TGGCTGACCT TATTTAATTG240  
CTGGGATGAG AATTTTGGAT GCATGCTCG CTGTTGCTGA ATAGGCGATC ACAACGTGCA300  
TTGTGCTTCT TTTTTTTGGG GA 322

Name: 31 Len: 361 Check: 2C4  
ATTCTCTAAA ATGCTTAAAT CCTTTGAAAT TTTGTAATCA AAAAAAGCT TTGAAAAAT 60  
CTAAAGGGGA GATATTCTT TAAAGTTTTT AACATAAGCT TGTCAATGCA CATGTAGATG120  
GTTAGCATGT TTAGCAAAAC TTGTGAAATT ATAATAAGTT TGTAGTTACA TGTGAAACTC130  
TAAATGCATG GCAACTGTTA ATGTCATAAC AGTTTAGTTA TTTTGTCTG TTCTGTGATG240  
TGCCACAAAA TATGTACTTT TTTCACTTTT TTCCCTTTGT ATATCAGTTA GGGGTTACAA300  
TGGTTTCAIT CTGAAAAAA CAACAACAAA AGTCCATTCA TATTTTITTA CCAATTGTATA360  
3 361

Name: 32 Len: 206 Check: 7A3  
TTTTTTTTTT TAGTAGTTGC AACTTCAACA CATCTTTATT ABAACTCTTT CATTTGTGGT 60  
AAACAGGCCAC AAAAAATAAT GCTGACTTAG AAGGTATAAA CCGAAATATT TAAACAAAAA120  
TGTTTGCAAC ATTCATAGCG CAATTTGTAC CTGAAGTGGG AAGGCGAATT CTGAGATAT180  
CCATCAACT GGGGGGCGCT CGAGCA 206

Name: 33 Len: 563 Check: 915  
CATCAGCTCT CTTCGTTGCT GTGGGAACAC TGGGCGAGAG TGTACCACTG CGAGGCTACT 60  
GTTTATACAT GAAAGCATCC ATGATGAGGT TGTAAACAGA CTTAAAAAGG COTATGACAL20  
GATCGAGTT GGAACCTAT GGGACCTTAA TGTCTCTAT GGGGCAATTG ACACCAAGCAL30  
GGGAGTGAAC ATGTTTCTTG GAGCACTGGA AGAAGTAAAG AAAGAAAGTG GACAGTGGT240  
CTATGGGGGG AAGGTTATGG ATGCGCCCGG AAATTATGTA GAACCGACAA TTGTGAGAGG280  
CTTTGGGCGAC GATGCTTCCA TTGCACACAC AGAGACTTTT GTTCCGATTG TGTATGTCTT300  
TAAATTCAGG AATGAAGAAG AGGTCTTTGG ATGGAATAAT GAAATAAAG AGGGACTTT340  
AAGTAGCATC TTTACCAAG ATCTGGGGAG AATCTTTTGG TGGCTTGGAC CTAAAGGATC400  
AGACTGTGGC ATTGAAATG TCACATTCG AACAAGTGGG GTTGAGATTG GAGGTGCTTT500  
TGGAGGAGAA AAGCACACTG GTG 563

Name: 34 Len: 450 Check: 97B  
ATTTGGTGTG TTCATGAACA CGCTAAATGG CTGGGTAAAT GGGTGTGCTT CAAAGGCTGA 60  
TGGTTCAAGA TCTCTGTTT GAATTTGGTC ACAACCAAGG AGTATTGCCC CTTTTTCTGT120  
CTGGGTCTTC AATAGGAAGT TTTCATACCA GGCATAAACA ATCCAGATGG CTGCCACGTG180  
GTCTTACCA GTGAGAGGCG TCACACAGCA CACACTGCAT GAATGGGGAT GAAATCATTC240  
CTGAATTAAT ATAGGTTTAT ATTACTTGGG CTTCAAGCCAT TTGAGCUTCA GTGTCTGCAT300

TATATGTATT TACTATATGG ACATCTAACT AAAATTAATA AATGTGGCAAT TTATGGGTGGT  
CTTTTTTTTGA AATATTCTAT TTTAATGGAA ABAATTATGT AGAAATACTG GATACATTTT  
TAAAAACATC CATAATTCCAC CATCTTGACA 450  
Name: 85 Len: 320 Check: 75F  
CCATTAGTGT TCACACTCAG ACATTTTTTG CCAGCTCTAA GGTAACTTCA TCTATAGCTG 60  
CTCAGACTGA TGCATTTATG GACACCTGTT TCCASTCAGG TGGGGTCTCC AGAGAAACTG120  
AAACCACTGG SATAGAAAGT CCAACGGATG ACCATGTACA GATGGACCAA GCTGGAATGT180  
GGGAGACAT TTTTGAGAGT GTTCATTGAT CATATAATGT TCTACAGGT AACATTATAA240  
GCAACAGTTT AGTAGCAGAG ACAGTAACCT ATAGTTTGTT ACCTCAGGAT GAGCCTAAGA300  
CTTTAAATPCA AGATATTGAG 320  
Name: 86 Len: 524 Check: 1602  
AATTGGGCAC AGGCTGGGTG TTTGAGTTTG AGTGAATTTG CTGAAATGTC GAAAGAGTAG 60  
TTCCAAACTT CAATGTTCAA TGAAATTTTG GTTCAAGTTT GAAATGGAGA GAGCAGCTAT120  
AAAAGGTACT AAGCCTTTTA CAAATTGGTG ACTACTGGCA CATGAGATCT AGAGCAGGAG180  
CAACTTCTCA CACATAGTAA GTGGGAAAAA AAGTGTCTTT GAAAGTTTCT CCTCACCTA240  
CACAGTAGTC GTCATGTCGA GACCTGCCAG AGAGAGACAC ATTCTCAAAT GAATCCTGGC300  
TTCTTGGAAG CGCTTGCTTA GACGAGACAC AGTGCATAAA AACCAACTTTT GGGGGACAGG360  
TATGTTTTCT TCCAGCTGGG GTTGTAAAGT CTTGGCAAGA CAAGCAGTGT GGCAGAAAT420  
TGAACCTTCT GATGAATGTG TAATGCAAAAG GACCTTGTAC ATTTTTTTGT TTCAAGGTCC480  
TCAAAATGAG CACATGAAGA GGTGTCTGTG AAACCTTAAG TGGC 524  
Name: 87 Len: 439 Check: 2297  
CTCTGGGCCC CTCTCTTGGG TCTGTGCTG AGTCTGGCG CTGCTGATCG CCACACCGTC 60  
TTCTGGAACA GTTCAAATCC CAAGTTCCGG AATGAGGACT ACACCATACA TGTGCAGCTG120  
AATGAATAAG TGGACATCAT CTGTCCGCAC TATGAAGATC ACTCTGTGCG AGACGCTGCC180  
ATGGAGCAGT ACATACTGTA CCTGGTGGAG CATGAAGATC ACCAGCTGTG CCAGCCCCAG240  
TCCAAGGACC AAGTCCGCTG GCACTGCAAC CGGCCAGTGT CCAAGCATG GCGGAGAAAG300  
CTGTCTGAGA AGTTCCAGCG CTTCACACCT TTCAACCTGG GCAAGGAGTT CAAAGAAAGGA360  
CACAGCTACT ACTACATCTC CAAAACCCATC CACCAGCATG AAGACCCTGT CTTGAGGTTG420  
AAGGTAACCTG TCACTGGCA 439  
Name: 88 Len: 376 Check: 233  
TGAATTGAAG GAGCTGCAAA AAACCTTTGA AATCTCCATT GGGAGAAAAA ATGAGGTGAT 60  
TTCTAGCTTG TCTCATGCCA TAGGAAGCAA AAGGAAAAGA TAGAGTTGAT GAGAACATTG120  
TTCCACTGGC GAATCGGCCA TGTCAGAGCC AGACAGGATG TTTATGAAAG TAAACTAGCT180  
GACCACTACT ACCAGAGAAG TTTACTGAAG AAAGTCTGGA AAGTCTGGCG TTCCGTAGTG240  
CAAAAGCAGT GGAAGAGATGT GGTAGAAAGA GTTGTCAAG CAAGAGCTGA AGAAGTTTGT300  
ATCCAGATTT CCAATGATTA TGAAGCCAAA GTTGTATGT TATCTGAGC TTTGSAAAAT360  
GCAAAAGCTG AGATTC 376  
Name: 89 Len: 341 Check: 78F  
GTGAGAACAG STCTACGAG GGCACCTGTG ACAAGAAAGG GGCCTTCATG AAGCCTTGGG 60  
AGGCCCGCTG GTTGGTGCTG GACAAGACCA AGCACCAGCT GCGCTACTAC GACCACCGTG120  
TGGACACAGA GTGCAAGGGT GTCATCGACT TGGCGGAGGT GGAGGCTGTG GCACCTGGCA180  
CGCCCCATAT GGGTGCCCCC AAGACTGTGG ACGAGAAGGC CTTCTTTGAC GTGAAGACAA240  
CGCGTCTGCT TACAACTTCT GTGCCAGGA CTTGCCCTCG GCGCAAGCAT GGGTGGAAAG300  
SATCCAGAGC TGGCTGTGCG ACGCCTGAGC CTCCAGGCC T 341  
Name: 9 Len: 219 Check: 327  
AGAGAGTGGT TCAAAGTAGA AGATGCTATC AAAGTTCTCC AGTGTCTATA ACCTGTACAT 60  
GCAGAGTATC TGGAAAAGCT AAAGCTGGGT TGTTCCTCAG CCAATGGAAA TTCTACAGTC120  
CCTTCCCTTC CGGATAATAA TGCCCTTGTT GTAACCGCTG CACAGACCTC TGGGTTGCCA180  
TCTAGTGTAA GATAGAGAGA ACTGGGTAGG CDTCTCCCA 219  
Name: 90 Len: 394 Check: 84E  
CTTGGGCTTA CCAGTTATTA CCAAGATGG AGATTGACCC AGTATCATCT TCAAGATTTG 60  
GTCACTATTA TGATGCATCA AAAAGAAATG CACAAGAACT AATTGAGGCT TCAAATTGGC120  
ATGGATTTTT TGTTCAGAG AAAATATCTT CAACTCTCAA AGTAGAACCC TGTCTTTGA180  
CCCCCTGGCT CACAAAGCTG CTTCACTTTA TCCAGAACAT CATTTATGAG GAAGGATTTG240  
ATGGAGCCAA TCTCAGAAA AAACAGAGAA ACATTTTAAG AATAGGAATT CAGAATCTT300  
GTCACCTTTT ATGGGGAGAC GATATTTGCT GTGAGAAAAT GGTGGCAACA GTCACAGCCT360  
TACCAAGTTC CTCTATGTC TCGGTGGTCT TCTG 394  
Name: 91 Len: 153 Check: 1006  
ACCCATGGGA TGASTGTTTT ATTCATGCTG TTTCCAGGAA GGGATGTCAA AGCTGGACCA 60  
GTGAAACCCC TTGGAGGCTT TTTTGGAGT TGGCCACAGG GGTGTTGGAG GCTGCTTAT120  
GGGTCTCGA GTGGAGAAA CTCTGCTTG GGG 153  
Name: 92 Len: 479 Check: 1FC7  
CATTGGGCTT CTAGATGCAT GCTGAGCGG CGGCCAGTGT GATGGATATC TGCAGAATTC 60



AGCTTAAGTT TGTGAGAAAC CGGGTTCTTT TTTTGAAGTTT120  
 TGTACAAAAA TAGATGTTTC AGCCACCAAT TACTTAACTG TCTAATATTT AAGACCAATC120  
 AATATGTTTC CTGGAAGAGT GAAAAAGTCT CATGACTAAC TGGTTTTTTT AAAAAATTTT210  
 TAAAAACAAA AGTGTGTGTG PSTGTGTGTG TGTGTTTACT CTCAAAGCAC AGCATTTTCCA300  
 CAGCAGCAGC CAACATGGGG TTTAGTAGCT TCACTCACCC CTAACATAAG CTTTGAATAA360  
 ACCAGTGAAT TACTACAAAA AACACTGTCC TTGAAAGAAA NGACNGCAGT CATACATGAA420  
 CGTGAACCTT GGAATGATCA GGTCTTAAAC ATGGCACTTA AAAAGTTACT TATCAAAAAC 480

Name: 83 Len: 560 Check: 25DE  
 TTTTTTTTTT CAGTGTGAGG ATAAAAAGCA AAATTTTAAA TTGGAAGATG TCTAGCACTT 60  
 TACACAGTTG AATGAAAGAA TACGAAATTC AAAAAACATA TTAAAGATTC ATATGCGGCA120  
 GCAGCAGCTG CCATGATGAG AGCTTTTTTT CCGAGGCGCT TGTGGAGTAG CTTCTTCAAC180  
 CTGTCTGCGA GACGCGCTCA GAAGAGCAGG GCGGCGATGC TGGCAACCTC GCTTTGCTCC240  
 TTAACGAAGA TCTCAAAATA CTGTAGATG ATTGTGACTG CGAGCAGGAT CCGGCTTCCA300  
 GACGCAATGG CGCTTAGGAA GTGAGCTAGG ACCGAGAGGG CCGCGATGCA CAGCTTACCA360  
 AAGGCTGCTG CTGTGCGGAT GTAGCGGTTG AGTTCATGSA CCATGGAGGT CTCTCGGTGG420  
 CTTCTCATCA CCATCTGCTG CTCTTTCAGC TGCTTTGCAA CATCTTTGSC AGAGGAACCT480  
 GAGAGCTCAA TCCAGCTTTT GAGAGAAGAT GCACAGGAGC CCAGCATGAA CACTATGTAT540  
 ACAACTGCAT GGAACGCGTC

Name: 84 Len: 396 Check: 376  
 GACCTCITAC CTTACTGATG CTGGCAATA ACAAAATACAG ATGGTAATAG ACTCTGGAAT 60  
 AGTTCTCAT TTTGTTCTCT TGCTCAGGCA CCAGGAAGTT AAAAGTTGASA CTGCTGCACT120  
 TAGAGCTGTG GCGAACATTG TTAAGTGAAC TGATGGGCAA ACACAAGTAG TTTTGAAGT180  
 TGATGCTCTT TCACACTTCC CAGCACTCTT GACACATCCC AAAGAGAAAA TTAATAAAGA240  
 AGCACTGTGG TTCTCTCTCA ACATCACTGC AGGAAATCAG CAGCAGGTAC AGGCAGTAAT300  
 TGATGCGCAAT CTTGTACCAA TGATAATACA CTTTTTGGAT AAGGGGGAAT TTGGCCCAAG360  
 CAGCTTCTTT TTGAGTGCCA AGTGCACGCG GCGGGA

Name: 95 Len: 622 Check: 9F8  
 ATGAGAGATC ACTTAATAAT AAATTTTCTC TATAGTAGGT AAATCCGATG AAAAGCAGCT 60  
 GATTTCCAAAC AAAAGCTTTA GGAATTGCGA AGTTTCTTAC ATCTCTTTG TCACTTCCAA120  
 TGTGATCGAA ATTGCTGCTG TCTATGTGAC TGCTGAGTTC AGGTACTACA GAGCTGCGG180  
 TTTCTCTTAT GTTATCCCAA TGCCACTGAT CATTCTTAAA GAAAGGATGC TGTCTGATTT240  
 CTTCACGCCC ATTTCTCCCA AGTCTGACCT CCCTATCTGT TAAGAAAGCA CAGATGAGAT300  
 CTTTGGCATG TTTGGAATTT TCTGCACTTT CAGGGAAACA CAGTGAATTC TTATGATCCA360  
 TAATTTTGCT ATATGTTCTT ACAAGTGAAT CCGCATAAAA TGGAGTATCC CCACTAGCA420  
 TCTCATAAAG GAAAACACCT ACAGACCCAC AATCACATTC TCGCCCATAG AAAACATCAC480  
 CCGCTTGTGA TTTGAGAAC TCAGGTGATA TATAATCCGG TGTTCACACT GCTGTATCAC540  
 AATGTACCAT GCCTGTTTCA TCCATCTTCA TACAGGTGCC AAAATCTGCT AATTTTATAT600  
 GGTCTGTTT ATCACAGAGC AT

Name: 96 Len: 445 Check: 123B  
 GGAAGGGATG GAAAAAAGGA AAAGCAATAG AAAGTGTCCA ATTACATCA GTTATCCGTC 60  
 GCTTTTITCT TGAGAGCTTG TGGAAGGTGT TAACGTGGCT GGGAAACATCA ACACCTTGGC120  
 ATGCAATGAA GTTAAAGTCA GAAGGCCAGC GATCACTTG ATAGCTTCTT CACTTAGGTG180  
 CTCTCTCTTT TCGGTCTTCC TGGTAGATGT GCTTGTCTTC TCTACTGTAG ACATGAGTCT240  
 TGCAAATGCA TCAGTCACTT TGAGGCTTGA GGTGGAGATT TCCAGCTTAG AAGTTTAA300  
 CTCATACAAAC TCCGATCCCA CACCATCTAA AGGGTTAGTA AGGCCACTGC TACTCCAGTC360  
 AAACTGGAAG GGTGGTAGAG ACTCTTGGAA CTGATCAGAT GTACATGTGT TCAATATCTG420  
 TGACATGCTG GCTGTCTGAC CGATG

Name: 97 Len: 541 Check: 147A  
 CTCTCTTCTC TTTATCTTGG AGCCTCTTT TCTCAGGTAC TAGCTAGAG GGTAAACCCA 60  
 CAGATCATTC TTGATAAAT CAGCAATCT GTCAAGCTCT GGAAGGTATG TTGAGAGAA120  
 CAGCTGAAAA AGCTGTGCTT CCGCATCTTG TTCCCGTGA CAGCGCTCTG GGTCTCTGCG180  
 CCGGCTGCCA GCGGATTTGG GTTAAAGTGA ACACAGGCGG GCTTGAAGTG TTGAGAGAA240  
 ACTCTTTGAG AATCAGCTAT TTTGTGAAGT AGGGGTTAGT CTGGAAGTAC AGCTTATTT300  
 TGTAGCTCAT GGAGATATGT CTGAGATCT GTACCTGCAG AATGGGTCAA GTAGCTGAAA360  
 AATGTCTTCA TCAAGTGGGT TGATCAAAAT TGAATTTCTG GGGTGGTTTA GGAAGTAT420  
 AGTGGAGTGC TTTGACCCAG AAGCTTGGGA TATGCCGAT GATGAGGTCT CTGCGCTCCA480  
 GGAAGGGTCT TCGCATCTGG ATGAACCTTC GCTTGAGAGC CATGAAGGCT TTGCTGCTTT540

Name: 98 Len: 384 Check: 4C9  
 ATTTGGACCG GCATGAGAGC AACTTCTTTT GTTGTACAT ACCTGTATTA GGAAATTAAC 60  
 ACCCATTTTA CAGAAAAATC CCAAAACATA TACTGCAATA AGCTCAAAAC AATGTGAAAA120  
 AGACCACTGT GAATGGCACA CAAAATGCG CTCTTTTATA ATTAAGTGA ATTCATGATC180  
 ATGAAGTAGG CACAGGGAAA TCCAGTCTCT AGGGCTTTGC TCTCTGGAAG AACACCTTTA240

ATTTTATTTT AAAAAGGTTA GCATCAGGCT GTTGAAGTCT TTAAAAAAAT TTTTGAATTAT  
TTTCTGGAAG TAATTGCAAG GAGGSCAGGT ATTCTTCTTG AAGATACTTA ACACATTCTG360  
TTTCTGTTT GATATGAATT GTTT 384  
Name: 99 Len: 535 Check: 1D3F  
TTTTATTTTAAAAAGGTTAG GCTCCGTTTA TTAGAGTCAC ACACAACTGA CTATCTCAGT 60  
GTGACTCAAG ACCACAAAAA ACCCATTTCT CTTTCACTTC TGAGTCTTGG GGTTAATACC120  
TAGACCAAGCA AGTGTACTGC TTGGGCTCCA TTCACAGGTT TACAASTTTT TCATTGAGTG180  
CAATCTGTGA CTGTGTGAGG TTGGCCAGT AGGTCAACAT CAAAAGGTCA TTGATGTTGC240  
TGTGAGCAT GGTCTCAAG TCATCGGAA CTATTTTCTG TACTTGGTTA ACCAGGCTCA300  
TCAGGAAGCG GCCCACAGTA TTGTCAAGTG ACACCTTTTC AGACAGTACA TCTCTGCAT360  
ATTGCAACAC TGTACTCAGG GCATCTTGGA TGCGAGCTGA TGCCCCCTCT ACTTGCTGCA420  
AGTCACTTGA GAGTCCAATC ACTCTGTTGG GGCTAAAGCA GGTCTTCATG ATCAGGTCAA480  
CTCCGATGCG TTCAGTGTCT TAGTACGCGT ATTTCACTGT CAGAGGGGTG AACAT 535

Figur 13

1 T11  
2 T11-1  
3 T12  
4 T6  
5 T14  
6 N8  
7 N20  
8 N180  
9 N171  
10 T136  
11 T113  
12 N199  
13 T64  
14 N191  
15 T21  
16 T162  
17 T141  
18 N77  
19 N114  
20 T49  
21 T16  
22 N119  
23 N28  
24 T114  
25 T216  
26 T6  
27 T37  
28 T161  
29 N101  
30 N40  
31 T64  
32 T183  
33 N189  
34 T186  
35 N181  
36 T147  
37 N189  
38 T28  
39 T47  
40 T48  
41 T189  
42 T175  
43 N144  
44 T38  
45 T98  
46 T11  
47 T138  
48 N21  
49 T78  
50 T109  
51 T141  
52 T41  
53 N31  
54 T240  
55 N129  
56 T193  
57 T132  
58 T117  
59 T217  
60 T191  
61 N42  
62 T156  
63 T67

64 N140  
 65 T21  
 66 N34  
 67 N134  
 68 T119  
 69 N36  
 70 N214  
 71 N256  
 72 T140  
 73 T75  
 74 T153  
 75 T184  
 76 T36  
 77 T111  
 78 T144  
 79 N192  
 80 N133  
 81 N271  
 82 N255  
 83 N61  
 84 N137  
 85 T174  
 86 N22  
 87 T2  
 88 T237  
 89 T17  
 90 N154  
 91 N59  
 92 N235  
 93 N249  
 94 N249  
 95 N252  
 96 N257  
 97 T38  
 98 T121  
 99 N10  
 100 T129  
 101 T68  
 102 T36  
 103 T40  
 104 N1  
 105 N212  
 106 T100  
 107 N112  
 108 N3  
 109 N238  
 110 T183  
 111 T278  
 112 T166  
 113 N28  
 114 T125  
 115 N175  
 116 N142  
 117 T77  
 118 N186  
 119 T212  
 120 T196  
 121 T48  
 122 N172  
 123 N158  
 124 T69  
 125 N7  
 126 T245

121 N112  
124 T203  
125 N44  
126 T205  
127 T215  
128 N253  
129 T207  
130 T183  
131 T111  
132 N254  
133 T240  
134 N70  
135 T123  
136 N253  
137 N254  
138 N53  
139 N202  
140 N81  
141 T43  
142 T113  
143 T10  
144 N71  
145 N183  
146 N183  
147 N217  
148 N37  
149 N131  
150 N41  
151 N73  
152 T163  
153 T83  
154 N11  
155 N31  
156 T30  
157 N213  
158 N240  
159 N131  
160 N41  
161 T217  
162 N143  
163 N111  
164 N111  
165 T217  
166 T41  
167 N81  
168 N43  
169 T217  
170 N281  
171 T177  
172 N81  
173 N131  
174 N37  
175 T131  
176 N131  
177 N131  
178 N73  
179 T43  
180 N43  
181 T63  
182 T114  
183 T251  
184 T06  
185 N26

184 T11  
185 T121  
186 T17  
187 T1  
188 T117  
189 T11  
190 T13  
191 K1  
192 K149  
193 T139  
194 T170  
195 T146  
196 K17  
197 T236  
198 N74  
199 K16  
200 T111  
201 T146  
202 T124  
203 N84  
204 N116  
205 T223  
206 N193  
207 N267  
208 T133  
209 T11  
210 N113  
211 N236  
212 T214  
213 N148  
214 N138  
215 N263  
216 N210  
217 N30  
218 N152  
219 T11  
220 T159  
221 N143  
222 N78  
223 T116  
224 T27  
225 N207  
226 T31  
227 N38  
228 N143  
229 N81  
230 T24  
231 N228  
232 N87  
233 T139  
234 T188  
235 N140  
236 N147  
237 N136  
238 N204  
239 N275  
240 N65  
241 N60  
242 N115  
243 N205  
244 N29  
245 N13  
246 T48

246	T124
247	T223
248	N104
249	N35
250	T145
251	N32
252	T31
253	N124
254	N114
255	T12
256	T31
257	T125
258	T171
259	T36
260	T19
261	T204
262	T183
263	T17
264	T212
265	T153
266	T126
267	T239
268	N263
269	T36
270	N78
271	N250
272	T173
273	N263
274	T40
275	N152
276	N258
277	N23
278	T150
279	T82
280	N122
281	T170
282	N44
283	N18
284	T103
285	N128
286	N58
287	T42
288	T34
289	N158
290	N21
291	N154
292	N40
293	T144
294	T17
295	T48
296	T34
297	T148
298	T126
299	N181
300	N192
301	T109
302	N215
303	T244
304	T251
305	T06
306	T211
306	T243
307	N218



308	T181
309	T94
310	T183
311	N234
312	T191
313	T88
314	T9
315	N204
316	N175
317	N129
318	T141
319	N188
320	N209
321	T111
322	T144
323	N213
324	N109
325	N52
326	T235
327	N198
328	N148
329	N78
330	T116
331	N46
332	N49
333	N51
334	N52
335	T26